# This Page Is Inserted by IFW Operations and is not a part of the Official Record

## BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images may include (but are not limited to):

- BLACK BORDERS
- TEXT CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES
- FADED TEXT
- ILLEGIBLE TEXT
- SKEWED/SLANTED IMAGES
- COLORED PHOTOS
- BLACK OR VERY BLACK AND WHITE DARK PHOTOS
- GRAY SCALE DOCUMENTS

# IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

As rescanning documents will not correct images, please do not report the images to the Image Problem Mailbox.

#### 世界知的所有権機関

#### **PCT**

#### 国際事務局



### 特許協力条約に基づいて公開された国際出願

(51) 国際特許分類6

C12N 15/11, C12Q 1/68 // G01N 33/566

(11) 国際公開番号 A1

WO 95/14772

(43) 国際公開日

1995年6月1日 (01.06.95)

(21) 国際出願番号

PCT/JP94/01916

(22) 国際出願日

1994年11月11日(11.11.94)

(30) 優先権データ

特願平5/355504

1993年11月12日(12.11.93)

JP

(71) 出願人;および

(72) 発明者

松原謙一(MATSUBARA, Kenichi)[JP/JP]

〒565 大阪府吹田市山田東3-18-1-804 Osaka, (JP)

大久保公策(OKUBO, Kousaku)[JP/JP]

〒562 大阪府箕面市瀬川2-11-26 Osaka, (JP)

(74) 代理人

并理士 吉田研二,外(YOSHIDA, Kenji et al.)

〒180 東京都武蔵野市吉祥寺本町1丁目34番12号 Tokyo, (JP)

(81) 指定国

AM, AU, BB, BG, BR, BY, CA, CN, CZ, EE, FI, GE, HU, JP, KG, KR, KZ, LK, LR, LT, LV, MD, MG, MN, NO, NZ, PL, RO, RU, SI, SK, TJ, TT, UA, US, UZ, VN, 欧州特許(AT, BE, CH, DE, DK, ES, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE), OAPI特許(BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, ML, MR, NE, SN, TD, TG), ARIPO特許(KE, MW, SD, SZ).

添付公開書類

国際調査報告書

補正書

(54) Title: GENE SIGNATURE

(54) 発明の名称 ジーン・シグナチャー

(57) Abstract

A 3'-directed cDNA library which accurately reflects the abundance ratio of mRNA in a cell has been prepared from various human tissues, and sequencing of the cDNAs contained in the library has been conducted to examine the incidence of each cDNA in each tissue. As each cDNA has expression information with each tissue corresponding to the mRNA concentration, these cDNAs are usable as a probe or primer for detecting cell anomaly or discriminating cells. The cloned gene can produce proteins utilizable as a medicine or the like.

#### (57) 要約

種々のヒト組織から、mRNAの細胞内の存在割合を忠実に反映する3'指向 c DNAライブラリーを作成した。該ライブラリーに含まれる c DNAを配列決 定し、組織毎の各 c DNAの出現頻度を調べた。各 c DNAにはmRNA濃度に 対応する組織毎の発現情報が付加されているので、該 c DNAは、細胞の異常を 検出したり細胞の識別をするためのプローブ・プライマーなどとして用いることができる。またクローニングされた遺伝子は、医薬品などに利用し得る蛋白質を 産生可能である。

#### 情報としての用途のみ PCTに基づいて公開される国際出願をパンフレット第一頁にPCT加盟国を同定するために使用されるコード

AM	アルメニア	EE	エストニア	LK	スリランカ	RU	ロシア連邦
ΑT	オーストリア	ĒŠ	スペイン		リベリア		スーダン
	オーストラリア		フィンランド		リトアニア	SE	スウェーデン
	バルバドス		フランス	LU	ルクセンブルグ		シンガポール
	ベルギー		ガボン		ラトヴィア		スロヴェニア
	ブルギナ・ファソ	GB	イギリス		モナコ		スロヴァキア
ВĢ	ブルガリア	GE	グルジア	MD	モルドバ	SN	セネガル

 NR マー ・ ロー ・ ロ

#### 明細書

#### 発明の名称

ジーン・シグナチャー

#### 技術分野

本願発明は、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNAもしくはヒトmRNAの特定の部位と特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖DNAもしくはその相補鎖または該一本鎖DNAとその相補鎖からなる純化された二本鎖DNAに関する。本願発明のDNAは、細胞内の種々のタンパク質に対応するmRNAの発現の状態を総合的または個別的に検出し、疾病、ウイルス感染などによる細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするため、さらには組織特異的に発現している遺伝子等を効率よくクローニングするためなどに用いることができる。本願発明はさらに医薬品などに利用し得る蛋白質を産生できるクローニングされた遺伝子を含むものである。

#### 背景技術

本願発明者らは「細胞の性質は遺伝子の発現パターンの違いによって決定される」というmRNAの最も基本的な属性に着目し、独自のアプローチである「ボディーマッピング(body mapping)」を提唱した。これはヒト体内に約200あるとされている細胞、臓器の「遺伝子の発現情報」を作成、ある遺伝子がいつ、どこで、どの程度発現しているかを明らかにし、遺伝子をそれぞれの発現臓器にマップするという全く新しい試みである。

生体の種々の細胞はその役割に応じて様々なタンパク質を発現しているが、細胞内に存在するタンパク質の濃度は、同一個体内の細胞でも、細胞の種類、発生及び分化の状態、環境等によって異なる。

ところで、遺伝子は、一般に「細胞の生存に必須なタンパク質をコードする遺

伝子」と「細胞の固有の機能を担うタンパク質をコードする遺伝子」とに分類される。このうち、「細胞の生存に必須なタンパク質をコードする遺伝子」は、一般にあらゆる種類の細胞で定常的に発現しており、これらの遺伝子は「ハウスキーピング遺伝子(housekeeping genes)」と呼ばれている。一方、「細胞の固有の機能を担うタンパク質をコードする遺伝子」は、特定の種類の細胞または特定のグループに属する細胞において特異的に発現していることが多く、また、発生、分化の特定のステージで特異的に発現することもある。また、細胞の置かれた環境によって発現量が変化する「誘発可能な遺伝子(inducible genes)」であることが多い。これを逆に言えば、「細胞の生存に必須なタンパク質をコードする遺伝子」が発現することによって細胞が生育し、「細胞の固有の機能を担うタンパク質をコードする遺伝子」発現することによって細胞固有の機能が現出されているといえる。

ところが、疾病、感染等により細胞が異常な状態になると、各細胞内の遺伝子の発現の状態が正常時と比べて変化する。特にウイルスの感染時においては、ウイルス固有のタンパク質をコードするRNAが細胞内で大量に合成され、該蛋白が大量に生産される。これを逆に言えば、細胞内の遺伝子の発現レベルの変化、とりわけ細胞内のmRNAの濃度の変化が、細胞を疾病等の異常な状態に導くといえる。

このように、生体内の各細胞の機能と細胞内の遺伝子の発現の状態とは表裏一体の関係にある。従って、分子レベルで各細胞の機能を解明したり疾病の原因を究明したりする際には、細胞内の遺伝子の発現の状態、特に細胞内の各mRNAの濃度を把握することが重要である。

このための1つのアプローチとして、細胞内の全タンパク質を抽出して、その発現の状態を解析することが原理的には考えられる。しかし、特定のタンパク質については単離することが可能な場合もあるが、細胞内では非常に多くの種類のタンパク質が発現しているため、これらのタンパク質を完全に分離し、その発現量を直接測定することは殆ど不可能である。

また、別のアプローチとして、細胞内のタンパク質濃度に対応する細胞内のmRNA濃度を直接測定することが考えられる。しかし、特定のmRNAについては、単離することが可能な場合もあるが、細胞内では非常に多くの種類のmRNAが合成されているうえ、mRNAは抽出の際に酵素による分解をうけやすいなど不安定なものであるため、これらのmRNAを完全に分離し、その合成量を直接測定することはほとんど不可能である。

本願発明は、細胞内の種々のタンパク質に対応するmRNAの発現の状態を総合的または個別的に検出し、疾病、ウイルス感染などによる細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするため、さらには組織特異的に発現している遺伝子等を効率よくクローニングするためのプライマーもしはプローブなどに用いることができるDNAを提供することを目的とする。さらには医薬品などに利用し得る蛋白質を産生できるクローニングされたDNAを提供することを目的とする。

#### 発明の開示

一般に、遺伝情報の流れはDNA→mRNA→タンパク質の順である(セントラルドグマ、1958年、F. H. C. クリックが提唱)。即ち、DNA上の「タンパク質のアミノ酸配列情報」は、mRNAに一旦転写されてからタンパク質に翻訳される。

更に詳細に述べると、哺乳動物の遺伝子には通常、タンパク質をコードする領域と、遺伝子の発現を制御する領域とが含まれている。遺伝子中のタンパク質をコードする領域は(「エクソン」と呼ばれる)、介在配列(「イントロン」と呼ばれる)によって分断されていることが多い。遺伝子がRNAに転写される際に、前駆体RNA(pre-mRNA)中のイントロンが除去され、エクソンは特定のタンパク質をコードする一連のものとしてタンデムに接続される(これを「スプライシング」という)。一方遺伝子の発現を制御する領域としては、転写領域上流に存在するプロモーター、オペレーターなどの転写を直接制御する領域の他に、転写

される領域内のコード領域の上流(5'側)および下流(3'側)に位置する非翻訳領域があげられる。特に、3'側の非翻訳領域(3'UTR)は、mRNAの輸送および安定性などに寄与しており発現の制御に重要である。pre-mRNAのプロセッシングの過程で、5'側末端にはキャップ付加が行われ、3'側の非翻訳領域は特異的な切断を受け、切断部位に通常100~200個のアデニル酸が付加し、ポリ(A)テイルが形成され、またコード領域がスプライシングによって接続されて、mRNAが合成される。合成されたmRNAにリボソームが付加し、タンパク質の合成が行われる。

本願発明者らは、一般に、細胞内の特定のmRNAの存在割合が高いときは、それに対応するタンパク質の発現量も多くなるので、細胞内の各mRNAの存在割合を検出することによって、細胞内の各gンパク質の存在割合を検出することが可能であることを明らかにしている (DNA sequence 2 p. 137-144 (1991)、Nature genetics 2 p. 173-179 (1992))。

本願発明においても、基本的には常法の如く、逆転写酵素(reverse transcriptase)を用いて、特定の細胞から抽出したmRNAに相 補的なcDNAを合成するものであるが、本願発明においては本願発明者らが開発した方法、すなわちmRNAの存在割合が対応するcDNAの存在割合に反映するようにcDNAを合成し、cDNAライブラリーを作成することによって、全mRNAに対応したcDNA群をクローニングし、該ライブラリーを配列決定するという方法を用いる。

なお、本願発明者らのアプローチと一見類似するが、全く異質のアプローチとして、ベンターらのランダムプライミングによって取得したcDNAライブラリーのクローニングが挙げられる。

ベンターらのグループは、市販の脳細胞由来の c DNAライブラリー (米国カリフォルニア州ストラテジーン社、カタログ番号936206、936205又は935) から、ランダムに c DNAをクローニングし、塩基配列を決定してい

3 (Science 252 p. 1651-1656 (1991), Nature 355 p. 632-634 (1992)).

ベンターらの方法は、ランダムプライミングによって得られた c DNAを無作 為に配列決定しているが、この方法によれば、

①1本のmRNAの様々な領域をランダムにクローニングするので、1本のmRNAから重複する部分がない多くのcDNA断片が生じ、これらのcDNA断片が同一のmRNAに由来するのか、異なるmRNAに由来するのか区別できない。②mRNAが長いほどそのmRNA由来のcDNAが合成される確率が上がる。③ランダムプライマーに含まれる各プライマーの塩基配列によってプライマーとして使用される頻度が異なり、cDNAの合成頻度にばらつきが生じる。

等の理由から、各cDNAの出現頻度は、各mRNAの存在割合に対応しないものとなってしまう。従って、ベンターらの方法によっては、仮に無作為のクローニングの際の各cDNAの出現頻度をとったとしても細胞内の各mRNAの存在割合を検出することは不可能であり、細胞内のタンパク質の存在状態を知ることは不可能である。

しかし、本願発明者らの開発した方法によりDNAライブラリーを作成すれば、上記問題点が全て解決され、mRNAの存在割合を忠実に反映したcDNAライブラリーが作成可能である。本願発明においては、「ポリT」のみをプライマーとしてcDNAを合成している。cDNAの3'末端には「ポリAテイル(poly Atail)」と呼ばれる、Aが連続した構造が存在するので、「ポリT」のみをプライマーとしてcDNAを合成すれば、必ず3'末端からcDNAの合成が開始され、3'末端側のcDNAが合成される。また、mRNAの3'末端の大半がそのmRNA独自のものであり、他の種類のmRNAには存在しないものであるので、(Birnstiel et al., Cell. 41. 349-359 (1985))、3'末端側のcDNAはほとんどが特定のmRNAのみにハイブリダイズするものとなる。cDNAを合成後、制限酵素Mbol (4塩基を認識し切断する)でcDNAが作成される。

なお、本願明細書中においては、このようにしてクローニングした「細胞内のm RNAの存在割合を忠実に反映したcDNAライブラリー」に含まれる各々のcDNAを「ジーンシグナチャー(gene signature)(以下GSと略称する)と称する。ただし、GSには二本鎖DNAばかりでなく、それぞれの一本鎖も含まれる。

本願発明は、配列番号1から7837に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖DNAもしくはその相補鎖、または該一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA、もしくはヒトmRNAの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖DNAもしくはその相補鎖またはこれらの一本鎖DNAとその相補鎖からなる純化された二本鎖DNAに関する。また、本願発明は、該一本鎖DNAからなるプローブ、プライマーに関する。更に本願発明は、「配列番号1から7837に記載された塩基配列(ただしTをUと読み変える)のいずれかもしくは該塩基配列の一部を3'側に含むヒトmRNA」に相補的な一本鎖DNAもしくはその相補鎖、または該一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA、若しくはヒトmRNAの特定の部位に特異的にハイブリダイズする純化された一本鎖DNAもしくはその相補鎖、またはこれらの一本鎖DNAとその相補鎖からなる純化された二本鎖DNAに関する。また、本願発明は一本鎖DNAからなるプローブ、プライマーに関する。

以下、本願発明をより詳細に説明する。

本願発明のDNAは、配列番号1から7837に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖DNAもしくはその相補鎖ばかりではなく、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA又はヒトmRNAとハイブリダイズすれば配列番号1から7837に記載された塩基配列のいずれかからなる一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を「含む」一本鎖DNAであってもよい。

さらに、本願発明のDNAは、「配列番号1から7837に記載された塩基配列 (ただしTをUと読み替える) のいずれかもしくは該塩基配列の一部を3' 側

に含むヒトmRNA」に相補的な一本鎖DNAもしくはその相補鎖ばかりではなく、該一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNAまたはヒト、RNAとハイブリダイズする一本鎖DNAもしくはその相補鎖の一部を含む一本鎖DNAであってもよい。

さらに、それらのDNAは一本鎖のものばかりではなく、その相補鎖または、 該一本鎖DNAとその相補鎖からなる二本鎖DNAも含まれる。

なお、ここでいう「含む」とは①「各配列番号に記載されている塩基配列のいずれかからなる―本鎖DNAもしくはその相補鎖、またはそれらの一部」または②「各配列番号に記載された塩基配列(ただしTをUと読み替える)のいずれかもしくは該塩基配列の一部を3'側に含むヒトmRNAに相補的な一本鎖DNAもしくはその相補鎖、またはそれらの一部」が、本願発明のDNAに「連続して含まれている」場所が一ヶ所であることのみを表わすものでないことは明白である。すなわち、「含む」とは、本願発明のDNAに存在する前記①の塩基配列または前記②の塩基配列の間に、他の塩基の挿入が存在する場合等も該当することは明らかである。

なお、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNAまたはヒトmRNAの特定の部位とのハイブリダイズの条件は、通常行われている条件を適用することができる(例えば、Molecular Cloning: A Laboratory Manual、Sambrookら、Cold Spring Habor Labratory Press、1989)。

次に、各細胞内のmRNAの存在割合を忠実に反映するcDNAライブラリーの作成方法および2mRNAに対応したcDNA群のクローニング方法、ならびに各cDNAの塩基配列の決定方法についての一例を下記に記載する。

まず、特定の組織に由来する細胞、例えば臓器由来の細胞、例えば、ヒト肝臓 由来細胞(HepG2)を培養し、常法に従って、全mRNAを単離する。次い で、得られたmRNAをcDNAライブラリー作成のためのベクターに挿入する。 例えばpUC19(クローニング部位側にM13の配列を有する)には、下記

の方法で挿入する。

すなわち、pUC19をHinc||およびPst|で開裂し、Pst|切断末端に20bpから30のbp程度のポリTを付加し、そこにmRNAの3'側のポリAをハイブリダイズさせる(図1a)。そして、常法により逆転写酵素を用いてDNA鎖を伸長させた後、例えばDNAポリメラーゼにより二本鎖DNAを合成する(図1b)。得られた二本鎖DNAを4塩基を認識する制限酵素Mbolで切断する(図1c)。

Mbolは4塩基認識の制限酵素であるから、挿入cDNAのポリAテールから数百塩基程度離れた位置でDNAを切断すると考えられる。そしてMbolは、本願発明者らがGenBankのデータベースから無作為に抽出した約300のヒトcDNAを例外無く切断することを確認したことから、MbolはクローニングされるcDNAのいずれかの部位を切断すると考えられる。なお、<math>pUC19は $dam^+$ の大腸菌、例えばE.coliJM109から調製するので、 $Mbol認識部位のアデニンがメチル化されており(<math>G^mATC$ となっており)、Mbolによっては切断されない。

次に、pUC19に導入されたMbol切断部位を有する二本鎖DNAをベクター内に組み込むために、ベクター側にMbolと同じ粘着末端を生ずるBam Hlを作用させる。この場合に、BamHl(GGATCC)は、Mbol(GATC)の認識塩基配列を含むため(GGATCC)、伸長された二本鎖DNAが、更に当該BamHlによって切断されることはない。

その後、常法により上記二本鎖DNAをライゲーションし、組み換え体プラスミドを大腸菌例えばE.coli DH5へ導入してcDNAライブラリーを作成する。

この方法によれば、mRNAの3'側ポリA上流の配列のみを含むクローンを取得することができる。

また、得られるcDNA断片の長さが平均270bpと短いため、cDNA断片が長すぎることから生ずるcDNA合成効率の差や形質転換時の効率の差から

生ずるバイアスは回避できる。さらには、繰り返し配列等による不安定性も除かれるため、本 c D N A ライブラリーは各細胞内のm R N A の存在割合を忠実に反映できることとなる。

さらに、ベクターに挿入される c D N A が短い場合、 c D N A 断片に接する両端のベクター配列をプライマーとすることで c D N A 断片の部分を確実に増幅することができ、しかも、 P C R 法により直接配列決定する際には、配列決定の精度を下げるといわれている 3'側のポリA に妨げられずに、 c D N A の 5'側末端から配列決定することが可能となる。

ベクターに含まれる c D N A 断片すなわち前に説明した G S の増幅は次のようにして行うことができる。

c DNAライブラリーを導入した上記大腸菌を常法により増殖させ、溶菌する。その後、溶菌物に含まれる夾雑物を取り除き、遠心によりベクターDNAを含む上清を回収し、得られたベクターDNAを鋳型DNAとしてPCR法による増幅反応に供することができる(図1d、PCR primer1及びPCR primer2による増幅)。

一方、プライマーとしては、GSに接する両端のベクター配列を適宜選択し、通常の条件下でPCR法を行う。得られたPCR産物をGSの5'側に接するベクター内の配列に対する蛍光プライマーを用いて伸長反応を行い、オートシークエンサーにかけ、塩基配列決定を行う(図1d, dye primerによるシークエンス)。

次いで、各GSの配列決定の結果に基づいて、各臓器細胞ごとのGSの種類およびそれらの出現頻度を検討した。

各臓器細胞としては、正常細胞ばかりでなく病的状態下での細胞(ガン由来細胞、ウィルス感染細胞など)を使用でき、何等制限されるものではない。例えば、肝細胞(胎児、新生児、成人由来など)、各造血球系細胞(好中球、単球など)、肺細胞、脂肪組織細胞、血管内皮細胞、骨芽細胞、結腸粘膜細胞、網膜細胞および肝細胞癌由来細胞(HepG2など)、前骨髄性白血病由来細胞(HL60な

ど)を対象とすることができる。各細胞ごとの各GSの出現頻度について、それ を表1から表219に記述した。なお表中、patent numberは各G Sの対応する配列番号を、sizeは各GSの長さを、Fは各細胞における出現 頻度を合計した値を表す。また、hepG2は「hepG2(肝臓細胞癌株)」、 HL60は「HL60 promyelocytic cell line (前骨髄球性白血病細胞株)」、gr anulo は「granulocytoid (顆粒球様細胞、HL60をDMSOで刺激したもの) 」、monoは「monocyloids (単球様細胞、HL60をTPAで刺激)」、40wl iverは「40wliver(新生児肝臓)」、19wliverは「19wliver(胎生19週 胎児肝臓)」、adult liver は「adult liver (成人肝臓)」、lungは「lung (成人肺) 」、adipose は「subcutaneous adipose tissue (皮下脂肪)」、en dothelは「primary cultured aortic endothel (大動脈内皮初代培養)」、oste oblastは「osteoblast (骨芽細胞初代培養)」、colon mucosaは「colon mucosa (大腸粘膜組織)」、small cell carci. は「small cell carcinoma of lung (肺小細胞癌)」、retinaは「retina (網膜)」、cerebral cortex は「cerebr al cortex (大脳皮質)」、adenocarci(lung)は「adenocarcinoma of lung (肺 腺癌) 」、squamous cell ca(lung)は「squamous cell carcinoma of lung (肺 偏平上皮癌)」、keratinocyteは「primary cultured keratinocyte (皮膚角化 上皮初代培養細胞)」、fibroblastは「primary cultured fibroblast (繊維芽 細胞初代培養)」、Altzheimerは「Altzheimer temporal lobe(アルツハイマー 病側頭葉)」、cerebellumは「cerebellum(小脳)」、visceral fatは「viscer al fat (内臓脂質) 」、corneal epitheliumは「corneal epithelium (角膜の上 皮腫)」、peripheral granulocyteは「peripheral granulocyte (末梢顆粒球)」 、neuroblastoma は「neuroblastoma (神経芽腫)」、taste bud of tongue は 「taste bud of tongue (舌の味覚芽)」を表わす。

また、「Accession number of target mRNA」は配列を含むGenBank Release79内の各GSとホモロジーを有するエントリーのアクセッション番号を、「match%」は該ホモロジーを有する配列とGSとのホモロジー

の値を、「match size」はホモロジーを計算した領域の長さを、「match starts at (GS)」はGS内のホモロジーを計算した領域が始まる塩基の5。側からの位置を、「match starts at (GenBank)」は、GenBankのGSに対応する配列内のホモロジーを計算した領域が始まる塩基の5。側からの位置を、「GenBank target size」はGenBankのGSに対応する配列の全長を示す。なお、表1~表219のカラムは、表1の対応カラムと同一の項目で分類されている。

また、表1から表219より、各GSを種々分類することが可能である。すなわち、特定の細胞あるいは細胞の性質が類似している細胞群(例えば「前骨髄性白血病細胞、顆粒球細胞、単球様細胞」群)で出現頻度が高く、そして他の細胞(群)では全く出現しないか、あるいはごくわずかしか出現しないGSは、「特定細胞に固有の機能を担うタンパク質」をコードする遺伝子に対応するGSと考えられる(例えばGS0001553、GS0002047、GS0004895等)。また、あらゆる種類の細胞で共通して発現するGSは、「細胞の生存に必須なタンパク質」をコードする遺伝子に対応するGSと考えられる(例えばGS000019、GS000155、GS0000861等)。更に、発現頻度が低いGSも見出すことができる(例えばGS000013、GS0002399、GS0003155等)。

上記のように配列決定したGSは、特定の細胞で発現されるmRNAの存在割合に忠実に反映していると考えられることから、特定細胞のcDNAライブラリー中の各GSの出現頻度を調べれば、各細胞のmRNAの存在割合を知ることができるはずである。

そこで、cDNAライブラリー中の各GSの出現頻度と細胞内でのmRNAの存在割合が対応することを確認するために、取得したGSを常法により<sup>32</sup> P 標識し、以下に述べるハイブリダイゼーションのプローブとして用いた。すなわち、特定の細胞から単離したmRNAに対し、上記<sup>32</sup> P 標識プローブを通常の条件下でハイブリダイズさせる。このノーザンハイブリダイゼーションの結果、cDN

Aライブラリーで出現する頻度が高いGSのプローブを用いると、特定の細胞から単離したmRNAに対し濃いバンドを形成し、GSの出現頻度と細胞内でのmRNAの存在割合が対応することが確認した(実施例5参照)。

また、同様に、上記で作成した<sup>32</sup> P 標識プローブを用いて通常の条件下で前述のごとく作成した c DNA ライブラリーに対してコロニーハイブリダイゼーションを行うと、G S の出現頻度と該G S にハイブリダイズするコロニー数は強い相対関係が認められること(実施例6参照)から、各G S の出現頻度と c DNA ライブラリー中のG S の存在割合が対応することを確認した。

以上のことから、各GSが各種細胞由来のcDNAライブラリーにおいて出現 する頻度を調べることによって、各GSに対応する遺伝子 (mRNA) の各細胞 における発現の状態を知ることが可能となった。逆に言えば、各GSは対応する 遺伝子(mRNA)の各細胞における発現状態に関する情報(以下発現情報と称 する) が既に付加している特異的なプローブ、プライマーとして、産業上有用で あるといえる。例えば、「あるGSは組織A由来のcDNAライブラリーのみで 出現頻度が高い。即ち、該GSに対応する遺伝子は組織Aのみで特異的に発現し ている。」ことが判明している場合は、該GSをプローブ、プライマーとして用 いて対応する全長cDNAを常法によってクローニングすることによって、組織 **特異的に発現している遺伝子全長をクローニングすることができる。また例えば、** 「あるGSは組織B由来のcDNAライブラリーでは出現頻度が低い。即ち、該 GSに対応する遺伝子は組織Bでは発現頻度が低い。」ことが判明している場合 において、該GSをプローブ、プライマーとして用いて患者由来の被験組織Bの 該GSに対応する遺伝子の発現レベルを調べた際、該遺伝子の発現レベルが非常 に高くなっていた場合、疾病の原因遺伝子は該GSが対応する遺伝子であると強 く推定されることになり、疾病原因遺伝子を見いだすことができる。そして、該 GSをプローブ、プライマーとして用いて対応する全長 c DNAを常法によって クローニングし、疾病原因遺伝子を取得し、その全貌を解明することができる。

即ち、本願発明のDNAは、疾病を診断するためのプローブ・プライマー、疾

病の原因遺伝子・関連遺伝子をクローニングするためのプローブ・プライマー、 ウイルス遺伝子をクローニングするためのプローブ・プライマー、細胞を同定・ 識別するためのプローブ・プライマー、種特異的なプロモーターをクローニング するためのプローブ・プライマー、遺伝子のマッピングをするためのプローブ・ プライマーなどとして用いることができる。

なお、1つのGSは1つのmRNAに対応するものであるが、各mRNAに相補的なcDNAのいずれの部分でも対応する各GSと同じ「発現情報」が付加されているものであることは明らかである。従って、本願発明のDNAは「GS自体もしくはその一部を含むDNA」に限定されるものではなく、たとえば、「各mRNAに相補的なcDNAにおいてGSを含まない部分もしくはその一部」等もGSと同じ「発現情報」を有するプローブ、プライマーなどとして、GSと全く同様に利用できるものであり、本願発明に包含される。なお、GSまたはその一部をプローブ、プライマーとして用いれば、たとえば、「各mRNAに相補的なcDNAの全長」「各mRNAに相補的なcDNAにおいてGSを含まない部分もしくはその一部」を当業者が容易に取得できることは明らかである。例えば、後で述べる「5 RACE」「ネスティング」「インバースPCR」などの周知の技術が利用できる。

本願発明のGSを用いて疾病を検出する方法の一例を説明する。表1~表219に示すように、前述の方法により、各組織におけるGSの出現頻度を調べ、各組織毎のGSの出現頻度を比較すれば、それぞれの組織由来のcDNAライブラリーに特異的に存在するGSを見出すことができる。また、様々な組織で共通に発現している蛋白質に対応するGSや、発現の割合の少ない蛋白質に対応するGSも識別することができる。これらのGSを変性したものを適当なフィルター、例えばナイロンフィルター又はニトロセルロースフィルターに固定する。1枚のフィルターに多数のGSを固定したフィルターを用いると簡便である。なお、1枚のフィルターに多数の変性したDNAを固定したフィルターは周知であり、例えば、大腸菌のジェノミックDNAのコスミドコンティグを1枚のナイロンフィ

ルターに固定させた「The Escherichia coli Gene Mapping Membrane 宝酒造 C ode No.9035 」などが知られている。特定の組織に特異的なGSを組織毎にまと めたフィルター、種々の組織で共通に発現している蛋白質に対応するGSをまと めたフィルター、発現の割合の少ない蛋白質に対応するGSをまとめたフィルタ ーなどを作成することができる。これらのフィルターに固定した―本鎖GSに対 して、被験組織から抽出したmRNAを鋳型に「ランダムプライマー」、「標識 したヌクレオチドを含む4種のヌクレオチド」、「逆転写酵素」などによって合 成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。(mRNAを直接標識したもの をハイブリダイズすることも可能である。)また、別に、正常組織から抽出した mRNAを鋳型に同様の方法で合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。 (mRNAを直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。) 予め、 各種疾病時の組織におけるハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイ ズのパターンを比較して、各パターンの強度の度合いの相違を類型化しておけば、 被験組織のハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンと を比較し、前記のどの類型に属するかを解析することによって、被験組織がどの ような疾病の状態にあるか判定することができる。また、ウイルスの感染も、疾 病の検出と同様に検出することができる。

次に、本願発明のGSを用いて、疾病の原因遺伝子または関連遺伝子などの遺伝子をクローニングする方法の一例を述べる。前述のごとく、GSを変性したものを固定したフィルターに対する、各種疾病時の組織におけるハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンを比較する。その結果、正常組織におけるハイブリダイズシグナルの強度と疾病時の組織におけるハイブリダイズシグナルの強度とが大きく相違している場合、そのGSが病原遺伝子に対応するものであると考えられる。なお、特定の組織に特異的なGSのみをまとめたフィルターをその組織由来の被験組織に用いれば、ハイブリダイズシグナルの強度が大きく相違しているGSが見出される可能性が上昇するはずである。また、発現の割合の少ない蛋白質に対応するGSをまとめたフィルターを用いれば、本来

はこれらのGSに対するハイブリダイズシグナルのレベルは低いはずであるので、強いシグナルを検出することで、病原遺伝子に対応するGSを容易に見出すことができるはずである。病原遺伝子に対応するGSを見出せば、該GSをプローブとするジェノミックサザンハイブリダイゼーション等の公知の手法により、該GSをプローブ・プライマーとして用いて、対応する病原遺伝子をクローニングすることができる。

更に、GSをプローブ・プラーマーとして遺伝子全長をクローニングする方法を具体的に説明する。なお本願発明のクローニングされた遺伝子は、医薬品などに利用し得る蛋白質の産生に好適である。常法に従い、組織からmRNAを抽出し、cDNAライブラリーを作成する(Molecular Cloning, 2nd ed., Vol 2, Section 8(New York; Cold Spring Harbor Laboratory)参照)。その際、目的遺伝子が高発現している組織からmRNAを抽出することが望ましい。作成したcDNAライブラリーから目的遺伝子を選別するには、例えば、GSの全部または一部をプローブとしてハイブリダイゼーションを行い、ポシティブクローンを選択する方法がある。一般に、GSは特定のmRNAに特異的なものであるから、ハイブリダイゼーションはストリンジェントな条件で行うことができる。プローブは少なくとも25塩基以上、好ましくは50塩基以上、より好ましくは100塩基以上の長さを有していることが望ましい。

なお、目的遺伝子に対応する c D N A が濃縮された c D N A ライブラリーを作成すれば、目的遺伝子の選別に好適である。一つの方法として、目的遺伝子に対応する変性した G S を樹脂などに固定したアフィニティーカラムを作成し、組織から抽出した m R N A を該カラムに通すことによって目的遺伝子に対応する m R N A を該カラムに特異的に捕捉し、捕捉された該 m R N A を溶出することによって該 m R N A を濃縮し、濃縮された該 m R N A を鋳型に c D N A ライブラリーを作成する方法があげられる。また、別の方法として、P C R 法によって目的遺伝子に対応する c D N A を特異的に増幅する方法があげられる。目的遺伝子の特異的な増幅は、例えば以下のように行う。目的遺伝子の3、側に位置する G S の一

部からなるプライマーを用いて、「逆転写酵素」「4種のヌクレオチド」などに よってmRNAからcDNAを合成する。得られた一本鎖cDNAの3'側に、 「ターミナルデオキシリボヌクレオチドトランスフェラーゼ (TdT)」の作用 でポリTなどのホモポリマーを付加する。更に「ホモポリマーと相補的なプライ マー」および「先の逆転写反応に用いたプライマー、または該プライマーと同一 のGSに含まれ該プライマーよりもGSの5'側に位置するプライマー」を用い てPCRによる増幅を行い、目的遺伝子に対応するcDNAを特異的に増幅する ことができる (5'RACE(5' Rapid Amplification of cDNA ends):PNAS, Vol. 85, pp .8998-9002(1988)、Nucleic Acids Res., Vol.17, pp.2919-2932(1989) 参照)。 なお、ホモポリマーを付加する代りに、「T4DNAライゲース」を用いて一本 鎖DNAからなるアンカーDNAを一本鎖cDNAの3.末端に接続し、該アン カーDNAに相補的なプライマーを用いてPCR法によりDNAを増幅する方法 もある(Nucleic Acids Res..Vol.19.pp.5227-5232(1991))。プライマーは少な くとも13塩基以上、好ましくは15塩基以上、更に好ましくは18塩基以上の 長さを有していることが望ましい。また、サイクリング反応における熱変性の効 率を高めるため、好ましくは50塩基以下更に好ましくは30塩基以下の長さで あることが望ましい。増幅されたDNAをベクターに接続すれば「目的遺伝子が **濃縮されたcDNAライブラリー」が作成される。** 

なお、上記PCR産物から直接に目的遺伝子に対応する c DNAをクローニングすることも可能である。即ち、上記PCR産物をゲル電気泳動等で分離し、変性したGSをプローブとしたサザンプロティングを行い、GSが特異的にハイブリダイズするバンドが存在するかどうか確認する。ハイブリダイズするバンドが存在すれば、該バンドを切り出しDNAを抽出し直接クローニングすれば、目的遺伝子に対応する c DNAがクローニングされている可能性が高い。

前述の如くPCR法によって増幅した目的遺伝子を更に特異的に増幅するために、はじめのPCR産物に対して、どちらか一方のプライマーまたは両方のプライマーを先に使用したプライマーの内側のプライマーに変えて、第2回目のPC

R(ネスティング: nesting)を行ってもよい(Journal of Virology. Vol.64. P.864(1990))。その際、第1回目のPCR反応産物全体に対してネスティングを行ってもよいし、第1回目のPCR反応産物に対するGSをプローブとしたサザンプロティングによって、GSが特異的にハイブリダイズするバンドが存在した場合は、該バンドを切り出し、抽出したDNA断片に対しネスティングを行ってもよい。ネスティングによる産物に対する変性したGSをプローブとしたサザンプロティングを行い、GSが特異的にハイブリダイズするバンドが存在した場合は、該バンドを切り出しDNAを抽出し直接クローニングすれば、目的遺伝子に対応するcDNAがクローニングされている可能性が高い。

ここで、前述の如くクローニングされた目的遺伝子に対応するcDNAは、m RNAの全長に対応するcDNAであることもあるが、5'側の欠失したcDN Aであることもありうる。5'側が欠失している場合は、必要に応じて常法によ り容易に全長 c D N A をクローニングすることができる。例えば、「クローニン グしたcDNAの5′側に位置する塩基配列からなるプローブ」を用いてcDN Aライブラリーをスクリーニングすれば、GSをプローブとしたときよりもプロ ープの位置が全長 c DNAの5' 側にずれているので、より長い c DNAのみを ポシティブクローンとして選択することができる。また、「クローニングした c DNAの5'側に位置する塩基配列からなるプライマー」を用いてmRNAを鋳 型に c D N A を 合成した後に、前述の 5' R A C E 法で説明した如く、「該プラ イマーまたは該プライマーの内側のプライマー」と「ホモポリマーまたはアンカ ーと相補的なプライマー」とを用いて「5'側にホモポリマーまたはアンカーを 有する一本鎖cDNA」に対してPCR増幅を行えば、GSをプライマーとした ときよりもプライマーの位置が全長cDNAの5′側にずれているので、cDN Aの5'側のみを選択的に増幅できる。もし、取得したcDNAがなお5'が欠 失していた場合でも、この操作を繰り返せば長大な c D N A の全長をカバーする c DNA断片群が取得できる。なお、オーバーラップ部分を有する c DNA群を 接続して全長 c D N A を取得することは、当業者が容易に実施できる。

また、インバースPCR(Inverse PCR:Genetics, Vol.120, p.621(1988)、Molecular Cloning, 2nd ed., Vol 2, 14.12-14.13(New York; Cold Spring Harbor Laboratory))を行えば、GSの外側に延びるcDNA、ジェノミックDNAの領域をクローニングすることができる。即ち、標的DNA(ジェノミックDNAをライゲーションして環化する。該DNAに対し、「GS自体またはGSをプローブ、プライマーとしてクローニングしたcDNAに相補的で、DNA合成が相手側のプライマーが存在する方向とは反対方向に(外向きに)進行するようなプライマーのセット」を用いてPCR反応を行うことによって、GSの外側に延びるDNAの領域を増幅することができる。この方法を繰り返すことによって、目的遺伝子の全長ゲノムDNAをクローニングする方法(Nucleic Acids Res., Vol.16, p.8186(1988))も知られている。

なお、上記PCR反応においては通常「Taqポリメラーゼ」が使用されるが、「LAPCR (long and accurate PCR)」技術 (Nature Genet., Vol.7,p350-351(1994)、Nature、Vol.369,684-685(1994)) を用いることによって、より効率よくクローニングを行うことができる。

なお、得られた全長遺伝子を適当な発現ベクターに接続して、適当な宿主中で発現させれば、対応する遺伝子産物が得られることはいうまでもない (Molecula r Cloning, 2nd ed.)。

次に、本願発明のGSを用いて、細胞を同定・識別する方法の一例について述べる。表1~表219に示すように、前述の方法により、各組織におけるGSの出現頻度を調べ、各組織毎のGSの出現頻度を比較すれば、それぞれの組織由来のcDNAライブラリーに特異的に存在するGSを見出すことができる。これらの「組織特異的GS」をフィルターに固定する。各組織に特異的なGSをまとめてブロック化して固定すれば便利である(例えば、肝細胞特異的なGSのブロック、大脳皮質細胞特異的なGSのブロックなど。)。このフィルターに対して、前述の如く、被験組織・細胞から抽出したmRNAを鋳型に「ランダムプライマ

ー」、「標識したヌクレオチドを含む4種のヌクレオチド」、「逆転写酵素」などによって合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる(mRNAを直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。)。組織・細胞の種類に応じて、該組織・細胞で特異的なGS群のみ強いハイブリダイズシグナルが検出されるはずである。なお、組織特異的なプロモーターは「組織特異的GS」をプローブとするジェノミックサザンハイブリダイゼーション等の公知の手法により、該GSをプローブ・プライマーとして用いて、対応する組織特異的に発現する遺伝子をクローニングし、5、上流側を構造解析することによりクローニングすることができる。

ここで得られる組織特異的プロモーターは将来の遺伝子治療に有用なものである。

すなわち、狭義の遺伝子治療では、患者で欠損している蛋白質を外から遺伝子工学的に補充することを目的とするが、この際、外来遺伝子を希望する組織で、希望する強度で発現させてやることが肝要である。そのためには、特定の組織で、所望の強度で(大半は強い強度が要求される)発現することが判っているプロモーターは、極めて有用である。現在は、しばしばウイルスのプロモーターが用いられるが、これは体内で早期にメチル化等の修飾を受けて不活化される。GSが提供する組織特異的プロモーターは、これらに代わる理想的な材料となる。

次に上記のごとく得たGSに基づくプローブを利用して、本願発明のGSに対応するDNAを染色体にマップする方法について説明する。

初めに、サザンブロッティングによる方法について説明する。

この方法によれば、ヒトの正常な核型を有するリンパ芽球系の細胞(例えばG M0130b)から染色体を分離し、個々のヒト染色体をヒト以外の細胞、例えば齧歯類の動物細胞に導入し、単染色体のハイブリッドセル(monochro mosomal hybrid cell)を作成し、常法により大量培養する。次いで該ハイブリッドセルからDNAを抽出し、これらのDNAを各種制限酵素で切断したのち、アガロースゲル中で電気泳動にかける。次に上述のごとく作成

した<sup>32</sup>Pで標識したGSをプローブとして用いて、通常の条件下で電気泳動した DNAとハイブリダイズさせる。そして該プローブがどのハイブリッドセルのD NAにハイブリダイズするかを確認することによって、本願発明のGSに対応するDNAが存在する染色体の位置を見出すことができる。各々のGSをラベルしたプローブを用いてヒト全ゲノムDNAを対象にサザンハイブリダイゼーションを行っても各々のGSに対応する単一のバンドが検出されたことから、本願発明のDNAがヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして用いることができることが明らかになった。なお、ヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして使用できれば、ヒトcDNA、ヒトmRNAに対する好適なプローブとして使用できることは明らかである。

また、同様に、PCR法を用いることにより、本願発明のGSがどの染色体に存在するか確認する方法について説明する。

すなわち、GSの塩基配列の中から、通常の方法、例えばコンピューターソフトウェア OLIGO4. O (National Biosciences社製)により、プライマーとして最も適した塩基配列を選び、常法によりオリゴヌクレオチド(20~24mer)を合成し、プライマーとする。これらのプライマーを用いてPCR法で増幅される部分の長さは50merから100mer程度が望ましい。

次いで、上記単染色体のハイブリッドセルから染色体DNAを抽出したDNAをそのまま鋳型として、先に述べたプライマーを適用し、常法のPCR法により増幅する。PCR産物をアクリルアミド非変性ゲルで電気泳動した後、エチジウムブロマイドによって染色し、蛍光を検出することで該PCR産物の長さの確認を行う。

これらの操作で、それぞれのハイブリッドセル由来のゲノムDNAを鋳型として正しい長さを有するPCR産物が増幅されるか否かにより、プライマーが由来するGSがどの染色体に存在するかを確かめることができる。

以上の操作から、本願発明の各GSに対応するDNAが、どの染色体に存在す

るかを確認できることが判明した。各々のGSを増幅するプライマーを用いたPCR法をヒト全ゲノムDNAを対象に行っても各々のGSに対応する単一のバンドが検出されたことから、本願発明のDNAがヒトゲノムDNAに対する好適なプライマーとして用いることができることが明らかになった。なお、ヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして使用できれば、ヒトcDNA、ヒトmRNAに対する好適なプローブとして使用できることは明白である。

#### 図面の簡単な説明

図1は、3'MbolcDNAライブラリーの作成を示す図である。

図2は、プライマーの試験を示した図である。図中、Aは試験に用いたプライマーのベクター上の位置を、Bはプライマーにより増幅したDNA断片のゲル電気泳動のパターンを示す。用いたプライマーは以下の通りである。

 $\nu - \nu 1$ ; FW (-40) /RV (-14)

 $\nu - \nu 2$ ; FW (-40) /RV (-36)

 $\nu - \nu 3$ ; FW (-40) /RV (-71)

 $\nu - \nu 4$ ; FW (-40) /RV (-29)

 $\nu - \nu 5$ ; FW (-47) /RV (-48)

アーティファクトは、矢印で示してある。

図3は、SW (-40) 及びRV (-14) を用いたPCRを示した図である。図中、最も右側のレーンはサイズマーカーを、他のレーンはSW (-40) /R V (-14) を用いたPCR産物を電気泳動したパターンを示す。

図4は、cDNAライブラリー内の各GSの出現頻度へのmRNA濃度の反映を示す図である。特に、図4A~図4Dは結果を示し、図4Fはその要約である。図4Eはコロニーの写真である。

図5は、3' 領域HepG2cDNAライブラリーにおける種々のcDNA種の検索頻度を示す図である。

図6は、PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

図7は、PCRを用いた各GS(gs)のマッピングを示す図である。

図8は、PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

図9は、PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

図10は、PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

図11は、GS001418 (gs001418) のPCRによる染色体へのマッピングを示す図である。

図12は、GS001457 (gs001457) のPCRによる染色体へのマッピングを示す図である。

図13は、GSをプローブとしたヒト全染色体に対するサザンブロッティングを示す図である。

図14は、GSをプローブとしたヒト全染色体に対するサザンブロッティング を示す図である。

図15は、サザンハイブリダイゼーションに用いたハイブリッドセルを示す図である。

図16は、GS000152 (クローンs14g02) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図17は、GS000041 (クローンs650) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図18は、GS000181 (クローンhm01e01) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図19は、GS000055 (クローン c 13 a 18) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図20は、GS000180 (クローンs 479) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図21は、GS000094 (クローンs173) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

·図22は、junk (クローンhm01g02) をプローブとしたハイブリッ

WO 95/14772

ドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

図23は、サザンプロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、 EはEcoRI を、BaはBamHI を、BgはBgl]を示す。E/BはEcoRI とBamHI の二重切断を示す。

PCT/JP94/01916

図24は、サザンプロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、 EはEcoR! を、BaはBamH! を、BgはBgl] を示す。 E/BはEcoR! とBamH! の二重切断を示す。

図25は、サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoR!を、BaはBamH!を、BgはBgl!lを示す。E/BはEcoR!とBamH!の二重切断を示す。

図26は、サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、 EはEcoR | を、BaはBamH | を、BgはBgl | を示す。E/BはEcoR | とBamH | の二重切断を示す。

#### 発明を実施するための最良の形態

以下、本願発明の好適な実施例について説明する。なお、本願発明は、この実施例に拘束されるものではない。

#### [実施例1]

#### mRNAの標品調製

標準的な手法 (Sambrook et al., Molecular Cloning, 2nd ed. (New York: Co ld Spring Harbor Laboratory), vol 1, pp.7.3-7.36, 1989 ) により、肝臓癌細胞系HepG2 (Aden et al., Nature 282, 615-617, 1979 ) から、細胞質RNAを抽出した。すなわち、10%のFCSを添加したダルベッコの変法イーグル培地で培養したHepG2細胞を、RNA抽出緩衝液 [0. 14MNaCl、1.5mMMgCl2、10mMTris-HCl(pH8.6)、0.5%NP-40、1mMDTT、1000単位/mlRNase阻害剤 (Pharmacia)]中で、ボルテックスミキサーを30秒間使用して溶解させ、その後5

分間氷冷した。核及びその他の細胞破壊物を、90秒間、12, 000gの遠心分離により沈澱させ、上清をプロテイナーゼKで除蛋白した後、フェノール抽出を行った。次いでRNAは、イソプロパノールを使用して沈澱させ、70%のエタノールで洗浄した。最後にオリゴ d Tカラム分別法(Aviv et al., Proc. Nat 1. Acad. Sci. USA <u>69</u>, 1408-1412, 1972 )を用いてポリ $A^+$  画分を収集した。 [実施例2]

ベクタープライマーDNAの調製とcDNAライブラリーの構築

ベクタープライマーの調製に際しては、JM109細胞(Yanisch-Perron et al., Gene <u>33</u>. 103-119. 1985)内で増幅したpUC19DNAをPstlで完全に消化し、ターミナルトランスフェラーゼ(Pharmacia)によってポリエテールを添加して、その平均の長さを26にした。このプロセスは、 $^3$ Hデオキシチミジン三リン酸(Okayama et al., Methods in Engymology(San Diego: Academic Press)、vol. <u>154</u>, pp.3-28.1987)の取り込みにより調べられた。生成物はHinclicよって消化し、その際生じた短いフラグメントを、セファロースS-300のクロマトグラフィーによって除去した。次に、エテールを有するプラスミドをオリゴdAカラムによって精製し、 $1\mu g/\mu 1$ の濃度で、50%エタノール中に保存した。

図1は、c DNAライブラリーの作成の概要を示している。各 $2\mu$ gの細胞質ポリA<sup>+</sup> RNA及びベクタープライマーDNAを、0. 3M酢酸ナトリウムを含有する70%エタノール中で共沈させ、沈殿物を $12\mu$ 1の蒸溜水中で溶解した。第1鎖合成のため10分間76℃で加熱変性した後、 $5\times$ 反応緩衝液を $4\mu$ 1 [250mMTris-HCl (pH8.3), 375mMKCl、15mMMgCl $_2$ ]、0. 1MDTTを $2\mu$ 1、並びに、それぞれ10mMのdATP、dCTP、dGTP及びdTTPを $1\mu$ 1ずつ、37℃に加温したサンプル中に加えた。反応は、200単位の逆転写酵素MMLV-H-RT (BRL)を添加し、37℃で30分間インキュベートした後、反応チューブを氷上に移すことで停止した。次に、第2鎖の合成では、この反応液に $92\mu$ 1の蒸溜水、 $32\mu$ 1の $5\times$ E. col

#### [実施例3]

#### cDNAインサートのPCRによる増幅

プラスミドを有するE. coliコロニーを、 $125\mu$ lのLB培地 (Davis et al., Advanced Bacterial Genetics. Cold Spring Harbour (New York:Labor atory), 1980 )が入った96穴のプレートに接種し、37℃のチャンバー内で 24時間培養した。96穴用ピン式レプリカ培養装置(Sigma)を使用して 各プレート毎にレプリカ培養を行い、後日利用できるようマスター・プレートを 作製し-80℃で保存した。一晩37℃で培養した後、これらレプリカの各ウエルから $50\mu$ lの培養菌液を、ポリカーボネート96穴プレート(Techne)に移した。細菌は、Omnispin H4211ローター (Sorvall) により、<math>1500rpmの回転速度で5分間遠心分離することによって回収した。次に、菌体を $50\mu$ lの水にもう一度懸濁させ、ミネラルオイル層で覆い、金属バス中、95℃、30分間で溶解させた。細胞破壊物は、前記ローターを360

Orpmの回転速度で30分間運転して、遠心分離をすることにより取り除いた。 5μlの上清を20μlの蒸溜水に添加し、ミネラルオイル層下で10分間、 95℃で保温した。次に、変性された分離物は、70℃で各プライマー5pmol、それぞれ5nmolのdATP、dCTP、dGTP及びdTTP、並びに 1.25単位のTaqDNAポリメラーゼ(Cetus)を含む、25μlの2×反応混合物 [40mMTris-HCL(23℃でpH8.9)、3mMMgCl2、50mMKCl、200μgゼラチン/ml]を70℃で加えて、PCRに供した。この反応混合物を加えた直後に、温度サイクル反応が実行された。このとき、マイクロフュージ・チューブ(PJ1000、Perkin Elmer Cetus)か96穴プレート(PHC-3、Techne)のサーモサイクラーを使用し、最後の伸張プロセスを行わずに、それぞれ96℃で30秒、55℃で1分間、72℃で2分間を35サイクル繰り返した。

なお、この方法では、PCR反応に適したプライマーを選択することが、非常に重要である。そのため、適当なプライマーを選択するために、それぞれ予測Tmが60℃を超える次の組の被験プライマーを用いて予備実験を行った。

即ち、市販されている  $24 \, \text{mer}$  アライマーと同じプライマーである FW (-47) 及び RV (-48) のプライマーの組;塩基配列決定用プライマーの中でも長いプライマー ( $21 \, \text{mer}$ ) である FW (-40) と RV (-29) のプライマーの組;さらに 3' 末端における FW (-40) の配列と同じであるが、方向が異なるプライマーである RV (-71) 及び RV (-14) プライマーが試験された(図 2A)。

前記各種プライマーを組み合わせて行った試験の多くのサンプルで、期待された主要生成物の他に、短いアーティファクト生成物が出現した(図2B, アーティファクト生成物は矢印で示した)。これらのアーティファクトは、プライマー 濃度もしくは基質濃度を低下させたり、アニーリング温度を上昇させると減少するが、いずれの場合も、主生成物の収率が不十分なため、濃縮を行わないと、塩基配列決定反応の鋳型として供給することはできなかった。

しかし、SW(-40)及びRV(-14)の組からは、アーティファクトが 生成されなかった(図3)。この組を用いて、更に試験を行ったところ、再現可 能な結果が得られることが判明した。任意に抽出した cDNAクローンでも同様 の結果が得られた。本実施例においては、プライマーとして全てSW(-40) 及びRV(-14)の組を用いた。

#### [実施例4]

#### DNA塩基配列決定

PCR反応生成物を、撹拌しながら、ミリポアフィルター (VSO. 025 μ m) により、TE (10mMTris・HCl(pH8.0)、1mMEDTA) に対 して90分間滴下透析した。直径150mmのフィルター1個で、48個のサン プルを容易に処理できる。それ以上の精製をせずに、色素で標識したプライマー を使用して、サイクルシークエンスプロトコール(Applied Biosy stems、1991) に従ってサンプルの塩基配列を決定した。ジデオキシシ チジン塩基配列決定反応では、2μ1の透析後のPCR反応生成物(約0.2p molの鋳型DNA) を、0.4pmolのFAM M13 (-21) プライマ - (Applied Biosystems) Tris-HCl (160mM, pH8.9) 溶液に、40mM(NH<sub>4</sub>), SO<sub>4</sub>、<math>10mMMgCl, 、50 $\mu$ MdATP, 12.  $5\mu$ MdCTP,  $75\mu$ M7-deaza-dGTP (B oehringer Mannheim Biochemicals), 50μ MdTTP、25μMddCTP及び0. 8単位のTagポリメラーゼ (Per kin Elmer Cetus)を含む3µ1の反応混合物に加え、サーモサ イクラー(PHC−3、Techne)を使用して、15+15(95℃30秒、 60°C1秒、70°C1分及び95°C30秒、70°C1分)の反応サイクルを行っ た。他の3種類、即ちジデオキシグアノシン、ジデオキシアデノシン及びジデオ キシチミジンに関する配列決定反応を、ジデオキシグアノシンとジデオキシチミ ジンの両反応については全成分を倍量使用したこと以外は、基本的に同じやり方 で並行して行った(TMRA、JOEおよびROXの各プライマーは、それぞれ

WO 95/14772

Applied Biosystemsによって提供された)。4サンプルのセットを4℃まで冷却し、プールした後に、エタノールで沈澱させ、ホルムアミド/50mMEDTA(V/Vで5/1)の溶液6µ1中に懸濁させ、シークエンスゲルにロードし、DNAオートシークエンサー(モデル373A ver 1.0.1, Applied Biosystems)で解析した。
[実施例5]

### c DNAライブラリー内の各GSの出現頻度へのmRNA濃度の反映

3'領域 c D N A ライブラリーが、HepG2細胞中のmRNA集団の偏った分布をとっているのではないことを確認するため、無作為の c D N A の選別によって重複してクローニングされたクラスから4つの c D N A クローン(EP-1  $\alpha$ 、 $\alpha-1-T$ ンチトリプシン、hnRNPコアタンパク質 A 1 及びインターー $\alpha-h$ リプシンインヒビター)のインサートを放射標識し、これらをHepG2 細胞からのポリ A +mRNAのノザン解析におけるプロープとして使用した(結果は、図 4 A -Dに示され、Fに要約されている。)。4つのmRNA種のバンドの相対的強度から、それらの相対的比率が夫々52、24、1 及び 1.2(Fのレーン i i i)であることが判明した。次に、同一のプローブセットを用い、8、800クローンから成る同じ c D N A ライブラリーで各プローブとハイブリダイズするコロニーの数を測定した(図4 E)。

クローンの頻度は、307、128、7及び9で、即ち、相対比率は、それぞれ、44、17、1及び1.3であった(f内のレーンiv)。これら2種類の推定値は一致し、このcDNAライブラリーがmRNA集団の分布に偏りのない標品であることが実証された。この比率は、同じ細胞から作成したmRNAの別の標品を試験したときにも、実際的には変わらなかった。

なお図4は、3' 指向 c D N A ライブラリー中の c D N A クローンの出現頻度 と m R N A の組成の一致を示す図である。そのうち図4 A は H e p G 2 細胞から 得られた  $2\mu$  g のポリ A  $^+$  R N A を、エチジウムプロマイド( $5\mu$  g / m 1)を 含有するホルムアミドアガロースゲルのレーン 1-4 で電気泳動にかけたものに

UV照射し写真撮影した図である。レーン5は、サイズマーカー(Kb)として 使用したRNAラダー (BRL) を示したものである。図4 Bは以下の<sup>32</sup>P標識 の3'特異的 c DNAプローブを使用して、ノザンブロットを行った結果である。 各レーンにはEF-1α(レーン1)、α1-アンチトリプシン(レーン2)、 ヒビター (レーン4) がロードされている。また図40は2%アガロースゲル中 で、非標識のcDNA断片、即ち、延長因子-1a(レーン1)、a1-アンチ トリプシン(レーン2)、HnRNPコアプロテインA1(レーン3)、インタ ーーαートリプシンインヒビター (レーン4) をそれぞれ1pmolずつ電気泳 動させ、写真撮影した図である。図4 Dは同じ放射活性プローブセットを使用し た、図4Cからプロットしたフィルターのサザン解析である。レーン5は、基準 1kbラダー(BRL)の移動パターンを表している。これらスクリーン像の普 通記録を、Bに関しては8時間、Dに関しては1時間の時点で作成した。各バン ドにおける放射能は、シンチスキャナー ( $\beta$ -603; Betagen) で直 接測定し、Fの第1行と第2行に記載した。観察されたバンドの強度は、図4D のバンドの強度(Fの第2行の値)を基準として補正し、さらにプローブ3(H nRNPコアA1, レーン3) の値を1としてノーマライズした (Fの第3行の 値)。これらの値は、mRNAの元の標品の各mRNA種の相対的含有量を表し ている。図4 Eは4つの放射性プローブから成る同じセットを使用し、3' 指向 c DNAライブラリーの8、800コロニーが含まれている膜を用いたコロニー ハイブリダイゼーションである。正のコロニー数がFの第4行に記載され、その 値はプロープ3 (HnRNPコアA1, レーン3) の値を1としてノーマライズ した(Fの第5行の値)。なお図4のB、D及びE中の各数字は、(F)内の各 プローブ番号を表している。図4 Fにおいて、第3行の値と第5行の値すなわち (iii)と(v)の間に顕著な一致が見られることがわかる。

[実施例6]

c DNAライプラリーの構成比

c DNAライプラリーの組成を更に解析するため、無作為の c DNAの選別に よって重複してクーロニングされた配列グループ(グループ I)と1回だけクロ ーニングされた配列グループ(グループ II)から、それぞれ7個と10個のク ローンを選択し、これらのインサートをコロニー・ハイブリダイゼーション用の 放射標識プローブとして使用した(図6)。各々のグループ [ プローブとハイブ リダイズしたコロニーの出現頻度は、無作為にクローニングをした時に各プロー プを含む c D N A がクローニングされる頻度とよい相関を示した。その頻度は約 3. 5%~約0. 1%であった。このことから、ライブラリー集団のほぼ52% が173種からなる重複してクローニングされた配列グループで構成されている と推定された。一方、グループ I I の中からの8プローブを試験した結果、スク リーニングされた26、400中に18のポジティブ・コロニーが識別され、ハ イブリダイズしたコロニーの全コロニーに占める割合の平均値は0.007%で あった。2つのプローブは、26、400個のコロニー中のいずれに対してもハ イブリダイズせず、平均頻度は0.004%未満となった。従って、グループ I Iの10プローブとハイブリダイズするコロニーの平均出現頻度は、グループ I の最低頻度より数桁低い結果となった。

結果を図5にまとめた。3' 領域HepG2cDNAライブラリーにおける種々のcDNA種の出現頻度を示すものである。この図5において、7個のcDNAプローブ(a 15からtb042)は重複してクローニングされたグループ(グループI)中の162のcDNAから、また、10個のcDNAプローブ(s 155からs 632)は一回だけクローニングされたグループ(グループII)中のcDNAから無作為に選ばれた。カラムA、BまたはCについて、各cDNAは放射標識し、982個(A)、8、800個(B)あるいは26、400個(C)のコロニーのコロニー・ハイブリダイゼーションテストのプローブとして用いた。なお、NTは検査しなかったことを示す。また、この図に挙げられている17個のクローンのDDBJエントリー名は、HUM000A15、HUM000C321、HUM00TB038、HUMHM01B02、HUM0C

13A04、HUMHM02D02、HUM00TB042、HUM000S1 55、HUM000S159、HUM000S639、HUM000S635、 HUM000S170、HUM000S154、HUM000S167、HUM 000S645、HUM000S647、HUM000S632である。

#### [実施例7]

#### 塩基配列決定の確度の解析

本明細書中の配列データはすべて、プラスミドインサートをPCR法により増幅し、次いでTaaポリメラーゼを使用してサイクルシークエンス法を行うことによって得られたものである。これらの配列データのうち、データベース中に極めて類似した配列が見つかったもののうち60のクローンの配列におけるデータベース中の配列との相違を調べた。その結果、クローニング部位から1~100 bpにおける確度は98. 7%であり、この部分でプライマー又はプローブを設計した場合、ほどんど誤りを含まない完全に近いものが得られること、また万が一誤りを含んだとしてもプライマーやプローブとして使用する場合には機能的に問題がないものが得られることが判明した。

#### [実施例8]

PCRを用いた各GSのマッピング

#### < c DNA配列>

cDNAライブラリーは、DMSO処理されたHL60細胞のmRNAから作製された。3'領域cDNAライブラリーの作り方や、その配列の決定の方法は実施例1~4に示した方法と同じである。

#### <PCRプライマー>

プライマーの設計は、コンピュータソフトウェアOLIGO4. O (ナショナルバイオサイエンス)で行われ、分子間もしくは分子内の2次構造の形成はできるかぎり除去されている。プライマーの設計に加えて、オリゴヌクレオチド配列のローカルデータベースや合成機への転送は、ネットワークとリンクしているマッキントッシュコンピュータを使って半ば自動化されている。DNAオリゴマー

は、40nmolスケールで自動DNA合成機(モデル394、Applied Biosystems)によって合成した。合成されたオリゴマーは、これ以上の精製をしないでPCRプライマーとして使用した。

#### <ゲノムDNAの調整>

ヒトゲノムDNAは正常な核型を有するリンパ芽球様細胞系GM0130bから採取した。

マウス及びチャイニーズハムスターのゲノムDNAは、Clontechから 購入した。マッピングパネルに使用される単一染色体ハイブリッド細胞は、通常 使用されている公知のものを用いた。即ち、第3,4,9,11,12,13,15及び22染色体並びぼY染色体はヒト・チャイニーズハムスター単一染色体 ハイブリッド細胞に含まれていて、第1,2,5,6,7,8,10,11,12,14,15,16,17,18,19,20及び21染色体並びにX染色体 はヒトーマウス単一染色体ハイブリッド細胞A9シリーズの中に含まれている。ハイブリッド細胞の確認は、in situハイブリダイゼーションによって行った。

#### <PCRによる増幅>

PCRは、標準的なプロトコール (Saiki et al., Science 230,1350-1354, 1985) に従って行った。全量を20µlとし各10pmolのプライマーを用い、Perkin-Elmer9600サーマルサイクラーにより、94℃で30秒、アニーリング温度で60秒、72℃で90秒、を35サイクル行った。アニーリング温度はプログラムOLIGOによって算出された "optional an nealing temperature" によって決定した。

#### <PCR産物の分析>

PCR産物は300Vで1時間、非変性8%ポリアクリルアミドゲル(アクリルアミド: ビスーアクリルアミド=19:1, 厚さ1mm)で泳動し、続いて、0.  $25\mu$ g/mlエチジウムプロマイドを含んだ90mM Trisーホウ酸、2mM EDTA緩衝液に15分浸漬して染色した。増幅した産物の大きさは、

10bpのDNAラダー (BRL) と比較して決定した。蛍光の検出は、レーザー蛍光画像分析機 (FM-BIO, HITACHI Software Engineering) を使用して行った。この画像データは、分析のためにコンピュータに転送した。

#### < P C R産物の分析結果>

顆粒球様細胞から得られた3'領域DNA中のGSののうち、GenBank Release76にエントリーされている配列とマッチしなかったGS19 5個を選び、次いでPCR用のプライマーを設計した。

この195セットのプライマーセットを用いてヒトの全ゲノムDNAを鋳型としてPCR増幅を行った。195個のプライマーセットの中で、191個 (98%) は、予想したサイズと5ヌクレオチド以内しか相違しない産物を生成した。結果を図6~図10にまとめた。なお、図中の記号は次の通りである。即ち、

GS; ジーン・シグナチャー

CN:クローン名

Chromosomal position;各GSがマップされた染色体番号

Sequence of primers;プライマーの配列(Sence; センス鎖、Anti-sence;アンチセンス鎖)

AT;アニーリング温度

H〇;全ヒトゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の実際の塩基長

HE;全ヒトゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の予想塩基長

M〇;マウスゲノムDNA(ヌクレオチド)を持つPCR産物の塩基長

CO; チャイニーズハムスター・ゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR 産物の塩基長

T ; DMSOあるいはTPAによる誘導の有る無しのHL60細胞の3つの

WO 95/14772

cDNAライブラリーから得られた全3000個のクローン分析後のG Sの総ヒット数

疑問符号("?")は、PCR産物が明白なバンドを生じないことを表す。

"M"及び "C" は、それぞれマウス又はチャイニーズハムスターのDNAを 鋳型として反応を行った場合と区別出来ないバンドが生じたことを示す。

c DNA配列から無差別にPCRの鋳型となるサンプルを選んでも、PCRの全般的成功率は191/195 (98%) であったことから、この実験で使用したcDNAライブラリーは質的に信頼できるものであり、また、塩基配列分析及びプライマー設計が適切に行われていたことが判明した。一方、cDNA配列中のイントロンの存在によって生じるPCR失敗の可能性は、GSを用いて実験する場合は無視し得ると考えられる。イントロンは脊椎動物の遺伝子のpolyAに近い3'領域にはほとんど存在しないからである(Wilcox et al., Nucleic. Acids Res.19, 1837-1843, 1991)。このことは、ランダムプライマーによるcDNAライブラリー(Adams et al., Science, 252, 1651-1656, 1991)あるいは5'領域cDNAライブラリーから得られた断片的なcDNA塩基配列の利用と比較しても、非常に有利である。

<GSの染色体へのマッピング>

ヒトの全DNAからのPCR産物を生成した191個のプライマー対は、単一染色体ハイブリッド細胞パネルを使ってcDNAの部分配列がいずれの染色体に存在するかを知るために用いられた。少なくとも119個は1つの染色体にマップされることが判明した。一例として、図11に示されているGS001418は第3番染色体にマップされた。いくつかのクローンについては、余分な産物が得られ、それらのうち幾つかは同じ染色体に、一方、他のものは別の染色体に割り当てられた。一例としてGS001457のパターンが図12に示されている。62個(33%)のクローンが2つ以上の異なった染色体で期待通りのPCR産物を生成した。35例(18%)では、バックグラウンドの齧歯類のゲノムDNAと区別がつかない大きさのPCR産物を生成した。これらのうち21のクロー

ンは、マウスやチャイニーズハムスターのDNAと区別のつかない産物を生成した。10のGSは、ヒトの全ゲノムDNAからの予期されたPCR産物が観察されたが、単一染色体細胞パネルDNAによる期待のPCR産物は生成しなかった。この10のケースについては、ハイブリッドセル内で小さな欠失が生じていたと考えられる。HepG2cDNAライブラリーから得られた5つのクローンについては、サザンプロット分析でも解析された。5つのクローンのうち4つはPCRの結果と一致した(GS00053、GS000120、GS000271、GS000279)。サザンブロット法で弱いシグナルによって不確実ながらY染色体に割り当てられた1つのクローン(GS000228)は、PCRによって第11染色体にマップされた。

## [実施例9]

サザンプロッティング法を用いた各GSのマッピング

### <細胞株>

全ヒトゲノムDNAはヒトの正常の核型のリンパ芽球状細胞株GM0130b より単離した。マッピングパネルに用いた単一染色体を持つハイブリッド細胞は図15に示した。Koiら(Koi, M. et al., Jpn. J. Cancer Res. 80, 413-418, 1989)により記述されたようにハイブリッドA9(neo-x)-y は鳥取大医学部のM.Oshimura博士により名付けられ、3世代継代した後凍結した。染色体の欠落や再編成が細胞の集団中のこの時期に起こる可能性がある。GMシリーズは国立医科学研究所(NIGMS)の変異体細胞貯蔵センター(Camden, NJ)より得た。液体窒素中で保存後にハイブリッド細胞中で染色体が元通り保持されているかを確かめるために分裂中期にあるハイブリッド細胞をビオチン化したヒト全DNAをプローブにしたinsituハイブリダイゼーション(Durnam, D. M. et al., Somatic. cell Mol. Geneta.11,571-577,1985)により調べた。元通りの、あるいは転座したり断片化したヒト染色体はこの方法により容易に検出された。ハイブリッド細胞マッピングパネルにおいては、第11.12.15染色体は各細胞株A9(neo-11)-1.A9(neo-12)-4,A9(neo-15)-2のもので、それらの染色体は各々ハイブリッド細胞株GM10927A.GM1

0868,GM11418によるものもある。

<ゲノムDNAの単離とサザンプロッティング>

高分子量DNAは細胞よりドデシル硫酸ナトリウム(SDS) とプロテネースKを用いて抽出し、続いてフェノールクロロホルムより抽出し、エタノール沈澱を行った。DNAは制限酵素EcoRI.BamHI.BgIII の内の2つを組み合わせて一晩切断し、そのうちの約5 $\mu$ gを0.8%アガロスゲル中で電気泳動し、ハイボンドN+メンブレン(Amersham)に0.4N水酸化ナトリウムでトランスファーした。メンブレンは2xSSC 中で濯ぎ、4 Cで保存した。

150塩基対以上の長さを持つ新しい配列のクローンをプローブとして選んだ。 それらのクローンのcDNAの挿入部分をPCRで増幅した。PCR産物は2%低融点 アガロース(ヌーシブ:シープラーク、3:1)中の電気泳動により分離した後 切り出した。アガロースはゲルを65℃で溶かして、ベーターアガラーゼI(Bio La bs)を用い40℃1時間で消化して除いた。プローブは市販のキット(Amersham)を 用いたランダムプライミングにより[ $\alpha$ - $^{32}$ P]dCTPで標識した。ハイブリダイゼ ーションは65℃で6xSSC.1xデンハルト溶液、0.5%SDS.超音波破砕をかけて変性さ せた0.1mg/mIのサケ精子DNAを含む高塩濃度緩衝液中で行った。メンブレンは 2xSSC.0.1%SDS 中で65℃で30分間洗った後、0.1xSSC.0.1%SDS 中で65℃で30分間 洗い、フジBAS-20000イメージアナライザーを用いて解析した。

### <ゲノムDNAを用いた解析>

実施例1、実施例2に記載した3、末端を持つHepG2 由来のcDNAライブラリーから公知でないGS160クローンを選別しサザンプロットのプローブとして用いた。

ヒトの全ゲノムDNAは正常の核型を持つGM0130b 細胞株より単離し、制限酵素EcoRi,BamHI,BgIII 単独あるいはその組合せで切断した。プローブとして用いたGSクローンは3'末端を持つcDNAであった。これらの各cDNAはポリ(A)と最も近いMboI部位(GATC)の領域を含み(Okubo, K. et al., Nature Genetics. 2.173-179, 1992)、BamHI,BgIII 部位を持たない。加えて、平均の長さは270 塩

基対なのでcDNA部分にEcoRI 部位を持つ可能性は高くない。事実、解析した160 クローンのうち 7クローンしかEcoRI 部位を持っていなかった。

切断したヒトのゲノムDNAをトランスファーしたメンプレンを、放射標識し たGSプローブでハイブリダイズし、厳しい条件で洗った。タンパク質をコード する領域はモチーフを持つ傾向があるのに対し、cDNAの3'末端領域は一般に固 有の配列を持つので、無関係のcDNA配列によるクロスハイブリダイゼーションは そのような厳しい条件下では起こりにくい。ハイプリダイゼーションの結果の例 は図13から図14に示してある。クローンs503とs632 (図13のa, b; j u nk) は固有の一本のバンドを生じたものの例である。以下に示すように、67ク ローンがこのクラスに属していた。バンドのパターンから、GS配列の制限酵素 部位に対する相対的な位置を推定した。クローンs311(図13の c; GSOO) 092) はEcoR! 単独およびEcoR!+BamH! の切断DNAに対して単一のバンドを 示したが、他の二つの制限酵素による同時切断においては2本の異なった大きさ のバンドがみられた。従って、このような同時切断によって多重に存在するGS の解析が可能になった。同様の結果はクローンc13a08 (図13のd;GSOO) 055) で得られた。このクローンではEcoR! 単独およびEcoR!+BamH! の切断D NAでは2本のバンド、EcoRI+Bg111.BamHI+Bg111 では4本のバンドがみられた。 一方、クローンs479ではEcoRI 単独では4本のバンドがみられたが、EcoRI+Bg11 1.BamHI+BgIII ではバンドの数が減少した(図14のe; GS000180)。 これらの結果はハイブリダイズする断片の最大の数を明らかにするためには、い ろいろな方法でDNAを切断すべきであることを示している。我々の解析から41 .10.7.19個のクローンが各々2.3.4.5 本以上のバンドを含むことが示された。ク ローンsl4f0lとtvl-46 (図14のf, g;GS000407とjunk) は各レ ーンに少なくとも10本以上のバンドを含んでいた。EcoRI 部位は2つのGS配列 に存在していないので、バンドが何本も出ることはこれらの遺伝子が重複して存 在することを表していると考えられる。クローンkmb07 は厳しい条件でよく洗っ た後でもスメアーのパターンを示しており(図14のh; junk)、このプロ

ープはこれまでに同定されていない反復配列を持っていることを示唆している。 <染色体へのマッピング>

齧歯類の染色体に加えて単一のヒト染色体を持っている単一染色体ハイブリッド細胞のセットを集めた(図15)。13の細胞株はKoi ら(Koi, M. et al., Jp n. J. Cancer Res. <u>80</u>, 413-418, 1989 )によって確立されたミクロセルハイブリッドでそのほかはNIGMS より得た。ビオチン化した全ヒトDNAを用いたin situ ハイブリダイゼーションによってこれらの細胞株でのヒト染色体を調べた結果も図15に示してある。

GSはハイブリッド細胞マッピングパネルを用いて染色体へマップした。3種類のメンプレンを調製した。各々のメンプレンはハイブリッド細胞より調製したDNAを持っており、EcoRI 単独、EcoRI+BamHI.BamHI+BgIII で切断してある。これら3種類のメンプレンの中で、全ゲノムのサザンブロットの結果にしたがって最大の数のバンドを生じたメンブレンを各GSプローブに用いた。ハイブリダイゼーションの結果の例は図16から図22に示してある。各レーン上の数字は各ハイブリッドセルが保持するヒト染色体の番号を、Hはヒト全染色体を示す。クローンs14g02(GS000152:図16)はEcoRI で切断した全ヒトDNAで一本のハイブリダイゼーションのバンドを示すが(Iane H)、それに対応するバンドはヒトの第4染色体を含むハイブリッド細胞株についてのみ見られた。従ってこのGSは第4染色体上に位置する。

クローンs650 (GS000041;図17) は、EcoRI+BamH! で切断したメンブレン上で特有の7.5kb のバンドを示し、12番染色体上に割り当てられた。しかしながら、EcoRI 単独で切断したDNAではヒト特異的断片とげっし類とのクロスハイブリダイズした断片が重なったために、レーン3.4.9.13.22 にみられる単一ではあるが短い断片(1.3kb) は、チャイニーズハムスター中の相同なDNA配列を表し、他のレーンの3.3kb のバンドはマウス中の相同なDNAを表す。

クローンhm01e01(GS000181;図18) はEcoRI 単独で切断した全ヒト DNAで2本のバンドを示し、それに対応するバンドはレーン1と2で見られた。

従って、この遺伝子ファミリーの二つのメンバーがこの2本の染色体上に位置している。

図19はクローンc13a08 (GSOOOO55) がBamHi+BgIII あるいはEcoRi+BgIII で切断した全DNAに対して4本のバンドを含むことを示している。一方、EcoRI 単独あるいはEcoRi+BamHi で切断したヒトDNAでは2本しかバンドはみられない。従って、BamHi とBgIII とで切断したDNAのパネルをこのクローンに用いた。2本のバンド(12.3kb.7.5kb)がレーン7 に見られ、5.2kb のバンドはレーン2、3.2kb のバンドはレーン17に見られた。チャイニィーズハムスターDNAとクロスハイブリダイズする2 本のバンド(6.0kb.3.8kb) はレーン3.4.9.13.22 にみられ、マウスのDNAとクロスハイブリダイズする単一のバンド(3.5kb) は他のレーンに見られた。

クローンs479 (GSOOO180;図20) はEcoRl で切断した全ヒトDNA に対し4本のバンドを示した。EcoRl で切断したDNAのパネルを用いたハイブリダイゼーションの結果、10.5kbのバンドがレーン7.19に、8.5kb のバンドがレーン8 に、7.8kb のバンドがレーン11.12 に、3.5kb のバンドがレーン11に見られた。従って、ヒト特異的遺伝子は第7.8.11.12.19染色体中に分散している。この中で、10.5kbと7.8kb のバンドは2 つの大きさの重なったDNA断片よりなる。レーンHにみられるように、これらの重複した断片のバンドは通常のバンドよりも濃い。レーンH中及びレーン11中の3.5kb のバンドも濃いことから、このバンドも重複した断片からなることを示唆している。

クローンs173 (GSOOO94) はEcoRI で切断した全DNAで5本のバンドを示す(図21)。 4本のそれに対応した断片は4.5kb のバンドの一つをレーン1 に含んでいた。もう一つの4.5kb のバンドはレーン4 でみられ、レーンH中のバンドが重複していることを示している。さらに、濃い3.1kb のバンドがレーン17でみられた。

クローンhm01g02(junk;図22)は全DNAと単一染色体とのハイブリッドで多数のバンドがみられた。このクローンは多重関連遺伝子ファミリーを表し

ているに違いない。また、このクローンは齧歯類の相同遺伝子と保存された配列をもち多数のバンドを生じる。大部分のヒト特異的及び齧歯類のバンドは重複するので、染色体のマップはできなかった。制限酵素の組合せを変えても重複した断片の解析はできなかった。

160 種類のGSについての全ゲノムDNA解析及び染色体へのマッピングの結果を図23~26に要約した。4種類の異なった切断を行ったヒトDNAを用いた全ゲノムDNA解析から、67クローンが1本のバンドのグループに、41クローンが2本のバンドのグループに、10クローンが3本のバンドのグループに、7 クローンが4本のバンドのグループに、19クローンが5本以上のバンドのグループに分類された。9クロージは今回のハイブリダイゼーションの条件ではバンドがみられなかった。

2本のバンドのグループ中のクローンの割当から、そのうち15クローンにおいて2つの遺伝子が異なった染色体上に位置しており、クローンs 317を含む遺伝子は同一染色体上に位置することが示された。3本のバンドのグループのクローンs 308 (GS000412)とs401 (GS000224)は、2本の断片が同一染色体上に位置しており、クローンhm05g02 (GS000209)とs17a10 (GS000294)は異なった染色体上に位置することを示した。4本以上のバンドがみられるクローンは染色体中で比較的分散した分布を示した。なお、実施例9において「junk」とは、GSと同じ方法でクローニングされたDNA断片であるが、GS番号が付与されなかったものである。

### [実施例10:GSを用いた遺伝子のクローニング]

[実施例10A. 酵母リボソームタンパク質S28 (yeast ribosomal protain S28) のヒトにおけるホモログをコードする完全長 c DNAのクローニング -GSの一部からなるプライマーを用いたPCR法による完全長 c DNAのクローニング (1) - ]

「HUMGS00500の相補鎖と実質的に同一なDNAの一部からなるプライマー」

(5'-TGAAAATTTATTACTACACTGTTTTCACCA-3'(配列番号: 7839)) と「c DNAの5'末端側に位置するベクター (p S P O R T) 配列に相補的なプライマー」 (5'-TAATACGACTCACTATAGGG-3'(配列番号: 7840)) とで、HepG2 c DNAライブラリーに対してP C R 増幅を行い、酵母リボソームタンパク質 S 2 8 (yeast ribo somal protain S 2 8) のヒトにおけるホモログをコードする完全長の c DNA をクローニングした (Hori et al., Nucl. Acids Res. 21:4394, 1993)。

【実施例10B. ラットリボソームタンパク質L9 (rat ribosomal protain L9) のヒトにおけるホモログをコードする完全長 c DNAのクローニング -G Sの一部からなるプライマーを用いたPCR法による完全長 c DNAのクローニング (2) - ]

「HUMCS00418の相補鎖と実質的に同一なDNAの一部からなるプライマー」(5'-CTTCTTTCTGTACCCAGGTAACTCT-3' (配列番号:7841))と「c DNAの5'末端側に位置するベクター (p S P O R T) 配列に相補的なプライマー」(5'-TAA TACCACTCACTATAGGG-3' (配列番号:7840))とで、HepC2 c DNAライブラリー(前出)に対してPCR増幅を行い、ラットリボソームタンパク質L9(rat ri bosomal protain L9)のヒトにおけるホモログをコードする完全長 c DNAをクローニングした(Hori et al., Nucl. Acids Res. 21:4395, 1993)。

[実施例100. ウシのホスファチジルエタノールアミン結合タンパク質 (ph osphatidylethanolamine-binding protain) のヒトにおけるホモログをコードする完全長 c DNAのクローニング

-GSの一部からなるプローブを用いたハイブリダイゼーション法による完全長 cDNAのクローニング- ]

「HUMGS00421の一部からなるプローブ」 (5 -GATCGTTCTTCATGGGGGTAACAAAAGCT GCTCTGGAGTTGCTGAATGTTGCATTAATTGTCCTGTTTGCTTGTAGTTGAATAAAAATAGAAACCTGAATG AAGGAAA-3 (配列番号: 7838) )を用い、ハイブリダイゼーション法によって、

ウシのホスファチジルエタノールアミン結合タンパク質 (phosphatidylethanola mine-binding protain) のヒトにおけるホモログをコードする完全長のcDNAをクローニングした (Hori et al.. Gene 140:293, 1994)。

[実施例10D. ヒトのMplリガンド

-GSを用いたヒトMpl-リガンドcDNAのクローニング-]

本実施例は、5'RACEの改良法である5'SLIC (single ligation to single stranded cDNA) 法を用いている。5'SLIC法については「Nucleic Acids Res..19. Vol.19. p.5227-5232(1991)」に記載されている。

# ①cDNAの逆転写とアンカーの付加

鋳型は、5 -AmpliFinder $^{TM}$ キット(東洋紡績株式会社)の試薬を用い、添付さ れているプロトコールに従って作製された。即ち、  $2\mu g$  のヒト胎児肝臓 polyA\* RNA(CLONTECH Laboratories. Inc. 社より購入) に、遺伝子情報配列(GS)HUMG S02342の最も3'側に対応する配列 5'-TTTTCGGCGCTCCCATTTATTCCTT-3'(配列番号: 7842) からなるプライマーであるPA-6プライマーを10pmol加えて混合し、65℃で 5分間加温し変性させた。AMV 逆転写酵素、RNaseインヒビター、dMTP混合 物、反応緩衝液、及び熱変性した試料を混合し、52℃で30分加温することにより c DNAの合成を行った。次いで、EDTAを混合物に加えることにより反応を停止 させた。NaOHを反応混合物に加え、65℃で30分加温することにより混在するRNA を加水分解し、酢酸で反応液を中和した。この中和溶液にガラスビーズ(GENO-BI  $\mathtt{ND}^{\mathsf{TM}}$ ) と $\mathtt{Nal}$  を加えて、溶液中の  $\mathtt{c}$   $\mathtt{DNA}$ をガラスビーズに吸着させた。ビーズ に吸着させた c DNAは、80% エタノール水溶液で洗浄した後、蒸留水50 $\mu$ ! 中 に溶出した。精製 c D N A 溶液にグリコーゲンを加え、 c D N A をエタノールで 沈殿し、蒸留水 $6~\mu$ 1 に再懸濁した。この懸濁液 $2.5~\mu$ 1をキットに添付されて いるAmpliFINDER アンカー(5'-CACGAATTCACTATCGATTCTGGAACCTTCAGAGG-NH $_2$ -3 (配列番号: 7843) ) 4pmol、T4RNAリガーゼ、及びligation緩衝液を含む

WO 95/14772

溶液に加えた。反応混合物を室温で一晩反応させることにより、反応混合物中のAmpliFINDER アンカープライマーは、cDNAの3 末端に連結された。連結された生成物は、次いで、以後のPCRの鋳型として使用された。

# ②PCR(Polymerase Chain Reaction) による増幅

一次PCRは、前記①に記載の操作により作製された鋳型、アンカープライマ - (5'-CTGGTTCGGCCCACCTCTGAAGGTTCCAGAATCGATAG-3'(配列番号:7846))、及 び、配列5 -CTCGCTCGCCCATCCTTATACAGGCTCAGTTTTGTCT-3 (配列番号:7844) か らなるPA-5プライマーを用いて行われた。即ち、鋳型  $1\mu$   $\parallel$  を、Taq DNA ポリメ ラーゼ(宝酒造株式会社、Code No. ROO1A)、dNTP混合物、PCR緩衝液、PA-5 プライマー、及びアンカープライマーを各10 pmol と混合した。その反応混合物 を蒸留水で、最終容量50μ1 に希釈し、PCRはDNA Thermal Cycler 480 (Perk in Elmer Cetus Corp.) を用いて行った。反応混合物を94℃1分間、63℃1分間、 72℃3分と連続して加温するサイクル40回のPCRにかけ、最後のPCRでは、 72℃で更に8分間加温した。PCRの生成物を1%アガロースゲルで電気泳動を行 ったところ、PCRの生成物に相当する長さ約800 bp対の幅広いバンドが検出 された。検出されたバンドはアガロースゲルから切出し、そこに含まれるDNA は、Sephaglas Bandprep Kit<sup>TM</sup>(Pharmacia Corp.) を用い、キットに添付されて いるプロトコールに従って回収された。即ち、ゲルをNal 溶液に溶解し、その混 合物を60℃で10分間加温した。ゲル混合物にSephaglas TM BP を加え、DNAを そこに含まれるガラスビーズに吸着させた。次いで、吸着されたDNAを含むガ ラスビーズは、キットに添付されているWash緩衝液で3回洗浄し、TE緩衝液(10 mM Tris-HCl pH 8.0, 1 mM EDTA) 30 μ1 に溶出させた。

溶出したDNAの1 μ1を2次PCRの鋳型として用いた。2次PCRでは特異性を高めるため、5'-CTCGCTCGCCCATGTATAGGGACAGCATTTCTGAGAG-3'(配列番号: 7845)の配列からなり、鋳型配列内でPA-5プライマーの内側に位置するPA-4プライマーとアンカープライマーを用いて反応を行った。即ち、1 μ1 の鋳型を、Ta

q DNA ポリメラーゼ (宝酒造株式会社より購入、Code No. R001A) 2.5 ユニット、dNTP混合物、PCR緩衝液、及び、PA-4プライマー、アンカープライマーを各々 10 pmol と混合した。その反応混合物を蒸留水で稀釈して最終容量50μl とし、94℃ 6分前加温した後、前記①に記載の一次PCRと同じ条件下で二次PCRを行った。二次PCRの生成物を1%アガロースゲルで電気泳動を行ったところ、再び長さ約800 塩基対の幅広いバンドが検出された。検出されたバンドは、アガロースゲルから切出し、それに含まれるDNAを前記①に記載の一次PCRと同じ条件下で精製した。

## ③プラスミドベクターへのサブクローニング

二次PCRの精製DNAは、SureClone TM Ligation Kit (ファルマシア社よ り購入)を用い、キットに添付されているプロトコールに従い、プラスミッドベ クター pUC18 (ファルマシア社より購入) にサブクローニングされた。即ち、精 製したDNAを、Klenow ポリメラーゼ、ポリヌクレオチドキナーゼ、及び反応 緩衝液を含む溶液に加え、混合し、37℃で30分加温して、反応混合物に含まれる DNA分子の平滑末端化と5 末端のリン酸化を行った。この平滑末端化とリン酸 化をされたDNAを、Ligationキットに添付されている、脱リン酸化され、Sma l で切断されたpUC 18ベクターの50 ng 、T4 DNA リガーゼ、DTT 及び ligatio n 緩衝液を含む溶液に加え、この混合物 16 ℃で、3 時間保温した。反応溶液の 1/6容によって、常法により、コンピテント細胞化した大腸菌(E. coli) を形質 転換した。即ち、凍結したコンピテント細胞化した大腸菌(和光純薬工業より購 入)を融解し、連結されたDNAと混合した。その混合物を氷上に20分放置し、 42℃で45秒熱処理してから、氷上で2 分放置した。培養液[Hi-Competence Broth (和光純薬工業より購入)]を、形質転換された大腸菌を含む混合物に加えた。 この混合物を、37℃で1 時間インキュベートし、100 μg/mlのアンピシリン、40  $\mu$ g/ml $\mathcal{O}$ X-Gal (6-bromo-4-chloro-3-indolyl- $\beta$ -D-galactoside)  $\sim 0.1$  mM $\mathcal{O}$ IP TG (isopropyI-β-D-thiogalactopyranoside) を含むアガープレートに撒き、37

でで一晩培養した。その結果、アガープレート上に現れたコロニーの中から、白いコロニーを選び、PCRによりDNA挿入断片の有無を検定した。即ち、選択したコロニーを、1ユニットのTaq DNAポリメラーゼ、dNTP混合物、PCR緩衝液、及び、それぞれ、200  $\mu$ Mの5'-CCAGGGTTTTCCCAGTCACGAC-3'の配列(配列番号:7847)からなるM13 P4-22 プライマーと5'-TCACACAGGAAACAGCTATGAC-3'の配列(配列番号:7848)からなるM13 P5-22 プライマーを含む反応液50 $\mu$ I に加え、PCRを行った。ここで、両プライマーは、pUC 18 ベクターに相補的な配列からなっている。この混合物を94℃で6分加温してから、試料を連続して94℃で1分、55℃で1分、及び72℃で2分インキュベートすることからなるサイクル30回のPCRにかけた。増幅された挿入断片は、アガロースゲル電気泳動により検出され、挿入断片を含むクローンpR02342-2 が選択された。

#### ④cDNAの配列決定

プラスミドDNAは、QIAPrep-Spinキット(フナコシより購入)を用い、キットに添付されている一般的なアルカリ-SDSプロトコールに従って調製された。即ち、クローンpR02342-2 のDNAで形質転換された大腸菌細胞を、100  $\mu$ g/mIのアンピシリンを含むLuria Broth 培地で、一晩培養した。次いで、培養細胞は遠心分離してペレットにし、キットに添付のPI溶液に再懸濁した。この菌懸濁液にキットのアルカリ溶液であるP 2溶液を加え、室温で5 分インキュベートしてキットのN3溶液で中和し、氷上でさらに5 分インキュベートしてから遠心した。遠心された溶液から得られた上清をQIAPrep-Spinカラムにかけた。次いで、Spinカラムを先ず、キットのPB溶液、次いPE溶液で洗浄し、DNAはTE緩衝液によりカラムから溶出された。次いで、溶出されたDNAの配列決定は、配列決定キット、PRISM TM Terminator Mix (Applied Biosystem Corp.) を用いて行った。約1  $\mu$ g の精製DNAを3.3 pmolのM13 P4-22 プライマー、或いはM13 P5-22 プライマーと9.5  $\mu$ 1 のPRISM TM Terminator Mix を含む溶液と混合した。M13 P4-22 及びM13 P5-22 プライマーは、クローンpR02342-2 のDNA挿入断片の両端の鎖の

配列を決定するため用いられた。この反応混合物は、蒸留水で最終容量20μ1に 稀釈し、各サイクルが、試料を96℃で30秒、50℃で15秒及び60℃で4分の連続インキュベーションである P C Rを25回行った。反応混合物中に存在する過剰のプライマー及び蛍光色素を、MicoSpin<sup>TM</sup> S-200 HR カラム(ファルマシア社より購入)を用いたゲル濾過により除去し、DNAをEtOH沈澱により回収した。このDNAを自動シークエンサー "モデル373A" (Applied Biosystem Corp.) を用いて解析し、ヌクレオチド配列を決定した。

ヌクレオチド配列の分析により、クローンpR02342-2 の挿入断片は、PA-4を含んで 608塩基対の長さであることが判明した。この挿入断片の配列は、Gen Bank データベースでホモロジー検索を行ったところ、ヒトのmpl-リガンドをコードする c D N A (アクセッション番号 L33410 、Nature 369, 533-538, 1994)の配列と、100%一致することが見いだされた。更に、クローンpR02342-2 の挿入断片を、ヒトのmpl-ligandの c D N A配列と比較した結果、クローン化された挿入断片は、Open Reading Frameの3 末端の81塩基対を含むことが判明した。更に、クローンpR02342-2 の挿入断片の3 末端の81塩基対を含むことが判明した。更に、クローンpR02342-2 の挿入断片の3 末端側には、Gen Bank アクセッション番号 L33410 に登録されているヒトmpl ーリガンドの c D N A配列には存在しない配列が見出だされた。このことは、GS HUMGS02342 を用いて、Gen Bank アクセッション番号L33410で登録されているヒトmpl ーリガンドの c D N A とは異なり、且つ、さらに望ましい性質を持つ可能性のある c D N A、クローンpR02342-2 のクローニングに成功したことを示唆するものである。

⑤完全長のヒトmpl-リガンドをコードする c D N A のクローニング

好適なPCRプライマーを見つけるために、適切なコンピュータプログラムを用いて、クローンpR02342-2 の配列を探索し、プライマーPA-7を設計し、合成する。前記②に記載のPCRと同様のPCRを、前記①に記載の操作に基づいて作製する鋳型、アンカープライマー、及びPA-7プライマーを用いて行う。即ち、1μ1の鋳型を、2.5 ユニットのTaq DNAポリメラーゼ(宝酒造株式会社より購入、Code No. R001A)、dNTP混合物、PCR緩衝液、及びPA-7プライマーとアンカー

プライマー各10 pmol と混合する。この反応混合物を、蒸留水で稀釈して最終容量50μl とし、DNA Thermal Cycler 480 (Perkin Elmer Cetus Corp.)を用い、前記②に記載の条件と同様の条件下でPCRを行う。次いで、PCR生成物を、1%アガロースゲルで電気泳動し、PCRの産物に相当する長さ1300塩基対よりも大きなバンドが回収され、前記③に記載されたのと同様の方法で、適当なベクターにクローンニングされる。クローン化されたDNAは、前記④に記載されたのと同様の方法で配列が決定される。次いで、この配列は、Gen Bank アクセッション番号 L33410 に登録されているヒトmpl-リガンド c DNAの配列と比較され、完全長のOpen Reading Frameの存在を確認する。

一方、Takara La PCR キット (宝酒造株式会社、 Code No. RR011)を用いて、キットに添付のプロトコールに従い、前記②と同様のプライマーを使用した5' RACE法を行ったところ、ヒトmpl-リガンドに相当する長さ約2Kb の c DNA が単離できた。

以下、本願発明に係る発現頻度の表とGSの配列を記した配列表を示すが、この配列表において、クローン名「HUMGS....」は、GSナンバーを表わす。なお、配列表に記載された塩基配列中のNは「A又はC又はG又はT若しくはU」を表す。但し配列表に記載された核酸はDNAであるので「T若しくはU」はTを意味する。

本願発明によって、種々の細胞における「発現情報」が付加され、細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするため、さらには組織特異的に発現している遺伝子等を効率よくクローニングするためなどに用いることができるDNA及び医薬品などに利用し得る蛋白質を産生できるクローニングされたDNAが提供された。

_			
쑱	2 13 13 15 15 15 15 15 15 15 15 15 15 15 15 15	1696	7
E	(August) and country and country	2.2	310
H	मः मामाना वर्षा (GS)	':뭐!	:
BG	on Si Dimotch size	: <sub>(5)</sub>	14
	% hotel γ (α) γ	6 47	9 334
8	66 66 8	8	97.
BE	17 So		193
$i^-$	MAZ 25 190 190 190 190 190 190 190 190 190 190	(16869	M31469
ABC			010
<b>A</b>	4-01010101010101010101010101010101010101	916	<u> ज्</u>
X	ororororororororororororororororororor		
15	Ocolo In In India in		
छि	G G G G G G G G G G G G G G G G G G G		
क्र	O O O O O O O O O O O O O O O O O O O		
g	es e		
B	o o o o o o o o o o o o o o o o o o o		
AMACABAGAIJAKAMAOAGASAUAWAYBA	in pololololololololololololololololololol		
₹	opololololololololololololololololololo		
N N	HOOOOOOOOOOOOOOOOOOOOOOOOOOOOOOOOO	mis	10
Ş	en la	410	, 6
Ş	NIGIGIGIGIGIGIGIGIGIGIGIGIGIGIGIGIGIGIG		
	ଜାତାତାତ ବାବ ବାବ ବାବ ବାବ ବାଦର ବାଦର ବାଦର ବାଦର ବାଦ		
<b>≻</b>	O O O O O O O O O O O O O O O O O O O		
3	N @   @   @   @   @   @   @   @   @   @		
<u>S</u>	recolo lo		
0	Solo Solo Solo Solo Solo Solo Solo Solo		
이	Taylf WELlo olololololololololololololololololol		
Σ	Tavij WOA O O O O O O O O O O O O O O O O O O		
고	O C C C C C C C C C C C C C C C C C C C	0:0	
_	05MG+0910HIR   0010   0	2.0	
७	09 THIMI 0 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 1	0:0	
ш	Zodahi ai		2
	1.01-mm/0.41/0.101/0.41/mm/0.41/41/0.10	٠	
ပ		1	
8	2 7 6 5 4 W 2 1 6 8 8 9 6 9 6 9 5 4 W 2 1 Sequence No.	9. <b>G</b> ) i	0
	000000 Sequence No. 000001 Sequence No. 000001 Sequence No. 000001 Sequence No. 000001 Sequence No. 000011	600019	2007
4	65 65 65 65 65 65 65 65 65 65	9000	2000
十		7	4
	- WWAND- WO OF UMAND- WO	2	2
			_]

表

	਼ਿਰ	<del></del>			·				<del>,</del>			
) M	1431		100	·	100	1182	毋	359			-	
面	520	;			16	2 . W . C	6893	. 7	<del></del>	<del>- : - :</del>		
H	ं स	:				ابجا			: :			
BG	534		346			392		317		<del></del>	<del></del>	
8	8.06		95.4			100	D .	4	<del>}</del>	<del>-                                    </del>		<del></del>
-	<del>                                     </del>							8	—	· ·		
器	303225	:	7233	:	100	XS7847	2 2 3	3388				
8		0000	<u>₹</u> V:0:0:0		10000	X	) 	- i	00	9 9 9	9:010:	o io
AYBA	0000	0101010	1010101011	10101m	अञ्चलाकान	11011	11010	9 9	010	000	91010:	00
AY	010101	ololo	0:0:0:0	-410101010	0000	01010	01010	00	00	0,01	910101	010
A	0101010	01010	1010:0:010	000000	010141G	01010	000	00	00	0.016	9 9 9	00
SAL	0.0.0	olololo	4.00000	0 0 0 0 0	0:0:0:0	01010	000	00	0:0	0 0 0	010101	010
8		01010	110000								010101	00
۱q		0:0:0		@:@ @ @:@							0:0:0	
AMA	0101010	0.010.0	140000									
AK	Ø H Ø 6	0000	नाठाठाठान	00000	0000	00	000	00	0 0	000	0.000	Ø H
gAI	0 0 0 0	0000	00000	000000	000	10 6	1001	001	00	000	0000	40
8	0 0 0 0	0000	400000									
<del>Q</del>		· .	000000	0 0 0 0 0	10101010	1014	100	0 0	0 0	0 0 0	1000	9 0
			00000									
기	0000	0000	0101010	00000	00000	1010	100	0101	0101	oioic	1010	2 0
₹	0 0 0 0	10000	000000	000000	00000	10:	100	9 9 1	91010	9101-	10:01	010
<u> </u>	0:0:0:0	0000	00000	00000	0 0 0	00	100	9 0	01010	9 0 0	1000	010
			010101010									
	0101010	1010101	000000	010101010	010:010	010	0:0:	0 0	01010	0 0	101010	216
<u>ο</u> Σ	. : . :	1010101	0 0 0 0 0	010101010	00000	6.6	0.01	<u> </u>	S-416	01010	101010	316
긼	01010	101010	0 0 0 0 0	0 0 0 0	0.000	0.0	10101	910910	s loid	9:0:0	101010	916
	0:0:0·H	0.0.0	0:0:0:0:0	0 0 0 0 0	0.0:0	1010	101410	910010	910910	01010	101010	910
			010101010									
ш,	नःतःतः च	<u>ਅਜ਼ਜ਼</u>		<del>п</del> ім-пім-п							. d. d.=	10
,	3.4.2	. : । लाना ना	<del>ळ न न न ८। </del>					4. ++ - +	4imir	11112	HIHIR	114
		•	•									
8 S	2022 2022 2023 2024	8025 8026 8027	00029 00031 00031	9 9 9 3 5	940	343	4 4	14 4	6 6	25:23	ស៊ី:ស៊ី:ស៊	118
-   8	8 8 8 8	8.8.8	8 8 8 8 8	8888	8 8 8 8	8'8	8 8 8	888	888	88	888	8
<u>و</u>	3002 3002 3002 3002 3002	8831 8831	00036 00037 00038 00039	8841 8841 8843 8444	2045 2047 2048	3050	2051 2053	926	9 9	962	865 866 867	898
$\perp$		.010101		 ````````````````````````````````	(୪) ୪ : ୪ : ୪	&;&;	8 8 8	8 818	8 8 8	8 8	8 8 8	:18
5	100470	9/80	3337	120/00	50-2	24	500	100			41010	Н
	17,72	2226	niulululu		2444	44	444	48	5	12/2	54 555 56	2
			*									

က
表

	.⊺∾		38:			<del>.</del>	100	. 4	90 1	4	~		10	~										·
ğ	2202		:2						4508	т.	_		285	1760		934		707			1215	969	: 5	2032
<u>~</u>	1484		1131				980	3054	3741	3501	837		2134	m		543	120	5			832	294	946	653
ᇤ			•						<del>+</del> ;				-		. :	• स्-1			<del></del>					-स्य निल
86	344		376				· M	· 🖊 ·	8		n		410	98		97		o.	<del></del>		382	35	1:	80.6
85	4		14	<del></del>	_	-	6	0	41	<u></u>	<u>.</u>		٠. 4		<del></del>	. w	: 4	·			2:5			7:M
8	6		160						8.			. !	8	4	:	.4		3			8 8	86	:0	99
BE	M34664		6961			. !	3660	6262	U04953	3246	3218	:	195	1334		206	1376	Ş			1793	3	20772	222
O		0.0	Ξ	0 0	0.0	10	20	<u>×</u>	<u>Š</u>	12	×.	0.0	KØ3195	₹.	·	X17	XX.	<u> </u>	· ———		D14 211	100		( '''
AB AB	1		•			; :		•	:		-	0:0						0.00		⊣:©:		0	0.0	0:0:0
AYB/																			नाठः				010	110.0
X																			1010:0					1010
AKAMAGAGASALAW																			1010:0	اهاد	0 0	0	0 "	100
S																		10:0		1:0	0 <del>. 1</del>	0	0	100
8		0:0							_ :								0:0	0.0	10:0	1101	<u> </u>	0	0:0	00
8	_	0.0													0:0			1010		1:01	010	0	0 0	1010
Ž			:		- :				:									1010		101	010	0	H:0	0:0
3	1. :		: :									<u>:</u>		:_	:			0:0		nioi	0:0	0	Ø 4	0:0
Ž	1	010	_ :		. :	. !	0	<b>©</b> 10	910	2010	ופ	010	<b>⊣</b> 1	0:0	1010	141	010	100	-10.4	110	010	,-I	<u> </u>	1010
K	نــــا	010	:		_ :				_	1		0101	- 1						000.4					10:0
ABAG,	Ŀ	0:0			_ :	_ <u>:</u>	<u>.</u>												00.0	1:01	010	0:	0.1	1010
S		010			_ :	0			9 0	•		0:01								110	00	0	00	0.4
AAC	L .		. ;			٠.	i			:	- :							00		1:01	9∵ <del>-</del> 1	<b>©</b> :	Ø 1 00	010
⋖		0:0			. !			:		_!_		i					!	00		101	0 0	0	0.7	0:0
<u></u>		<u>о.н</u>				- :			9 ! 6	- ; -		0101	_					00		10	00	0	<u>ө</u> н	0.0
*									:			:							N100.1V	0 0	010	н.	0.0	00
2		0.0			_ :				4	:	:					,		00		0101	S : ←I	0	0 0	0.0
S	i i	0:0			:	:	;		•	•				:					0:0 ~				0 : ←	00
0																			00.4					0:0
0					i							: :	•	!	:	: :		: : :	000	. :				
Σ	010	9101	010	010	0	0	Hic	910	9 6	<u> </u>	<b>S</b> i c	o lo lo	910	0	000	101	00	00	000	101	110	0	010	10.0
Y	0:0	0:0	010	0.0	0	0	<u> </u>	<b>⊣</b> ; c	010	o i e	<b>D</b> i <b>C</b>	9101	S) ! C	<u> </u>	00	11/1!	00	00	40 0	iloid	0 0	<b>o</b> .	Ø im	0:0
																			410 4					
9	Ø : 0																	•	<u>@ @ ru</u>					
E	<del>ч</del> .,	4.4.	<del></del>	<del></del>		-1:-				_									ਜ-ਜ- 0					
$\dashv$	4.,	1 N.		٦. 🕳 .	411	7:4	4:0	7110	114	٠.	( · e													
ပ							n - e	<b>⊣</b> ,			•			<b>7</b> .		m	.⊸· <b>प</b> 'ı		62 29	. 011	~160	m ·	∧. <b>4</b>	4 1/1
	7:0	23.0	9 7	6,7	. 3	\$ 1 1	g : 4	8 . 5	100	3 8	3 : 6	2:2:2	7:0	0.4	ίν io	2	စ ကြ	Ø 14	<u>0 ω 4</u>	. 10	<u> </u>	00	n : co	- N
		000020							8	Š	8	8 8 8	8 8	8	980	000	989	00080	8008 8008 8008 8008	90085	800	800	8000	98891 98892
T	969	00071	270	974	975	976	200	0 00	80	981	200	283	100	386	387	68	20.00	93.52	88894 88895 88896	26.0	8:8			
٨	8 8	8 8	8:8	8	8:8	8 8	3 : 8	3.8	8 8	: €	: 8	8 8 8 	8 . 8	8	8 8	88	8 8	88	8 8 8	8 8	88	80180	8 8	90103 80104
k	αg	305	-6	اسا	4 h	مات		- k	5	0	L	22-	ž	- 2	9	ω n			2					
	ኅ	Jok	عام	افاد	٥	عاو	عاد	۲	9			-		1	~ ~	FF	- loo	ထြထြ	85	ĭŏ[kì			40	98
											_		_							Щ.	4		لىل	لــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ

4
表
144

Γ-	т	- 121	100	160	.0													
BK		532	1352	191	1200	<b>_i_</b>			479		4586			754	723	1078	2029	
8		154	983	1551	840	:			144		4238	168		2505	416	767	1698	
BH		. <del>.</del> .	न	· et :	ां स्त	;	:		[-	;	ं स्न		; ,		ान :	-	1-1	:
BG		384	373	38	362	;	:		336		348	84		30	307	313	335	:
Ha Ha		94.8	92	2.2	10		:	·	œ		88	9	1 7	-	11/2	: 4	14:	-
F	ļ	1601	·	92	95	<u> </u>			18:			က် 		18	16	186	180	
BE		3237	KØ1396	X04098	4630		, ,		5954		X54326	5923		0999	0119	D00763	1445	
0	0:0:	0 m 0	100	<u> </u>	- 3	1010	9 69	0 -	10	0101	X	X65		:=		8	X W	:
8		0:0:0						1									,	
AYB,		0100				:						• •						
1		01010		٠ :	: 1			. :					•					
AGASAUAN		Ø1410			: 1					4:0		- :	<u> </u>	<u></u>	·	_ : _ :	1	000
AS	0 0:	01010	0101	<b>⊘</b> .⊣i	91010	0 0	010	410	· —	010	00	010	1010	0 1	Nie	91016	<u>s:010</u>	000
	Ø - ен :	9,416							:	:								11010
AKAMAO	0.01	o स स																11010
N N		10.6		. ,		, ,			1	. ,			•					
		000	i						1 1	:		0:0	00	40	4	9 ના (	oioie	000
QAI		0100							:						: :		. :	000
AEAG		000	;		:			:			i ,		1010	<u>: :</u>		_ : :		ग् <u>र</u> ाठाठ
O		01010					- 1							•				
MA		000		•	:	•	1 :			٠,				. :				
YA		9 m 6		1			. 1						00		:			: ;
3	01010	000	000	<u>ब्रां</u> साब	oioic	ं सः ७	اهاد	0 0	101	اهاه	00	Nie	1010	<u></u>	010	्र इस्ति	s: -116	000
Ы	0101	9-410	000	000	o lo lo	000	0	0 0	101	00	0 0	010	100	00	7	व्याद	91016	000
S	0:0:0	000	0:0	oimie	01010	01010	0	0 0	101	0 0	<u>िस</u>	410	1010	Ø н	0 6	91010	9169	010:0
0		91110		,		;	:					:	: : ·					
0		ତାତ:	-				+				: :							
Σ		<u>ाना</u> छ			, :	: 1	1 1	i	1 :	٠.	: 1	i	1		•	i .		
¥		100			·	1010	101	010	121	0101	00	नाळ	00					
[-]	Ø-H:0	000	0:010	ainie	ंताड	1010	) <del>(  </del>	010	10	0 0	0 0	0 0	000	0.0	10010	0 0	9:0-	0:0
១	Ø 4 6	O mio	01010	s:⊣:0	) <del>(    </del>	100	10	N 0	.0	H'0'	0 0	010	1010	00	416	<u>ه ا د</u>	o. ↔ : c	01010
Ξ	H 70 F	1 72 -	7.7	 منظام	1:04·m	1.410	1.7	<del></del>	· N · I	7.1	7.7	त्त	नन				<del>-</del>	ाना न
ပ	⊷1 · ∞ <u>.</u> r	3.15.	N: 80 F	1 88 C	17.	\ \ i \	1:Wi	4.4	<u>च</u>	्रमः	ना ७	ੜਾਜ	<b>ं</b>	2,4	2	1 6 -	۱۰∞۰۲	0
_	8 8 8	26000	8 8 8	8:25:6	18	8 8	6	88	19	12	11.13	19	18	5 8	21.	1:8:5	7.2.4	22
٨	90105 90106	00108 00109	00110	00114 00114	00116	00118	99129	00121 00122	00123	00125 00125	00127 00128	90129 90130	00131	00133 00134	80135	80137	90139	90141 30142
$\dashv$		1-1-1	<del></del>	<del></del>	· <del></del>	: <del>-</del> -	· T · T		· ·		<del></del>		;					<del></del>
ļ	95	26	193	022	95	90	08	96		131	15	9 2	98	20	22	24 24 24	756	28
ſ																	上	FF

u	7
H	۱

1   1245   1617   1   1245   1617   1   1245   1617   1   1245   1617   1   1245   1	_		00		1	10.10	· m	101	.0:0			<del> </del>		io o a
A	쑮		161	12	: !	129	594	802	51.				1187	1560
A	B		1245	452		110 949	513	519	149		· .	<del>:</del>	31	36
A	표			म				<del></del>	ानः त	1 1	; ;	<del>: : -</del>		ं संस
A B C C E C C C C C C C C C C C C C C C C	G		329	. 7		とこみ	101	83	112			:	90	0.0.0
A			00	4	: . !	<u>∞ ι ο</u>	6.	100	. 7. 7.	. ,	. 1	<del>i .</del>	812	1/18018
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A			55	6	· · · · · · ·	6 6	6	186	9.9				186	18 1
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	BE	i :	88 :	2607		1948 3613	1982	496	887				623	739
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	6	1 : . !	<b>.</b>		01010	₹ ₹ 9 0	<u>₹</u>	E 6	- 5 5	!	000	0.0.0	M12 M26	X [1: 8]
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	ব	1	•		. !								<u>. '</u>	
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	┰											1 1		
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	5	ا نالسنا					: :	<u>: : :</u>		<u>:</u>	<u>i</u>		:	La Liu i
A		00000	000	41010	PIOIO	0 0	1010	10 -11	<u>8 N 1 N</u>	100	0:00	101010	10 0	0101010
A PACAGA         A PACAGAA         A PACAGAAA         A PACAGAAA         A PACAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	ि	0101010	01010	4016	000	010	00	100	010-4	10:01	ololo	, lololo	नाका	<u>ळाळाळाला</u> ळ
A B C E G I K M O Q S U W Y AAAC ARACA ARA	A	010:010	01010	mole	oloio	<u>ojo</u>	00	10:01	Ø:410	100	000	1000	0.0	
A         B         C         C         C         C         A	<b>!</b> ⋖.	·			2		1 1		_		1			
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A					000	<del>-1</del> 0	0:0	ा <b>ं</b> ला	Ø H Ø	00	-100	000	00	00000
A         B         C         E         G         I         D         O         S         U         X         AAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	X				; !	410	00	00	01/14	00	000	00-	00	0101m1410
A B C E G		: :	1 :			- :	•	4 4 4		: :				
A A B C E G I S I S I S I S I S I S I S I S I S I	A	,	: .	i	:					1 1 .			<u>:                                    </u>	
A B C E G - K M O O O O O O O O O O O O O O O O O O	O			_ : :	• .								: : •	
A B C E G I K M O O O O O O O O O O O O O O O O O O		<b>७</b> .० न न	Ø1010	000	000	<u> </u>	0:0	। छ। सा	0.4.0	100		1 1		
A B C E G I K M O Q S U M O Q O O O O O O O O O O O O O O O O O	X			• •						: •	1 :	1	: :	2
A B C E G C C E G C C C C C C C C C C C C C	×				1 1 1						1 1			
A B C E G C F O C E G C C E G C C C E G C C C E G C C C E G C C C E G C C C E G C C C E G C C C C	n	0 0 0 0	000	000	000	210	00	00	01010	0.0	0 0 0	: : 0.0:0	00	010101416
A	S	छ।छ।छ।न	0100	-100	000	~ 0	00	0 -	01717	00	0000	000	00	000000
A B C E G   K M M M M M M M M M M M M M M M M M M	0	4000	000	000	اهاها	0 0	00	100	01-10	10101	000	101010	100	<u> </u>
A B C E G   K     000143   00129   5   2   0   0     000144   00130   1   1   0   0   0     000145   00131   1   1   0   0   0     000146   00131   1   1   0   0   0     000147   00133   1   1   0   0   0     000150   000135   1   1   0   0   0     000151   000135   1   1   0   0   0     000152   000144   2   2   0   0   0     000153   000145   1   1   0   0   0     000154   000145   1   1   0   0   0     000155   000145   1   1   0   0   0     000157   000148   1   1   0   0   0     000158   000159   3   1   0   0   0     000159   000159   3   1   0   0   0     000159   000159   3   1   0   0   0     000159   000159   3   1   0   0   0     000159   000159   3   1   0   0   0     000159   000159   3   1   0   0   0     000159   000159   3   1   0   0   0     000177   000159   3   1   0   0   0     000177   000159   3   1   0   0   0     000177   000159   3   1   0   0   0     000177   000159   3   1   0   0   0     000177   000159   3   1   0   0   0     000177   000169   3   1   0   0   0     000177   000169   3   1   0   0   0     000177   000169   3   1   0   0   0     000177   000169   3   1   0   0   0     000177   000169   3   1   0   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   0	0	0000	000	000	000	mie	710	000	Ø10 H	00	000	000	न्न	0:0:0:11:0
A B C E G   K     000143   00129   5   2   0   0     000144   00130   1   1   0   0   0     000145   00131   1   1   0   0   0     000146   00131   1   1   0   0   0     000147   00133   1   1   0   0   0     000150   000135   1   1   0   0   0     000151   000135   1   1   0   0   0     000152   000144   2   2   0   0   0     000153   000145   1   1   0   0   0     000154   000145   1   1   0   0   0     000155   000145   1   1   0   0   0     000157   000148   1   1   0   0   0     000158   000159   3   1   0   0   0     000159   000159   3   1   0   0   0     000159   000159   3   1   0   0   0     000159   000159   3   1   0   0   0     000159   000159   3   1   0   0   0     000159   000159   3   1   0   0   0     000159   000159   3   1   0   0   0     000177   000159   3   1   0   0   0     000177   000159   3   1   0   0   0     000177   000159   3   1   0   0   0     000177   000159   3   1   0   0   0     000177   000159   3   1   0   0   0     000177   000169   3   1   0   0   0     000177   000169   3   1   0   0   0     000177   000169   3   1   0   0   0     000177   000169   3   1   0   0   0     000177   000169   3   1   0   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000169   000160   0   0     000177   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   000160   0	Σ	0 0 0 0	000	01010	PIOIO	00	00 0	1010	0140	10:0	000	000	नाळा	0.01010
A B C E G   C E G	Y													
A B C E   E   E   E   E   E   E   E   E   E		01010101	0:00	000	100	m 6	010	नाठा	0 m 0	10.0	0:0:0	101010	00	0:0:000
A   B   C   E	5	0:0:0:01	01010	oloie	1010	<u>ा</u>	00	लाना	0:4.0	1010	0000	101010	:0101	0:0:0iN:0
A B B C C C C C C C C C C C C C C C C C	Е	N:H:H:H:	नःसःसः	<del>ماجار-</del>	गुनाना	112	id 10	नांना	<del>ल : ल : ल</del>	101m	नान न	नायःन	निन	<del></del>
A B B C C C C C C C C C C C C C C C C C	$\vdash$	<b>ω.</b> ⊢: Ν: ω:	न न न	7:1:	11 <del></del>	20.1	11.7	4.0	1.7.8	(M · M ·	m.⊣.w	·H·N.N	4 m:	m   m : N : 00   1 =
A	ပ			! !				•				:	:	
A	8	31.29 31.30 31.31	133	136	8 8	147	8 4	145	74.4 74.4 74.6 74.6	151	152 153 154	155 156 157	159	8:0:0:0
	A	2014 2014 2014	2014 2014 2014 3014 3014	2015(N	Ø153	20155 20155	20157 20158	20159 20160	%161 %162 %163	Ø164 Ø165	Ø166 Ø167 Ø168	Ø169 Ø17Ø Ø171	0172	0175 0176 0176 0177
2				3.3.0		w 0	· © : Ø	010	<u>~</u>	:0:0:	<u>~</u>	 ia:0:0	: <b>© ©</b> :i	ଜାତଃଭ୍ୱାହାଞ୍
		SEZE	33.5	× 88 €		13	<b>4</b> 5 5 5 5	912	ဆွတ်ဝ	15/2	247	9/8	50	-2m41
					++	+	ÈÈ			FF		FFF		

ဖ	
表	

_	<del></del>	<del></del>					·		
BK	1671		1393	1538	462	5243		1529	557
8	1575		1114	1265	193	1989		1135	275
BH		<del></del> -	ie	ं स्व	'चं-न	144	<u></u>	ं न	<del></del>
BG	26	• • •	281	275	273	18.		384	272
	66	· :	اون.	'0	101.00	. 2 96		<u>4</u>	160
8			188	186	12.8			186	97.
BE	4671	. :	2645	6961	M10617 X12646	3385		341	612
80	0:0:0:0:0	0000	192	15	\ <u>\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\</u>	ाल .	010101010	M363,	179
8	<u> </u>	i							
AYBA	L						0:0:0:0:0		-14:01010
AWA							0,0,0,0,0		
1							1010101010		0:0101010
ASAL							। । । । । । । । ।		
À							0000000		
AMAGAG							10101010		
A	0:0:0·HI0	0 100	4000	0.0.0	000	0000	100000H	Ø1	100000
AK	0:00000	H-H 010	NIO 0 0	0000	000	0000	40000	0 1410	4-400
V	0 4 0 0 0	1 1	0000					0 7 7	0000
ABAG	9 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	' '						0 110	
ा			00000	00000	10 0 0	<u> </u>	000000	Ø1@iw	410000
¥	0 H H 0 0		· •						:
⋖							0.01010		
<u>≻</u> M							0 0 0 0 0 N		
<u> </u>							000000		
S							000000		
0				1			400000	:	
							0000		
							0:00:0:0		
							0 0,4 0 0		
	<u> </u>	0.NIO.0	नाठाठांना	010:010	10:0:01	00000	0 0 14 0 0	<u> </u>	10.4.0.0
9	0:0:0:00 •	न नाठाठा	010100	41010:0	: 	9,919,9	0.0.000	=1=-	
E C		ਜ ਨਾਜ ਜ	न न न न	H H MIN	तानान	0.d.d.d	ים ישושישי		
S	N. L. N. L. W.	:					WINIWIN		
- 1		•							
20	00165 00166 00167 00168 00169	90170 90171 90172 90173	90174 90175 90176	00178 00179 00180 00181	00182 00183 00184	00185 00186 00187 00188	60189 60191 60191 60193	00194 00195 00196	90197 90198 90199 90260
A	0180 0181 0181 0182	Ø185 Ø186 Ø186	0188 0190 0191	0192 0193 0194	9196 9197 9198	92.00 92.00 92.01 12.02	00203 00205 00205 00206	2110	212 213 215 215 216
1		•							}
771	168 168 170	7473	176 178 178	180 181 182	183 85 85	88 89 89	190 191 193 194	95 96 97	86 60 10 10
			لللل						

/	
表	

_	_	<del></del>	110					<del>-</del>						_								_					-								
滋	ś	•	1435					i i				-	934	:	:	!		:		:	926	· :		602		1412	1761	:	:			2828	:		
2	5	:	1716					:	:				733	ı i	:	i	_	;		-	739			258	:	179	8	!		i	:	209	<del>;          </del>		
표			!		<del> </del>	_	•	+-	:			÷	듄	1	÷	•	-	•	-	:	1	1:	;	iH	:	7	<u>-</u>	<u>.                                    </u>	:	<del>:</del>	;	17	: :	<del></del>	
RG	_	•	220		<del>:</del>		-	i			-	•	05	:	-	,					234		:	348	<del>:</del>	225	4	<del>.</del>	:	:	:	22	<del></del>		<del>-</del>
7	7	<del>-  -</del> ;	ıv	!	+			1	+	:	:-	<u>-</u>	12		!-	:	<u>.                                    </u>	<del>-</del>	÷	<del>;</del>	10	;	<u> </u>	iщ		90		: !	:	÷		1 22	<del></del>		<del></del> -
٣	4		16	-			<del>-</del>	-	-	· -	:		- 86	!	:	:	:	:	!	:	18	:		8	:	Ä	8	<u> </u>		:		8	:		
R			013388				:			:	!	:	(17206	-	:	:	:	-	:	:	302888	:	 	XS9357		M26326	X00351	: : !		:		14636	:	:	
8	_							i			•	-	2					1			10	0		10	0	0	7	0		:					010
BA	1			-				1	•				•			:										•		:					0		
ALAWAY	ľ				•								:			•		•	•						. :				•		•	2	0		:
I≩	١																																		010
×	l c																																		010
Adas	_	:_	_					•		1	•			1	•				•			•							•						<del>-</del> 10
g																																			<u>।</u>
AMAG	<b></b> .	910			•			1	•					1	•								:				•					٠		· .	
¥		. 1			•		:	,	•	1					1	•		1				i		: :						•	1		जा छा	- : :	910
AIJAK	_	0	-	!		1	١	<u> </u>	:	i	1	_	١		i	<u>i</u> .	L	1		•	0	:	;			:		;			<u>.                                    </u>		· .		
	_	<u> </u>	<u>i          </u>	i	ļ.	1	:	i	ì	ŧ .	ł	:	1		i	:	:		:		: :	: .		: :					2				010	- : :	9 0
ABAG																																			0 0
AC																																			2
A	6	9 0	7	0	0	0	0	0	8	0	0	0	6	ਜ	0	0	0	0	ਜ	0	6	0	0	0	0	ᆔ	m	0	0	0	0	0	0	5 0	2 0
<b>&gt;</b> -	G	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ਜ	0	0	0	ਜ	0	0	~	0	H	0	0	0	0	2010	هاه
≩	_		:			•	- 1	,	•	: 1		:						:			: :			•		- 1		•			. '		-		9 0
$\supset$	_	_1	- '		i :							i .	1 2						:				•	:	•	- 1									0 0
လ																																			0 0
0																													ਜ	н	-	0	010	916	9 0
<u> </u>	_	0			. :		!	- 1	0	0	0	0	0	•	0	9	0	0	-	+	0	0	0 	0	0	0	0	0	1	0	4	9	010	916	217
Σ	Ĺ			_		-:	į	-	0	0	0	0	0	0	7	0	0	9	0	0		i	- 1		•		0	0	0	0	н.	0	<u> </u>	9 6	910
¥	ட	10					i										:	i	:			•	- !	,	:	- 1	7	0	-	0	0	0	010	0.0	9 0
_	6		. O	0	0	<b>©</b>	ا <b>ہ</b>	0	0	:			,				:						•	•	:	- 1	• • :	:	:						712
9	0	10	<u>ना</u>	0	0	0	0	ਜ	0	0	0	0	91	0	0	<u>ा</u>	0	0	न	0	0	0	0	0	0	oje	9	0	N.	0	0	0	010	ی د	77
ш	[	14	~	<del></del>	<del>न</del> ः	ਜ :	1	<b>⊣</b> !	<del>-1</del> i	<del></del>		7	ਜ	₩,	ਜ <u>਼</u>	ਜ	ਜ	ਜ	ન	7	ना	ਜ	न	ना	~	-11	7	ਜ!	m	ਜ:	ਜ	ਜ:	<del>(1</del> ; -	<del></del>	117
ပ	2	-	£1;		4	<del>-</del>	=	∞ !	н,	<b>H</b> !	<b>H</b>	თ <u>:</u>	ਜ:	9	M)	₽.	स्न।	7	Ħ	Ţ	71	2	;	₩.	n i	1	<u>G</u> :	m į	92	7	~	o i	710		16
8	00201	00202	99203	00204	99205	90200	00207	80208	88589	00210	00211	00212	99213	99214	00215	00216	99217	80218	00219	00220	99221	00222	00223	99224	00225	97700	/7700	00228	62200	00230	00231	00232	00233	26,200	00236
٧	00217	80218	90219	99220	00221	00222	99223	99224	89225	92200	99227	00228	99230	99231	00232	99233	99234	99235	89236	99237	86238	00239	99240	00241	00242	00243	44700	00245	99246	88247	00248	99249	00250	2000	00253
	_	203	_			<del>-,</del>	;	_		_	-	•		;	•		_			_,			:	•		!		:	:				234		
!	. 7		7	7	7	<u> </u>	7	4	7	Y	7	7	7	7	7	Y!	7	V	7	7	7	7	7	٧r	٧ŀ	νþ	46	7	7	7	7	7	yh	1	12

œ	
报	

	Tio.							_						_		_							_												
BK	1365		•	:	2077	•		1800	1097	:			:	2150	. :	1267	3088	301	1148	819				454			6597	2226	:			:	2222		
圖	1152	:			1857	<del>:</del>		1607	888					-		1152	2887	6	931	929				234			6389	2036				-	1999	,	:
표	F				m	<u>.                                    </u>		н	=		_	_		83	: :			-	H	-			-	-			H		_			_	<del></del>	<del>-</del>	:
8	214			<u> </u>	217			4	211				<del>-</del>	107	<u> </u>	16	6	210	6	26	_			191		_	96	8		_		:	6	÷	:
$\vdash$	17	:	•	-	4	<del></del>	_		9	-		_		<u>ਜ</u>		3.3				80				1001	-		5	<u></u> :			<del></del>	:	<u>~</u>	;	-
85	86			:	95	:			86					18		8			ដ	8	: :			ដ			8	97	:			Ì	9		:
BE	24096	:		: .	X04588			65460	M17885	:				55330		X63679	34526	X75683	35262	4899				2885			64228	ത്				:	1284		
Ö	8	10	0	0	8	0	0	ě	7	0	0	0	0	:×	0	Š	Š	8	8	8	0	0	0	8	0		$\sim$	<u> </u>	6	0;	6	<del></del>	]   	10	0
AB	<u> </u>	· .	•	ì	1	0			:					•			•	: ;			٠,				i		:			:	:		<b>6</b> 6	:	:
AYB					:	•												. !	!	Π.							:			:		:	HIG	:	
	L	: . <u> </u>		:	i		i		ĺ	• !			1	i	i	i :	•		ii	ii					•	÷	. !	:	,	1			916	:	:
\$		<u>:                                      </u>	<u>i</u>		:	: 1			•	•	٠,	,		•			ŧ	: 1			1				٠,	٠	,		- ;	1	. :	•	0 6		
AKAMAOAQASAUAN			•	-	:				•					:	٠.					; ;													010	•	
<b>V</b>	_				:	0				:												,			0	:		:	_;	:			010	· _	
Ó	0	10	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	_	0	0	0	0	-	0	0	0	0	<del>-</del>	0	0	0	9	0	0	<u>o</u> i	0:		010		
M	0	0	0	0	न	0	0	0	ਜ	0	0	0	6	0	~+	0	0	-	-	m	0	0	+1	0	0	0	0	0	<b>0</b> i	0	0	<del></del>	010	0 0	0
X	0	0	0	0	0	0	0	н	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	н	0	0	0	0	0	-11	0	ᆏ	0	0	0	S.	HiG	10	0
AI	3	0	0	0	0	0		1	~	0	0	0	0	0	0	0	-	7		~	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	नां	~	o i o	0	0
AG	1	0	0	0	0	0	0	-1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9 i e	110	0
ACABAG				0	:			0		i	. (		!	1	•		:	: 1			. :		н	- 1							•		210		
					ì	0			İ	į .			i	٠.	. 1	1	: .					1	١ ;			i		i	- !	- ;	:		010		
¥	0	0	0	0	-	0	0	0	-	0	0	0	-1	0	0	0	-	0	П	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S)	S   S	0	0
Y	1	0	0	0	0	io i	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	m	0	01	ठ	0	ना	mi	916	0	0
W	0	6	69	0	(O)	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	ਜ	0	0	4	0	0	01	0	0	7	0	Ø i	0	0	0	4	0:0	0	0
U	1	0	0	0	0	0	0	0	m	0	0	0	0	0	~	0	0	7	0	77	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	41	010	0	0
S	2	0	0	0	10	(O)	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	~	न	0	0	0	0	0	0	<del>~i</del>	0	0	0	0	<del></del> 1	0:0	0	0
Q		•	:	1	:	0	- 7	; ;		i i	:			1 1		١.		: :		:		i						:	:				010		i
0	0	.0	8	0	0	0	0	1	1	0	0	0	0	0	0	0	0	=	0	뒤	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	m i	0 0	0	0
Σ	0	0	0	0	0	0	0	0	ਜ	0	0	0	0	0		0	0	0		7		0	0	∞	0	0	0	0	0	0	0	01	010	9	0
¥	7	0	0	0	0	إها	0	-	0	0	0	0	0			0	0	7	0	<b>T</b> !	0	0	01	0	ा	नां	0	<del>त</del> ां	0	0	0	<b>00</b> I	0:0	10	0
_	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	-1	न	ळां	4:	0	0	0	0	0	<del>-</del>	-11	91	0	0	<u>o</u> .	щi	010	010	0
ŋ	0	10	0	0	0	0	0	-	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	0	0	01	0	0	0	0	<b>6</b> i	6	0	6	4:	010	10	0
E	-	- 4	<del>-</del>	· ল	· ল	٠,	नां	7	7	-	<del>-</del>		-					~				н,	<b>H</b>	m	ਜ	7	٦.	m ·	<del>-1</del> !			<u>.</u>		414	2
$\dashv$	38	<del>.</del> н	· ল	ਜ	ω	7	4	17	Ø.	~	ਜ	-	m	9	Ŋ.	<u>.</u>	0	4.	סו	<u></u>	7	<del></del> -	ا ب	9	: ना	0	mi	<b>∞</b> :	न	<del>,</del>	4	<u>o</u> :	4:0	ı ; <del>с (</del>	. 4
ပ							:	- 11		:			:	:	:			٠.٧	:	Ħ	:					<b>-</b>					'	æ			
$\dashv$	37	38	9	8	4	42	43	4	45	9	47	8	<b>\$</b>	20	2	25	53	7	25	26	27	28	<u></u>	8	छ	8	63	8	<u>(2)</u>	g	2	တ္ထ	9.8		. 22
8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	802	8	8	805	8	805	8	805	8	99269	18	995
⋖	8	8	8	8	8	8	8	8	805	8	80	8	80	8	8	8	8	8	805	8	200	200	8	805	8	805	805	805	805	200	805	8	00286	382	302
		_			:			:		:									;		:				_ `			- 1		- ·		_			<u>.                                    </u>
	38	39	40	4	42	43	4	5	<u>4</u> 6	4	8	ဍ	္ဌ	5	25	23	54	5	၂	2	ထွ	9	ဂ္ဂါ	<u>.</u>	262	χ	4	Š	ွှ		ထွ	ည	<u> </u>	2	3
	7	2	Ż	Ż	2	Ž	Ň	Ň	Ż	Ň	Ň	Ň	2	7	7	7	Ö	7	انہ	انہ	N	N/	7	7	7	7	7	7	7	2	7	ĭ	ih	'n	2

쑮	349	1	538		:		2839				471		;	1322	2309	•	:		723		1717			829	281	3043						505		
8	163		358		:	:	2641	<del>!</del>	:	:	294	:-	:	141	2088	:			545		1634	;	:	767	345	126	<del></del> -				!	328		
BH	=	<u> </u>	-		-	!	ī	-	<del>: -</del>		:-	-	!	=	7	<del>!</del> -			ਜ		급		÷	<del></del>	1	17	<del>-</del>		$\exists$	-:	•	<del></del>	<del>-</del>	:
BG	184	:	181		<del>:</del>	<del>-</del>	183	-	<u>:</u>	<del>-</del>	179	:	<u>:                                    </u>	192		:	<u>:</u>		3		85		- 1	019	3 13	8						169	-:	_
	'n		188		-	•	8		<u>-</u>	:	<u> </u>	+	<u>:</u>	96 17	4 17	<u>i                                    </u>			7 18		00	:	_ :	00 S		<u>i</u>		!				4	<del>:</del>	+
BF	8	:	-		! 	!	<u>. –</u>				186	:			8			:	8	1	86	:	i	8 4	8	8			: :	. :	ļ	96	:	:
BE	66999)	. i	M60854			•	486737	!			W37104	:		09760	26889	:		. 1	98052		M72709	:		Y00472	96498	6391				,		03342	;	:
ВC	0	0	0	m	0	0	6	10	0	0		0	0	17	0	10	0	0	6	0	<u></u>	0	0	<u>&gt; : &gt;</u>			0	0	01	0	91	× oie	oio	İG
ВА	2	н;	0	7	0	0	0	0	6	0	0	0	6	~	H	0	0	0	0	0	ना	0	<del>a</del> i	0:0	. ~	0	0	0	0	ता	0	<del></del>	<u>ه ز</u> د	ie
ΑY		•	- 1				÷		ı	:	•		î		,	1				•	:		- 1	710	1	! ?	:	:	•					
AW	_					: :	•	; '	•			:	,			•	. :				i	•	•	9 1	•									
AL				_ •				•				:	•	. :										ত ব		٠,								
AS			:						_	1														916		: :								
OAG																								vie										
Ž				;		:			:	:	•	:	7	:										m i m	1	:								
AK A			- 1	- 1					•	:	:	ì	t						i			2	:	s i c		• •								
킼			_:	_:		Li			:	į	2	ţ	_								:	. :	1	H 1	ļ		i	1		i		:_	<u>:</u>	:
<u>Q</u>	٠.	1		1				•	•	i i	i	i	i ·			: .	. ;	i			•		•	<u>مارد</u>	1	ŀ	- :		:			0 -		
<del>।</del>		1	. 1	٠,	- 1				•		1	•	! .			: '	١	:				•	•	210	i	i								
AC A																					•		•	416			:		i			7:6		
বা	ना	0	0	ᆔ	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	m	7	0	0	0	0	91	0	s i	20	0	0	01	0	: 	0	0:0	0 0	ंत	10
욋		•		- 1		. :			i	;	1	ŀ	!	, :		1 .			-		- 1	. !	- 1	<u> </u>	1			i						
≨	:	_ :	_ :	:						!	<u>;</u> —		i	٠ :		٠,	. !	- 1		1		- 1		<u> </u>	<u>i</u>			:	i				i	÷
ᅴ	न	ਜ	910	7	0	0	0	0	0	0		0	0	0	m	-	0	0	0	0	9	0 0	9 6	<u> </u>	m	0	9	ः छा	6	91	910	916	9	is
S	-	01	411	m :	H	0	H	0	0	0	10	0	0	0	-	7	0	0	0	0	<u> </u>	0 0	9 ;	1110	-	0	01	0	<u>.</u>	011	010	<b>o</b> : <b>c</b>	9 69	is
이	न	6	नां	m	0	0	0	0	0	0	0	0			-	-	0	0	0	010	<u>si</u>	0	١٥١٥	<u>s -</u>	0	0	7	0	011	01	011	V: 6	10	10
0	7	0	<del>-i</del> i	4	0	0	0	0	0	0	न	0	П	0	0	m	0	9	+1	0	9	oje	5	<u> </u>	H	0	0	न	0	9	0,,	HiG	0	is
Σ	41	0	7:1	7	0	0	0	0	0	0					П	7	0	0	0	0	910			10	0	0	m į	0	0	91	6,6	s c	0	
고	<u>∞</u> į	01	0 !	ام	0	0	0	0	0	6	•		0		7		ठ	0	<u>   </u>	010	9	9 0		: 9 m	0	0	01	0:	010	9 0	910	216	114	:
1	Μį	0	н:,	नां	0	0	0	0	0	0	0	0	H	0	7	0	0	0	0	9;0	710	9 10	<u>؛</u>	<u> ।</u> न स	<u>:</u> :ना	0	0	01	<u>:</u>	910	9	-1 is	0	- 2
ᆈ	o :	0	7.	7	<u>6</u>	0	4	01	0	0	-	0	0	~		9	-11	01	01	016	910	s i e	916	9 ' M	4	01	01	O i	911	910	9 (	n 6	16	16
ш		<b>-</b>		_:			;			Н.	7	-	н.	~	~	<del>П</del> .	ਜ:	4	н.	· · ·	1.,	<del>- ; -</del>	- - ; -	<del>-</del> i ←	m	<del>-1</del>	<del></del> -	<del>-1</del> i-	н.	д.,	-+ · •	<del>-1 · +-</del>	<u>ا ر جا</u>	ī <del>, ,</del>
	S	00	ð : .	4:	N I	m i	∞ !	<u>ਜ</u>	7	н	4		4	17	φ.	9	4	41	9,	<b>-1:</b> 0	D 1 f	410	110	4 5	; ; ; ; ; ; ; ; ; ; ; ; ; ; ; ; ; ; ;		<u></u>	<del></del>	7:0	7.,	<del></del>	9.0		1 00
ပ			• • •	*:			1		•	. !			:	:	7	4	•	:	-		٠	:		ৰ <b>ং</b> ক	7	!	-				è	v	,	
	. 23	74	216	0 .	77	8:	2	8	31	35	<u>m</u>	*	35	9.	22	88	စ္တ :	8	त्र	7:5	2:3	<u>;</u>	214	2 5		<u> </u>	<u>S</u> :	<u>ਜ਼</u>	2:0	n .	4 .	<u>,                                    </u>	1/2	: 00
<b>æ</b>	8	8	Š	9	8	8	8	8	805	8	88	8	8	8	200	8	8	802	992	885	318		3	00297	9025	995	9036	9036	3600	9636	2696	2026	9930	030
+	8	13	7 6	ก	4	5	96	26	86	စ္ဆာ	8	ਛ	20	: :33	8	32	9	2		g (	2 .	- · ·	410	3 4	10	9	<u></u>	911	7:1	<u>n:</u>	7 P	- : O	.0	.0
<	8	8	કું ફ	8	8	8	200	8	885	8	8	8	8	8	8	ğ:	8	Š	8	8 8	3 8	8 8	3 5	00314	831	831	8031	9032	2608	200	8	3032	332	833
_	<b>.</b>			1					,		<u>.</u>	:														~ ! ·		۰،۱۰	- ! '			- · · ·		
L	J.	nk	아	-k	Ωķ	S)	Şŀ	<u>-</u> k	N	က	8	S	0	~ k		တ	<b>ə</b> ŀ	- k	V	2	الم	ماد	۶Ĺ	98	Ы		_	J.	2	+ [	ماد		m	<u></u>

K S

A   A   A   A   A   A   A   A   A   A	8K		733	7.	891	478	:	:	447	:		_	985		826			857		<del>-</del>	-				270				330		-	705	251		
Name		l					<del>.</del>		-				. m		<u> </u>														_		_ :	<u>.,</u>	<b>~</b> .		
No. 10   N	<u> </u>		1.55	1	<u>:</u>		<u>.                                    </u>	<u>:                                    </u>					<u>.                                    </u>	:	:	<u>:                                    </u>			:	· ·			<u> </u>		ئـــــ	:	: :	_:	7			7	<u>의</u> '		
Name	8		A 6	· .	:			_	_	:			<u> </u>	<u>:</u>		:			,									_							· 
A   A   A   A   A   A   A   A   A   A					-			<u>:</u>	15				12		12			13	:	: :							:	:	14		!		~_		
A   A   A   A   A   A   A   A   A   A		1 16			18	96			٠.	:		;	97.7	- ;								:	:		6		:					• •	• .	•	:
Name	BE	!!	71571	; } }	36072	12962	i	- - :	33934				37633	į	12658	;		4070							mi	:	:		9800		į	4696	0132	:	:
Name	ပ္က						0	0		60		0				1_	0	×	0	0	0	0	0	. 0		0	01	i	×	0		<u>=:</u>		· .	ه اد
No. 10.   No.	ਰ	ना	916	) (-1	101	m	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	4	0	0	न	0	0	0	4	ਜ	<u>:</u>	0	~	0	0	<del></del>	01-	110	10
No. 10.   No.	N N	010	9 6	0.0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0		6	0	0	0	0		01	0	0	ना	0	0	<del></del>	0 0	10	10
A A A A C A B A C   E G   K M O Q   S   S   W Y A A A C A B A C   C   C   C   C   C   C   C   C   C		010	9 i -	110	2	00	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	w		0	0	0	0	0	0	0	ତା	0	ᆔ	0	0	<del>-</del> 1	<u>oj</u> e	916	10
A         B         C         E         G         N         M         O         O         V         AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	ĬŽ.		<u>.</u>	1	:					:			<u> </u>						·:			•	:						_		0	<b></b>	0 0	010	10
A         B         C         E         G         N         M         O         O         V         AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	AS				<u>.</u>			!	:	:			<u> </u>	_	<u> </u>		:				1					:	:	. :		- 1				•	: _
No. 03335   Co.	B					:	0										-									-+						:_			
No. 03335   Co.	X	Ĺ		_	:	. <del></del> .	0						. :		:	:						:	. :	:			;	i	:	:	;				;
No.   No.				<u>i                                      </u>	<u>i                                      </u>	1 1	<u>.</u>	١.		:			i		i		:				1		i	-	İ	1	i	- 1	i	- !	- 1	•			
A   B   C   E   G   F   K   M   O   Q   S   U   W   Y   A   A   A   A   A   A   A   A   A			م أ ه	10	7	4	0	-	н	0	0	0			<u>:</u>	<u>:</u>				;		!			i	1	_	;	;	i	_ :	_	1	<u> </u>	1_
A	AG.	0	9 6	0	m	m	н	0	0	0	0.	_	0	0	0	0	0	н	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ᆔ	0	<b>-</b> :	0	-1	010	9	0
A B   C   E G   C   K M   O   O   S   U   W   V   A   A   C   C   C   C   C   C   C   C			:	;		!							,	!!	!	i				•				:	. :		•	:	- :		- :	ना	0 0	9 6	0
A B C E G   A M O O S   U W Y			<u>:</u>	:	:	: :		لــــا	Ĺ	<u>.</u>		ļ .	<u> </u>		<u>i</u>					. ;	i		. :	,	:	į	- 1	,	;	0	<b>©</b> i	011	o ī o	10	.0
A B C E G   N M O O O S   N M O O O O O O O O O O O O O O O O O O	M	:	:	:	: :	:		,		ŀ	١,	;	i i		:	;		:	. :	:	i		:	-	:	- 1		i	:	-1				1	i -
A   B   C   E   G   F   M   O   O   S   U					:	. ;				1	: 1	i	!	: :	;	1			i 1	:				- 1	:			- :				- 1			
Control of the cont	$\vdash$	<u> </u>	<u>:</u>	;				$\Box$		<u>.                                    </u>			<u>i                                     </u>			:					٠.	!	:	:	į	1	. !			•	ໆ;	3	į	:	1
Oct   Oct	-		ı			:		i i	į,	i	. :	:		, j	į			: .	٠.	:	:	i				i	- 1	- 1	:	:		- 1		,	: 1
A B C E   A	$\vdash$		1			<u>'                                    </u>				1			!		i					:	:		i		!	- 1	- !				- 1	•			
A B C E G   K M M M M M M M M M M M M M M M M M M		010	o je	io	-		0	0	0	0	0	0	0	0	•						•				:	. !		- 1				- 1:	#≿:	š	1
A B C E G	<u> </u>	0	9 6	0				L !								:		<u>'</u>	:	,	٠,	!			- 1		- 1	i	:			٠,	н :	:	. 1
A B C E E G	$\vdash$	0	o i m	0	m	7	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0:	0	0	0	0:	0	0	0	0	7	9	0	0	0	9	01	<u> </u>	3 5 6	10	0
A B C E G   E G		0 0	910	1	4	~1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>0</b> 1	<u> </u>	0	0	0	0	0	<b>0</b> :	0;		<del></del>	9	0	20 6	10	10
A B C E	5				<u>.</u>		- 1		_														- 1					i			011	010	916	10	10
A B C C   000331   000309   6   000333   000313   16   000333   000313   16   000333   000313   16   000334   000312   16   000344   000324   000312   16   000344   000324   000312   16   000344   000323   16   000344   000323   16   000344   000323   16   000344   000323   16   000344   000323   16   000346   000312   16   000346   000323   16   000356   000332   16   000356   000333   16   000356   000333   16   000356   000333   16   000356   000335   16   000356   000335   16   000356   000335   16   000356   000335   16   000356   000335   16   000356   000344   000356   000344   000356   000344   000356   000344   000356   000344   000356   000344   000356   000344   000356   000344   11   000356   000344   11   000356   000344   11   000356   000343   11   000356   000344   11   000356   000344   11   000356   000344   11   000356   000344   000344   11   000356   000344   000344   000344   000344   000344   000346   000344   000344   000346   000344   000344   000346   000346   000344   000346   000344   000346   000344   000346   000346   000346   000344   000346	<u> </u>	4.6	4	-	<del>-</del>	<del></del>	7	ना	Q	. ~	н.	-	7	++	ਜ	<del>,</del>	न	7	<del>-</del>	н.	⊣;	नः	ਜ	<del></del>	<u>ਜ਼</u>	н.	7	न	7	<del></del>	<del></del>		<u> </u>	<u> </u>	. स्न
A   A   A   A   A   A   A   A   A   A	H																			<b>93</b> i	<u>~</u> :	m i	φ.	, <del>(1</del> )	£;	m	711	71	6:	ਜ਼	<u>a:</u>	67	250	114	· <del></del>
A   A   A   A   A   A   A   A   A   A	Н	စ္ထားဇ	ş . <del></del>	~	m	4	ιζί	9	<u></u>	00	<u>ر</u>	Ø	न	N	m	4	10	9	~	90 i	თ i	0	<u>.</u> सः	7	m:	41	ın i s	9:	: 7	00	<b>6</b> 11	<u>.</u>	-	iim	: च्ट
2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2	∢	00331	00333	00334	00335	00336	00337	00338	00339	00340	00341	00342	00343	9344	00346	00347	00348	00349	00350	00351	00352	00353	00354	00355	00356	99357	00358	00329	90360	90361	00362	00363	9636	99366	00367
		310	312	313	314	315	316	317	318	319	320	321	322	323	324	325	326	327	328	329	330	33	332	333	334	335	0226	33/	338	339	340	34-	342	344	345

_
表

_	ī	: 15				_		_	_			_								_														
8 8	ニ	1725			:			: !	!	:	:	:		:		3112		:	1792			:		:		:		;			•	1751	1240	
<u>m</u>	ıω	1581	;	:				!				 !	!			2977		:	1667			: i					. :				:	1622	1024	1
H	7	·=		:				!		:	-		:			-			<del>-</del>			_						_	-	<del></del>	_	-	-41-	4
BG	4	142		•	-			<u>.                                    </u>	;		:	<del>:-</del> -	:			136		<u>.                                      </u>	126	<del>:</del>		_	<u>.                                    </u>	<del>!</del>						<u></u>	:	~	9:4	J.
厅	9	īΦ					<u>.                                    </u>	$\vdash$	-	:	<del> </del>	-	ļ'	:	-	180	:	:	100	-	<del>-</del>	-	· -	-	_		<u> </u>	_	:		-	<u> </u>	214	4 :
8	86	186	<u>:</u>	:	-		:	-	<u> </u>	'		<u>:</u>	: <u>.                                    </u>	!	<u> </u>	9			1	!	: :	:	:				:		:		;	8:	8 6	n
H	1627	10379	:	:	:		:				:			:		304031		•	932		· ] ·		:	•			_		:			96	175	. :
_	12.	•	-	_	:			L	:	_			<u> </u>	:	<u>.                                    </u>	ब्र	:	: L	Ξ	_							:			i	. :	2	L24	<u> </u>
lã M	┺	_	_				:	,	•		i	:	<u> </u>	:		•	:	1		:													:	91001
YBA	1			•				i	•		:	:	•				:		•															51010
I	<u> </u>			:				:			•		i			:	:	:	٠.					0	0	0	0	0	0	0	0:	0::	9 5	10.
ALAW	0	:0	9	0	0	ਜ	·	-	10	10	0	7	न !	ं	:0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0		وأهاد
	0	i <b>©</b>	0	0	10	0	. 7	7	0	0	0		-	0	0	0	0	0	0	न	0	0	ø	0	0	0	<u></u>	0	0	0	01	0:0	9	110:0
AS	1	-	0	0	0	10	0	0	0	0	0	-	0	0	10	0	0	H	П	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	<u>0</u>	H G	00
¥	0	0	0	0	0	10	~	-		0	0	ਜ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	011	sic	1010
Ad	┍	0	0	0	0	0	0	m	0	0	0	-	-	0	न	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	HIG	100
F	0	0	0	0	0	0	0	ī	0	0	0	н	-	0	. ~	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	<del>dj.</del>	11710
AIJAKAM	0	0	0	0	न	~	7	4	0	0	0	ㅋ	0	0	m	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	714	riolo
	٣	0	0	0	0	0	7		0	0	0	m	0	0	<u>-</u>	7	0	7	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	(O)	9 6	واجاد
PA	0	0	ㅋ	0	0	0	0	0	0	0	0	ਜ	0	-	10	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	ढ	ठ	0	9	010	<u>.</u>	000
CAHA								:		١,	: :		:			0	. :	: :	. 1	1		•	0	. :	0	_							2 0	•
P	0	0	7	0	60	-		0	0	0	0		0	0	m	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	0	0	0	01	0:1	716	مرجرة
T	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	ø	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	न	0	716	واهاد
7	0	0	0	0	0	0	0	н	0	0	0	7	0	0	6	_	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0:0	2 6	न्
3	0	0	0	0	0	-	'n	-	0	0	0	N	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0:0	212	. ना
n	0	0	0	0	0	0	m	H	0	0	0	7	6	0	7	<u></u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0:0	910	000
S	2	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	<u>.</u>	<u>si</u> ←	1.010
0	0	0	0	0	0	-1	0	0	0	0	0	m	0	0	10	7	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	9	o i o	916	
0	0	0	0	0	0	0	17	6	0	0	0	-	0	0	-	0	0	1	i 1	1	. 1			i		•		:	j	i			:	0 0
F	<u> </u>		0	0	0	0		1	!		!		ļ	:	:	Ι.	. 1		1		į				J	i	1	j	İ	1	- :		: 716	. :
			:		•					:		!!	!	,	!	٠ '	١	!	:	: '	. !		: :	ı	i	:	•	•	- 1					1:00
Ľ					٠.			;	:	:						ı		,			:			i	;			- 1	;					
									i	!			!		١.				1				. :	:	:	:		:	-	•				14416
9	0	-	0	9	0		m	0	0	0	0	12	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>0</b> i	0	0	0	01	0:0	916	1010
Ε	-	<b>~</b>	e4 i	4-1		-	2	7	_				_			7				4	m	स्तः	-1	ਜ	<del>स्</del> ।	Ni	नः	нi	7	लं	el ··	<del>, , ,</del>	<del>-</del> -	110
ပ	ਜਂ	m:	٨.	<b>-</b>	7		36	21	7	m		47	22	4	28	19	4	9	2	7	4	नः	7	m	7	7	<del></del>	<del>- 1</del> i	7	न्न	<del></del>	<del>-</del>	916	17.
$\vdash$	2	g.	_	00			_	01		_	10	10	_	~	_	_				<u> </u>			_		اٰــــ		<u>.</u>	-						<u>. :</u>
8	0034	9034	893	9034	9034	9035(	8035	8035,	8035	8035	8035	99356	80357	80358	0035	90366	90361	9898	9836	836	90365	88366	98367	99368	993	90376	90371	00372	89373	99374	00375	98376	00378	00379
	368	369	370	372	373	374	375	376	377	378	379	380	381	382	383	38	385	386	387	388	389	စ္တ	391	392	8	8	395	96:	397	86	8	8 8	2 6	80403
۲	8:	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	Š	8 8	8 8
Н	9		ω	ച	6		7	2	4	7	ای		ص	6			ال	m	41	آي	او	J	<u></u>	بر	$\overline{a}$	_[	J	$\pi$	,	. ا	<u></u>		<u>_</u>	L
	34	34	34	34	35	35	35	35	35	35	35	35	35	35	36	36	36	36	36	36	36	9	36	36	\ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \ \	Ş	5			3	<b>2</b>	7		380
لــــا	1		1	1				لــ				_					لــــ									1	<u> </u>		1		1	1	1	<u> 1'1'</u>

2
_
罴
1461

	iw .	100 ;	्सांक	1410	9 1/2	
¥	1043	2175	6111	1434	157	827
18	755	589	586	1334	756	727
HH	Ted .	ोंन-	नन	लाल	ਜ ਜ	<del>                                      </del>
BG	114	117	183	101	157	101
L.	i on	100	717	0.4	4.  8	8 2 1
8	100	: :	97	16	6 1	•
BE	85655	4646	1260	16111	1970	X57959
b	100	ାଡ଼  ବ୍ର	1818	200000000	9 X	× × × × × × × × × × × × × × × × × × ×
AB				010 0 0 0 -10		
ALAWAYB				00000000		
4W/	! ! :			0101010101010		
AL			!	00000000		
AS				MIGIGIGIGIGI		
dada				im 4101010-4101	*	
MAG		, ,	· : :			1
NA.			1 . :	1000000		1 1 1 1
AIA	l	0000000	1 ! 1 ;		000-000	11:4:4:4
ष्ट्रि	00000		1 1 1	14 400000		: ! !
ABAG.			1 1	N 0 0 0 0 0		; 1
AC	1 1 1		1 1 1	10 4 0 0 0 0 0		1 1
₹			1 1 1 1	010101010101010		
<u>&gt;</u>		•		0000000000	. 1	1 1 1 1
<u>×</u>				000000		
SU	l	3 4 6 6 6 4 1	1 1 1 1		1 1 1 1 1 1	4 1 1 1 1
0			1 1 1 1	100000		11:
0						1 1 1 1 1
Σ	00000	000000		<u> </u>		000000
$\overline{\mathbf{v}}$	0:0:0:0	101010101010	1 0 M 0 0	0:0:0:0:0:0	N. 0: 0 0 0 N 0	I O IN O IN O IT
_	00000	00000000	0 000	000000000	<u> </u>	000000
5	0:0:0:0	   ବାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡ	वार्यानाव	010 W 0 0 0 0 0 0	0000000	10 4 0 H 0 0
ш		निन्न न न न	ijel wiei e	तिस्स सामाना स्थान		निक न न न य
ပ	<b>ल</b> ंस्स्स्स्र	ा <b>लायाचीन का</b> न्	4 9 7 4	न्त्राक्ष सन्सन्तित्र	midimidi Airini	<u> निक्राणाकानाक</u>
			i			
8	0381 0382 0383 0384 0385	03387 03387 03389 0391 0391	8 8 8 8	003393 003393 00401 00402 00403	2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2	X X 12 X 13 X 13 X 15 X 15 X 15 X 15 X 15 X 15 X 15 X 15
				. 1		
	8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8	4 4 4 4 4 4 4	8 8 8 8 4 4 4 4	00423 00423 00424 00425 00427	00422 00434 00434	0437 0437 0439 0446
	:	: : : : : : : : : : : : : : : : : : : :	2000			
	33.44.35	3887 388 3390 3391 3392 3392	35	3398 3398 4007 403 404 404	SON 8000-	NW4N0
	MMMM M		MMMM	WW44444	444444	44444

GBH BI	!	410	;					;	ŧ	:						695		. ;	1661	ر د بر	3;	:	}	į			į	3464					
8	_ <u>-</u> -	. 4			841	:				<del></del>	: i			<del></del>	<u>.                                    </u>	395			587	513	3	-	<u>i                                    </u>			:	- 1	387	-		•		:
_	•	14-4		İ				<del> </del>	<u> </u>	!	_						<del> </del>		<del></del>	7 -		<del> </del>	!		<u>-</u>	:		1		-			Ť
8	:	186	<u>.                                    </u>		86	-		<u> </u>	<del>: -</del>	<del></del>	<u>!                                     </u>			<del></del>		2	<del>.</del>		76	4 ! K	1	<del> </del>					_	77	_				<del></del> -
_	<del></del>	6		-	10	• 1			<del></del>	-	<u> </u>					'n	-		١٠٠١	-10	<u>:</u> }!	-		i		-		8			:		<del>:</del>
监		186	· 		8	_			<u> </u>	:	<u> </u>					97			818	χο : Ση	:	<u> </u>	:			:		ਜ:					;
BE		1757	:		331				-				:	: '		493		. ;	127	8 4	;			i i				16354					:
	: ©   ©	182		6	69X	_	6	6	6				_	_	_	6			8		į	_	i .			_:	i	<u>×</u> :				:	<u>i</u> _
<u> </u>	_ 1	Ŀ	<u></u>		<u> </u>				•			:	:				: :		Ø i		1	:		:		•	:	:					9
	00	·			_				<u>.                                    </u>	! !		:							010			•					:						
<u> []</u>	_ :	· 1	Ì	1					0	1 3			1					i :	010	;	1	:	;	;		:	i				:	•	
ч.	<u> </u>	<u>.                                    </u>								•									410	7		}	: :	!				•	:		:		!
~ 1	010			<u> </u>		:				•		-						:	711	!						!	_ :	. :	:				:
< □		-		: '							. :	: :	1							:	:	į	: !			;	:		•				
<u> </u>				. :		: :					. :	:							e i						- 1	- 7							
⋖!				. :					: '	i	: 1	:	:						211						:								
	0 0	·						_		١		j	1			• 1		∟ :	711		;		: ;							. :	·		mic
<u> </u>	9 6	·						<u> </u>			:							_ !	:	ļ	<u>:</u>	<u> </u>			:	_ i	i	i			· ;		i
~1	•	1	!	1			1		,	į									2 0				. :						:				
			. !	! !		. 1			ı	: 1		ı ı				: 1		1 1	7 0	•	:	: .	: 1				:			- 1			! .
							:			!			i					' t	0,			ı	: :				:	:			:		. :
<del>کا</del> و	9 6	0	-	0	0	ᆔ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0,	16	0	0	0	0	0	0	0	0	: (0)	0	0 0	9 6	0 0
≱اد	0 0	न	0	0	7	0	0	0	0	7	0	_		0	0	0	0	6	ना	210	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>i</u>	010	<u> </u>	0 0
	عاء	m	0	0	9	7	0	0	-	-	1	0	0	0	н	0	0	0	010	nie	0	न	0	0	01	0	6	0	0	0	<u> </u>	9 0	2 2
	2 0	10	0	60	7		0	0		-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	-ic	10	10	0	0	9	0	0	0	9	01	<u>:</u>	916	0 0
S	s is	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	н	6	6	0	0	9 6	10	┧	0	6	0	0	4	0	ठ	0:	010	9 6	0
0	9 6	न	0	0	7	0	0	0	0	0	н	0	9	0	0	0	0	0	010	9 6	9		0	0	0	-	ᆔ	0	0	0	0	9 0	) m
o	20	4	0	0	m	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1 6	0	0	0	0	0	ᆔ	0	0	0	0	oio	9 6	0
	9 6	17	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	ना	<u>:</u> 20 0	9	0			0	0	0	0	81	0	<u> </u>	S   G	) <del></del>
고	: 916	4	0	0	<del>,</del>	ᆔ	~	0	0	+	0	0	0	0	0	0	0	0	लां	2:0	: 	0		0	<u> </u>		<u> </u>		<u>6</u> 1	; (0)	910	910	910
	<b>S</b> 6	i :	1	1		;	:							:					0:1		:	<u>:</u>	!		:	:	į		:	•	:	•	:
=	9 0		0	0	10							_ !							_ :				:				- 1						:
٦.	- : ·	17:	· S	~	7	-	<u>m</u>	7		-	2	ات	ر ا						2 2	<u>:</u>					ا ت	اند	ادہ	ادی	ان	<u>ت</u>	<u> </u>	<u></u>	<i>,</i> 1 ← 4
ш <u>)</u>					~													<u>:</u>	_ !	i		:		4-4	<del></del>	-		-	141	7	<del></del>		: <b></b>
ပ	7.2	12	(PP)	4	8	7	8		4	_	2	<b>2</b>	m :	<b>Η</b> !	α)		· M :	7	56	P: ~	ı · ~	: :		Φ:	M I	90	21	m:	7	<b>←</b> 1;	m · r	7.6	24
-	_ 00	6	8	=	2:	m	7	2	9	2	00	<u>დ</u>	0	7	22	2	4	2	9.1	S 100	10	9	_	٠ <b>ا</b> رو	m:	4:	Ņί	9.	<u>.</u>	· ·	<u>ن</u>	<del>2 :                                   </del>	22
<b>B</b>	8 8	8	8	8	8	904	8	8	8	904	8	8	8	8	8	8	8	8	00436	8 8	8	44	8	8	984	4	8	94	94	8	8 8	\$ 5	\$
																			88463			:								177	2 2	2:8	
<b>V</b>	8 8	8	8	8	8	8	<b>8</b>	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8:8	8 8	8:8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8 8	8 8	8
¤	00	Ó		2	ကျ	4	<u>ک</u> ا	9		ω	တ္က	္က	<u>_</u>	2	33	4	35	9	<u>~</u> •	00	0	E	~	က	4	V)	و		φ.	ည်ဖြ	<u></u>	-  -	ım
4	4	4,5	4	4	4	4	4,	42	42	42	42	4	4	4	43	4	43	43	437	4	44	44	44	44	44	44	44	44	44	449	₹ *	4	45

4	
表	

	Τ	100				_	:6	:			<u>-</u>		_		:0	00	m	l so	15.	_					ió	12								<del></del>	<del></del>
BK	L	2858					:23			:			;				_	1755		:			٠.		1119	372				:	•		10	672	· .
8		2808		:		:	1905	۱.	!	į	į	:	:	:	1266	438	1131	1706	599	;	:	į			201	3091	!			<u> </u>			10	512	
BH		ਜ			:	:	न	İ	:	<del></del>	:		:	:	. rv	<del>ਜ</del> 	-	नि :	H	:			<del>! -</del>	<del></del>	न			;	 !	<del></del>	:			<del>-</del>	
86		51					15		i .	:	:	:	:	-	50	51	25	51	20	<del>† –</del> !		:	:	:	8	321	-		:	!	<del>: -</del>		i	161	
BF		100				•	90.2		:		1	!		:	94	4.	98.1	86	8		-	 :	:	:	92.1	in	-		<del></del>	-			1 6	0 8	2
F	╀	12			<u>:</u>	· -	ım.	<del>:</del> -		_	: :	-	-	· ;	<u> </u>	;	<u>!</u>	<u> </u>	! 	! <del> </del> -	<u> </u>	<u>:</u> -	<u>:</u>	<del>: -</del>	<u>.                                    </u>	<u> </u>	-		: 	:	:				<u>:</u>
BE	1	0527	: : : : :			•	<b>U0249</b>					:	:	:	9036	014530	7346	M14328	6785	! !			• •		7164	1262	: :		1 !				100	X56932	
Ö		! .	0	0	0	0			0	6	10	6	0	10	0 X	2	×	<u>E</u>	0	10	6	0	0	10	₹97	0 021		0	0		0	ना	010	212 X15	10
3AB(	ㅁ	<u> </u>	0	0	0	i ed	0	0	0	0	н	ia	0	<u>:</u>	0	4	اجا	<u>,</u>	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	01	o i	o : rv	:0
AYB,	0	7	ତା	0	0	ਜ	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	<u>.</u> .न	0	0	0	0	0	0	+;	0	<u>ां</u> न	10
AUAM	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	-	0	13	0	-	П	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	01	010	<u>  ~   ~   ~   ~   ~   ~   ~   ~   ~   ~</u>	0
			0			:	:	:		0	!		:	:		•			;	:				i	: :	:	:				:			ماد	
AS		4 - 1	: !			:	•	!	:		1	:	•	1	i	!	:			:	:		:	4		•							:	<del>।</del>	i ;
O O																																		0	
¥			0			i		<u>L</u> .	1	:	!	:	!		•	: :	:			:	. '		i		. (	١.				, :	: .	:		9 (4	. 1
AKA		1 1	0	i		<u>L</u> .	į ·	<u>.</u>	0	<u> </u>	٠_	-	<u>i —</u>	<u>.                                    </u>	<u>.                                    </u>		<u>i                                    </u>			<u>i</u>	<u> </u>	L	!		1 1							- 1	:	o i e	:
¥	급	0	0	0	0	m	0	0	0	_	0	<u>L</u>	L	<u>!</u>	0		0		<b>н</b>			<u> </u>	<u> </u>		Ш		0	_				-	8 d		i l
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	<u> </u>								Ĺ	<u> </u>				. !				: :	i	•	00	
ACABAG	0	0	0	0	0	0	0	0	0	-	-	0	0	60	0	-	0	4	0	0	0	0	0	0	규	0	0	0	0	0	6	0	0	9 4	0
AC	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	F	0		#	m	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	त्ना	0	0 0	<u> </u>	0
\$	0	0	0	0	0	न	0	0	0	0	0	0	0	<u>6</u>	0	6	ਜ	7	0	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	<u></u>	0	010	2 ~	0
⋆		. !	न				•		t	:	ł			:	•													i				- :	o i	:	
*	L		1				•		١	1	1	ì	í	į	! 1	3	1	7	2	0	0	ਜ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	भ्रम	0
n	1	1 :	0	. !			i :	!			ì	1	i	i	:								i					- :	0	0	0	0	010	2 7	0
S		: 1	0		:			li		: 1	ı		ì		: ;	: :									. 1		. :	;			:			00	0
0			- :	!								•		:	. !						- 1				1 1		i i						0 0	2 2	0
0	-	<u>.</u> i	, i	- 1	1		1		1	1		,	Į	•	ŀ		i	í	İ		i		1	1			: i	i				!	:	1	: 1
Σ		' 1	:	. !	į		į	į	! !			1	ì	:	١ '	' 1		- 1	1		:		l					i		1	_ :	!	ı	0	0
¥			0		i			•				: '	1	;	: .	. :		,	•					٠ ا	li		i		,		:	01			0
			:	i	!								:				!	!			9	0	0	0	0	<b>9</b>	0	0	0	Øi	0	011	9 :-	14	0
9	2	-11	9!	-	60		-			-		- 7	-		-	4 :	71		<del></del> !	-	!	• • • • • • • • • • • • • • • • • • •	~	<del>-</del>	-			ਜ: —:	٠٠. 	<u></u>		<del></del>	<del></del>	110	_ 2
Ш			<u> </u>								_							-			-									:				:	:
ပ		-:		-		ਜ'				7		12			;		:				;	:					71	•	= !	<b>⊣</b> 1	M!	:		118	:
88			00455																					99476	98477	80478	99479	99480	99481	99482	99483	484	20400	8487	88488
4	96482	99483	9848	00485	98486	96487	99488	98489	00491	00493	994	99495	99496	99497	86498	90500	00503	99504	99505	99596	00507	99510	00511	80532	80533	00534	00535	99536	88537	00538				80543	
-	; T	_		1	-		-1		<del>-</del>	-	- 1				:		_		<u> </u>	m	4	<u>ر</u>	ای		<u></u>	<u>س</u>	$\overline{a}$		$\overline{}$		<del>.</del> .	بار	ما	m	
	<del>2</del>	455	\$	?	<b>4</b>	45	46	46	46	463	46	46	46	46	4	4	47	4	47	4	4	47	4	47	47	47.	4 8 8	48	48,	48	484	48	4 4 6 X	488	486

Ł	ſ	)
T		-
ŧ	١	3

¥	556		: I	20,					1653	_		-				_	929	49							660	-	-		698			1575	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
異												! 																					
匵	75		ii	7		:			395	_							519	332						;	736			. !	40			000	
H	-			7			:										. 4	162						•	4				-			1	:
BG	439		_ !!	8/4/			: L		481					: !			415	8				: :		1	370				342			378	) 
监	93.4			4.4					97.5	:			:			:	6.4	in		:				i	3.5	!			6.5			100	
F							<u>.                                    </u>	:	_				· 	:				6			:				o :				5			10	·
8	19431	:	;;	8/16	:		;	:	14662				:	:			ı w	96432	!!	ı .	:		٠ :		25.02	:			2317			3460	• •
ာ္က	-	101	0::	<u>\$</u>	2 0	10	:0	8	0		0	0	0	0	0	10	: Σ	. <b></b> .	0	0	0	0	0	0	9	0:	<u>o</u>	0	8	0	6	X	0:0
3AB	2	10.	<del></del>	9	010	o io	10	0	0	-	0	0	0	0	10	0	10	0	0	ਜ	0	H	0	0	0	0	0	0	H	01	010	<u>.</u>	iloic
AYB,	0	10	010	910	<u> </u>	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	23	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0:0	0:0	1010
A	l	·			<u>:</u>				ī	: :	,		•	7	1	1				; '	٠.	, ;		- 1		•	ŧ		i		•		iole
l₹	L					-			,	: :	:			•		:		: '					٠.	- ;	:	:							ه اه ان
dAS				•			!	:	:	:				1			:		:					:	:	:		. 1					iolo
ð	L	:01																						:	:			:					000
AMA				:	•	•	:			. '	•			į				3				١,		:				:	÷				100
N N		. :		_ i	ï	!	1	i	:	• .			:			•		i :	. :		. :				:		i						00
A		: :		. 1	:	i	.!	ł.	1	•		۱ '	!	i	1		i	: 1	; ;	: 1		1		:	!	•	:	i				•	00
				•			!			٠.					•			: !	!.		. :				- 3				:				1010
ABAG	1	0	o i	910	9 6	oio	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	न	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	01	0:0	2 4	100
AC	m	:01	<b>©</b> :(	<u>5 (</u>	2 6	10	10	0	0	0	0	0	0	0	.0	-	<del></del>	0	0	0	0	6	61	0	0	<u>6</u>	0	0	<b>O</b> i	01	011	914	10:0
₹ ₹						:	1					: .																					000
≻	┖	<u> </u>				i	i	i	i	: :	i .		:	•	:		;	i :	: :	: 1		1		1				:	. ;		-	:	00
3		<u>.                                    </u>				i	<u> </u>	<u>i</u>		1		i		i			i	. ;	:	: .	. ]				!	:		i					واها
2			:				i		<u>:</u>				<u> </u>	:		i	_	: :	. ,	: :	:	٠ :	:	i	:		i			:			100
S		1 :	:				(	ı						:	:	:		•	. ;		, ,		٠,	ļ	:	1	:						1000
0	I						į.	:		ŧ		•	:											- :									1010
0		<u>:</u> :				:	!	·		!			! 	<u> </u>	•	:	:			•	, ;		. :	- 1	Ì	:						•	10.0
	l			•			1	:		;	:			i		:	:	:			, ,	ı j	:	į	i	i	1	1		:			0:0
<b>-</b>	0	0:	010	910	916	<u>ः</u> ःस्न	I 🛇	0	0	10	0		:		•	:	:	. :					0	. 1				•		<u>o</u> :	010	20: LO	1010
<u> </u>	3		<del></del>	<del></del>	: 	: : न	; [ਜ	<u> </u>	-		-	_					. 4						<del></del>	<del>_</del> ;	=	<del></del>	<del></del>		·	<del></del>	<del></del>	H 10	ः ः
E	$\vdash$								-			_			•					ш.													1
厂	36	<b>~</b> :	m·,	410	۷، ۳	1 4			4	. 7	7	<del>-</del>	-	<del>-</del>	. त	. ~	Ø	-d	m	0		7	~	<del></del>	7	m:	₽:	7	m	7		7·4	
ပ							: '										20		•	· <del>- 1</del> .			:		:		:		:			. m	
_	489	00490	5	7,0	5.4	195	96	197	86	6	90	501	202		ğ	18	306	207	88	8	110	H	112	13	114	515	919	117	18	119	82.5	2.2	2.23
																														90519	8 8	8 8	8 8
اسا	3545	3546	3547	0.40	551	3552	3553	3554	3555	3556	3557	3558	3560	3561	1562	3564	3565	567	568	569	1571	1572	573	574	575	12.76	225	578	579	280	581	582	88584 88585
٧	8	8	8:8	s i S	<b>5</b> : &	8	8	8	8	8	8	8	8	8	:8	8	8	8	8	8	8	8	8:	8:	8	81	8:	8	8	8	8.8	8 8	1818
Н	0	_ k	70	۰۱۰	- 2	9	N	8	6	o		2	m	4	2	9	7	œ	6	0		7	<u>س</u>	41	رد	او	J	ωl	6	ol.		y m	4
	49	491	450	P	49	49	64	49	49	20	20	20	20	20	50	50	507	20	20	51	21	21	51	-	2	2	2	2	7	52	72	222	252
	$\blacksquare$	ш				_				اا				_	_	٠		L					$\perp$	1				_1	1	_1	L	_L_	<u>i_</u>

U	0
•	-
Ħ	ď

_		****										
뽔		1401 506	475	•			6996		2106		1 4	
8		1045	136 1968		: :		6800		1735	. ; :		1145
BH	. 1	सः स	नान				414	i	!-		: 14	
BG	10 1	331	341	· .			193	! !	318	<del></del>	: 0	X)
$\vdash$	in i	717	in in				- M - C		- iw	<del></del>		
18		919	8 8				8.8	<u> </u>	96		· (	· 
BE	X07674	M96954 M84643	414199				566		688		14	777
	8 X				· ·		U <b>Ø2</b>	· ·	X67			
BC	L		:						10:00	_		
Adasladawayba		1 1	i						10:010:0			•
ΑX			!	:				. :	1010101			
A	. i		. !	:					10101016			
A	0000	000	000	0000	010010	91017	0000	101010	ाठाठा ना	0000	01010	0101010
AS	010:01	Ø: Ø -	0:0	0 H 0	@ m : @ : e	000	<u>्र</u> न्।	000	10.0 HIG	0:0:0:0	0101010	0:0:0
Ad									10101010			
Ad							•		0:00			
KAM	@1010:	000	1410	000	<u>olololo</u>	000	01010	0000	ा <u>ळ ज</u> ्ला	0 0 0	9:00:0	01010
AK	001	040	न्।	000	0000	000	000	000	0000	اهاهام	100	0000
F					•				1010101			
ABAG	1					•			10000		:	
AE									100 O			
AC	:	. :	; i						10.00			, .
\$	100	000	000	0:00	0000	0 0 0	000	000	10001	010:0:	100	91010
X	000	<u>ान्</u>	olo	000	0000	000	000	0000	0000	0 0 0	0 0 0	0 0 0 0
×	000	0000	न्न	000	<u>जनाकां</u>	0 0	000	01010	0000	000	0000	0:0:0
D	0000	000	·	000	000	00:0	000	000	10:01-16	010101	000	0:0:0:0
S	000	0010	i. <del> </del>	000	0 -1 0 0	0:0:0	0000	0:0:0	+1000	0000	000	01010
Q	000	000	00	000	0 0 0 0	0:0:0	010:0	1000	0000	0:0:0:0	01010	D:010:H
0	नाठाठा	01-10	iolo	000	HI0:010	0 0 0	0 0 0	101010	1000	واهاها	000	0:0:0
2	41010	01010	100	101010	0101010	9:00:	0:0:0	01010	0000	0:010:0	<u>                                      </u>	0:0:0:0
Ā	000	<u>ө н ө</u>	00	000	0000	9   Ø   Ø	0 0 0		10.01016	0.0.0.	10000	o:0:0
H				. ⊘ ⊶ . ⊘ı							·	
	त्ता सं				<u>:</u>				. ,			
E G									1 ed - ed - ed - e			·
曰	0 H:M	- IN 10	· 14	HIDIMI	4:N.H.	पःस च	etim. N	. <del></del>	im.01601-	11-11-01-	Fig	n 4 · m · e
၁			•						iw.vi@i+			
В	00525 00526 00527	88528 88529 88539	00531	00533 00534 00535	88537 88537	00540 00541	00542 00543 00544	00545 00546 00547	00550 00550	00552 00553	88555 88555	00558 00559 00560
		•		•					00612 00614 00615		:	00623 00624 00625
Ш				<del></del>	· ·	<del>, , , ,</del>						
	527 527 528	537 531	532 533	534 535 536	538 538 539	541 542	544 544 545	546 547 548	549 550 551 551	553	556 557 557	559 560 561

•			
1	Ç	ί	

*			494	<u> </u>		2692	1054	1234	929	549	175		
18		:	171	-	<del>                                     </del>	2311		929	133	280	910		
긒		<del></del>	, 1 <del>, 1</del>	<del>;</del>	<u>: i</u>	1 23		i	i	ग् <u>रा</u> क	1 444 -	1	
8			im	· :								<u> </u>	
BC			6 283	· ·		289	277	285	305	265			
BF			83.	: :		98.3	96	. 93	97.4	97.4		: ; : #	
E		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		<del>* : : -</del>	1	621	- 2	:#:	8	21:88	1912	<del></del>	
8			W19961			4556	(13482	(71491	43152	20688	5494		
	0.000	0 0 0	000	000	000	00	<u>ब्रि</u>	<u> </u>	000	000		00000	0 0
ব	0:000	000	400	ाना ७	00	नाठ	00	4101	000	0 4 0	000	0 H 0 0 H	00
AYB	9 9	0:010	000	ग्राठान	00	00	00	01010	<u>।</u>	<u>ाना</u> त	000	1010:0:010	00
A	1		i i '	1 1	•	!!!	: :		1 : .	: (	• •	10:010:01H	
A		:	: 1		i .				- "; ,	: 1		0:0:0:0:0	
141	0:01010	0.00	000	00	H101	00	00	71010	<u>ाळाना</u>	000	0.40	Ø 0 0 H 0	010
¥												0 0 0 O H	
S			: :	: .						:	•	O O O A	
¥	: :	: ;		. !	: : ;				: 1 3	1 1		00000	
AKAM	0000	00-	000	00	00	7 -	00	000	000	-100	1000	00000	00
ব	0000	00-	000		00	0 1	00	000	ু নাতা	000	000	-1010:010	00
ABAG	'		:	1 :					, :	i i	, ; ;	0000000	
X					•		. ;			: :		01-10:010	
AC	0:0:0:0:	010101	0 0 -	1010	10101	નાના !	(O)	01010	O   O	@ im   @	O  H O	0000000	010
¥	0:00:0	0:00	000	olo	000	00	00	000	000	000	0:0:0	00:000	00
7	0.00.0	4.00	000	0	00	0	00	N 0	000	<u>о</u> н о	000	00000	नां
3	9	0:0:0	000	0:0	010	00	00	mio.	9 9 0	0 21	10:0:0	10:00.0·4	00
5	0000	000	000	1010	00	00	00	000	000	0 40	०/न ०	0000	010
S	0.000	000	000	1010	100	00	00	0,0	000	0 110	000	0000	00
0	0.000	0.0.0	000	100	00	00	00	-10	000	000	000	00000	00
0	0101010	000	000	00	00	00	00		000	0 110	000	000000	0:0
Σ	00000	0.00		000		00			1 : 1		000	00000	00
	0.010			000		<u> </u>			0:0:0		1	0:0:0 0:0	0:0
	ਜ.७੶ਜ਼:७	Ø:0-H	000	्नां ७	10	017	000	0 0 0	000	0 7 7	10:010	000000	00
9	2	ਜ: <b>ਨ</b> ∶ਜ		। स्वास	्स्त (स	717	ਜਾਜ	w.⊣.	- -	न क क		· ·	नःन
		· 	<del></del>	<del>+</del>			· · · · ·		<u> </u>			·	
H	4.5.4.W	m N IN	101010	יייייי	miel	(0)(0)	4.01	₩	dimiss.	m NIM	· M: M: D	் iimim எ.ம:க்	<u> </u>
ပ						<b>~</b> }		2	!	in.	······································		:
8	3561 3562 3563 3564	3565 3566 3567	35.69 7.78	3571	573	3575 3576	)577 3578	588	583	584	20.00 20.00 20.00 20.00	00591 00591 00592 00593	595
									• .			•	
⋖	8862 8862 8862 8862	8863 8863 8863	8863	9863	8863	9864	986	9864	9864 44 44 44 44 44	9964 9965	9965 9965	00656 00658 00658 00659	9966
H	562 563 564 565	9/8	50 <u>-</u>	2/50	4 FV	9	ထတ	0-r	1W 4	-10 N	ထတင	- NW4N	ماو
	566 56	56 56	5/5/2	12 C	2/2	2/2	5/2	258 886	58 58	58 58 58	2000 2000 2000 2000 2000 2000 2000 200	591 593 594 594 595	59 59

$\infty$	
张	

器		1692		851		3319	7	530	:				2739	3043	422	3/35		1741							1880		
8		1335	: -	909	-	2915	97/7	291	: ·	-			ं च	1304	194	1728		1494			:	:		•	1640		
H		н,		्त		<del>-</del>		ļ <del>e</del> f		i		<del>-</del>	<del></del>		-11	<b>-</b>		· <del></del> :	<del></del>	<del>;</del> -		<del>-</del>	-		न		
G	1	248		249	-	241	<u>ş</u>	37	<u>.                                    </u>	<del>- :</del>			100	14	20	~		246				-:			226	-:	
8		4	: :	14		611		17	: :				- 2	2	7	7	<u>-:-</u>	7	-:	•		<del>-</del> ;			2		<del></del>
層		80		186	: i	9 8	g: 	100	! ! .					ıσ	8:1	ń		8		:	: 				96	•	· 
盟		65867		60857	.	X66975	9	1124		:			457	912	238		• ,	80927	;		:				18082		
0	0:0	×	1016	12		9 S	5	191	6			<u> </u>	<u>(6)</u>	56	X	2				:	_				-	<u></u>	
ABO	<u> </u>		<u> </u>			•	:	: .	í								1										
l m	410	1		i.	: ;				i																		
N N	0.0		1		: 1	-	•	!					,					i	i		:						
ALLAW	00	:	•	•	: :		:	. :	!									: :	- :	. ,		- 1	:				:
	00								٠,					•							,						
¥	0:0																		<b>⊣</b> · 6	10	<b>0</b> 1	010	0	10	(Ø)	o i e	910
×	0 0		· .					- 1	:		:											- ;	:		010	- : -	
akamadadas	0:0		1 1		i												. :			. :							
4	0 0	١.	: :				:	:												٠.							
AK	0 0		! ;			;				- 3	,			, ,		- 1		i	7 0	0	0	0	010	0	0	HIG	210
AI	0.0						-												⊣io							•	
ACABAG	0.0						•	i :	:		- 4		4				•		•						•		
X	0:0					,			٠.		•																
¥	010			į.	. :	- 4		i :	1 1	ŧ			:	:			: :			: ,		:					
₹	0:0						:	1 :										. 11						10	010	516	210
≻	0	:			: :		i							;			, ;	i i	- :		,		:	: .	010	: "	:
≯	0 0								:													:					
U	0.0	0 0	0	0	0	0	) <del>[</del>	**	0	0	Ø :	0 0	0 0	0	<b>~</b> · ·	9 6	0	0	0 0	0	0	0	0	10	0:0	20 0	010
S	0.0	00	· H   6	010	0	Ø je	0	7	0	ा	011	016	0 0	0	010	<b>5</b> .6	101	011	nje	10	0:	0 0	910	:0	0:0	2010	0:0
0	010	00	0	210	0	O C	ماه	0	0	9	01	0	9	0	010	9 :	1101	0	nie	10	01	010	9 6	10	010	20 0	310
0	00	010	010	910	0	0	9 6	-	0	0	<u> </u>	0:0	0	-	010	9 6	0.0	0	<del>- i o</del>	0	9	o i o	9 6	10	910	<u>sia</u>	10
Σ	<b>0</b> н	00	101-	110	0	0 0	0	0	0	0	010	<u>o: c</u>	010	101	नः	216	010	010	9 6	0	0	010	0	0	01	<u>sic</u>	0
×	- 6	410	<b>₩</b>	9:0	0	010	910	14	0	<b>©</b>	o i	<b>0</b> : <b>0</b>	010	:   <b>(0</b> )	010	0 4	10	η <b>.</b>	V10	10	01	9	110	10	7:0	916	010
		0:0			. :					:						<u>э. г.</u>		m:		1			•	<u>.                                    </u>	mi	;	
9	न न		1216	·	_ :											-	· .	н.	ः नास्त		71	Hic	J 1 F		71.1	- I -	1:-
E								:		<del></del>		_															
Щ	w . 7 :	<u>د د د</u>	10010	4.61	~	~ ~			_	_					•	•	<del></del>	10:					:				
ပ				~ <b>;</b> i		••	1	· m] :	- • • •	. •!		<b>∺ `</b>		••••	۲.,		. <del></del>	#18	₹ '~	· (T)	٠٠ <del>پ</del>	4 . t W	,, <del>, ,</del>	. ←	V.1	v] ! e~	1 · e-i
8	86500 86500	88688 88688	2601	3603	268	88685	2094	809	9609	3610	9611	2012	9614	\$615	9616	1618	90619	9629	622	623	9624	529	627	628	99629	0 10	632
						or in	· +																				
٧	00664 00665	8866	899668	88678	2900	9067	8067	986	92900	2900	6867	6/900	8988	8968	8968	898	9898	8908	698	6986	6900	6988	8 8	6900	6900	0000	80700
	598 599	35	602	34	5	9	809	609	وا	<u>-</u> [	76	04	5	9	\ a	96	Į	- 5	J m	4	Ž.	0	<u></u>	စ်	<u></u>	<u>_</u>	3
	2	ف ف	9	ŏŏ	ळ		ŏ	ŏ	ဖြ	ام	စပ်	0	9	9	o u	၁ဖြ	620	9	စ်င်	قا	9	ပါဝ	10	39	9	ó	ည်

ဘ	
表	

Ж	18	722		1093	135	:	!	11	732	495	2444	:				753	:		1964	:	_						
18	13	506		887	im		:		531	291	231	:			-:	509	!		256						<del></del>		-
E		أجأ		<del>=</del> :	84	:			-	<del></del> -	1	-			:	-	<u>.                                    </u>		-j-	<u></u>	:	-					
BGB		217		209	in		<del>-</del> -	<u>;</u>	202	18	198	-		. :	<del>-:</del>	- 22	:		1	<u>.                                    </u>						:	
		7 8		3	4 12				% <u>.</u> 66	14	110		:	‡	+	7 202	:		13		<u>.                                    </u>		-		<del> ;</del>	_;	<del></del>
BF	:8	, H		6	86	: ;				10	97	:				:0	:		16						:	:	
BE	100	73791	. !	24194	75690		:	i :	17620	56998	19067			:		10376			77074	:						:	
ğ	000	<u>하니</u> 가:포	0 0	<u>0</u> -	10	101	0	0	<u> </u>	<u>;×</u>	0	0	0	0	0 0	9 6	10	10:0	2 2	110	0	0	010	210	10	<del>न</del> ा	010
፳	0:0:0	<del>, न</del> ा	0:0	0:0	10	0	0	91	0:0		6	0	0	0	0:0	0 0	0	: 60 : 0	S 6	0	0	0:	0:0	2 . 6	0.0	0	6 귀
AYBAB	01010	910	0 0	010	0	101	0	0	0 0	9	0	0	0	0	010	9 69	0	10.0	9 6	m	0	0	010	2,0	:0:	0	00
¥	0101	<del>vim</del>	010	91-	110	0	0	0	0 0	्रांन	0	0	0	0	0 0	ojo	0	010	9 0	10	0	9	010	9   6	101	0	00
7	010:	احاله	00	Hic	40	0	0	0	910	m	6	0	0	0	010	न	0	0	9 0	10	0	0	0	216	101	0	00
ASAU	01010	101	00	<del>6</del> -	110	न	0	0	010	14	0	0	0	0	010	9	ਜ	0:0	9 6	0	0	0	0	s : e	10	<u>6</u>	<u> </u>
R	000	اهام	0:0	0 0	010	0	0	01	9 6	٠,٦	jø	0	0	0	o je	9	0	· © : e	9 6	0	0	<b>6</b>	mic	<u>,</u>	0.0	0:	0:0
AMAGAG	0:0:	<u>⊣i∞i</u>	010	नार	110	0	<u>ा</u>	<u> </u>	010	174	10	0	0	91	010	न	10	0:0	0 0	10	01	01	410	916	ımı	0	ਜ਼ਜ਼
A	000	-im	000	716	010	0	0	0	9 6	1 ~	0	0	0	0	010	77	0	0	0 0	ान	ना	0	0	9 -		0	010
AK	010	10	00	9 7	10	0	0	नां	<u>oje</u>	6	0	0	0	0	0 0	्रां ठ	0	0	<u>sie</u>	10	0	0	~ 0	2:0	10	0	00
A	01010	0	00	नांड	9	0	0	0	बंब	ام	0	0	0	0	0	0	17	0	s -	ांन	0	0	7	210	1	0	010
AEAG	01010	<u>.</u>				:		- :		_ i _	į	: :	: :			i	:		í						, .		
AE	01010	1 :	<del></del>						<u> </u>	:	:								:								- 1
AC	01010				1	i i		•	i		į	:	,					:	-1	i	:	:					
AA	0.0:0			i_	_!	<u>' i</u>	- !	:	:	i.	1	;		- 1		:	,		i		;						- 1
⋆	0:0:0		ii		_!	. !		i	1		i				*	:	:		•	1	- 1				. :		- 1
М	0:0:0	:	:		:	<u>! :                                   </u>		i_	i	1	i			:		_:	<u>i</u>		.1	•	;						. [
<u> </u>	0:0:0			!	_L_	! !	. !	!	. i	<u> </u>	!	:	. :	. :		÷	1		i	1	٠.				. :		- : 1
S	0.0		_ : :	į	<u>:</u>	:	:	_ i_	:		:	: :	:	:		:		:			. :				:		
0	0:0:0		:	i	i			i	i	:	<u>i                                     </u>	• •		:		:			i	:							· 1
0	0:0:0	:		_ :	<u>:</u>		:	;		:	!		:						i	:							i
М	00.0	010	0	0 0	0		0	0	9 6	0	0	0	0	0	0 0	,	10		0	0	Øi	<b>O</b>	0	0 0	10:	<b>0</b> !	0:0
¥	0 0:0	9101	00	010	10	101	01	010	<u>oie</u>	i m	10	0	0	01	0 0				9 6	0	<b>9</b> i	0	410	0 0	· 📶	Ø į	<b>ा</b> न
_	0.010	्ना	0 0	010	0:0	0	0	0	918	im	ļĦ	0	0:	0	Ø i Ø	ojo	0	0:0	010	10	0;	0	m i c	0:0	· <del>ल</del> ा	0:	00
9	4:0:4	F 14 1	तः तः	416	1-A	<del></del>	-	<del>-1</del> !	m	i N	-		-1.	<del></del>	<del></del>	1: +4		<del></del>	4	7	<del>-1</del> .	<b>⊣</b> i	9 , ,	٠,٠	। त् <u>र</u>	<del></del>	<del></del>
П	· · ·						:	:	<del></del> -	;	;			<del></del> -		:											
ပ	4.015	₹. <del>1</del>	H. 7	9:2	1 0	m	ਜ	m (	<u>n</u> -	. 8	9	·M	7	<del></del> -	<del></del>	<b>1</b> =	9	<del>гч г</del>	n	· _	41	7	7	⊣·m	:::::	7	m · w
	w.4 n	1 0 11	N 00	<u>ත : ල</u>	ः • न	. 2	m'	<del>4</del> 11	<u>ν. α</u>		100	· 61	60.	<del></del>	N · W	1:4		9.6					N: A	n : e+			
80	00633 00634	88	8863	8063 863	986	9964	86	8 8	80 40 40 40 40 40 40 40 40 40 40 40 40 40	9864	9964	9864	9865	8865	8065	8865	9965	9865	8865	9965	9966	9900	9966	986	9966	990	9966
⋖	86701 86702	90700	90700	90707	00710	00711	99712	00713	98715	00716	99717	00718	98719	02200	00721	88723	80725	92700	90728	62200	00730	00731	00732	00734	00735	00736	98737 98738
_								•	_ <del>i</del> -	•	<del> </del>								•					···			
	634 635 635	63	63	64	64	64	9	0 0	64	64	64	65	65	65	0 4	65	65	65	65(	)99	99	90	000	99	99	ĝ	99

(	_
Č	ū
Į	Ж

_	T								
異	·	2742	1444	1192	1308	3345	1682	1985	5194
m		1589	873	989	1145 320	3182	1516	1827	5018
BH		1 <b>ਜ</b> ੇ	; <del> [</del> ]		ਜਜ	ਜ਼ਜ਼	ालांस.	·H	ं न
BG	:	170	170	168	159	60	168	59	161
1		10	न	10	7.7	4 8	10017		
8	:	18:	16	16	186	:8:8:	8.8	Ä	i Ø
BE	<u>;</u>	\$62904	X75252		D14663 M13932	U02570 M34379	D21853 XØ5875	16842	63692
BC	0.0.000.000	10101010	101010	000	01010	0:0:0:0	1000	910 0 0 10 0 0	1010:0:010 1010:0:010
BA	@:@:@!@!@·#:@	10101010	00-	100	-d·m:6	01010	פוסיאום	)       	10:0:0-4 0 0
AY	000000	10101010	000	00	0:0:0	000	000	000000	0.0.0.0.0
AM	@:@ @ m @ @	000000	00-	100	0.4.0	0000	जनाक -	10001	0000000
AUA	01010101010						0000	0101010	0.010.010
AS	<u>७।७।७।स ७ स</u>	•	2	, : .			1 1 1	•	न्त्राक:क:नाकाक
AdA	Ø101010-H101H								
AKAMAO	00000								
A	0:01010141010								
	0.000000			1 1				1	•
M	0 0 0 0 0 0 0								
ABAG	0.010101010								
CA	01010101m1010								
AAC	010:010 m 014	1					•		
₹	010 0 0 0 0 0	•					. I		
	000000						: :	T .	_
≥	0.0.0.0.0.0								
믜	0 0 0 0 0 0		: : :					i	•
S	01010.01010:0	: : :	į .						
의	0 0 0 0 H H 0								
의	0.0.0.0 0 0.0	: ; ; ;	! :		:		' : i	ı	
Σ	0.010:014:010								
¥	0.0:010 N101A								
-	0:0101H10 N	00000	0000	0:01	0 4 6	N:010	1000	0:0:0	HI0:0:0:010
9	ਜ਼ਾਜਾਜਾਨ ਜ ਜ	<del> </del>						i <del>id dimid</del>	
П	-								
၁	H-H 2 H 4 E	ਜ਼ਾਨ ਜ਼ਜ਼ <b>ਨ</b>	4 0 W	N: W:1	25.5	18.4.w	10 HIN	1·10·100:4·100	A H W M M Z
В	88678 88678 88671 88672 88673 88674	90676 90678 90678 90689	99681 99682 99683	99684 99685	00687 00688	99689 99699 99691	00692 00693	86989 86989 86989	00700 00701 00701 00703 00703
		00747 00749 00750 00751							
	672 673 675 675	677 678 679 680 681	682 683 684	685 686	688 689	690 691 692	693 694 595	696 598 599	700 701 703 703 705
	<del></del>			لللا	سلل				

~
2
HIX

_	1	W: E	_		_					-		-10		<del>-</del> -																					
¥	1	30.5		:	:	:	491	!	:	:	1447	20		•				3892	498	!	691		472		:	:	:		773		:	2121			•
B		824 2916	:		;		329		-		1310	22	7		•			3761	362		545		342		:	:			357		<del>.</del> -	1953			<del></del>
ᇤ		<del>-1</del>	:				· ਜ				1 -	-	1	:	:				iie	:			~	:	!	-	<del>-</del>		<del></del>		_	<u>-</u>		<del>-</del>	
88	_	152					45	<del></del>	_		4	110	-	<u> </u>	÷			i m	137		:4	H	32		- ;	-			4	•		130			
$\vdash$	1	9 9		:	<del>-</del>	•	90	<del> </del>		-		114		÷	<del>:</del>	_ <u>i</u> _			100		iw.		2 13	-					2			4			
B	1	26: -	··	: 		:	· ~			:	16	318	<u> </u>	:	:	· ·		86	, –	! :	8		8		:				8			8			
띪	1	X70944	:	· . :	:		7716				5507	9417	į.	:		٠		4754	102984	!	3423		4823	:		,	:	į	3392	i	:	3568			
128	1	8   8   X   X	6	10	0	10	8	10	10	:	×	۱,۶	š :	2 i es	10	916	0:6	200	9	6	X63.	0	8	<u> </u>	0	<u>.</u>	-		69X			8		:	<u>.</u>
BAB	4-	o i o	<del></del>	·				:												:		٠.							٠.	:					<u>ਜਾਣ</u>
AYB	┨,	<u> </u>		0																-			1			- :									<u>010</u>
AWA	ŀ	; 910	0	0				•	•	•															•					:					010
	_		<u>.                                    </u>			: :		,	•		1		:			•	•	:	:		! '		- 1	•		•		•							0.0
8																																			0:0
8		<u> </u>		:															•									:							0.0
O																																		<del></del>	010
AMACIACASAL	_							•				•		:								:			:										0:0
Y		9 0		. i		:												•	•	i	. ;							_;	_ :				i	01,	
A	1	9 0	نب			:			:	i	:	!	,	_!	1	÷	1	:	į	!		:	•	:	i			- :			:			- :	00
AG	L	0							:	-	1	1	1		-				<u>.</u>			- 1			- ;				:		i		- :		010
얼	ł	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	ها		•	:					•											_;				0 0
ठ्ठि	-	010					:						-1-	<u>.</u>				:	<u>i</u> .			_ :				٠.	- 1	:		٠.					N 0
ব	ŀ	010	0	0	0	0	0	0	0	<del>-</del>	وه	10	:	116	110	0:0	) i G	010	नि	0		0	<del> </del>	0	0	91.	<del>- i</del>	0	ᆏ	9	0	0	0	911	9 i O
X	ŧ	9 0	0	0	0	0	6	0	0	0	10	0																							9 6
W	1.	- 1			•							*							1			:			ì										: V 0
n							·			:				1	:				<b>:</b>			•	- 1		i	•									910
S										•		-		•						:				- :				:							9 6
0			;	- 3	- 1		- ;				÷.					•				. ;						- :		- 1	- :						9 6
0	┸															•			٠,			- 1													0 0
Σ	6	010	<u>6</u>	0	0	<b>6</b> 9 :	<u>ा</u>	0	0	0	0	10	0	10	10	) G	216	10	0	:   0	0	01	<del></del>	010	910	910	91	9	<del></del>	8	<u> </u>	61	01	010	0 0
×	1			:		:	:				ı	:	!	i		•			: :		•	:			;	- 1			- :					•	9 69
_	9	oio					- 1			-	•		•	1	:			10				•	- ;	0		٠							911		110
<u></u>	_	1	<u>.</u>	<del></del>	ਜ:	ط،	ਜ਼	<del></del>	<b>H</b>				1		:	:		· <del></del>	· 				:		ŧ	•			: :		-:	-:			
ပ	L								_	_			-		-				. •		<del></del>						<u> </u>	<b>-</b> !	~:	~:	<b></b>	<del></del>	~··	H · •	٠.H
ш	۳.	) · (L) :	त्नः	∞:	N.	ਜ	7	4	00	4	· m	:LO	: ;	· ਜ	• <del>.</del>	1	- 7		ဖ	4	m·	<b>છ</b> ા	<b>D</b>	ਜ਼ਾ	· 		0 1		m i	00			<b>**</b>		० स
ပ											: :	: ,																	•						i
8	502	902	707	708	8	710	711	712	713	714	715	716	717	718	719	2	721	722	723	724	22	26	/2/	80 : 0	210	9:1	7	32	m:	34	32	9	37	00738	9.8
	100	8	8:	8	8:	8	81	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8 8	8 8	818	818	8	8	8	8	8	6	8 8	8 8
⋖	90775	90786	8078	8078	828	0078	828	828	00787	80788	99789	96200	00791	99792	99793	90794	96795	96200	26200	86200	90799	888	00801	70800	0000	9000	0000	90800	30807	30808	888	20810	20811	20813	90815
		T	_	Т	Т	_				-				,	_	1	γ		_	_		_	_		-	_	_	_		<u>:</u>					
	90/	6	108 108	3	뱕	=	ンド	7	7	715	216	717	718	719	720	721	727	723	724	725	92/	12/		222		5 5 5	707	Sk	ار 4	35	35	3/	αk γς	SE PER	₹ <u></u>
	L	Ш	_[	_[	_[	_[	_[				ت	<u> </u>		_	Ľ	L	<u>ו</u>					_[		1	1	1	<u>"ו</u>	1	1			1	工	l	

쑮	1631	10. 100.	1395	2.60 2.60 823
_			ŧ .	·ਜ
- B		7	1 4066	1 1154 1 737
H	!		<u> </u>	
BG	125		116	107
监	100	•	0. 10	100
$\vdash$		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	·	
BE	3552	9913	420372	Y00711 D00761
O	© 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		¥	·>- ·
100		•	m-H-H0101010 01010:0	
AYBA	w:@idi@idi@i@i@i@		•	
WA	01010101010101010	! :	. •	
1	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	i		
SA	ଡାଡାଡାଡାମ:ଡାଡାଡାଡାଡାଡା		•	•
B	0 0 4 0 0 0 0 0 0 0 0	<u> </u>		N:010.410
Ì	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	10 H 0 0 0 H 0 10 10	<u>                                      </u>	0:01010:0
3	ବାବାବାବାବାବାବାବାବ	9999994	<u> ७।७।न।७।७।७।७।०।०।</u>	<u>                                      </u>
AKAMAGAGASAUAW	00001000101	VI@ 010 0 0 0 4 10	N.0.0.4.4.0.0.0.0.0	0101010
A		Annual Control of the	<u> </u>	
AEAG		<u> </u>	01010101010101010	
K		· ·	ଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡ ଚାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡା	
AAC		1	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	
⋖	H000H0000		the state of the s	•
/ Y	000000000000	<u> </u>		
<u>×</u>		<u> </u>	@!@!@!@ @ @ @ @ @ @	
SU			0000000000000	
0		1 1	0:0:0:0:0:0:0:0:0	
6	0101010:010101010			
2			<u> </u>	
$\vdash$			ना <u>ठाठानः</u> ना <u>ठाठाठःठाठाठ</u>	
Y	· !	<u> </u>	410:N 0:410:0:0:0:0	1
		1 1	नं नं नामां भानान न न न	
9				
E	4.0.0.4.8.4.6.4.4.4.4		m m la la la la la la la la la la la la la	
ပ	2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2			: 4 2 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1
В	99741 99743 99743 99744 99746 99748 99748	00752 00754 00755 00755 00756 00758	00761 00763 00764 00766 00766 00768 00768	00772 00773 00774 00775
A	00810 00817 00819 00820 00821 00821 00821 00822 00823 00824	00828 00828 00829 00831 00833 00834 00834	00836 00837 00837 008840 008841 008843 008844 008845	00848 00849 00850 00851
	·	<del> </del>		
	742 744 745 746 747 750 750 751	22222	9 9 9 9 9 9 9 9 7 7 7 8	

C	7
C	j
#	ď
• •	7

_	16								16																										
æ	702					:			65	2314			1155																						
8	591	:		:			:	:	529	2002	:		1067	,	: :			:												:				•	
H	٦	-			:	:		:	N	ਜ਼ਿ		!			:	<u> </u>		:	:		:								:	<del>-</del>	:		-;	<del>.</del>	
88	185		:	,	<del></del>			-	6	14	<del></del>	:	68	-	:	<del>!</del>		<del></del>			<u>:                                     </u>	-	:	-		_			 ;	:					
$\vdash$	'n		<del>:-</del>	<del></del>	-	_	<del></del> -	·	'n	نوز	-	<u> </u>	190	_	<del>!</del> -	<u> </u>	<u> </u>	-		-	<del>:</del>	-	<u>.                                    </u>		-	<u> </u>			!	<u>-</u>			:		
18	8			:	!	:		·	8	97	<u> </u>	•	<u> </u>		!	:	:	:				•			:				:	:					•
BE	34082			:					250	18			8	!		:	. –						:												
"	₹ 4	:	:	:				:	3	18	:		¥55		:		I.	1	:			. ;		:		į				:	: :				:
B B	0	9	10	0	~1	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	916
₹ B	0	ਜ	0	0	0	0	0	0	9	0	0	-	ਜ	0	0	0	H	0	0	0	-	0	0	0:	0	0	7	0	m	0	0	0	01	0	0 0
F	0	0	9	0	0	न	0	0	Ø	10	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 1+	10
A	0	न	0	0	0	0	0	0	m	10	0	0	~	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	-	0	0	ਜ	-	a	0	0	0	<del> i</del> c	oio
F	0	0	0	0	0	0	0	ਜ	0	•	0	0	Ó	0	9	0	0	0	0	न	0	0	0	0	0	6	0	0	न	0	0	0	0	010	916
AS	0		0	0	0	0	0	0	H	0	m	0	0	0	0	0	0	0	H.	01	0	0	0	6	0	0	0	0	+-1	0	0	0	0:	Ø · •	1:0
¥	0	i ed	10	0	0	0	0	0	न	0	0	0	0	0	0	0	0	ਜ	0	0	0	0	4-1	0	0	0	0	0	ਜ	0	0	0	01	014	110
PA	0	0	0	0	0	0	0	0	न	0	0	0	0	0	7	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	ठ	0	0	H	0	0	0	0	ਜ:-	110
F	0	0	0	ਜ	0	0	0	0	0	:0	0	0	4	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	-	н	0	0	0	<del>त</del>	410	10
¥	0	0	0	-	0	0	0	0	<u>-</u>	-	0	-1	Ŋ	0	-	0	7	0	H	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<del>- 1</del> 15	+ 10
₹	0	0	0	0	0	0	0	0	-	:0	0	-	m	0	6	0	60	0	8	0	0	0	ᆏ	-	0	0	0	0	_	-	0	0	0	<del></del> .	0 0
P	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	ᆔ	0	7	0	0	0	0	oio	0 0
ABAG	0	ਜ	0	0	0	0	6	0	i m	0	6	0	П	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	ना	0	0	0	0	0	0	0	0	0	o i o	910
S	0	10	0	0	0	0	0		. 7		नि	0	4	0	0	60	0	0	0	0	0	0	m	न्न	0	<u>ा</u>	0	0	0	0	0	01	0	01.	10
\$	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	H	0	0	0	0	0	н	0	0	0	0	0	0	0	0	010	010
7	0	0	0	ਜ	0	0	0	0	ਜ	10	0	0	7	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	ᆔ	0	0	0	0	7	0	0	0	0	oio	<u> </u>
₹	0	0	0	0	0	0	0	0	4	10	0	0	œ	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	<del>-</del>	0	0		0	~	0	0	0	0	<del>o :</del>	10
5	0	0	0	0	0	-	0	0	H	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	9	010	0 0
s	0	न	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	7	0	=	-		0	0	0	0	0	0	0	-	<del>~</del> 1	0	0	0	0	0	60	<u>.</u>	Ø · •	1:0
0	0	10	0	0	0	. <del></del>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ᆔ	ᆔ	0	0	0	0	0	0:	0	<del></del>	
0	0	0	0	0	0	0	0	0	न	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<del></del>	त्ना	0	0	0	0	0	10	0	01	0	न्र	110
_	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0		0	ᆏ	<u>.</u>	0	_	9	0	0	0	91	011	10
2	6	0	0	0		0	0	0	7	. 0	0	0	-	0	0	0	8	7	0	0	0	0	-	0			0				-	0		: -110	916
×	0							:										0							:				•				<u> </u>		
	L			_ :				· 			:								_						<b>(</b>	(3)		_			_		<u>.</u>		910
9		<del>~</del>		_	_		_	· ~	ω	٠,	: <del></del>	7	σ,	_		-		-	<b>-</b>	-	-	Н.	~	Η.	۳:	-	<b>~</b> :	~	-	-	~	7	7	<b>7</b> :4	<b>-</b> -
Е						:		:	;				:						,						-	!									
C	1	00	- (-1	4	7	φ.	-	m	4	m	(V)	S	56	ન	∞	S	S	4	10	7	~	-	21	σ:	9	mi	5	S	29	S	m	7	m !	4 .	7,7
)											:																:								
8	777	778	779	780	781	782	783	784	785	786	787	788	789	290	791	792	793	794	795	296	797	208	799	8	301	302	303	ğ	305	306	307	80800	8	90810	12
	200	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	Š	8	8	8	8	8	8	8	8		00812
	353	354	355	356	857	358	359	360	361	362	363	2	365	366	367	368	369	370	371	372	173	7	73	92	7	78	6	8	82	83	8	382	9	22:0	8 8
٧	8	Ö	8	8	8	õ	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	88	8	8	88	06890
	L	:		•				•							. '											;	:	_						_	
	78	6	80	81	82	83	84	85	86	8/	88	89	င္တု	6	92	93	94	795	96	6	98	66	00	5	2	ဗျ	804	805	806	20	808	809	앋	<u>-</u> b	35
	<u> </u>			7	ightharpoons	^	7	7	_	_	7	7	_	7			_		_		Ň	$\overline{\mathbf{N}}$	ĕ	∞	∞	∞	ळ	ĕ	ĕ	08	∞́.	ω	ωk	တစ်	တ်ရ
	_																								_	_	,								

Name								ω	_		0											<u>~</u>								<del>-</del>	<b>O</b> :	<u> </u>		
Name	8						'	-			125			:		:						248								;	₩.	939		
A   A   A   A   A   A   A   A   A   A	8		:		:			1528			686			<u> </u>	:						::	1711				, .				:	392	9332		
No.	표				:			_			-		-	<u> </u>	:			<del></del>		_						—		·		•	<del></del> 1 · ·	-		
No.   No.			-	:			-	6			73	-	:	:	-	<u>:                                    </u>			-		- 1	<u>8</u>			:	<del></del>				i	8	25		-
No.	BF	:						100	,				:		•		-		• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	•					:						100	94.2		
A	BE	-	•	:				85500			6991	:	:	:			,				::	1160		•	1	<del></del>				; ;	923	773		
A	ပ္က	0	<b>©</b> :0	0:0	. 0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	: ©	10	0	0	9	<u> </u>	9 6	:	10	101	0	0	0	0	<u>8</u>	<u>5</u> :	<u>s·v</u>	10
A	₹.	01	0:0	9:0	0	:0	0		0	0	0	0	10	100	0	0	0	0	101	~:	<u> </u>	<u> </u>	; 5   c	9:0	10	1-41	0	. —	0	0	<b>~</b> 1:	0:0	010	٠.٦
A	W	:						<u> </u>										,	,															
A	X)	0	<del>øi</del> c	9 6	0	10	0	0	0	0	_	0	6	0	0	0	~	0	اها	<del>(</del> 1)	010	0:0	sie	ه اه	6	101	0	0	0	01	O i	010	216	) न
A	B	-1	0	9 0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	· 0	·   ©	0	0	<del>.</del>	o i	010	ء او	910	10	<u>:</u>	0	0	0	0	9:	0:0	711	110
A	S		- :			:		<u>.</u>							:			1 .			- :		•		•	-			. :	٠.				
A	Ď	01	Oic	0:0	10	10	0	7	6	<del>-</del>	0	0	╗	0	स	10	ਜ	101	0	<del></del>	010	010	sic	0	10	101	0	ना	0	m	7:	010	9 m	110
A	Ò				-										•																			
A	X	0	010	0 0	io	10	0	7	-	0	0	0	0	0	0	0	<u>;</u>	10	10	mi	010	010	<u> </u>	10	10	0	0	0	0	0	01	010	D - 4-	110
A	文	0	o i o	910	10		0	0	0	0	0	0	1	6	0	0	0	-	01	01	011	010	910	10	10	0	0	0	0	<del></del>	0	<u> </u>	910	10
A	귤	0	0	0 0	0	0	7	m	0	0	0	0	0	6	-7	0	10	0	0:	0	0	716	S 1 4	+ 0	0	0	0	0	0	H	0.	eri e	<u>ه، د</u> !	110
A   B   C   E   G   C	क्	0	Nie	916	oio	0	0	न	0	0	0	0	10	0	12	0	0	0	0	0	01	ماھ	وأو	0	0	0	0	0	0	4	m	0:0	010	<u>۱</u> ۲
A   B   C   E   G   C	罗	ता	010	010	0	0	0	ᆔ	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	-	m	01	010	ه اه	0 0	10	0	0		0	-11	7	0	210	010
A   B   C   E   G   C	S <sub>C</sub>	Ø.	010	0:0	0	न	0	9	0	0	0	0	0	6	ਜ	0	10	0	0	91	o i	01-	٦İd	9 6	0	0	0	0	0	0	m	0 -	110	110
A   B   C   E   G   C	ব	т.	010	916	io	10	0	0	0	₹-1	0	0	0	0	0	0	0	0	60	N)	0	0 0	9 0	9 6	10	0	0	0	0	mi	0	Ø:0	910	0 0
A B B C B C B C B		0	0	0 0	10	0	0	0	0	0	0	0	ंड	0	0	0	0	0	0	ਜ!	0	0 0	sia	0 0	0	0	0	0	0	0	0	0:0	<u>ه</u> م	rio
Control of the cont	*	0	010	010	0		0	0	0	~	0	0	0	0	10	0	10	0	0	ना	0	010	410	0	0	0	0	0	0	0	m ·	010	D i C	0:0
A         B         C         E         G         M         O           008891         008892         008813         5         1         0	-	1	010	010	10	न	0	ᆔ	0	-	0	6	0	0	0	0	:0	0	0	7	01	010	910	9 6	6	0	0	0	0	0	7	010	0 0	ها د
A B C E B	S	6)	0	9:0	0	0	0	-	+4	:0	10	0	0	0	10	10	0	0	0	01	<u>.</u>	0 0	9 6	<u> </u>	0	10	0	0	0		0	0	7:5	<u>,                                    </u>
A B C E G	0	0	0	010	. 0	7	0	0	0	•	0	0	10	0	न	0	10	0	0	m)	0	0 0	916	<u>:</u>	10	10	0	0	0	0	2	<u> </u>	910	 
A   B   C   E   G   C   E   G   C   E   G   C   E   G   C   E   G   C   C   E   G   C   C   E   G   C   C   C   C   C   C   C   C   C	6	0	O i	910	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	9	0	10	0	10	mi	0	ri c	9   0	910	0	0	0	0	0	0	ਜ:	0:0	916	910
A	2	0	0	0:0	10	0	0	0	0	0	0	0	10	0	<u>:</u>	0	0	0	0	0:	0	910	s i e	9 0		0	0	0	0	0	0	0:0	916	010
A													:	:	;				•		:			i	į		:	. :	٠.	: '				•
A		,							!												:		- :		1	:				•				
A         B         C         E           00891         00813         5           00892         00814         4           00892         00815         1           00893         00816         1           00893         00817         1           00894         00818         10           00895         00817         1           00996         00818         10           00997         00818         27           00997         00818         27           00997         00818         27           00997         00818         27           00997         00818         27           00997         00818         27           00997         00818         27           00997         00818         27           00997         00818         27           00997         00818         27           00997         00818         27           00997         00818         27           00997         00818         27           00997         00818         27           00997         00818         27	Щ	<u>_</u>											•										•		_		_	، <i>ح</i> ــــــــــــــــــــــــــــــــــــ						
A	9	-			_		-		_				_		-	· <b></b> -	_			m ·				4:4	!:-	:					<u> </u>	<del></del>	7,6	<b>-</b>
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	E					<u></u>		:					·		:		_						:											
A 608891 608895 608895 608895 608895 608895 608895 608895 608995 608905	ပ	δ.	4	<b>ਜ</b> ੁਜਜ	्न	18	m	22	m	100	m	~	m	2	اق	ਜ	· IV	2	. 7	43	-41	<b>~</b> · •	4:0		11-	ım.	ਜ	4		16	<b>#</b> ::	<b>9</b> , 0	9:0	!   00
A 608891 608895 608895 608895 608895 608895 608895 608895 608995 608905	В	0813	0814	9816	0817	9818	0819	0850	0821	0822	0823	0824	9825	9826	0827	9828	6889	0830	9831	9832	0833	0834	00.50	3837	3838	9839	9840	9841	3842	3843	44	3845	2640	3848
88337 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1	٧	00897	6888	0000 0000 0000 0000 0000	96896	6800	36800	869	9690	888	988	8898	868	98916	00011	8891	00913	90914	00915	88917	80918	98915	37600	90924	88925	90926	98929	98938	00931	00932	98934	88335	0000	888
8444444214444988888888888888888888888888	Н		٦.,						<u></u>					_	~				Ι		_[	1			L								1	.T.
<u></u>		<b>←</b> }-	-⊩	81/2	818	815	820	821	825	823	824	825	82E	82,	828	825	830	831	832	833	834	833	030	838	839	840	841	842	843	844	845	846	0 7 8 7 8	849

	_																																		
器										:			1813		_							-								:		_			
圖					:				:	:		:	1968					_		• :		-		-	1										
표	1												<u> </u>											:	:										
ত	t				•		_	:-		<del>-</del>		:	136	·										<del>-</del>	+	_		_	-	<del></del>					
8	╁				<del>-</del>	_	·	-		-	-	<del> </del>	8	:			-				:	_ <del>-</del>	-	-:	1	_:	:			:			- ;		<del></del>
8					ŧ	:		•		! [	į	!	12				į	:	. :	:		:	:	•	:				:	:					
	1								-			<del>!</del>	10			 :							_		<u>`</u>	_				<del></del>					<del></del>
BE								:	:	:			84739	:		:					•	:	:	•	:	:				:					
ত	6	. 6	. 6	0.0	10	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0:	0	0	<u> </u>	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	6	<u>.</u>	<u> </u>	ه، د
AYBAB	6		0	. 0	0	0	0	0	7	0	0	6	0	0	0	0	0	0	8	01	01	0	0	<u>.</u> ना	<u>=</u> :	<u></u>	<u>6</u>	0	0	0	0	0	010	9:0	o in
罗	0									1			:		•															٠,					מוע
×	6				;				:	: 1	i	:	:		:											:		- 1	•					- 1	916
A	1_				-					;	•		;	:			:		' :		,				- 1		- 1			!			- 1	•	9 0
Adasaday	3				: .				:		:		:		•				٠.		:				•					:					9:m
₽ O	1_				1			-		0		•	:			:	•		٠.		- 1	- 1		- :						:					
₽	_			_	<u>.</u>	_		. ,			•	1	i			. :	:										:								216
AMAO	1				:			. :		1	!	i	:		:		٠,		:				:	- 1	÷		:			, ·					2:6
3	1			• • •	•	: .		٠ ١	)	0		i	:	•	:	: :	i,		. :					ì		. !	i	i							:
IAK				:	:		:			( !	1	1	:	i i			: '		: :			- 1		ĺ	- 1				!	. i	:	:		,	
gAI	↓			. 9				: !		0		1			·		:		. '	4					i	•	- 1		i :		:		:		:
AEAG		_						:		<u>i</u>			į			: .			:				:	÷	- :	i				i			:		2 2
상	┺					;				0			<u> </u>			•			. i			1			1										
V	L			:					. ,	,	i		!			!					1	:		i	;	;	٠	:		١.			;		7
₹			4		: .		. :		. :	: :	:		!	!!					: .		- 1	- :			- ;	- :				: :					
/ ٨	1_	:		:								i	!	<u>.                                    </u>			. :							- 1	İ	:		,							2 0
W	i i				Ξ.			: :	: :	. ,			:	: :	:	: :	: '								:	- 1	:			: :					0 0
n	L				•			L .		0		İ.	1			•	. !		: :			:		i		;				: :			:		
S	ட				· 					0		i	L						:			į		1	;	•	:			١.					. 1
Q	ı	-		÷					٠.			•		, ;		,	, ,		٠.		:	1			1	- 1				i.					0 0
0	-	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	01	0	0	9	0	0	0	0	0	0:	Ø i	0 0	010
Σ	0	:0	0	, <del></del> 8	0	0	0	0	0	0	0	0		0		0	0	0	0	<b>0</b> i	0	0	0	ना	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9:0	o i o
¥	ī	:0	0	0	0	न	0	0	0	0	0	0				0	0	0	0	0:	0	<del>6</del>	ਜ:	<del>ai</del>	9	<u>6</u>	0:	0	0	0	0	0	010	010	0 0
_	0	न	•	7	, न	4	н	-	~	-	$\overline{\Box}$	-		7	7	7	<del></del>	<del>-</del>	<b>~</b> 1!	न्न !	<del>~</del> į	<del>.</del>	7	m	<del></del>	<del></del>	<del></del>	ન	7	<del></del>	<del>-</del>	<del></del> -	۲, ۱	<del></del>	+im
<u>u</u>	m	0	:0	0	0	0	0	6	0	:	: ;	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	01	0	0	0	- :	- 1	•			•					. 0
ш	┢	-																	. —		:									-					
	9	<del>.</del> –	-7	. 6	<del>(1</del> )	٠.	<del>, ,</del>	m	2	Н,	-	н	-	7	н.	~	_		7	41	m i	7	<u> </u>	m ·	<del></del>	<b>~</b>	<del></del>	احط أ	m	<del></del> i	7	नः	4:0	716	33.0
ပ										-	į															:									
	90849	350	351	352	353	854	355	356	857	358	33	8	361	362	363	ž	365	366	367	368	989	870	371	372	373	374	375	376	377	378	379	88	<u> </u>	200	00884
8	õ	8	8	8	8						•																					Š	8	S S	3.8
	88955	22600	80973	974	92600	226	978	979	88	9881	982	983	984	985	986	987	886	686	066	391	992	66:	96	9	96	766	968	ရွ	8	901	700	01003	8 8	8 8	01007
Y	8	8	8	8	8	8	8	8	8	81	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8:	8:	8	8	8	8	ฮี	é	6	<u>6</u>	8 8	9.6	91.
$\neg$	(		<u></u>		<u></u>		ای		<u>~</u>	<u></u>	آ		<u> </u>	<u></u>	_		ري					_[		7	Ţ	_1	٦.					_].	,,L		
	85(	35	35,	35	854	35	2	35	82	859	<u>ജ</u>	98	798	9	36	36.	36(	98	368	365	Z.						3	إذ	378	375	38	χ	38	Š	885
		_	_							[							~					<u> </u>		<u> </u>	<u> </u>		~[	~1	~	~	~	<u> </u>	۳٢	工	۳

	: 60	1.00						_						. ** .	_									- CO :	10
黑	2930	1383		:			1807	216	2776				17	944	~					•				5699	197
8	2494	691	<del></del>				1353	4716	2250	3	-		2006	505	2409		:		•					2345	1572
표	्न	H					· <del></del>	<u>, –</u>	1 -	4		-	ਾਜ	<del>, -1</del>	ਜ									:	<del>-</del>
86	438	346					.4	429	45.1	1	•	<del></del>	327	48	£		<del></del>	<del></del>						355	410
	<del>.</del>	100					17.		100	•				4	•	· · ·								: 10	
<u>=</u>	18.	18					188	8		<u> </u>	: <del></del>		- 60	9	<u>თ</u> .									- 56	8
띪	305021	3748		:			90022	013635	205	) }			8422	X54304	<b>20345</b>		•		:					64229	12809
6	0.0	<u>2:</u>	010	101	010	9 6			2:0		0	010	200	S.	<u>×</u>	0:0	. 0	01	916	101	0 0	910	:0:	<u>:×:</u>	Σ
9	00									:	:			•						:					
AYBAB																									
A	0 0			:				. :	:	:	: :								_ :						
AUAW	0 0	00	00	101	0	<u> </u>	<u>.</u>	601	<u> </u>	0	<del></del>	<u> </u>	0 0	0	7	0.0	10	0	010	10	011	<b>⊣</b> 16	0:	o io	410
F	0:0	H10	010	10	011	H 6	0	ना	6016	910	101	010	0 0	10	ना	0 0	0	01	010	10	0:0	910	0	0101	00
AS	00	<del></del>	0:0	0	010	0 0	<b>&gt;</b> ← 1	101	0 0	010	10:	o i o	۷:۷	10	0	0 0	10	01	0 0	10	010	0:0	0	0 0	010
प्र	010	010	010	101	010	0 0	<del>} , ∈</del>	101	010	010	0	010	٠,٠	101	011	0:0	10	0	010	10	0:0	0:0	101	010	010
Ò	0:0	010	010	0	010	010	010	10	o i o	o i o	1001	010	9,4	10	0	0:0	010	101	olo	ःतः	010	010	0	010	010
AMAG	0101	0 0	010	101	010	0 0	010	· <del>- 1</del> i ·	016	010		010	0:0	0	4 !	0 0	0 0	101	916	10	0.,	110	:01	0101	010
S	00	<u>i</u>		: ;	<u>:</u>			l i	_ !		:				. :			;							
AK			· ·	<u>· i</u>		:	1_	<u>: 1</u>	i_		<u> </u>	_1	<u>:</u>	: .			!	نــن			i			_:_	
۸	0 0		i_	نــــن				·	- :								:	. :		:				:	
M	0	:							<u>i</u>	•															
A		00		. :				1		<u>.</u>				:				<u> </u>						<u> </u>	
AC	0:0	: :0:0	00:00	11001		٠ •	910		010	; 09   62	1001	010	<b>3</b> i 4	100	691	010	. 60		: :	010	0010	010	1001	<b>⊘</b> !⊣	010
A	00	00	00	0	0	0	0.0	0	0	0.0	0	0	0 0	0	0	0 0	0,0	0	0 0	0.0	0	0 0	0	-10	0.0
Y	010	010	7:0	0:0	0	0.	नांत	0	<u>ां</u>	0	0	0	0 0	न	ਜ:	oio	0:0	01	010	010	Oil	9 6	:0:	00	00
3	010	00	00	0	0	<del>-1</del> 10	0	न	<u></u>	0	0	0	9,-	10	0	0 0	10	0	<b>©</b>	0	010	010	101	0 0	010
Э	0:0	00	00	10	0	0	<u> </u>	10	010	9	101	010	<u> </u>	17	0	010	0	0	0	0 0	0	010	101	010	00
S	010	000	010	0	10	<del>-11</del>	0 0	- 4-4	010	010	ाठा	010	9 6	िन	0	716	016	10	010	0 0	0	010	:01	010	010
0	00	00	लाठ	10	0	<del>oi o</del>	91-	101	010	0	joi	010	5 6	0	0	010	010	0	0 0	010	<u>ा</u>	0:0	0	010	010
0	0:0	00	010	10	101	o i o	010	101	010	0 0	10	010	210	io	0	Ø i ø	010	101	010	010	101	0:0	101	00	00
-	0:0	oio	0.0	0:0	(0)	010	910	101	9.0	9 0	.0	0	2:0	0	. <del></del>	010	010	0	010	010	0:	0 0	(0)	00	00
Σ		:															:	:						· ·	
Y	Į.	910								•									,						010
-	7 .1	. <del></del> 7	-	4	. <del></del> .	-4.4	<b>⊣</b> ∶.	ı. <b>⊣</b> ī	<b>↔</b> :₹	4 : 4	•	211	H: N	117	7	<del>-1</del> :-	4 : 44	: 🗗	<del>-1</del>	गुल	• <del> 1</del> - •		• न्न	ਜ ਜ	
5	0.0	000	0:0	0	0	0:0	010	10	010	oie	:01	010	210	10	0	0 0	910	ioi	010	010	01	0 0	10:0	00	0:0
	<del>                                     </del>							·		<del></del>								<del>-</del>	<del></del> _		<del></del> -			<del></del> -	
<u> </u>	Q: =	.m.m	10 -		<del></del>	<b>10</b> · c	70 1 00		<b>*CT</b> : 4	· ·	: co.	₹.	<b>-1:</b>		<b>**</b>	m · -	4:-4		<b>-</b> 1:-	41.00		m -		<u> </u>	- N
ပ		· m · m	<u>.</u> , .		,	_ `			- ' '	,,	,		-	i	· 🗗							*		-414	.4.41
$\vdash$	86	88.62	0.0	97	92	6:0	2 . Q	96	26	2 G	8	6	3.6	. 4	Si	9.6	8	8	9:1	1:2	۳.	4 7	9	12	19
m	4																								00919 00920
	8 8	17	13.	19:1	17	8 9	218	77	23	25	756	727	200	98	32	333	, in	36	3	ရှိ ရှိ	\$	4.0	1.0	4:4	4 4
4	01009 01010	916	916	010	016	916	31.0	016	916	916	916	016	916	010	016	916	910	910	919	919	010	910	010	919 919	01046
	lo L	2				41.	al c	K	2	2		مار	7			7				1	Į,	0,,		~L	h_
	886 887	<b>88</b>	<u> </u>	3	<u>6</u>	တ္တိုင္ခ	χĺğ	0	<u>66</u>	۲۱۶	0		ŹΙζ		ğ			E	— <u> </u> -	913	片	915		ΞE	920 921
<u></u>	٣٣	۳۳	ma	Ψ		مام	٣٣		۳۴	~ 01	"		,,,0	Τ'	<u>''</u>	2.10	101	ا'کا	مارد	''D'	0	סונר	9	וסוט	<u>د، ام،</u>

٢	_	
r	V	
H	K	

뽔	I	1089		-	:		4221				_	146	3	4		:	:	•		_		:		-		_		4972		:	917	<del></del>			<del></del> !	:						٦
18		208			•	-	3711	<del>-</del> -	:			11.		101		<u> </u>	i	;	-		_	:	:	<del>-</del>	<del></del>			4591		<u>:</u>	88		-	:	 i	<del>-</del> :						$\dashv$
H	ŀ	<del>न</del>		-	-		24	<del></del>	:	<del>-</del>		; <del>-</del>	<u> </u>	=		-	<u>!</u>	<del>-</del>	;		-	-	+-	÷				-		<u> </u>	69			<del> </del>		: 					<u>.                                    </u>	$\dashv$
BG	ŀ	382		-		i	380	 :		-		47	FI	4	<del></del>	<del>i -</del>	-	:	-	_	 :	<u>-</u> _	-					377	_		311				<del></del>	:						$\dashv$
	t	o.			1	_	3	!	:			1 (*	11	m	_	<u>!</u>	<del> </del> -	<del>-</del>	-		_	ì.	-	:	;			m		<u></u>	99 3				<u>:</u>	<u>-</u>	:					
8	ľ	8		:	:		8	_				ő	3	6		!	!	!	!				:	:	:			9	!		0)	L			:							
BE		<b>M84694</b>			1	i	M92423		:	;		74787		V88599	i i	1	1	:							:		: ;	63071			13435				:	:		•				
BC			0	is	<u> </u>			0	16	۶į	0	S	) i	6	0	0	ß	,	9	0	0	is	ole	<b>9</b> [ 6	91	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	io	į <del>- 1</del>	10	0
AYBA	t	0	0	-	110	9	0	0	16	اد	0	is	<u> </u>	0	0	0	is	1	5	0	0	is	o i d	<b>&gt;</b> 10	0	<b>~</b>	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	10	0	0	10	0	0
A	ŀ	<del>ا</del>	0	0	5	7	0	0	10	<b>&gt;</b>	<del>-</del>	2	<del>ا د</del>	0	0	0	16	i	9 !	0	0	-	11-	414	91	ਜ:	н	0	ਜ	0	0	0	0	0	0	0	10	10	0	10	m	0
A	L	į		<u>!</u>		_;	!	!	:	- 1		•	1			:	1	1	- 1			:	•	:	:			1	:	1 3	. 1			1	1	•				:	0	1
SALAW	Ł	i				i						<u>.                                    </u>	_:_	:		:	1				ĺ		:					: -				0	0	0	0	0	io	0	10	10	न	ि
AS	L	:	_	<u>.                                    </u>	:	į		•	_	. :		:	:			:	;	•				:		٠				. :	:			0		0	0	0	0	10	0	10	न	0
KAMAGAGA	1.	:		:												;	:														0					•					0	. 1
AC	1			•		٠										: .	:	•													: :				÷						0	- 1
\$	L	_ !		i	.!	- 1		i		٠,		:	•			!	1	1	- 1			:			:	- 1	1		:		. :				:						0	ı I
⋖	L				_	_ :				4		Ĺ.	+			<u> </u>	1	<u>.</u>			<u>_</u>	:	. 1	- ;	_:			i		١		,				i	:				7	: 1
₫AI	ľ			!	i		0	<u>.                                    </u>		_1	<u>0</u>	1	. :	_	0	i	!	i			:		÷	•	:		1	,	:	i					i		:	1			10	i I
ABAG				-	+		6	<u>.                                    </u>		_ 1		_				<u>L</u>	1_	_i_			<u> </u>	į	<u> </u>					i	!	,	l i	i			:	:					0	
ACA	Į.	1					0	<u>.</u>		_:		<u>:</u>		!		┶	٠.	٠.	!				:	_!_	_ :				:	L					ė	•					10	' 1
AAA	ļ	9	0	:   6	<del>;</del>	: 	6	0	. 6	<u> </u>	0	G	; > i ·	0	0	6	G	) ) (	5	0	0	16	10	516	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	: 100	0	10		0	:		
YA	L	- :		<u>!</u> _		. :		:		_!		ļ	1			i	i	;	i		:								:						:	:	•				<u>.</u> .स	: 1
W	ŀ	9	0	S	: ) : (	<u>.</u>	0	0	. 6	<u>ا</u>	0	6	<u>.</u>	-	0	0	İG	· •	<u>-i</u>	0	0	· C		<u>;</u>	0:	0	0	0	0	0	0	_	0	0	0	0	0	'0	0	0	.0	0
Ы	ŀ	اه		S	o i c	اھ	Ö	0	! 6	<u>ا</u> د	0	3	1	6	0	0	6	10	9	0	6	G	10	<u> </u>	<u></u>	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	10	0		17	6
S	ŀ	0	0	S	• i	<u>s</u>	0	0	is	<u> </u>	0	2	1	0	0	0	IS	, i	9	0	0	16	ie	s i	0	0	0	6	0	0	0	0	0	न	0	0	10	:0	0	0	10	0
0	t	नं	0	0	10	9	0	Ø	10	<del>ا د</del>	0	8	<u> </u>	0	0	0	9	1	9	0	0	G	10	1	<u>o</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	10	:0	Ø	10	10	0
0	ľ	9	0	S	1	9	0	: :	i 6	إد	0	9	1	8	0	0	G	<u>;</u>	5	0	0	16	) i e	911	<u>69 i</u>	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	:0	0	0	10	0
Σ	ŀ	91	0	S	910	i <b>c</b>	0	0	16	o i	0				0		is	i	<u>5 i</u>																			10	0	10	10	6
고	ŀ	9	0	6	•	5	0	0									is	) (	<del>5</del>									0	0		0				6			0	0	—	10	6
_	ţ	н.	<del>-</del>			4	+	· <del></del>	11-	4	ਜ	-	+	7	н	<u>.</u> ं स	-	414	4	ਜ	ਜ		•	4	<del>ri</del> i	7	н	-	4	न	н	-	-	न	-	+	-	2	ਜ	17	ω.	ᆔ
0	1_				_						_					:	•	_:_		0	0	0	Pie	<b>&gt;</b> : (	01	0	0	0													10	- 1
Е	ŀ				÷	-							-			:	<u>:</u>	<del>:</del>	<del>-</del>									<del></del>		·					i	-		-				$\dashv$
၁	ļ.	n i	7		) i r	7	-	7	1 , 4-	11	m	_	111	90 i	ਜ	; <del>; ;</del>	:-	110	71	ਜ	<u>_</u>	: ^	1:0	711	7	<b>90</b>	m	7	10		ਜ	7	न	in	. 7	न	; <del>,</del> ,	7	•	100	189	·
В	1	1760	8922	9923		4760	8925	9356	2027	1700	8928	9200		930	9931	3932	2033		33	8935	936	2037	000	0	2939	3940	3941	3942	3943	4	3945	3946	3947	3948	9949	9950	3951	7952	9953	7954	98955	956
Н																																										,
A	3	101	0104	0105	1:1	COTO	0105	0105	1010	1	0105	0106		9196	0106	0106	9106	100	0010	0106	0106	9106	100	7010	0107	0107	0107	0107	0107	0107	0107	0107	0107	01086	0108	01082	0108	01084	01085	01086	01087	0108
	660	326	923	924	0.25	263	926	927	97R	2676	828	930	, 60	2	932	933	934	0.25	223	936	937	938	030		340	941	942	943	944	945	946	947	948	949	950	951	952	953	954	955	926	957

α	)
~	J
#	ś

器	1926	301			2371	- !	540	894	_			:	1295	:	487	225			:	1 1	8240						_		382	
	L					-	7	<u>m</u>							1.	~					51.									
8	1 1410	·			1981		477		: :				945	:	=	22				-!!	28			:					837	
BH	L	1,4	1:		-		:	m					-		٦.				:		~·								7-1	: 1_
BG	367	143	· ·		193	; 	64	_	. :				351	_ !	348	347				19	308	:							332	: :
BF	91.8	:6	3		96.9		98.4	96.9					98.6		98.3			,			4.69		•						92.2	
┢	2		<del>:</del>				S.						:				:		÷			<u>.                                    </u>						<u>.</u>		:_
H	M16592	2962			66899	:	219	3064					60091		03801	N.			:	I.	9010	:							70218	:
8		3:	0.0:0		· ×	0	8 X	720	0	01	<u>0</u> 1	•	<b>-</b>		<b>-</b> :	3	01	0	9:0		7	्रान	10	0	0	0	0 i	9.0		00
ব	0:0	10:0	0:0:0	्न		0	0	0	0	0	<b>0</b> 1	60 :	ता	91	0	01	0:	010	<b>9</b> 10	010	010	0 0		0	0	0	01	0:0	0:0	00
AYB,	N:0	1010	000	10	0	ठ	0	0	H	<b>0</b> i	01	0	0	0	7	0	01	010	910	011	010	10	101	0	0	0	<u> </u>	<del></del>	0 0	00
MA	0 0	oje	0.0	10	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	01	01	0	9	0	010	0	0	0	0	0	01	910	910	00
17			0.0		• •													010	510	9 (	9 6	10	0	0	0	0	0	9:0	910	00
AS			0:0				_ •					:						010	910	910	916	0	0	0		0	S)	910	9 6	00
¥			1010							0			_	_	_	_	_													00
A	l		00	: :			:		. 1					:											:					
AIJAKJAMAGAGAS		:	00									- :	- 1									1	•							
AP		:	0:0	: 1	. !	- 1	1			,	i			- 1		:		- :				•					:			
ABAG	010	00	1010	0	न	0	0	0	0	0	o i	0	0	0	<u> </u>	0	0	010	9	<u>.</u>	H: 0	0	0	0	0	0	0	9 6	0 0	00
AE			000																											
AAC		:	0:0				:		. :		2	- 1	ì					:	i			:							:	. :
۷			6 4	1		- :						1		1		- 3		í	į	•										
W			00										:	- 1						•										
<u>`</u>	1		· : O																							- :				
SI			10.0			- :	•		:		4												:							
O	ł		10:0									- 1					- 6			i						- 1				
0	0:0	1010	10:0	0	0	0	<del>6</del>	0	0	ा	<u> </u>	01	<u>©</u>	0	0	0	<del></del>	910	910	<u> </u>	010	.0	0	0	0	0	0 :	<u> </u>	910	0.0
Σ	00	100	00	0	<u>60 i</u>	0	0	0	0	ा	0	0	<u>6</u>	<u> </u>	01	01	0	010	210	s i	9 0	0	0	0	0	91	0:1	216	0:0	0:0
¥	0:0	0,0	1010	0	0	0	0	0	91	0	910	0	01	7	mi	0		0 10	9 0	910	<u>.</u>	0	10	0	0	0	0	<b>S</b> : 6	010	0 0
	ਜ-ਜ	·M·~	:	· ল :	Η,	<del></del> -	<del></del>	7	ਜ	<del></del>	-1.	<del>d</del> i	7	<del></del> i-	4	7	<del>-1</del> 11	7	-117	-114	<del>ा न</del>	· <del></del>	<del></del>	-	П.	-4	<del></del>	-4 - 4	4:44	नःन
9	0:0	010	00	0	0:	ေ	0	0	0	0	0 :	010	0:	011	0	0:	0:0	010	910	<u>s</u> i	0:0	10	0	0	0	0	0:0	<b>S</b> : 0	010	00
E		:		-			:	:	- :													<del></del>								
C	w v	·W : ←	7.7	m	<b>σ</b> ·	7	۲,	7	mi	नः	<del></del>	7	m	<b>00</b> . (	9	#	N ·	711	۷: ۲	<b>⊣</b> . r	7.7	10	· 🕂	7	7	н.	नंत	v) · r		N: A
	2 22		- ,						:																					
8	88957 88958	88959 88968	00961	88963	8	33965	80	2962	8368	6968	0/600	8971	88	88973	88974	88975	92600	268	8 5		88981 88981	28600	88983	00984	8882	986	00087	2000	06600	88991 88992
П	39.89	991 392	393	395	960	262	8	8	8:	[6]	70.	9	8	S	9	20	8 .	3 5	9 .	7:5	13:15	19	12	8	13	50	22	7 7	27.5	20.58
٧	916	916	Ø1093 Ø1094	916	916	916	916	916	110	11:	110	911	011	011	011	011	. 011 111	Z : 5	1 6	1 : 0	911	911	011	911	011	911	911	110	911	011
	958 959	960 961	962 963	964	965	966	96/	968	696	9/6	3/1	3/2	3/3	9/4	3/3	9/6	3/10	970	000	200	982	983	984	985	986	987	988	200	166	992

C	5	١
Ä		i
٠	:	
b	r	(
н	п	а

K K	2231	845	793
	i	12.71	
8	1986	25.1	111
BH	( <del>H</del>		·
BG	331	MILE MILE MILE MILE MILE MILE MILE MILE	301
#	:40 :0	1010 1010	2 E 6 6 7 9 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6 6
BE	160721	11866	103191 103197
۵	1≥		10101010101010101010101010101010101010
₩ M B			
AYBA	0.0.0.0 4.0.000	000000000000	00:000000000000000000000000000000000000
A	0.010.000.000	10.VIV 0 10 0 0 0 0	000000000000000000000000000000000000000
IZ	0:01010101010	00 -1000000000	000000000000000000000000000000000000000
AS	ଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡା	00000000000000	তি নাভাভানাভাভাভাভাভাভাভানাভাভাভ
AMACAC		00000000000	
AC	<u> </u>		
¥			0.0000000000000000000000000000000000000
AK			
3AI			000000000000000000000000000000000000000
ACABAG	0 0 0 0 0 0 0 0		
S	Ø Ø H Ø Ø Ø Ø Ø		
AAA	0 0 0 0 0 0 0 0	<u> </u>	00:00 12:00 14 0:00 0:00 0:00
Y	<u>ତାତାତାକାତାତାତ</u>	00000000000	
¥	0 0 0 0 0 0 0 0 0		
n	0:00:00:000	0000000000	H 0 0 H 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
S	0000000000	10 4 0 0 0 0 0 0 0 0	le el el el el el el el el el el el el e
0	: , ! !		000000000000000000000000000000000000000
0	0 0 0 0 0 1	1010:010 010 0:010	0,0101010101010101010101010101010101010
Σ	00000000000	000400000000	01010101-0010101010101010
$\mathbf{Y}$	00000000	000000000000	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
	नःतःतःतातातातातातात	त्नानाम् । लानायः नानान	लिलिलिलेलान्य यानानानानानानानानानानानानानानानानानाना
9	0.0.0.0.0.0.0	000:0:000:0:00	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
Е			
ပ	<b>ਰਾਜ ਅ ਜਾਅਾਜਾਜਾਜਾ</b>	iminimiente energ	10   4 - 日    円   m   N   の   N - 日 - 日 - 日   の   N - N - N - N - N - N - N - N - N - N
Н	95 95 95 95 95 95 95 95 95 95 95 95 95 9	11688788	2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.2.
			91912 91913 91915 91915 91916 91929 91922 91923 91923 91923 91923
∢	01130 01131 01133 01134 01135 01135 01136	01139 01141 01142 01143 01144 01145 01146	01150 01151 01153 01153 01155 01156 01160 01161 01163 01163 01163
	9994 9995 9997 1000 1000	000 000 000 000 000 000 000 000 000 00	013 022 023 023 023 023 023 023
Ш	。いっちいらいり、10.1F上上上	<u></u>	

_				- <u>-</u>			
Ж		415		1349	1685	2397	2206
8		17.		1055	1374	1934	1931
표			:			• स्त	-
8	1	275		282	278	290	576
		100		16	96	<b>∞</b>	19.
8		8		76		- 26	16
띪		(76717	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	183246	194083	60281	132011
BC	0.00.0.0:0	000000	0 0 0 0 0 0 0	0000000000	0.0.0	0.0.0.0	0:0:0
BA	न-नाठ-नाठीठाठ	00000	00000000	01010:0:01010	000		0101010
¥	0000000	00000	olololololo	01010101010	101010	100014	N101010
AM	00444000	w 0 0 0	0000000		0000	10101010	0.01010
F	010 0101010	01010 HIS	9 9 9 9 9	10 0 0 0 0 H O	·4:0:0	.⊣.ø:ø.ø	. Ø 'Ø 'Ø 'Ø
ASAL	L : I :	:		00000000			
A				0.010.010.010	-		
AMAO		1 1	1	10-4:0-014:016			
X		1 : : : :		00000000	1 .	: .	
AK		1 1 1 1		0000000		1	
٩AI							
ABAG				0000000000	•		:
ACA			• .	100 4:0000		:	
AAA		1 1 1		0000000000		*	
7	0:00:00:00	00000	0000000	0.00000000	0101010	00000	00000
×	00000000	ଡ କାଡାଡା		10 HH 0 N 0 6	0000	idio 0:0	0000
Э	00000000	0.0000	0000000	0000000	1000	010000	00000
S	0:0:0:0:0:0	00000	00000000		1010-	100000	0101010
0	0101010 01010	କାତାତାତା	00000000	1010-4000	101010		00000
0	00000000	40000	0000000	00000000	10 0	10:0:0:0	:010:010
Σ	0.0.0.0.000		00000000	00000000			0000
¥	010.010 010.010		000000	12 - 10 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0			010:010
_	ਜ਼ਜ਼ਜ਼ਜ਼ਜ਼	ਰ ਰਾਜਾਵ	ग्निन्स्स स्टब्स्	linjerererere	1 - 4-1 - 4-1	।।∧੶ਜ∙ਜ ਨ	. <del>ल.स.स.स</del>
9	0:0:0:0:0:0:0	00000	0:0:0:0:0:0	10:0:0:0:0	0.0.0	0000	0:0:0:0
E		:	<del></del>	• • • •			
၁	พะพ.๓-๓-พ-ส	4.0.0.5.6	ilmidididikid	:::::::::::::::::::::::::::::::::::::	110 m. N	् <u>व</u> ःसःकः ४	-ਅ:ਥ ਜਾਜ
	929 932 932 932 933 933 933 933 933 933	8 8 8	4 4 4 4 4	7 8 6 9 T Z	. S. S.		\$:8:8:8
В	016 016 016 010 010	919	010	01047 01048 01049 01050 01051	919	01000	919 919 919 19
				01187 01188 01189 01191 01193			
	030 033 033 034 035	1037 1038 1039 1040	042 043 045 045 046	048 050 051 052 053	055 056 057	058 059 060 061	062 063 065 065
LJ							

_
က
111
,,,,

BI BK			:	:	:				:	18	: '	٠.											∞ .					- 1	ı α						
m				Ė					Ĭ	3160	: :	•				:	1760			:	:		41		į				1328	. '					
-			:	:				:		2900						.	∞			:	:	- 1	182	:	i			1	975						
BH			:					:	:	-							261				<del>!</del>	j	25		_	<u>:</u>					_				
BG	Γ	;		;				:	:	262		:					92		<del></del> : .				230	;	<del></del> i		_		247						
BF	Ī		•	:	<del>!</del>				:	w.					:	-	4.	-		:	<del></del>		₽.	-			_		00						
18	L	:	·	-	_	! 		_	·	6							95				:		96		:			.	96						
BE			:	:	:			• • •	.	193425							03199						X06234	;	:	:			63483	:					
80	0	0	0	10	0	0	0	0	• 1	_	0	0	0	0	0	, 1	0		0	0	0	0	ě	0	0	0	0	0	Σ	0	01	<b>©</b> :	0:0	910	010
BA	7	10	0	0	0	0	0	0	0	7	-	0	-	0	0	0	0		0	0	<u>©</u>	0	0	01	6	0	0	0		0	0	01	0	S : -	110
A.	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	H	0	0	0	m	П	0	0	0	0	0	0	0	0	01	010	910	o i o
A	0	ा <b>ठ</b>	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	71	0:0	5	110
A										- 3											- 1	- 9	•		•										910
AGASAUAN	1				:	. :		•		: 1											:	,				:						,			010
M					i																														910
Aq											:	'					:		:		•	- 1	i												010
KAM		•	:	!	ļ	; ;			1	1	1 1		i		i	,	i	!	. :	i	- i	- 1	- 1		ì	- 1				i	:			- 1	010
⋖		10	<u> </u>	1	!				Ĺi			-	1		0	0	0	<del>(</del>	0	1	0	0	0	0	ਜ	<u>ा</u>	0	0	6	6	0	01	010	9 0	0 0
A	L	10	!	ί,	1		i	i	,		i	i	- 1	i	į ,	. 1		ı i	i	i	- 1	i		- :						. ,			0		010
AEAG	l	2	•							. 1			:			, 1			1		:	;							•	. :			oio oio		916
\ V V			:		•			,		. 1														:		•									4 160 4 160
¥			:		! .			L	<u> </u>		İ	1	. :			1				ļ	- 1			. ;	i	i									9:0
X		:			i .	1			,		:	i	i	:	: :					,	1	1	i		•										910
×	ı			1 :	:	: :				٠,	ı i		i		:					•	İ	í			•				, .						910
'n			5	! 1	i			. 1	1 :				. !	٠,	, .						i	ı			i	:			: .						110
S	L_	1	!	1 :	<u>!</u>	نــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ			i_ ;				(				١ ١	1 4	- 1	ŀ	- 1	;			- 4		- 1			. :	i				010
0		:	:										!					!	ļ	i	1	:	1	i				- 1		ί.					010
0		:	•	1	:			١ ١	!									i	- 1	i		i	j	- 4	:	:	- 1								910
H		0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	010	210	010
≥ ¥	0	10	0	10	·	0				_	0	0	0	0	0	60		0	0	<del>- ;</del>	7	0	0	9	9	6	0	6	0	69	0	<del>-1</del> :	0:0	Sic	<u></u>
	L	· 	:	::	<u>.                                    </u>						. ,		_	<del></del>	-	<u></u>	2				į	. !	ļ	_ :	ਜ:	<del></del>	<del>-</del>	+4	ਜ	-41	71	~	<del></del>	4:0	J i eri
	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9			0			0	0	0	0	0	0	:	<u>.</u>	0	0	0		0	0	0	0.6	016	010
ပြ	Ė		_										_						_,						<u>-</u> -				_	_	_	_			
	S		. (1)	. —	_	e-1 -		61	<b>L</b>		_		~			~	an i	0		<b>~</b> :	10:	01	<u> </u>	61	:	<u> </u>					•	<del></del>		4 ! =	-12
ပ								,	!	:		. !	:	:	:		:	٠.			<b></b> :	<b>-</b>		•		:									
8	01065	01066	91067	01068	01069	01070	01071	01072	01073																									01000	01100
A	01207	01208	01209	01210	01211	01212	01213	01214	01215	91216	01217	01218	01219	01220	01221	01222	01223	01224	01225	91226	01227	01228	01229	01230	01231	01232	01233	01235	01236	01237	01238	01239	01240	2770	01243
├─┨		<b>—</b>	~	i			<u> </u>				:	•	÷	;			:				٠	:			:			:						. 1:	
	1066	1067	1068	1069	1070	1071	1072	1073	1074	1075	1076	107	1078	1075	1080	1081	1087	1083	1084	1085	1086	) 801	1088	1089	1090	1091	1092	1093	1094	1095	1096	1097	1098		1101

N
က
衷

BK K	518		2865	5167	2457	360	568	2272		945
8	254	1 : 1	1912	3889	2288	115	354	3 16	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	748
H	el		नान	ा न		·				
86	262	;	37.67	235	172	234	215	n: imi	<del>-i</del>	199
	'n	1 1 - 1	2:7	10.	4	199	5	1, 10:	<u> </u>	92 1
Ē	66	<u> </u>	8:8:		92	<u>୍</u> ଟର :	8			
BE	X13585		JØ5016 M37712	013638	M60346	025253	X02490	328		09604
BC	0 0 0 0 0 0	00000	00	0000	10101	000	-100	00000	010101010	000
BA	00000000									
AY	0 0 0 0 0	1 ! ! :				· i i		1 : 1	i : : :	
AM	410 H 0 0 0			1 -						' i
M	71000000					,	i i		1 1 1 1 1	. • •
dAS	0.4.0.0.0.0.0	<u>i i i</u>	1 1		<u>: :</u>			<u> </u>		
QA	410:0:0:0:0:0								0:0:0:0:0	
AMA	- 0 0 0 0 0 0			i ; ;						
Y	N 0 0 0 0 0 0				·				9 0 0 0 न	- 1
AA	000000				<u> </u>	نانا		1 1 1		: i
10	0000000	<u> </u>	- 1	0000			<u> </u>		000000	
ABA	~ 00000	00000	- 0	0000	00.	100	0 46		0000000	000
AC	200000	00000	-10	0000	10 01	000	0 40	0000	9 9 9 9 4 9	ाळ न
\$	m 0 0 0 0 0	00000	00	0000	10101	900	000		900-00	000
7	000000	0000	<del>ब्राच</del>	0000	000	000	-100	0000	واه ه ه ه ه	000
3	2000000	00000	00	0000	७ न	000	0 0:0	0000	00000	100
Э	0 0 0	0000	0 0	0000	000	000	000	0000	00000	000
S	00000000	00000	00	0000	1000	0 0	000	0000	00000	900
0	0 0 0 0 0 0		: 1	1 i ·	:			1 1 1 1	1 :	: 1
0	00000	00000	00	0000	000	9100	000	000	00000	00
Σ	0 0 0 0 0 0	000000	<u>ाठा</u>	00000	1010:0	oloie	000	0000	0000000	000
×		00000	00	0000	000	000	000	0000	010101010	) ७ त
-	ल स्टानास्त्रास्त्रास्त्रास्त्रास्त्रास्त्रास्		नं न	स्त्र स्त्र	H10:	न न न	न न न	गुनानाना	Heid d Mic	गनान
9	0 0 0 0 0 0 0	00000	0 0	00000	10101	01010	000	0000	010.010.010	01010
E		: :	i ,	· .	: .	:	<del></del>			:
၁	8 7 7 M H H H H	प्रांस्स्स्या	2	ਜਾਲ ਨਾਜ	iस( <b>ம</b> ்:	<del>के (N)</del> स	21.4.1	नं स्तरसं च र	नानानाथ छान	• संख
8	01101 01102 01103 01105 01106									Ø1135 Ø1136
A	01245 01245 01246 01247 01248	01251 01252 01253 01254	Ø1256 Ø1257	01258 01259 01260 01261	01262	91265 91266	Ø1267 Ø1268	01278 01272 01273	01277 01277 01277 01278	01281
H	2004 10 V a	900H01	<u>ა 4</u>	<u>840</u> 2	<u>ത</u>	- NW	<u>4 N R</u>		<u>&gt;</u>	100
	105 105 106 106 106				121	222			<u> </u>	300
ш			_				<u> </u>		<u>-  -  -  -  -  -  -  -  -  -  -  -  -  -</u>	<u></u>

c	٧	)
C	۲	)
l	k	Š

	1									10					_						_	0					_								
쑮	252								f	1670	:	į										1480								:					•
8	699			:	:			!		1439	:	:	•	:	•		:			;		1272				i						:		;	•
H	F	1			:			-	:		:	:	:			<del></del>			<del></del>	•i		н							<del>!</del>		_			<del>-</del>	
BG	222	· · · ·	-		:	. :		:	<u>:</u>	218	1	<del></del>	<u>:</u> :	:-		<u> </u>	 :	:				8				-			-		_		<u> </u>		
	9		<del></del>		<del></del>			<u> </u>				-	-		-	<u>:</u>	<u>.                                    </u>		-			8			_	_					-	: 	- !		
BF	86							<u>:</u> 		18	:		:		:		:		:	٠.	. !	2							:				:		!
BE	28	!	-					•		797	•	:	:	:	:	:	•		-		-	,033			-				<del></del>			_			:
L	M30448		:					i		10679	Ĺ	:		!			!					₩		;			į							:	:
80			;							•	:								•			. :		- 1	•				:	: .					00
AYBA	1	:0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	91-
¥	0	0	10	Н	0	mi	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	न	0	0	4	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>ा</u>	<u>ा</u>
¥	٦	0	<del>اجا</del> !	0	+1	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	<u>ojo</u>
7	0	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	-	~	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	o j o
ত্র	0	0	1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	'n	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	01	010
Ì	┍┥	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	m	0	0	0	<u> </u>	0	0	0	0	6	e i	<u>:</u>	<u> </u>
Ò																																			0 0
AKANAGAGAS	1									1		ŀ	:													- 1	:		. :						910
₹	1					:	- 1		i	ĺ	•	•	•	:	ļ		i	1	! !	•	. 1	l i				٠.			1 :		i	:	1		910
₹			•			•	- 1		•	ì	•	:			:	}	:		! ;			i		!	- :	. !	:		: 1					1	i
₹	<u>.                                    </u>					:				1	<u>:</u>	Ŀ	:		!	1				٠ :	. ;		•	- 1	:	•			, ,	, '	,		- 1	- :	00
ABAG									:			:	;			•		٠.		:			•			•			: :		:				0 0
K	Ł			!				! :		;	1					:		•	. ,			1				:			: ;				•		9 0
AC	1	:			:		- 1	1	!	i	i			. :	•	1 :		•	: :	;	•			i i	i	i	:			,		:	- 1	i	0 0
₩	ı								İ	:	!	•	:	:	:	: .		. :		:	i	:	:	- 1	i	ł								नां	1
⋆	0	٠,	0	0	0	<b>0</b> !	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	न	ठ	0	0	0	0	Н	0	0	0	<b>O</b> i	0	0 0
W	0	.0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ਜ	0	0	0	<del>न</del> i	0	6	0	0	0	0	0	0	ਜ	0	9	ole
n	0	0	न्ना	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0
S		.0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	न	<u>6</u>	0	0	0	0	0	Ø 1	<del>aj</del>	0 0
0	ਜ	0	0	0	0	01	ठ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	m	ન	0	0	0	0	0	0	0	0	01	<u> </u>	0 0
0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ᆔ	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	<del>si</del> e	20
Σ	0	10	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	6	m	0	0	0	0	601	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>.</u>	9 0
~	_		<u></u>			:	i	<u> </u>			L											:		- 1										÷	9 6
×	_						- 1		_		_	_					-			ب <b>ت</b> نب				3	3	91	9					9		S) 10	ماد
1	2		· - '	•		-1:	۱		~~			-	-			-	-	· :	-	٠-۱	٦.	-	7	-1	-	۲!	<b>~</b> ↑!	<b>~</b> 1	~	-	٠.	┥.	<b>H</b> !!	Hi	-!-
9	0	:0	0:	0	0	0	<b>O</b> :	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0:	0:0	0 0
ш							:										_			<del></del>	i		;	•	-	-					T.		_		<del>.</del>
၁	6	7	9	7	7.	4	ਜ;	71	7	7	त	ਜ	m	9	7	4	-	<b>H</b>	'n	ला	H	9	28	m	7	Hi	П	ਜ	0	+1	ਜ	m:	<b>60</b> i i	· · ·	-lim
	L	·		_			_:	_ :	_				_		_			_	_		_				:										
	137	138	139	140	141	142	143	4	145	46	147	148	149	150	151	152	23	154	5	156	127	28	2	8	6	6	8	8	8	99	29	89	6:	<u>و:</u> ;	01172
80	01	8	ଷ୍ଟ	8	8	8:	9	8	6	8	6	8	8	8	8	8	2	8	8	8	8	8	8	8	2	2	6	9	8	6	61	011	3	8:5	2 2
																																			2 00
⋖	912	912	915	915	917	917	912	917	912	017	917	012	912	012	912	912	915	913	93	913	913	613	913	013	013	913	913	013	013	913	913	313	333	913	0131
		_															_			-!				- :	- 1	- 1	- '	- !	-	۰.	٠.	•	٠.١		
	38	33	<del>Q</del>	4	7	43	4	2	46	47	48	49	50	21	22	53	54	55	9	7	8	65	ဂ္ဂါ		2	ကျွ	4	Š	36		<u></u>	6	्ा		<u>JE</u>
		El	Ì	١	Ξŀ	Ė	Ì	<u>:</u>										El			<u>=</u>		<u>=</u>	=	<u> </u>	<u>~</u>	<u> </u>	-		<b>=</b>	=	=	_	<u>-</u> F	- -
		لـــا			_1						•																				$\Box$				上

4	
က	
HK	

器			·		_	-		999		1743	7493		1069	:		2848	<del>.</del>	•	591			3391		<del></del>	_			1813									
B		:	:			:		455	-	1543	7131		820	<del></del>	!	1867			400		:	3190	:	- :	<del></del>	<del>,</del>		1634				:				,	
三	t	;		-	_	: :	:						į	:	-	H		:	न			-	_	!	<del></del>	<del>`</del>		-									$\dashv$
BGB	╁	÷	-					203		6			19	-		190	-	:	9			<u></u>	<u> </u>			i		80		<u>:</u>	·	<u>:</u>				:	$\dashv$
<u> </u>	┞	+	-					5.2			25		3 14		•	5 19		<u></u>	137			9 18	-					3 3		<u>:                                      </u>							_
出		:				:		8		19	16	1	န	!	:	g	:	!	188		:	98				:		8		:	:	:					
띪		:	:	:		:		26247			1621	1	13450			16862			33195			69838	•			-		94739		! ;	:	1				!	
80	G	) i G	<b>&gt;</b> 1 (	0 !	0	0	0	9	0		10	0	10	0	0	10	0	10	10	0	0	×	0	0	0	0	0	0	0	~	0	0	0	91	01	010	s
8	6	0 6	5 ; .	<del>-i</del>	0	0	0	<del>.</del>	0	0	is	10	न	0	10	0	0	0	10	0	0	6	0	0	0	6	0	0	0	0	: ; <del>[ [</del>	10	0	HI	0	010	s
AYB,			_:_					:		:	•			:			•							:			- 1			:			:			<del>o</del> io	
A	ı	:	:					•	•	ļ		;	ŧ		•	•	•	i	ı	i	. :			٠.		:	- 1	,				:				<del> </del>	
	1	•	. !						:	•	•		:		1	ı	1	•	!	:			٠.			•		! '			•	:	: :	:		<u>;</u>	
AGASAL														-																						Ø ! •	- 1
Ì	ē	16	9	9	0	0	. 6	: 0	10	10	: 0		0	0	0	0	0	:   (9)	10	100	0	0	0	0	0 1	01	0	0	0	6		10	100	0	0:	: (3) (4)	<u>.</u>
Ò			_:_						:	<u>.                                    </u>		1			:	1								. :				. 1		:						010	- 1
Ž	0	10	10	91	0	0	0	0	0	0	9	0	0	6	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	ठ	0	<del>0</del>	ठां	ᆰ
AKAMAO	G	G	P i C	9	0	0	0	<del>-</del>	0	0	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	o l	010	5
₹	6	S	1	9	0	0	0	12	0	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	ᆰ
EAG	9	0	1	91	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	<del>-</del>	0	0	0	न	.00	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0 :	5
$\checkmark$	_		<u> </u>						:	:		<u>:</u>	i	:	<u>.</u>		•	:	:					:		:				:					:	010	•
AC	0	10	) ( i	9 !	9	0	.0	10	9	9	9	0	0	9	0	0	0	10	100	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4	0	0	0	0	ना	۶
₹V	0	0	;	<del>   </del>	0	0	0	े <b>न्न</b> :	i oo	Ø	i @	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0	0	71	01	O i	키
Υ		:	;	:			:				i	:	i	•	í	1	ļ		•		, .		. ,				- 3	: :		i						010	- 1
≯	0	i 6	۰ i د ا	<b>S</b>	πį	0	0	. ~	0	1+1	0	0	0	П	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0		0	0	0	0	01	010	s
n	0	0	•	ΗŢ	0	0	0	Ø	0	0	10	0	0	н	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0 0	5
S	0	2	1	Hi.	0	0	0	0	0	0	0	i <b>©</b>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	. +1	0	0	0	0	o i o	5
0	0	16	i	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	io	60	0	0	0	Ö	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	-	0	0	0	0	0.0	8
0	0	6	je	71	0	0	6	( <b>Q</b> )	0	-	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	स्ता	01	0:0	9
M	0	10	, ; ;	41	0	0	0	10	0	0	io	0	0	0	0	0	0	0	-					0	0	0	0				0	0	0	0	01	0:0	5
¥	0	10	110	71	0	0	0	0	6	10	io	10	0	0	0	0	<del>-</del>	0	0		0	0		0	01	<b>©</b>	0		0	•	9	0	0	01	0	010	5
	1	-	ijc	าเ	7	-	-	-	-	<u>.</u>	; <del>-</del>		-	ਜ	:=		•	<u> </u>		:			-1		<del></del>	귝;	<del>-</del>	4	-	—	:   ~	न		ना	7	<del></del>	4
9	0	io	110	9!	0	0	0			•													•	, ;				•			•					010	ı
U U	-									:		•		· 	: .															-				_			$\frac{1}{2}$
၁	7		: 6	711	m :	ਜ	П	17		14	· 7	7	4	m	m	-	^	<del>. H</del>	4		<del></del>	++1	<del></del>	П.	तः	<del>П</del>	7	4	त	'n	13	<del></del>	, <del>, ,</del>	~	7	711	7
	w	. 4	Ļ	<u></u>	0,	7	00	<u>.</u>	0	<u>;</u>	.2	m	4	'n	ي و	~	00	0	0	ਜ	٠Ų:	m	4	N:	٠	~	00	<u></u>	0		. (1)	. m	4	N.	<del>ن</del> ي		ٳ
80	0117	0117	211	7770	011/	0117	0117	0117	0118	0118	0118	0118	0118	0118	9118	0118	0118	0118	0119	0119	0119	0119	0119	0119	0119	0119	0119	0119	0120	0120	0120	0120	0120	0170	0120	01207	άΖΤΩ
A	01319	01320	21271	17010	01322	01323	01324	01325	01326	01327	01328	01329	01330	01331	01332	01333	01334	01335	01336	01337	01338	01339	01340	01341	01342	01343	01344	01345	01346	01347	01348	01349	01350	01351	01352	01353	47274
	1174	1175	1176			11/8	1179	1180	1181	1182	1183	1184	1185	1186	1187	1188	1189	1190	1191	1192	1193	1194	1195	1196	1197	1198	1199	1200	1201	1202	1203	1204	1205	1206	707	807	1503

u	3
~	7
Ħ	×

\ <del>X</del>	T	_		579			:	:		<u></u>			1558			_		462		:	<del>.</del>		:		:	:				-	18		.X		
120	4			<u>m</u>		:	-	:	<u>!</u>		<u></u>									:	:		!		:	:		:	:	:	151		2225		
m				45			:		:	:			1324					465	:		•	į		1	•		:	:			1287	:	٠2		
直	1			7		<u>.                                    </u>	:	<u>:</u>	· :	· :		<u>:</u>	-		:				:	:				i	!	:		:	:		41		· e-i		
186	4			3 127	<u>:_</u>	<del></del> -	<u>:</u>	-		:	, –	<u>.</u>	216	-	<del> </del>	;		58					<u> </u>	L		Ĺ		:		i_	124		163		
8		•	:	95	: !	:		į	1	;	:	!	97.2	•	!		;	91.4			<b>!</b> •				•	:		!		:	188	:	99.4	:	:
BE				473		!	:	:		:	!	:	505			:	_	33	!	-		<u> </u>	<del></del>	<u>.                                    </u>	i –	<del> </del>		:	:	<u>.</u>	29998	:	45	-	<del></del> -
		10	160	91.22		:	:	:		:			123		<del>  _</del>			X862	:					:	:		:				122	:	193		; 
B			-			•		:	1	:	•	10	٠							,		i			i	t				•					010
AYB	_						1		:	•					:			:													:				<u>oio</u> 410
																																			010
AUAW																																			H10
डि																																			010
AdAS								-																											010
AMAG																																			-1 <u>10</u>
A																																			0 0
AK	_			I	!				;	ŧ	:	1	0	0	9	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	010	9 0	0 0
¥				:				i :	:			0																							110
ABAG																																			0 0
ACA																																			9 0
\ <del>\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\</del>		1 1						: (		•	•	i			2	•	,				- 1	i		·	•	- 1				. :					9 0
×		•								1	:	. 1	1 1			ı					- 1	2	•		- 1										9 19
3				_ •	•	•			1	•	:						: 1	1				- 4			- 1					. 1	1 1		,	- 3	9 0
5						- 1		٠ :		:		, }			1	1 :			- 1			1	- 1	i	- 1					!!					0 0
S		:				,				•			. 1			: :					- 1								. ,						0   0
0		:			:	•				!		} ;	:								:		. !	- 1	i	- 1				: 1	1				0 0
0	0	0	01	<b>©</b> 1	9	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	<u> </u>	0 0
Σ	0	0	0	0	<u>ं</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>0</b> i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9!	010	916	910
¥	0	0	0:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	न	0	0	0	0	0	0	9	0	6	0	0	0			0	-	0	0	(S)	0 0	5 i e	9 0
_	1	Н.	<del></del>	٦.	ਜ:		+	<del></del>		-1	m	-	m i	П	<del></del>	٦.	ਜ	m			<del>-  </del>	<del>니</del>	<del>-1</del>	-	<del></del>	급;		7	-	₩.	<del>-</del>	٦٠	· <del>«</del> 1 · *	<del>-1</del>   <del>-</del>	1:-1
9	0:	01	Ø i	<u>o</u> i	0	01	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.0	916	010
E								<del>:</del> :										•	<u>_</u>	<del></del> -					<u> </u>		_			-					
	7	7	<del>(1</del> .	-11	7	<del>-  </del>	<del>-1</del> !	<del></del>	ਜ	<del></del> -	4		21	<del>-</del>	2	<del></del> -	N	<u>~</u> i	7:	ना	7	m:	N.	<del> </del>	<del></del> i	<del></del> ;	N.	m	16	ਜ	m !	<del></del>	m·+	-liv	717
ပ							:	:			:	:	:	!	•		:		:	:	;		i	į	:	:	:	:	į	: i					ļ
8	11209	1210	1211	1212	1213	1214	1215	1216	1217	1218	1219	01220	1221	1222	1223	1224	1225	1226	1227	1228	1229	1230	1231	1232	1233	1234	1235	1236	1237	1238	1239	240	241	243	1.4
$\vdash$	35.	9	2	20 1	ى: ص	Ø :	<u>ي</u> بخ	27	<u>س</u>	20:	15.	91	<u> </u>	ص: ص:	<u>ල</u>	<u>0</u> :	छ। <u>न</u> ः	<u>2</u> :	<u>ω.</u> @i	<u>411</u>	9:	01	<u>∞</u> i	0	0	oi त	0	<u>~</u>	9	9	(O)	6	63 : 63 60 : 5	<u>, : ∞</u>	212
4	0135	0135	0135	013	613	9136	0136	0136	9136	0136	0136	0136	0136	0136	0136	0137	0137	0137	0137	0137	0137	0137	9137	9137	9138	3138.	9138	3138	3138	3138	31386	31387	31388	1300	01391
		ı.	1.	- 1	:	:		•	- 7		;			-								'	_ :			٠		:	: ت	ادت	٠ س	· ·	ى:رى 	ی: رح -	0
Ì	210		712		† t	. E			α	6	2	721	77	S	74	N	97	N	VI	200	<b>%</b>	2 k	35	22	4	3	36	37	38	39	\$	<u> </u>	44	44	45
		1		<u> </u>	1	7	7				7	ZĬ	7	4	2	2	7	7	7	4	7	7,	7	٧ -	7	2	2	7	12	7	2	7	7	1/2	12
	_													_			_	_	_		_	_	_					_1			_				ىب

c	,
~	)
椺	١

	is.							- 1	_			-																_
뽔	202	1875	:					257	!						1757	i i	:						•					
8	29	1724	: :					1551			;	:	· ·		634	}			:	:		:		-			-	٦
표	1	7स	:		:							:	<del></del>			•							<del></del>			:	<del>: :</del>	1
88	161	152		<del></del>	<u>.</u>			159							10			<u> </u>	<del></del>	•			;	;			:	1
_	7	8	·		<del>-</del>			~	: ,			:					:						<u>:</u>	<u>:                                     </u>			<del>.</del>	$\dashv$
8	06	· :-		· 	· .		:	8	-		:	<u> </u>			¦g	} i				:		:	-	<u>.</u>				
BE	X03342	7227	!					3651	· :	•	:	•	:		463	3;			:	-			:					7
		77.		:		<b>-</b> ::		일				:	:		26 X	}			:			•		<u> </u>				
ğ		00																	•				•					- 1
AWAYBAB		010			:		•		•		•	4	•											_			. :	- 1
1		171 H	1		1 .	- :		İ			:	-					: :			- ;		i	i	:		•	: i	- 1
\$		1010		:	7 4	:	i					•	: .		•	,	1 !	! :	•		•	- 1	1			•	1 1	
X		1010																				9:⊣	-				· ·	_1
AGASAL		1010	•						:		•						. '	٠.		•		-i @	1	2 ·		010		- 1
8		10:0	L	9:0	<u> </u>							•																
AKAMAO		1010	•		. :	•		٠.	1	:	i		. :									:	i	:		1		- 1
₹		00	:													•	1 1						1			•		- 1
AIA	<u> </u>	0	1			- 1	- 1	1	1		- 1	1	4	i	•	1	: !		٠.	- ;		- 1		: .		1	. :	֡֡֞֞֞֞֞֡֓֡֡֡֡֡
b		00	• •		•			•				1	•		•								•	2				ٳ
ABAG,	•	ां लां छ				:		•								:	1 1	4 :	- 1				:	:			: :	
AC		. लां <b>ड</b>																										
\$	00	014		010	0	<u> </u>	s =	i m	0	010	ole	0	0	0	0 0	0 0	0	0	0	0	010	9 0	0	0	नः	919		5
7	00	N 0	010	0 0	0	0	9 0	0	0	o i	0 0	0	0	0	olo	0	0	0	0	0	010	9 6	0	0	<u> </u>	9 0	6	5
3	00	निक	1010	0 0	0	010	0	0	7	010	<u> </u>	0	0	0	010	10	0	0	0	0	ماده	910	0	0	0:0	910	0	٥
5	00	1010	0	0 0	0	0	0 0	0	0	o i	9 6	10	0	0	0 0	10	0	0	0	0	0 0	9 0	0	0	0:0	0 0	6	ē
S	0 0	1010	0	0 0	0	010	0 0	10	0	010	9 6	0	0	0	010	0	0	0	ां	01	010	<del>5 -</del>	0	0	<del>-1</del> 11	00	10	8
0	0 1	1010	0	0 0	0	0	9 6	-	0	0	210	0	0	0	0 0	10	0	0	0	0	0	9 0	0	0	<u> </u>	9 9	0	9
0	0 0	00	6010	0 0	0	010	0	0	0	0	9 6	0	0	0	0 0	0	0	0	0	<u>o</u>	9	9 0	9	0	0	00	100	2
Σ	0:0	1017	1010	010	0	0	0 0	0	0	010	9 6	0	0	0	0 6	10	0	0	0	0	010	9 6	0	0	0:0	00	6	8
Y	0 i 0	10 H	010	910	10	0	0 0	100	0	नार	910	0	10	0		10	0	0	0	0 i	9 0	910	-	0	N:	010	10	8
_	ਜਾਜ	च न	·				7.7	17	<b>~</b> 1	7.4	-1:-	। : स्न	17	न	<del></del>	ंत	H	_		ط:	<del>.</del>	1.0	<del>.</del>	i <b>←</b> i	7	<u>.</u> ਜ;ਜ	7	ᆔ
g	010	1010	1010	010	101	Ø je	Ø : Ø	:0	6:	010	010	010	101	0	010	10	0	· :	<b>©</b> :	<b>0</b> i	010	010	10	10:	0	010	اري	0
E		<del></del>	,		· .			<del>:</del>				:	-	<del>-</del>						<del></del>			· !	<del></del>			: ;	_
<del>-</del>	T. S	2.7	4 14	<del>1</del> ~	<del>, , ,</del>	7:1	-10	9	4	<u>~ ~</u>	u · w	···	12	7	<del></del>	1:12	-		ਜ:	m :	7:1	1 - 4	im	. 7	7	लन्स	4:	4
ပ			:		: :		:							:		:	:			•			•	:	-			
3	245	01247	249	251	252	253	255	256	257	228	9 9	.61	292	563	4 6	199	29	89	6	6	7 1	312	74	15	92	78.7	2	8
8																												
	392	01394	396	398	8	401	403	404	405	496	408	8	410	411	412	414	415	416	417	118	9:0	121	122	123	424	127	128	429
٧	91	:B:B	8.8	ਰ∶ਲ	<u>ال</u> ا:	2:8	3:8	8	8	8:8	3:8	12	18:	<b>8</b> :	8:5	ΕĠ	8	8	10	6	8:8	100	Ġ	8	6	6 6	8	ä
H	9/	<u></u>	01-	-12	m	4 <u>F</u>	9		∞ l	אוכ	<b>—</b>	N	നി	4	مادر			6	<u></u>		7	<u> </u>	<u>.</u>	9		200	<u></u>	
	246 247	248 249	25	25	23	25 25	32	23	25	22	262	26,	56.	<b>9</b> 2	265	26	26	26	7	2		7	12	27		2/8	EXE EXE	0
لبا				<u> </u>	止		上					上				上		-			<u>-</u> F	-	F	-		E	H	-

1	-
C	)
H	į

		7					_		-	2		0	_	_	_		_	_									_		_						<del></del> 1
BK		161	;	:	• :	:				425		1560						:	:	:		!				:					. :				
81	:	1470	:	-	:		:			342		10									/ !														: 1
BH		ਜ	:	:	- :			-		59	,	=								-							,						•	-	
BG		4		:	;				. ;	84		6							_			:				: :						_			$\div$
	-	m	<del></del>	<del>:</del>	:		_	_		'n	. !	Q)		-		-											-	-	_		-		_		╗
BF		8		:						8		86		<u> </u>								! !!								;			•		
BE		1346		:	:					1948		55188							. :					•	! !										•
ပ	!	0 X51	91	: 6	<u> </u>	<b>0</b> 1	01	0		M1.	<u> </u>	<u>×</u>	0	0	6	0	0	0		6	-1	0	8	0	9	0		<u>.</u>	8	0	0		011	o i o	
AB	_ i		:				:											: ,	: :	,												:			
AYB,																		•				•						:		•				010	
MA	'										! .	_		1		: .		•		:		:						1					•	916	: 1
A			_ !	i																			. 1				:				:			010	· 1
Ă		-		_ :	1	. :	:												: !			:	. ;		į	١.		- 1	1	-			•	010	
AS			_ :	:				i														:	:		. !							• 1		010	
Ρd		:		:			:	:						i		i .			i 1		i										:			010	
AQ	0	<b>©</b> i	<b>©</b>	<b>⊙</b> i	ø.i	0	o i	<b>©</b> Î	0	0	स्या	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<del>-</del> 10	010	10
AMA	0	0	0	0	0	ਜ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0 0	ه اد
AK	0	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	, 6
P	0	0	0	0	0	ᆔ	0	0	0	0	<del>, , ,</del>	0	0	-	=	0	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	+11	0 0	0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	6	0	0	0	0	0 6	0
#	0	0	<u>©</u>	ठां	ं	0	0	-	0	0	0	0	0	0	ंठ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	اهاد
ACAHAG	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	6	0	0	0	0	н	0	0	н	6	0	0	0	0	0	0	0	0	o i	0 0	ه د
*	0	0	0	0	0	71	0	0	0	0	0	0	0	0	6	6	· •	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	, 6
Υ	0	0	0	0	0	ना	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	016	20
3	0	ठ	0	<u>ं</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	اهاد
n	0	0	6	0	0	ा	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	нi	010	10
S	0	0	69 !	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	o i o	9
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	010	10
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	20
Σ	0	0	0	0	0			0	0	0	0	6	0	0	0						0	. 1		0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0:0	210
Y	0	0	0	0	<u>60 i</u>	01		0	न	0	0	0	-	0	-				100		0	0			0	0	0	0	0	0	Н.	0	ਜ:	0 0	0 0
H	<u></u>	<u></u>	ना	<u>न्।</u>	++;	त्तः			न	-	-	-	<del>-</del>	-	<u></u>	17	<del></del>	~	<del>.</del>	7	7	-	-	-	-	н	_	74	7	_	·	<del>-1</del> i	<del></del>	~ ~	114
	0	0	0	8	9	8	0		0	9	6	6	6	10	6	0	9	i	0	6	6	_	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	0.	0 -	010
9				·							·	_	; <b></b>	: -	. <b></b> .						_							٠		· •		: <del>ب</del>	؛ تټ		
ш				:					:	:		! 		į	:	<u>:</u>			! :										_	_	·	,			
С	ना	φ.	ਜ.	<b>-</b> 11	7	~		~	m	-	S	-	4	m	m	7	· ল্ৰ		~	10	4	н,	4	m	2	-	-	-	7	-	7	٦.	φ,	<del></del>	1
											. :		_	<u></u>	:															_					
В	1281	1282	1283	1284	1285	1286	1287	1288	1289	1290	1291	1292	1293	1294	1295	1296	1297	1298	1299	1300	1301	1302	1303	1384	1305	1306	1307	1308	1309	1310	1311	1312	1313	1314	01316
Ш							:							ـــــ										<u> </u>		i									· 1
ارا	430	1431	432	433	434	435	436	.437	438	439	44	441	442	443	4	445	446	447	448	449	450	451	452	453	454	455	456	457	458	459	8	461	462	463	18
٧	8:	8	2	<u>8</u> ;	ଞ	8:	ଞ	8	8	8	2	8	6	ଞ	2	8	8	8	8	ଞ	6	8	2	8	2	8	8	2	2	12	8	8	8	8:8	914
-	: ان	<u>~</u>	41	ام	ای		<u>က</u> ါ	6			:   	~	+	: -	<del>ا</del>	F	တ	6			NI NI	~	: اج	2			8	6				m	41	Ok.	$\mathbf{L}$
	8	8	8	$\infty$	2	28	8	28	5	59.	29,	29.	59,	29	5	59	59	5	ğ	30	30,	30.	ģ	30.	Š	30	30	30.	31(		31.	31	ٳڿ	315	
Ш	-								E	Ľ	Ë	Ξ	÷		Ë	E	Ë	E			-			Ξ	Ë			Ε	Ë	Ë	Ë		-		Ë

α	)
~	7
₩	ĭ
•	•

BF BG BH BI BK			·	:	<u> </u>			-		. :	: :								. :								•	2						
ВС ВН	:	:			!		<u>:                                    </u>			•	:	•							:	:	į	:		•			i	4				•		
BG	:	i																	:		ì			i	:	!	Ì	4058		:		:		
	;	_		;		! !			-									_	_	<del></del>	:				<del></del>	:	-	ਜ					<del></del>	<u>-i</u>
<u>₩</u>	_,				:								·—-•							<del></del>					•		-	116						$\overline{\cdot}$
			•							!			: :					. :					. :					100						<del></del>
	÷					_			_	_					:								: '											
8	:	:		ı	:								:		:			:							·	;		1637						
၂ ပါ	910	910	S : C	10	10	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	8	0	S S	011	01	011	916	:	;
8			A i G	_i _	_ !	!		!		: :	:							: :				:												i
<u> </u>	· :		<u>0:0</u>	-:	: !		<u> </u>								•											•								
	١٩	۰٠۹	٥ به	0	0	0	0	н	0	0	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	60 ;	0.0	0 0	016	) <del>[</del> H
질	_:_		210						: ;	<u>.                                    </u>			i															;						
Q 1	. :	:	916	1		i	1										i			. :	١.	, 1	'	!	- !					٠.				
_		<u> </u>	o i o		<u>:                                    </u>		:					:										٠.	. •					. :						
Q.	•		916	!	! !		1		i.	.			, ,				: :	: .	. :	:			. :		Ī		:	: i		1				
	i_		9 6	;			!		<u>.                                    </u>				: :			3				٠.	. :			:	i					:				
<b>~</b> [	9	9 6	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	7	0	п	0	0	0	0	0	7	0	0	0	0 0	216	<u>ه ا</u> د
~ 1			010		1			l i	i I	1 !	!!	1 1			1	i 1	i i		1				1 1		- 1			l i		- 4				
⋖ ``			010	•	: 1		• :			•					: ,			•									- 7							i i
Q.		i	9 0	1			į į	ļ		: }						' '	• '	: .		: :			: :			٠.			:					1 1
⋖ ।			عاد	1	<u> </u>	1	1 1	ĺ	•	į l	1		1		i		i		i.	. [		1	1 1	1						:		i	:	- i - :
≥ 6	9 (	9 0	2 0	0	0	П	0	0	0	П	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<del></del>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0	<u> </u>	5 6	10
⊃ °	9.0	ه ا د	910	0	0	0	0	0	H	0	0	0	0	0	ਜ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	<del>r  </del> e	5 6	9 0
		_:	916	1		l		!	•				1		1		•			į (	1	i	i I			- 1	- 7	i	,	:		4.		
		•	o i e	•	<u>.</u>		! . :	:	í	,					1			•		. :			, ,	1 3		i		' 1	1		- 1		:	
	- !	1	910	<u>i</u> .					1	<u> </u>	!				l	!	i	1	i	; !					l i	,				٠.	- 1	;	:	i :
-	!	1	_!_	<u> </u>	i'	!		0	2	10	0	8	!	_	~	. 0		0	0			0	0	6		-	-	0	6				;	210
-1	ì			ļ	1	:		i	4	ì	1		į		Į.	• !	•	• :	:	. :		!!	! !	! :										
															0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0									114
ᅴ		-		<del>:</del> -	<del></del>		:	_	<del>:</del> :	· 				 :	<del>.</del> –			-	<u>.                                    </u>													- :	-,-	
	<b>+</b> i c	V : 1	4 i w	7	ਜ	ര	7	m	191		S	<u> </u>	m	7	<u>,</u>	. <del></del>	. <del></del>	m	. ল	4	Ŋ	7		-	Η.	ط،		m	-	<del>-</del> -	7 (	; m i m	٦	(10
이				i	: .				:	:			:							:					•		:					٠		
B 2	7:5	910	328	321	322	323	324	325	326	327	328	329	330	331	332	333	334	335	336	337	338	339	340	341	342	343	7	345	9	347	8 .	£ :0	. r	01352
وا ہے	7047	9	1409	1471	1472	1473	1474	1475	1476	1477	1478	1479	1481	1482	1483	1484	1485	1486	1487	488	1489	1490	1491	1492	1493	1494	1495	496	497	498	66.	9 6	96	01503
۲   ة	s i c	s í d	9 6	160	Ø	0	6	0	6	6	0	0	6	8	8	8	8	0	8	6	8	Ö	8	Ö	Ö	8	8	8	8.	ତି ।	8:3	5 6	318	୍ଷ
Œ	2 6		321	22	23	24	25	26	72	28	29	30	31	32	33	34	35	36	37	38	39	40	4	42	<u>რ</u>	4	5	46	4	φ	Σķ	ŽF,	ħ	150
7	? <b> </b>	- J.	J M	3	13	13	13.	13	13	13	13	13	13.	13.	13.	13	13	13	13.	13	13	13	13	13,	<u>~</u>	<u>~</u>	<u>~</u>	13	3	<u>با</u> رد	Š	<u> </u>	1	<u> </u>

ത	
m	
罴	

Ж	2327		4221	2229	2455	·
B	1923	•	3448	. <del></del>	2333	
H	ਜਜ-ਜ	. 1	<del></del>	65	में स	
88	12.06	<u> </u>	<u> </u>	· <del></del>	in.	
	11.		9 11	5 23	1 105	
8	186.68		8	196	186	:
BE	55187	:	73554	54711	24182	. :
ğ	00000	0:0:0:0:0	<u> </u>		000000000000	<u>oioioioio</u>
AB AB	0:0:0:0:	0:0:0:0:0:0	0:0 0 0 0	<u> </u>	जन्मा <u>वावावावावावावा</u>	9:010101 <del>11</del>
AYB,	<u> </u>				H-00000 H000	i
AWA	L				0000000000	
M		1 4 1 1	: ! ! ! !	i 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1	H 0 0 0 0 N 0 0	' ;
SAU		·	_ i : ! !		01	
AMAGAGAS						
X				0.01010101010		01010
¥	:			0:00000000	÷	9:0:10:1
	L. i i				000000000000	
AK	0:0:0:0:0	0 0 0 0 0	0 0 0 0 0	0000000	000000000000	00000
V	0:0001010	000000	000000		न्त्र । । । । । । । । । । । । । । । । । । ।	010 10 010
ABAG	0.0.0.0	000000	0 0 0 0 0	00000000000	0101010101014101	4.010:010
	0101010	0000000	<u>oloioioio</u>		ग्राठाठाठाठाठानाचाठा	910:H:010
AC	  @ @ @	0101010101	0 0 0 0 0 0	000000000	NIGIO IO IO IO IO IO IO IO IO IO IO IO IO I	010:010
¥	0.0000	0 0 0 0 0	<u> </u>	000000000	10 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	000000
λ	Ø Ø H H Ø	000000	0 0 0 0 0	0000000	HI0 0 0 0 N 0 0 0	0 0 0 0 0
≆	010:010	0 00000	010101010		00000000000000	0000
5	0000	9 9 9 9 9	000000	00000000	0000000000	00000
S	0000	000000	000001	000000000	01010101010101010101010101010101010101	01010-010
0	0101010		ଦାତାତ ତାତା	0:0:0:0:0:0:0	010:010 0 0 0	9:0:0:0:1
$\vdash$	0 0 0 0 0	0:00000			0.0000000000000000000000000000000000000	E .
0	<u> </u>	0.000000	<u> </u>	<u> </u>	)   ବାଦାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବ	_ • 1
Σ						
X	0:0:0:0:0	3:0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0	101010101010	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	Pi@iwi@id
-	ed-ed-ed-m-e	न स्तर्भा स्तरस्य स्तर	न(ल)ल(ल)ल	गलानानानानान्त्	un:Nieleieleielei	नःसःसःसःस
Ŋ	0.010101	00000	0 0 0 0 0 0	01010 010 010	0.0.0.0.0.0.0.0.0	@10:010
ш				. :		
၁	न नाण क्रांट	नःल लांसहस्रका	<del>area a mic</del>	. A A A N A A A	<u>। भू रूप सम्बद्धाः सार</u>	र नातुः नाक
	55 55	65 65 65 55 55 55 55 55 55 55 55 55 55 5	B 2 8 8 8 8 8	8 8 7 7 7 7 7	82 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2	8 2 8 8
<b>m</b>	2 2 2 2 2	2 2 2 2 2 2	9 9 9 9 9	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	01376 01377 01378 01380 01381 01381	Ø13 Ø13 Ø13
A	218 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8	9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9	2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	01528 01529 01531 01531 01532 01533	0153 0154 0154
_ †	4 NO NO	900-NW	+ NO - 100			त्रव्याचा
ķ				33333333	3377 3378 3381 3881 3882 3884 3883	333333
				<u> </u>	<u> </u>	

Г.	12	,							10	,				1 00									161				016			_			
W					:				6196				•	1618					•			358	1822			4.0	15.70	i 1					
8	55.2	1							6102					1208								3492	1734	:		263	1449	1			-		
E	1-	•		-	_				:		<u>.                                    </u>	<del>: -</del>	:			i		<del></del>					H	<del>- ,</del>		•	4:-	1	-				
BG	19	:		_		:		_	95		:			160	-	<u>:                                     </u>	-		_			. 4	86	-:		1 5	7:5	<u> </u>	-				
	1-	!				-	-	-	100		-	:	1	-	•	-		:				_:	۱~۱	-	<u>:</u>		010			<u>.                                    </u>			
#	8	···			i 			:	ļÄ		:	:	i .	.6	:	:		: ,				:31	9			18	9 9	ξ. 		•			:
BE	814	•						:	538			•		5767								163	428				TO SECTION	3					
ļ.,	X0681	:			_				<u>2</u> 2		<u>.                                    </u>		:	18								:6	2			7	2 2	Š	:				:
le M	_		·									•	,																				<u>oi o</u>
BA						:		į.	:		:	•				٠.																	010
AM	_			. :							i			,		•												010	10	्न	01	010	010
AUAW									•		:	1	:		;	:	•			0,0	;			•		<b>5</b> ( <b>c</b>	4	110	10	ਜ	. <del>स्त</del> ाः	0 .	110
SAI																				010											10.	010	010
14	_	0			_			_				:	•							0 10											.0.	<del></del>	0 0
O A O	L				_	0														0.0											0	<b>⊣</b> : 0	916
AMAO						,							:			٠.						•									010		
AKA										1		•	1												- :						0:0		910
M	1								•	:	ı			:																•	0:0		316
EAG/																				0 0								116	100		01		ाळ ०।०
A										•			•							Ø : 0								. 0	10				0 0
AC																															010	0:0	010
\$	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	916	olo	0	0	0	<b>5</b> : <b>C</b>	0:0	10	10	0	0:0	0 i 0	0:0
7	0	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:0	916	0 0	اها	اہ	0	: 016	010	10	10	10	0	I G	9 0
3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0;	01	010	0 0	10	0	0	0	<b>S</b> : G	<del>, ; , ,</del>	110	10	10	0:0	010	0 0
Э	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ंठ	0	6	0	0	0	0	0	0:0	<u> </u>	Ø	0	0	010	916	9 6	10	10	0	010	010	916
S	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0,	0	0:0	010	ंल	0	<u>oi</u>	0	<u> </u>	9:0	io	0	<del></del>	010	0:0	0 0
0		01																													010		
0	0	0	0	<b>O</b> I	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	9:6	10	न	<u> </u>	910	9 i G	010	10	10	0	0.0	916	9 60
Σ	0	0	0:	<b>6</b> 1	01	0	<u> </u>	ा	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.	01	010	0	17	0	010	<u> </u>	116	· (0)	10	io	-	0:0	910	010
K	0	0	н.	0:	01	0:	0	01	0	0	0	~	0	0	0	0	01	01	0	016	0:0	10	0	010	<u> </u>	216	010	10	<del>-</del>	0	010	S) · C	110
_	1	- (-1)	٧.	₽,	<del>-</del>	ન:	ना	<del>-</del>	ਜ	<del></del>	<u>.</u> ~	7	-4	Н,	<b>H</b>	н.	H	ন;	~	ਜ - ਵ	-	1,7	<u> </u>	<del></del>	<b></b>	4110	· <del></del>	! 4	· <del></del>	~	7.	٦.٠	11 स्त
9	0	0	0	0:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0!	<b>Ø</b> !	0 0	0:0	0	01	<u></u>	S 1 6	216	: 0	10	10	0	0.0	<b>S</b> : <b>C</b>	010
E	-						-																		<u> </u>			-					
$\vdash$	1	<del></del>	4 ·	<del></del>	_	<b></b>	<del></del>		m	7	9	5	7		-4 i	<u>د</u> ۲۷	7	7	7	rd	1 - (-1	. 10	6		u			13	٠.٨١		10.1	9.16	
ပ																															ω. υ		ı
	688	86	331	36	<u>m</u> :	94	95	96	26	8	8	8	2	62	8	8	S	9	6	8 8	193	-	77:	m:	4 . u	9	12	00	<u></u>	0	01421	7 m	1.4
8	01	01	6	9	0	013	6	13	613	2	93	919	914	914	014	914	014	014	914	914	014	014	914	914	410	914	014	014	914	014	014	014	014
П	142	343	4	₹:	946	74	84:	6	SS.	27	25	23	54	25	26	22	80.	8	19	3 6	3:28	- 62	9:	6:5	0:0	3 8	7	.2	Ę,	7	ر ا	2.9	- 100
⋖	015	91	915	25:	6	92	915	915	915	612	25	8	015	015	915	915	015	915	912	(1) (1) (1)	915	015	015	915	2 12	015	015	015,	9157	915,	01575	יבוס 12, רבוב	9157
1																					- <del></del> -	_											
	39(	391	35	50	ž,	200	200	35	365	3	힞	힏	102	õ	5		90	26	408	4107	E	412	<u></u>	4 - 4	<u>ا ر</u>	1	18	19	20	7	252	34	425
Ш	_			1	<u>-</u> [-	Ė	_				1,	-	1,	-	-		7	7	7	1 4	F	5	14	- -  -  -	7	7	14	74	14	7	4	14	4
																											_	_	_	_		<u> </u>	نــن

-	•
4	-
搬	í

[¥	2634	8	3683						26										Ni	7			
果	<u>.                                    </u>	31					: <u>.</u>		:54							i			372	18			
8	2573	3106	3604				:		3982	:	:	- <del>-</del>	:		: :				3673	981			:
BH	28	i <del>( -1</del>	· ਜ		· ;	:	:	:	<del>; स</del>	:				:			·	-	<del></del>				:-
BG	51	2/2	75		;	: 1		:	364		· _		<del></del> .	<del></del> -			<u></u>	: ;	2:	7	•		
BF	96.1	10	100	;				:	95.1	:	· ;	-		<del>- i</del>	-	:	-		8	<u>8</u>			:
BE	M81601	UØ2389	M32315	ı	:	: ;			Y80062	•	·····		<del></del>	1	:		-	-	66009	50850			:
l 었	0.0.0	0 0 0	2 O	000	00	10	0 0	0	100.0	0	0:0	0.0	: 0 . 0	<u>.</u>	0	0 0	0:0		8 8	9 0	.00.0	9 6	0
AYBAB	0:010						,		•								•						
F	01010													9				:			010		
ALLAW	000	:												•				1					
M	0:0:0:																		~ (	010	0:0	010	0
AdAS	0:0:0										_										0.4		
×	0:0:0																						
Ad	0:0:0												٠.,			•							
AKAM	0 0 0			: :	i			i	:		1												
AA	000		, ,	; ;	•	1 1	- 1			: :				- 1	•		•					. :	0
	Ø H Ø Ø Ø Ø																					9 6	0
A	000																					והיפ	9
ACABAG	0.0.0																					110	
₹	000	000	9 69 6	00	<u>.</u>	0	00	0	0:1	ioi	<u> </u>	101	010	010	0	o le	10		<u> </u>	4	0.0	: : > ← i	
X	0.00	000	0 0	9 9	<u>6</u> :⊣	0	00	0	0 7	10	0 0	10	0	0	10	<u> </u>	101	10	mid	9:00	0.0	اواد	0
≩	0.00	<u>о</u> ніс	10	2 0 1	0 iu	0	0 0	0	0 0	ioi	<u> </u>	0	010	0	0	00	اه	ना	710	910	0.0	101	0
Э	Ø-HIØ:	0 0 0	0 0	00:	010	0	डांन	0	00	ाळा	0 0	10	010	0	0	0 0	10	0	н в	0.0	0:0	9:01	0
S	0.0101	0 0 0	000	0 0:	0:0	0	0 0	0	00	0;	o i o	0	010	9	6	0:0	0	0	910	110	0:0	0:0	0
ð	000	•				: 1		. !			:												
0	0:010	01010	<u> </u>	010	0 0	0	<u> </u>	0	00	101	o i o	10	0 0	9 6	0	ojo	0	0	916	10	Ø -	ं व	0
Σ	0 1 0	01010	1010	0	00	0	0 -	10	00	101	0 0	101	00	्न	0	00			010	010	<b>6</b> -	्ना	히
¥	0:0101		):m:		00	0	ojo	0	00	10	0 0	0	010	0	101	<u> </u>	10	0	9 6	0 0	0:0	101	히
-	ल-स-स-	N141-	1171:0	v	न न	<del>, ,</del> ,	नान	न	ਜ਼ਜ਼	न	ਜਾਜ	· <del></del>				<del>त . ल</del>	: == 1		7.4	· <del>, ,</del>	7 7	1 - 1 - 1	ᆔ
5	00:0:	0:0:0	0:0:0	9101	0101	010	0 0	0	0.0	0	0.0	10	010	9 0	101	910	:0	010	2:0	0.0	00	100	0
Ш		:																	-:-				$\dashv$
ပ	ਜ-ਚਾਜ਼ਜ਼	nimie	1 00:0	4170	1 01		<del>       </del>	.न। :	4 1	· स्न :	7 7	1 4-1	7 -	1:4	<u>i (n :                                  </u>	<del>11</del> 7	· <del></del> -	4	7 4	i.N.	m : M	1	1
8	01425 01426 01427	01429	01431	01433	01435	01436	01438	01439	01440	01442	01443	01445	01446	91448	01449	31451	31452	91453	31455	31456	31457 31458	31459	31460
	01579 01580 01581	Ø1583 Ø1583	01585	01587	Ø1588 Ø1589	01590	01592	01593	Ø1594 Ø1595	01596	Ø1597 Ø1598	01599	91699	91692	01603	31605	91606	91607	31609	91610	01611 6 01612 6		
-					· ;	•																	- 1
	1427 1428 1428	14/2	14	4	44	14:	143	144	144	144	44	<u> </u>	144	144	145	145	145	145	145	145	35	146	440

2
4
表

8K	5	ž			•	:				3494										<u>.</u>			2602	1918		- ;			1	634	:	5010			•	651
B	800	o o	:	-	:				<del></del>	3427			•					:					579	1093					!	118		4532				109
ВН	ŀ	4			<u> </u>	_	-		<u> </u>	i <del>- 1</del>					-		÷	:	<u>.                                    </u>				=	. <del></del>				-	,	<b>-</b>		4				ij
0	١	n :				-		_	-	54						-,			-				90	. W						4	-	7				<u>. 4</u>
B	L	<u>, , , , , , , , , , , , , , , , , , , </u>	-	•	·	-							-			<u>:</u>			· 					2 32	$\overline{}$	i				2 52		6 31				2 394
BF		, ,	:	i						100						•								iœi		:			,	96		95.				99
BE	93550	5000								2324	-						-						8	86		:				889	!	990				918
5	-	<del></del>	16	:	;	911	: 	0	6	3			100	:	160	:			1		_	_	× 86	Š		_	_		_	Š		8	_:-	<u>s: e</u>		M22
AB(	1																													•						
ê	1	•							!	:														- 7			:							-1:0		
MA	Ł.,		:	٠.	i	_1				1		•			:	:				:				: :		- 3	:		:	•	:			0 0		• 1
Α	1_			· .			:													•				٠.		•		- :	•	:				010		1.
Ä	1					- 7																	•											0:0		
AS	Ľ		,16							'							_													:	٠.	,		0 0		
Ĭ	ľ	4:0	9 9	10						•																								9 4		
₹	1	;			:					•														. 1										0:0		
₹	ì	•	•				:			•		,	-													•								910		
¥	L	1	į.	i	i	i			İ	İ	1		1	•	i		i	i	•		;		1 1	: }	0	0	0	0	0	ਜੋ:	0	7	010	0:0	10	0
A	1	016	:										i			:	!							. !	- 1					- 1	•			010		
фG							•		1	:		1					i		:				• ,							- 1				010		
CAI									-																						- 3			914		
$\vee$		-		:	1					:		:											. •	: ,								:		010		1
¥	L	i_	1				:			•					:				÷		1	:				:			:	:	•			0 0		:
>	ı	:			:	:				:		•	•			:							: .											0 0		. :
×	9	<b>9</b>   <b>G</b>	o i cs	) i d	9 6	911	<b>o</b> i	0	-	0	.0	0	10	:0	10	S	010	) ; G		: M	0	0	0	0	0	<u>o</u> i	0	0	0	0	0	0	0.0	0:0	10	0
n	٥	010	010	oid	o i e	o i	0	0	-	0	0	0	10	10	10	10	20	16	0		10	0	0	0	0	0	01	0	01	0	0	0	o i	<b>9:</b> 6	0:0	10
S	G	916	2	ole	516	اد	<u>o</u> i	0	0	10	10	10	0	10	:0	1 0		ıis	olo	i in	न	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	011	0:0	0:0	10
Q	9	S i G	0		S : C	91	0	0	0	10	10	10	6	0	16	20	216	• •	1 6	6	10	10	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0:	Ø -	110	0
0	9	2 0	G	i	9 6	9	0	0	0	6	0	0	0	0	9			6		10	0			0	0	0		0	0	0	0	0	91	9	10	0
5	+	116	o i G	) i c	9 6	91	0	0	0	0	10	0	10	10	0	ois		· <del>-</del>		9	0		0	0	0			91	01	0	0	0	o i	0 -	110	10
K	~	nic	116	10	<u> </u>	9:	01	0	0	9	0	:0	: 60	10	10	115	210	0 6	10	10	0	<del>.</del>	-		<b></b>	_	+1	<del></del>		7	н	-	<del></del>	ਜ∶ ਚ	ंत्न	· 
	L	-			<u>.</u>					•	<u>.                                    </u>		:		. —									•		:							<b>9</b> :0		. 0	10
	-			110	216	5	<u> </u>	6	6	10	6	-	-																							
E G	ľ															- , 3								. س	- ·	0)	، دی	: ت	(O)	00	001	٠ ا		o: c		
	12	7: -	٠,-	١٠,	<del>- ا</del> - ا	<b>t</b> - 1	<del></del>	7	10	; 00	m	<del>.</del> –	4	·	-	1 0	): <u>E</u>	. ^	· : M	32	. ω	· <del></del>	. 7	: 40	<b>~</b>	₩.	<del>~</del>	<u>.</u>	·	11	_	4	7	7 6	· <del></del>	. 4
ပ								_		<del></del>																								7		
В	01461	01467	01463	77,70	9146	7	Ø146E	0146/	01468	01469	01470	01471	01472	01473	01474	01475	01476	01477	01478	01479	01480	01481	01482	01483	01484	01485	01486	01487	01488	01489	01490	01491	01492	01493	01495	01496
	616																																	01599		
٧	6	ร่∶ธ์	:6	116	3 : 6	3	01	6	10	2	6	:ସ	. 010	10	.6	5	16	:6	16	91	91	91(	:ŭ	91	91	10	2	9	8	91	016	916	100	9 6	017	917
	467	463	464	AGE	466		407	468	469	470	471	472	473	<b>►</b>	475	۰۱۰	.	47R	479	480	181	482	483	484	485	486	187	88	189	190	191	<del>1</del> 92	493	2 4 7	496	197
	E	£	F	F	E	Ŀ	_	_	Ė	Ė	Ë	Ë	Ë	E	Ě	ŀ	Ŀ	£	Ŀ	Ě	E	E	E	È			1		14	14	14	7	-	1	7	7

	_
m	7
7	۲
Ħ	ν.
ш	•

뽔		16	7113	}	 !	<del>.</del>			1497			1672	1362		٠.	2745	1167				1000	:	:	<del></del>		-	- - -					
18			222	3 :	:				1052	<u>:</u> 	:	1239			:	322	808	:		-	571	1	-	:		<del></del>	<del></del>	<del></del>				<del>.</del>
H	$\vdash$	·	10-				-	· -		<del>-i</del>	-	:ਜ :ਜ	_		-	10					<u> </u>	<u>-</u> -	; 	: -			!					<del>.</del>
छ	_	17	712	-		· :		· 	1 00	-	:	345		· !		io	4				17	1	:	_			<u>.                                    </u>	-				-
8			4.4				<del></del>	;	4		:	37				2 426	9 36			·-	7 27	1.	· •	:				· 				
18		18	3 8	}: ——				:	8		:	98	18			18	18			:	96	• .	!					· ·				:
BE			M86757	1	:				5330			1750	4043		:	X07743	6843			•	2597					:						
Ö	0:0	1010	2   Z	010	0	0	0	0	3	6	10	₩ ₩	2	10	10	18	8	0:	010	916	X	10	10	0	0	0	0	0,	0	oio	0:0	
₹ B	0 0	01010	2016	्न	0	0	0	0	10																							
AYB		ioic			-																		:									
		101				:					!	:	:	•	1				•	:	:	:	٠,		: ;							
AUAW		1010							4	•		:	•		•	•	: '		•				,		•							
AS	010	10:0	ه اه	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	oje	9	10	0	0	0	0	0	<b>©</b>	नं	916	0	0
AMAGAGAS	0:0	10.0	910	101	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	10	0	0	01	910	916	9 6	10	0	0	0	0	0	9:	7:0	20.0	0:0	0
P	010	0:0:0	0	0	0	0	0	0	0	o	0	10	4	0	0	0	0	7	0	916	010	0	0	0	0	0	0	0	0 (	s e	0	0
¥	010	10:0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	010	010	o i o	0	0	0	0	0	0	01	0 0	210	10	0
¥	00	010	0	10	0	0	0	Ø	-	0	10	0	1	0	0	0	0	0	oie	9 6	9	0	0	0	0	0	0	01	<b>0</b> : 0	9:6	0	0
ব	00	oio	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	-	0	н	0	0	oio	s is	9	0	0	0	0	0	0	0	0 0	<b>D</b> : <b>C</b>	·	0
AEAG		000		:	. :	_ !			,	0	6	0	0	0	1-4	0	0	0	0	9 6	ojo	0	0	0	0	0	6	0	mic	200	210	0
X	1	ioio	1	:	•	!	;		š																					0:0	10	0
AAC		10016				1	:			:	: .	;	:	: .			: ;			;	:	:	. :	١.	. :		:				10	
₹		000	•							:	1									•	*	i	٠.									
<u> </u>		0.0	•		•	- 1			:		1		•										1 1		,	3	:					. 1
≥		000		1 .	- 1		:		•		1			•		2							. :									- 1
믜	_ :	1010		. :	i					1				1	:	: .	. :	,												9:0	0	0
S		10.0				,	!		,	1	1				•						1					:					10	1
0	- 1	1010	•		٠,					•	•	1			,	:						: '	, ,		:							
0		0.0		;	- 1		3			•	:			:		:						1	;								· :	: 1
Σ		0.0	i		_!	_ !	<u> i</u>				!	<u>:</u>		į	1 1	;	:	:	•		10	-	0	0	0	91	Ø i	<b>6</b>	9	9.0	0	0
×		· ল • ব					•				•	: .									i <del>ri</del>	<u>-</u>	:		:	- 1					ابطا	
		1010	1			- !				:		:							- :	•	:	: 1	!			ì						: 1
9	0:0	10.0	9 9	1001	0	<b>6</b>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:0	910	010	io	0	0	0	0	0	0	01	9:0	9 0	10	0
Е											_	. :		:												-						
၁	स्तं त	45	िस्त	. 10	<del>(1</del> ) (	7	<del>-</del>	<del>-</del>	m		7	m	43	. ~	4	<b>o</b>	ın:	4 .	-1 ·	4	l i eri	4	<del>-</del>	ਜ,	ਜ:	m	ᠳ	<del>-1</del> .(	903 - C	a . L/1	• <b>च</b> ा	7
	198	6 8	91	200	8	8 1	Š.	8	200	80	8	10	ᇊ	77	13	14	15	19	- i oc	1.6	20	77	22	23	24	52	56	27	7 28	3 8		32
8	8 8	01499	18	91	8	6	ខ	8	10	915	915	915	915	915	915	915	915	20.5	2 6	915	015	015	915	015	915	915	912	015	5 5	015	915	915
A	91793 91794	01705	01707	01708	01709	01716	01711	01713	01714	01715	01718	01719	01720	01721	01722	01724	91726	01727	27.70	31730	31731	91732	91733	91734	91735	31736	31737	91738	01/39	11741	1742	11745
						,				_	_					_			•			٠ :					•					ı
	496	500 501	505	505	504 FAR			Š	208	509	510	511	512	513	514	-	516	517 510	5 5 19	520	521	522	523	524	525	526	775	328	222	333	532	533
				-		<u>-</u>  -	_	_					_				<u>-</u> [			E	E	-						<u>-</u> [-	E	E	E	

	1 1871		100:17		T-21-21-2	
Ж	2177	2	375	4354	2428 1098 1478	
8	85.0	8)7	1615	3963	2120 906 1105	
H	ं स्तर	<b>-</b>	.स.स. -	ांस स्	। लाळाल	
BG	.0010	Λ .	18:1	885	85.4 7.4 11.	<del></del>
	16-10 1910	7:	4 31	· iw iw	14   D   W	: :
18	.26:5	) )	. Q : Q	76 8	19:9:	
BE	73685		84739 80594		1094 11094	
Ö	010:0:0	< 	_; : <b>∑</b> ∤>:	0 0 0 0 0	0 0 0 0	0:0:0:0:0:0
₹AB	७।७।७ <sub>:स</sub> ः	S:0101010:0:01014-410	0:0:0:0:0:0	10.010:0	101010101	0:0:0:0:0:0
AYB		9191919191919191919			:	
	0000	0.0.000000000	910.010:0.0.H	10.0:0:0	10:0.0.0	000000
AGASALLAW	0:0:0:0	0000000000000000	00000000	00000	1000	ତାତାତାତାତାତାତା ଜାତାତାତାତାତାତାତା
ত্ব	01010101	910-410101010101010141010	91919191919	0000	00000	4:0:0:0:0:0
A	0:000:0	00 4000000000000	o lo lo lo lo lo lo lo lo lo lo lo lo lo	00000	1010 010	0000000
Ad		010 0 0 0 0 0 0 0 0				
AKAM		0.0.0.0.0.0.0.0.0.0.0	1 1 1	1		
	L:	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0			1	
AI		000000000000000000000000000000000000000				
AEAG		000000000000000000000000000000000000000			1	
S		ତାର ତାରାରାରାରାରାର ବାର ତାରାରାରାରାରାରାର				
AAC		00000100000			·	
ע		9.9.4.9.9.9.9.9.9		1	:	. 1
<u> </u>		000000000000	( : -	. ; .	<u>:</u>	
×						0 0 0 0 0 0
) O		0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	i , 1 ,			
Q S		ଚ:ଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡା		·	1	010:010101010
0		0:0:0 0 0 0 0 0 0				i
Н		0.010101010101010		: :	;	
Σ	i			. :	:	•
I 시		V		•		
		, o:0:0:0:0:0:0 0 0 0				
9	0:0:0:0	0:0:0:0:0:0:0:0	010:010:010:01	0101010	1010:0101	010:0:0:0 010
ш				·		
ပ		v H·4·H·W·WimiHik·MiF				
8	53.53	01538 01540 01541 01542 01543 01545 01545	5.55.55.69 5.55.50 5.55.20 5.5	555 555 556 557	5559 560 561	565 565 565 565 565 565 565
Ц	8 8 8 8	8 8 8 8 8 8 8 8 8	2.2.2.2.2.2	8:8:8	8 8 8 8	8 8 8 8 8 8
٧	01746 01747 01748 01749	01751 01752 01753 01756 01758 01760	01764 01765 01766 01766 01768	01769 01770 01771 01771	01773 01774 01775 01776	01778 01778 01779 01780 01781 01782
	330	1539 1544 1544 1545 1545 1546	4 2 2 2 2 3 3 4 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5 5	2202	60 <u>-</u> 53	247.07.86
	<b>565</b>		7575	15 15 15 15	15(	15(

		ੜ	-		<del></del>		<u> </u>				-	20									_	<u>ດ</u> :	1.0	0116	· ·			116			21:15	
黑		1401				1301	· !					322			į		•			:	!!	139	10	4 ×		1305		2616	4		1107	
80		1101				1011			i			2924			:	:		-		:	1	1142	:5	619		618	. :	2304	5	!!	741	
BH		٦.	;			-	1				-	ਜ		_	 !	-	 :	:		· ;		<del></del>	1.	1 -	1		:	-	4		<del></del>	١.
86		301	:			295	1 :					285			<del>-</del>	<del></del>	-	-		,	:	262	10	756	) }	204		210	}	19	322	<u>.                                      </u>
18		6	:	:	:	95.9		-		:		m			:	-	-				1	00		9 -	!	86	- ;-	io	?:	:1	20	1
F	-			:	: :		<del>.</del>	· 			:	6			!	: 	<u>:</u>			:		S6 :	;	8	∑: 	:		10	⟨.' 		8	
띪		0320	:	į	:	03411	1	:	:			20859	:		•		:	;		:	- 13	2908	100	8485		1353		69738		!!	212	
O	0	<u>등</u>	0 0	0	10		١,	0	10	10	0	ٔ ب	0	0	0	0	0	10	0	01	- 19	8	9 0	3115	1.	포	016	<u>:2</u>		-	Nes a	6
8AB																															916	
AYB																															0 0	
F																															910	
B	0	ां	9 0	0	0	6	m	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	01	010	s ; c	0 6	0	10	0	0 0	9 6	:0:	0,0	) (O	10
AS	1																					:									910	
Ad																															010	
Ad					1				٠.		. :		•			-									100	0	9.7	1169	( <b>©</b> )	010	010	10
AKAM				-			i	- 1	:		٠.					-			•			•	9 4		: :	:		1	i.		9:0	:
			9 6				! :					!		1					:	1		:	i_	!	1_:	. :	. :	:	į ·	:	0	
<b>GAI</b>	L.				:		•		-	٠,								0													010	
ABAG			-i G			•						:	i	1							:		- 1		: .			•			0:0	
प्रे	0	910	916	10	60	0	'n	9	0	0																					010	
\$	01	9	210	10	0	0	0	0	0	m	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	وأح	9 0	2 1	1 0	60	7	: © ©	0 0		0:0	010	9
>	0	910	20:00	io	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0:	0	0	0	0	اه	<del>5</del> ,	410	<u> </u>	7	<del>-</del>	0	0 0	; o i <b>o</b>	10	0 0	010	<u>.</u>
8	-10	sic	2 6	:0	10	0	mi	0	0	0	0	0	01	0	01	0	0	01	0	0	910	u c	ماد	ंत्	i o	01	010	010	0	0 0	र्गना	0
ח	0	20 0	0 0	0	0	0	न	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	010	5 -	1 6	9 m	10	0	<u>.</u>	0 0	0	0	0 0	0	0
S					1 1						;	- ;	•	- 1									- ;	0	6	01	0 0	0	0	0:0	) re-1	0
Q			9:6	*			٠.				:										,	•		0							101	
0					: .					- :	:		:							•	i		÷					ï			010	. 5
Σ	010	2016	910	<u>.                                      </u>	-									- 1					:				:	:	į i	010	0	ग्र	101	0:0	101	0
X		<b>-</b>	٠.	•			٠ :					ŧ									:		410	;		<del></del> -	7;-	ं स	·	<del></del>	••	F
_				: .	. '	i							:							2		:	•		1						10:0	
9	010	916	010	9	(0)	0	0	<b>6</b> 1	0	01	0	0	0!	0 i	0:	<u>o:</u>	<b>0</b> i	010	<b>S</b> : 0	916	010	016	0	0	0	0	910	0 0	0	916	10	0
ш	:	:					:	:		;	:	;	:							,		:	:	: :	-						-	
ان	<b>717</b>	-1 : Q	o - <del></del>	i M	<del></del> i-	Ω.	34	٦,	91	9	लः	<u> </u>	<del>-1</del> :-	Η,	7	7	<b>~</b> :	<del></del>	4 .	<del></del>	114	11.	47	15	7	ლ : (	Vim.	<u>ं</u> न	· <del></del> 1 · ·	-	l in	ဖ
ı	<u> </u>	<u> </u>	<del></del>	:							ئىر	_		:											:							
<b>m</b>	1569	֓֞֝֝֝֡֓֞֝֟֝֟֝֟֝֟֝֓֟֝֟֝֓֟֝֟֝֓֟֝֟֝֓֟֝֟֝ ֓֓֞֓֞֞֓֞֞֞֓֞֞֓֞֞֞֓֓֞֞֞	1572	1573	1574	1575	1576	1577	1578	1579	1586	1581	1582	1583	1584	1585	1586	1587	1788	200	200	502	593	594	595	596	598	8	8	20.00	01603	8
_	<u>4:π</u>	) . G	9 69	· 60 ·	0	0	0	0	<u>~</u>	<del>d</del>	0	ن وي <del>درو</del>	s . c	<u>s</u>	0	9	ن وه -	60 6	2 S	s 6	, <u>e</u>	<u>.</u> <u>e</u>	8	2	8∷	8 8	<u> </u>	<u>8</u>	8.9	2 2	:ଟ:	8
A	178	178	178	178	178	179 9	179	179	179	6	179	179	2	ñ	1799	180	180	180	001	1000	200	1807	1808	808	1810	181	813	814	1815	817	01818	819
		•				:					•	•																				ŀ
	2	7	3	74	2	9	1	0	2	<u></u>	- c	700	000	† <u> </u>	n N	0		000			2	1	14	ल	9	<u> </u>	စြာ	O	<u>_</u> r	ų m	4	2
	갼	, 1	3	7	2	2	얏	٦	۲	<u>~</u> [	ň	ř.	Ď.	֓֞֝֞֟֝֞֟֝֞֓֓֓֓֓֓֓֓֟֟	۲	č	ř	Ž	žĘ,	7	<del>بر</del>	159	133	159	- - 25 - 25 - 25	S D	59	9	<u> </u>	36	604	မ္မ
		т					1	<u></u>		Ľ							Ľ	Ľ			Ľ	ľ	Γ_	Ш	<u>`</u> _[*							

ဖ
4
恢

¥		Ø15			402	i joi	642														
$\vdash$	.4.6	1:4			· ~-	. —	·					·									
8	.ω	•			1201	1580	143	:	:				,		• •						÷
匿		4			· स्म	1	-	-											<del>:</del>	<b>-</b>	
188	12:4	112			202	219	•						:		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		+		<del>.</del>		<del></del>
띪	1001	18 10	. ,	: :	98	96.8	m												<del></del>		
$\vdash$			<del>- :</del> -				. m		<u> </u>						•				<del>,</del>		
出	X06256	1584	:	: ;	76302	134	481														
8	0 0 0 0	10.0	000	010	Ø Ø	18	Ø (	910	010	0.0	0010	0:00.	010	0	010	0:0	: O (	010	0.0	D · O	010
ব	4:01010	1010	01010	00	नाठ	0	010	र्ग स	010	010	010	101	010	010	010	010	1010	010	1010	0:0	00
AMB	1	100			•	1 :							•								•
AUAW	0:0:0																				
N. S.	0:0:0:0	<u>। छ। छ।</u>	01010	0101	010	أسأ	0:0	9:0	0.0	0:0	0 6										
AIJAKAMAGAGAS	0:0:0:0	<u>:</u>	01010		:	:									010	<u></u>					0.0
ğ	0:0:0:0											1:01									010
Z	0101010	1010	000	اهاه	0 1	न	010	اهاد	0 0	101	0:0	oioid	9 6	10	010	, 	010	0 0	010	9:00	010
AK	1	100	. !			i .								10	00	010	ioi	oie	010	9:0:	00
AAI	0101014					: :			;	:			9 0	0	010	010	010	0 0	10:0	o io	0 7
AEAG,	@101010 w:0.0.0				010				010												00
AC	H:010:0	10101	010	0101	00							ाळा जना	:							0:0:	010
<b>₹</b>	0000	छाला	000	9 0	0 0	<del> </del>	010	اهاه	010	ioi	o je	1010	0.0	0	ماه	0 0	910	010		9:69:	00
۸ ا	010.010					;		٠.			•			1 !	:				<u> </u>	0	
٨	H10.W:0	;						_				ioi									
U	0.0:0.0														010	010	010	0	0:0	9: <b>9</b> i	0 0
S	0:0:0:0			1																	0 10
0	0.0.0.0																				i
0 W	0.010.0	<u>.                                    </u>		. ! :	•	:		! ;	:	. :	:	1010	•	: .	:						@   @
X	T-T-72-7		•	*		ł		• .				:	•	:							
	0:0:0:0		•																		
5	0.0.0.0									•	•										
ш			<u>:</u> -		:	· .															
	9: T.V. 4	H: m. (	٠. ١٠	٠٠٠٠	m m	<b>00</b> (	<del></del>	l: W·	<del>.</del> ا	17/1	7:m	1714	- 		٦.٧		<del></del>	114	<del></del>	<del>1.</del> ⊢	
ပ			• •																		
8	01605 01606 01607 01608	619	612	614	616	617	618	620	621 622	623	625	626	258	929	530	332	533	332	536	338	9
	<u>8 8 8 8</u>	9.9.9	2:23:E	2.2.3	2:2:	8::	2 2	8	9.19	16:1	3:5	8 8	9 19	ह	916	8	2 2	ะฮั	10.0	8	916
$\forall$	01820 01821 01822 01823	11824	1827	1829	1831	1832	1833	1835	1836 1837	1838	1840	1841	1843	1844	845	1847	848	850	1851 852	853	855
					;								i								
	606 608 608 609	0 - 6	4 3 1	5	1617	<u> </u>	202	21	232	24	26	2 2 2 2	295	30	32-	33	8 դ դ	36	38/	ရွ်	<u> </u>
	1999	16	100	1-16	9	16	<u>1</u> 9	19	<u>9</u>	91	10	9	9	9	<u> </u>	9	9	9	9	9	<u>ف</u>

~
4
表

																- 1	i 🏊 ·								0									
L	:	1797											•			: !	477							•	4740									:
m		1612						:	:			_				. !	136				•	-			4588									
표		Φ.							=		_	:	:	,		, !	н	<del>-</del>	÷				;		-	-		-				;	-	!
BG		186						_				<del>-</del>	<del></del>	•		_	29	-			<del></del> -		-		200	<del></del>		<del></del>						-
М		100						<u>-</u>	:		:	<del>-</del>	<del>:</del> -	<u>i                                    </u>		- 1	4			<del>-</del>	+		:		3 15			<del>-</del>				÷	<u>:</u>	-
描		<u> </u>							:			<u>.</u>					ந	-						i	66							•		
BE	:	M33146		:						:						1	932		:						490				•	ı				
LI	0	<u>8</u>	91	0	91	01	0	0	0	0	0	·	0	0	0	0	9 M13	0	014	- · · · ·					M15	•	<u>.</u>		<u> </u>	<u> </u>	<u>~</u>	916	<u></u>	
										-	:		:	:						916			1	. ;	:				į	•	,			
AYBA			:								:	•	t .	:	: :					9 -					•									
옿		नः		_ :			:	: :	:	:		i	ļ							9 6	•	•	; ;	•	,		:	:				:	,	
4		:		. :	:					:	:	;								716			: :	٠,										<u>:                                      </u>
		:								-	:	! '	ì		• ;		- 1			5 H	1.			. :				- 3	- •	- •	-	916	:	_
8													0																			0:0		
8							:						:				,			916					٠,		-	-	٠.	-	-	910	_	
Ž								٠.			:			•								1			1									
₹		<u> </u>	_1		_ ÷		:			1	:	:		I	i	. :	i	•	:	9 i 7	:	1	: .	. ;	i	:	1	į	- :	- :		•		
≰	<del>-</del> :		= :		:	- 1	_ ;	;				7	:		. :		:			9 ; <del>⊢</del>					:			- 3						0
₹	01	<u> </u>	<u> </u>	8	H 11	~!	0	-	_	1										110			:		:			:				:		0
ABAG	8	8	9 1	9 1	917	<del></del>	0	-		:					:		:			9 i ल	•		: '		i		,	:			<u>.</u>	<u>:</u>		0
성							<u>a</u>	7		,										9:0 9:4												910		0
						-		•		:			i	:			- :			S 60			•	- 1	- 4		:	:	-					: 1
1						:					. :	: 1			: :		- 1				1	:		- 1	:		- 1	•		:				0
		<u> </u>								-	:			:			:			9 9		:	:											0
<b>&gt;</b>			:									: 3			. :					910			:											
							1			•					, :		:	- 1		0 0		1		. 5	ł				0 i	910	s)∶¢	910	10	0
3		010	30 11	30 1 C			ا ن 					:			,					5 . ←				:	:				01	<b>S</b> : 0	9.0	910	mi	0
0	01	910	S) : C	<u></u>	9 . 6	9 ! 0	<u></u>			•	:				٠.,					916	•				- 1									- 1
_				- 1			:	•				i			. :		- 1	- 1		9 6	1	. :	1		- 1			:		ï				- 1
Σ	<b>0</b> ::	9:0	9.0	910	910	S) ; (	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	010	0	0	0	0	01	0	9	s i	9	910	9 6	0 0	0	0
Χ,			<b>⊣</b> · •	٠.	٠.,	٦.,	н.	<del>-</del>	7	7	H		-	-	-	4	-	<del></del>		<del></del>	-	न	н.	-1	7	<del></del>	<del>- ;</del> ;	<del>- 1</del> .	<del> j</del> :	7.7	٦٠,		<del></del>	ᄀ
- (	0 .	0,0	S . C	9:0	9;0	\$ : 0	9:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:0	<i>2</i> 9 : 0	910	10	10	0	9	01	011	910	5	011	<b>S</b> ! C	<b>D</b> : C	010	0	0
5	0	0:0	9:0	916	9:0	910	9!	01	0	0	0	0:	0	0	0	0	0 !	0 : 0	516	910	:0	10	01	0	0	010	910	910	910	516	9 6	0:0	0	0
ш							:	<del></del>		!												<del></del>				•								$\dashv$
υ,	ω. i	۰, و	- r	7 - 4	<b>*</b> · ¢	9	H.	<u>ജ</u>	7	7	7	^	₩.	₩:	7	<u>ω</u>	ਜ:	HIG	7 · n	্র	100	. 7	н.	<del></del>	m:	<del></del>	nic	711	<del></del> -	4	4 6	1.0	: <b>o</b>	ᆔ
	<b>—</b>	N	n · •	+				: 00 :		~	-4:		~	_							:				;									
8	0164	0164	1010	1010	1010	6 To	0104	0164	01645	01656	0165	0165	0165	0165	01655	01656	01657	01658	21025	01661	01662	01663	01664	01665	01666	01667	DO CO	SOTO	9/919	17910	21672	31674	31675	91676
	82.0	200	0 0	U : 0	9 4	To a	702	863	2	365	998	367	868	99	870	371	372	2,73	7.75	01876	177	8/1	80		282		4	016	9:10	0.0	0.0	3.8	91	76
																																		- 1
C	74	740	K	15		0	e k	24. 2 k	Š	51	52	53	54	55	26	ŽĮ.	χk	200	2	662	63	64	5	90		000	200	2	-1:	73/	4	3	9	d
2	Ľ		-	E	£					9	9	9		9	16	٩		ט ע		16	9 [	16	9	9	٥,	9	0 2	)  -  -	0 0	טע	- <del> </del>	9	9	19

<b>I</b>	Т		_		19	2		10					iç	17		- 7,	<u>~</u>						·-					
黑					1246	_		2939			:		199	18		- 1	3723										579	
8					104	5		2804					1871	669		1	2593		;			:			;		516	
H					-	1		· <b>-</b>				-	:=	· <del></del>			7		<del>:</del> -				•				<del></del>	<del></del>
86	T				145	}		136			÷	÷	126	6		. :	<b>77</b>		<del></del>			<del> </del>					:49	<del></del>
BF	1	•	 :			<u> </u>		į	. :	$\exists$	- :	-:-	.2	18		11	•			-;	<u>·</u>		<del></del>				100	
12	L				- 6	` 	<u>.                                    </u>	8	·				18	<u> </u>	• ;		8: 		:	•	•	i .					: 21	
H					K00557	}		8252				:	510	1129	. :		7:										9870	•
				<u> </u>	8	_		웃	_		<del></del>			::0		15	77		. :								N	
ABC																												o lo im
AYB,	6	6	0	010	910	10	10	0	0	011	e i e	9 6	9110	10	100		2:0	010	10:0	010	0	010	016	10	010	9 · Ø	· ল : e	01010
MA	0	10	0	010	910	- 6	9	0	8	612	9 6	316	16	10	0	0 .	416	10	10010	910		wie		्ना	Ø i	<b>9:0</b>	NIG	91014
SAUA	0	· e-i	0	0:0	<u> </u>	10	0	0	<u> </u>	910	9 6		100	100	6	o i c	916	100	010	9 ' 6	0	22	216	101	0	910	بخازه	9 9 9
S	0	10	0	010	ु ल	0	10	0	<u>0</u>	010	916	0 0	10	10	0	0:0	916	10:	010	010	101	910	216					• •
AMAGAGA																		0:0:									· +-1 6	
Ò					9 i M							_													0:0	-	m e	0:0:0
3	0	0	0	010	<u>ه . ط</u>	0	0	0	0	0 .																		imiel
¥																												1101m
F					010		1					•		•			•		•			:		٠.			HIG	
BAG BAG	0	٠٧.	0	<u>ा</u>	010	0	0	0	0	0	9 6	0	0	0	010	0:0	0	10:									716	
A.		0		-		101	0	0	0	ماه	o i e	0	io	0	010	910	0	0	010	010	o	0	9 ! 6	101	0 0	0:0	नांड	١٥١٨
																												010
													- 1	:														100
					0:0																							N 10
																												100
																												000
												•									:							1014
0	0	01	<u> </u>	210	10	0	01	<u> </u>	<u> </u>	2010	916	10	121	01	010	910	110	· <b>©</b> i	0:0	0:0	101	Ø≀6	0:0	: <b>©</b> i	010	:0	010	1010
																											Ø . H	10:4
						- 1		•				:			,				0 0			- 1						10:0
																												च स
																					. :							1010
<u>ဗ</u> ု	<b>S</b> :	<b>6</b> :0	s (	9:0	101	01	0:0	0 10	910	9 : G	010	10	0	01	010	016	110	010	010	10	01	010	0:0	oio	0:0	.0	0.0	00
ш																				•							•	
اں	<b>-</b>	۰ ۸	7 - 7	4 - 4-4	14	ਜਜ	<b>H</b> · (	7:0	<b>V</b> :0	י מי	m		77	4	H   6	2:00	.7	mi	HIM	न	2	71-	ा त्न	W) (	Vim	<del></del>	3.4	18:51
		~									:						_	_			•							- 1
8	)   	1678	200	1681	1682	1683	1684	200	697	688	689	969	691	692	693	695	969	697	669	8	701	20.00	\$	8	8 6	80%	8 5	Ø1711 Ø1712
1	<u>-</u> -	Ø : 6	s 6		; 65 	<u>s</u>	8 6	5 6	3 6	2.6	12	<u>.</u>	정:	200	 2	2:2	.6	<u>8</u> :8	2.9	8	8	5 6	16	6	9 6	01	9.5	917
۷ ا	20.	1895	1007	8681	1899	861	198	200	0 0	985	986	907	88	8	21.0	912	913	914	916	917	918	320	921	276	324	325	326	01928 01929
7	9	0 6	9 6	ତ	0	6	Siè	s 6	કોંઇ	5 B	. <u>2</u>	8	<b>6</b> :	ଅ:	2 2	2 8	6	6	3 E	8	6	916	8	219	9 2	917	919	919
_ a	oķ	ماد	ξE	2	2	<u>4</u> F	Ωļu	0	- la	50	0		Ž k	nk	+	90	N	∞ lo	00	<u>, , , , , , , , , , , , , , , , , , , </u>		<u>14</u>	<u> </u>	9	-lm		<u> </u>	<b>6</b> 155
6	3	عام		100	<b>89</b>	200	000	o g	280	68	69	69	69	S C	59	69	69	69	700	2	28	92	6	000	2 P	60/	E	
	_r					_[										上		<u> </u>	-			F		上	-1-	Ŀŀ	<u>-</u>	

A   B   B   B   B   B   B   B   B   B	
No. 2012   12   12   12   12   12   12   12	
Name	!
Name	i
Name	
A M B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	
A   A   A   A   A   A   A   A   A   A	
Name	
Name	01010
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	·
A B C E E C C C C C C C C C C C C C C C C	
A B C E E C C C C C C C C C C C C C C C C	
A B C E E C C C C C C C C C C C C C C C C	न न न
A B C E E C C C C C C C C C C C C C C C C	:   Ø   Ø   Ø
A AAAC         B B         C B	0:00
A AAAC         B B         C B	000
A         B         B         C         C         A         AAAACABAGA           07375         067375	000
A B B C C C C C C C C C C C C C C C C C	000
A A         A A           A P S S S S S S S S S S S S S S S S S S	000
A A B B C C C C C C C C C C C C C C C C	
A         A         B         B           073376         062234         062234         062334         062334           073378         062234         062334         062334         062334           073386         062237         062334         062334         062334           073387         062234         062334         062334         062334           073387         062234         062334         062334         062334           073387         062234         062334         062334         062334           073388         062234         062334         062334         062334           073389         062234         062334         062334         062334           073399         062234         062334         062334         062334           073399         062234         062334         062334         062334           074401         062334         062334         062334         062334           074403         062334         062334         062334         062334           074404         062344         062344         062344         062344           074605         062445         062445         062444           07460	01010
A         B         C         E         C         E         C         E         C         E         C         E         C         E         C         E         C         E         C         E         C         E         C	0000
A         B         C         B           07375         06214         2         0         0           07378         06215         1         0         0         0           07378         06216         1         0         0         0         0           07378         06216         1         0	
A         B         C         B           0/3374         06213         1         0 <td< th=""><th></th></td<>	
A B B C C C C C C C C C C C C C C C C C	·
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	. :
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	
A   B   C   E   C	101010
A   B   C   E   G   G   G   G   G   G   G   G   G	101010
A   B   C   E   G   G   G   G   G   G   G   G   G	0000
A         B         C           07374         06213         1           07375         06214         2           07376         06214         2           07377         06216         4           07378         06218         1           07378         06216         1           07381         06224         1           07382         06224         1           07383         06224         1           07386         06224         1           07387         06226         1           07387         06226         1           07387         06226         1           07387         06227         1           07387         06226         1           07387         06226         1           07387         06226         1           07397         06231         1           07400         06234         1           07400         06236         1           07401         06246         1           07402         06243         1           07403         06244         1           07404	10 0 10
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	
A         B           07374         96213           07375         96214           07376         96215           07377         96216           07378         96217           07378         96218           07378         96218           07380         96218           07381         96221           07382         96221           07383         96223           07384         96223           07387         96224           07388         96223           07389         96223           07390         96233           07391         96233           07392         96234           07393         96234           07394         96234           07395         96236           07396         96237           07397         96236           07400         96240           07401         96240           07402         96241           07403         96244           07404         96244           07405         96244	· ल · ल · ल
A 67375 67376 67377 67378 67388 67388 67388 67388 67388 67388 67388 67388 67388 67388 67389 6739 673	
A 67375 67376 67377 67378 67388 67388 67388 67388 67388 67388 67388 67388 67388 67388 67389 6739 673	247
	298
	403
	666
4 1 9 1 9 1 9 1 9 1 9 1 9 1 9 1 9 1 9 1	<u> </u>
	24 24 24
	ဖြေဖြေ

	_																																		
뽔		:	•		:							:								: .	:										2271		5487		
8		-	-				_			•	<del></del>	ĺ			 i	:			:		•	<del></del>	:			:	-	-	:		1990		5299	;	
H	T		-	;	:	-		<del></del>	<u> </u>	<del>!</del>	<del></del>	! !	<u> </u>	<del>!</del>	<del> </del>	<del>!</del>	-	:	-			-	<u>:</u>		_;		-		_		-	<del>-</del> ;	<del></del>	<del>-</del>	$\exists$
Ö	T	;						<u>.                                     </u>		<u>-</u>	<u>.</u>	· 	-	]	<del>:</del>	:	-	· ·	-			<del>-</del>								<u></u>	280		<u></u>	-	
8	H	:	<del>-</del>	<del>:</del> -	:		<u>.                                    </u>	<u>.                                    </u>		<u> </u>	<u>!</u>	-	<u> </u> _		-	<u> </u>	<u>:</u>	-		-	:	<del></del>	_	_					<u> </u>	•	2		7 19		$\vdash$
8	L		!	:				•				: :	1	:			:		•			:		1		į					92.	i	က္တ	:	
BE		÷	:		! :	,				:		!	;	:	:	:	-						-:	:			:				M99436	,	535	-,	1
Ļ	Ļ		Ĺ	:	:							<u> </u>	_	:	<u> </u>	:						:									<u>§</u>	i	225		
M	<u>.</u>	•	<u>i</u>	:	•			•		:		:	•	: .			:	•	;		•						•			!	i		0 0	•	1
BA	ł	- 1		•	1			1 !	٠,	i	:	ì		: 1	:	:				: :				- 1		;							A10		
AYB,	_		- i	1	í	1	1 ,			;	•		i							. :		- 1	:		. 1					•			0 0		
AUAW	Ĺ	å.	•	<u>:</u>	!					i	i	1		: :	:	: '	,	•			- 1	- ;	•	i				•	•	1 1			010	1	: 1
¥	_	<u> </u>			<u>:</u>	<u>.                                    </u>				:		• 9	!		0	0	0	0	0	0	o i	01	0	0	0	0	9	0	0	0	0	01	010	0	0
AS	1		•		:				. :	:		i <del>e 1</del>	•		· 🕂		<u>-</u>	-	+	7	<del>(1</del> ·	ਜ∙	Τ,	ਜ:	٦.	-	नः	7	-	-	<del></del>	-11	<del></del>	1. <del></del>	न
Ad	L			-	:																												010		
8	9	916	) ( <b>0</b>	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	ØÎ	0	0	01	0	0	0	0.	0	oio	o i o	ि
AMAO	9	9 6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	(S)	0
AIAK	6	9	0	10	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0 0	0	0
	G	oie	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ol	<b>O</b> :	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	10	0
ABAG	ē	10	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	<u>ां</u>	9	ि
A		-2.						. '			•																						010		
AC	S	9 6	10	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	0	601	0	0	9	01	0	0	0	0	0:	01	0 0	oio	10
₹	S	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:0	10	10
7	G	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	0 0	6
₹	S	10	: 0	ंड	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	0 0	0
	G	10	10	6	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	0 0	10
S	s	10	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	0	10
0	s	0	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 6	. 0	10
6	G	0	6	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	910	10
=	ø	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S)	<u> </u>	0 0	0
1	L	i	:	:	<u>!                                      </u>							i !		: 1		i .			•	1			- 1	:		:							0.0	i	. 1
K	L	,		:	:	:													i				:		•	•		:		:			0:0		
	L			,	· 				:														•	:		:	•						:		: [
5	c	110	.0	1 <b>0</b>		:01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	© i	<b>©</b>	<u> </u>	<u>0</u> 1	0	0	01	0	0	0	<b>9</b> 1	0 0	10	10
ш		•		:			_																	-											$\Box$
	-	्न	7	·M		- +	Η,	7	-	-			7	-	H	-1	Н	н	<del>-</del>	m.	<del></del>	н	7	<del>.</del> .	<del></del>	<del></del> 1 -	4	7		-	=	<del></del>	7-4-	ı · 🗝	ᆔ
ပ			:					:			. :																								
	64	Š	.51	52	53	54	55	26	22	28	23	8	61	123	63	8	65	9	29	89	61	9	7	2	23	4	2:	9	22	28	2	8.	2 2	83	2
<del>m</del>	96	9	96	90	8	ğ	90	ğ	8	96	96	790	962	9	790	962	790	962	9	8	9	90	962	962	962	962	962	862	962	962	962	962	96281	962	962
																																	443		
4	974	974	974	974	974	974	974	974	974	974	974	974	974	974	974	974	974	974	974	07430	974	974	974	074	974	074	974	974	974	974	974	974	470	974	974
<u></u>								. :		:	:	1	İ															1	:					:	: [
	20	2	52	53	54	53	26	2	28	29	8	61	29	63	64	65	99	29	68	69	2	-	7	2	7	S	9		8	62	8	8	0202	84	83
	62	29	<b>6</b> 2	29	62	29	2	2	2	62	29	62	62	<b>62</b>	62	62	62	62	29	62	200	200	70	29	3	79	29	8	29	62	29	79	2/2	29	29
		•	•											ш	_				لب															17.	لـــا

	Т		_			_						_	_			_		_	_	_													_						
æ									:	:																								•					
18										:							:	:			:			:		•		:	:	:					:		٠.		
표					+	-			-	<del>:</del>	<del>:</del>				:		1	:									:	-	<u></u>	:-	:		_		:				
BG	T			<u>.</u>	÷	_			;	:						<del>.</del> .	÷	:		-	<del>!</del>	·				-:-	<del>-</del>	:		-	-		-	•	+		;		·
	t			÷	<del>-;</del> -	_			!	-		-			-	:						_	· -			-	-		<u>:</u>	· -	<u>.                                    </u>		<u>:</u>	:	-		<del>,</del>		-
⊠					:					:	•							;	;		:						:	į	!	ŧ.			i	:	:	٠			:
ш			•	:	;				:	:					; }	i		_				_				:	-		:		:		2	-					:
H	l		•	1	:		٠		:	!					:	•			:						:	:	:	į		:		:	:	;	:	ı		:	:
BC	6	2:0	10	o i d	s i e	<b>S</b> :	0	0	0	6	10	1 (	0	0	0	is	ie	5 i	01	0	10	0	:6	016	)   6	16	10	10	0	0	6	:	ie	216	916	<b>3</b> ( c	S : 6	: 6	10
ব	G	) (S	) ; ;	110	o i c	9:	0	0	0	6	10	) i (	0	0	0	İ	ie	91	0	0	0	0	S	016	10	10	10	· <del></del>	0	0	10	10	ie	10	Di G	9:0	0:0	0	10
AYB	ē	0	: 0	o i d	٥١٥	5	0	0	0	6	io	1 (	0	0		6	10	ا د	o į	0	0	0	6	210	0:0	ie	0	0	10	0	0	6	İ	olo	9	• •	916	0	10
AM	6	2	ie	<u>ار</u>	o i c	91	0	0	0	jo	0	114	0	0			ic	91	0	0	0	Ø	16	16	0	10	10	10	0	0	0	0	is	9 6	0:0	010	216	0	0
SAU	G	o i c	iic	10	o i c	9	0	0	0	0	10	110	<b>S</b>	0	0	16	id	<b>○</b> : €	0	0	0	0	10	016	o i G	16	10	0	0	0	0	10	is	0	o i o	9:0	010	0	0
I	ľ	 -		1:-	1 : -	<b>-</b>	<del>-</del>	П	<del>, , ,</del>	<del>-</del>	; e	:	П,	-	Н	-		-4 i ·	<del>-</del>	<del>-</del>	-	. =	;	••	4	<del></del>	् ः	H	न	<del>-</del>	• • •	-	٠,	110	1. ←	1.4	1.	1.4	न
Ad	<u> </u>																	- 1												:							) : C		
Ad	L		·		1					1					1	:	•	•					:									:		٠			916		
AKAM									:		:				:	:	•	- i					:							:							9 6		
	L		·-	<u>.</u>	i_				<u> </u>	:	i _	:			i	•					:	:	•		:	į	,		•	i	:	i	į	:					
gAI	_				- 1				:	•							•	:			:	:					:			:	ì	:		•	_		0:0		
AEAG	ـــ				<u>:</u>			_	:	_									:		:	i	•				,				:		:				2:0		
AC/	<b>!</b>														•				:		:		•			1		:	:	:	1 .			1	- 1		010		
ব	ē	0.0	) ! @	916	910	9 !	0	0	10	6	16	1 (	9	0	0	10	اه	9 i	0	0	0	io	is	10	10	6	10	10	0	10	10	0	IC	o i c	010	S : C	<b>S</b>   <b>C</b>	10	6
YA	ē	9 6	. 6	0	9 : 0	8	0	0	0	6	10	<del>:</del>	0	0	0	6		9	0	0	0	0	ic	. 6		6	0	6	6	0	.0	0	6	1 6	. c	5 6	o   6	. 0	0
3	G	0	ie	910	<u>,</u>	9 :	0	0	0	10	0	<b>)</b> ; (	Ö	0	0	0	16	s :	0	0	0	0	0	. 0	0	10	10	10	10	0	Î	0	6	10	0:0	<u>, c</u>	9 6	100	0
П	G	916	) : G	010	910	9:	0	0	0	10	10	, ;	0	0	0	20	10	9 1	اه	0	0	0	2	9 6	0	1 6	10	i o	9	6	0	0	16	o i o	0.0	9 ! 0	2 0	10	0
S	G	9:6	10	0 0	oid	5	0	0	6	6	100	5 4	0	0	0	is	:	10	0	0	0	0	is	9 6	0	110	io	io	9	0	6	0	: 6	0:0	010	<b>&gt;</b> : 0	2 6	0	10
0	G	16	ie	010	o i d	<b>S</b> i	0	0	0	60	60	į	0	0	8	S	ije	91	0	0	0	0	10	2	9	ie	10	0	0		10	160	. 0	o i o	9 6	<b>9</b> ' 0	2:6	0	10
0	٥	0 : 0	: c	910	910	9 :	0		0	0	:		0	0	0	0	10	9 i	0	0	0	0	165	) (S	2.0	169	10	ंड	10	0	0	0	ie	5 i G	0:0	9 : 0	9 6	9	0
Σ	G	. 0	) : 6	9 6	910	<b>S</b> .	0				0														0	je	0	0				:0				S : C	9 6	:0	10
×	Š	0:0	0 6	10	910	<u>51</u>	0																		2:0	: 6	10	io								3 : 6	9:6	10	0
_	٥	0:6	) : G	0:0	oic	9	0	0	0	0	8	1 (	0	0	0	0	10	911	0:	0	0	0	0	016	0	10	9	0	0	0	10	0		0	9 6	9 : 0	0 0	10	10
G	G	2:0	9	ole	ole	<b>S</b> :	0	0	0	0	0	110	0	0	0	0	ie	91	0	0	0	0	S	0.0	016	0:0	10	10	10	0	10	10	: 6	o i c	2 ! 6	<b>9</b> · 6	<b>S</b> : <b>C</b>	10	10
E	T										-					-	:															,		•	-				
	F	1 - +-	110	1 -	4: 6	٦.	н	H	-	• 🗝	<del>:                                    </del>	1.,	<del></del>	T	<del>-</del>	-	11-	40	<del>-</del>	-	· ল	-	-	• •	-		िल	: ~	-	<del>, -1</del>		110	· <del>-</del>	116	<b>1</b> : ←	4	4:-	ıн	ਜ
ပ																																							
	ď	9 . 6	7	8	0 0	9	8	6	92	.6	9		8	g	26	ĕ	118	2	8	10	20	83	24		2	20	80	ျွစ္တ	10	:=	12	13:	: 7	1.4	7 . 4	1.5	1 00	19	20
В	ů	9	9	9	3 6	Š	9	790	790	790	790		9	962	962	96	200	9	963	963	963	963	963	963	9	963	063	983	963	963	063	963	20	3,6	3 6	3 8	06318	963	963
A	976	976	270	, 6	6	<b>S</b>	6	720	974	970	976		70	974	974	.70		9	979	974	974	974	074	974	974	974	974	974	974	974	074	074	270	7.4	. 6	2.6	07480	974	974
H	5	, F	. 0	o In	71-	51-	_1	ات	3	₩	L^	le	ام	_	m	-	: 1	51		<u></u>	<u></u>	+	h ^	le c	<u> </u>				L	h		<del> </del>	F	1	· F	le-	حاد	_	
	2 R	28	280	ğ	200		2	29,	29.	29	29.	İ	3	59.	29	797			္ဂ	30,	30	307	30	30(		308	305	3	$\mathbb{F}$	31,5	31.5	314	Ľ	1	E	<u> </u>	63.9	325	321
	9	þ	عاد	9	عاد	햣	9	9	9	Ø	ø	K	٥	9	ဖ	عا	V	<u> </u>	٥	ဖ	ဖ	ဖ	2	عاد	اد	9	9	9	ဖ်	ø	9	ြ	ķ	عاند	عاد	į	ာ်င	6	9

	_																																_		
Ж	3580		:			:		:				:			:				:					;		- :				:	:				
ВІ	3032	:	:		-											,				:			٠.			į	1					!	• :		
ВН	1			_		-	:							_					<del></del> -	_	-	 ;	:		:	•									
BG	330					•				_					_		<del></del>			<u> </u>						<u> </u>					· -	:			<del></del> -
	2 3		-		·		_;		;			_:			_					+					-	_÷	:			_	-	· :		<del></del>	<del>-</del> :-
8	94.						:						:				•								:		•				:				:
	97	,		•		•				:			_						_		-	:		•		:						:	•		:
BE	47512		:	:	:				,	:	:					;		:		:	:	:	:	:	į			,	•		! !	: !			:
BC	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>6</u> 1	9	0	0	<u>oi</u>	<u>ा</u>	ठां	0	0	0	0	0	0	01	01	0 0
ব	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	-1	0	0	0	0	0	0	0	91	0	<del>-11</del>	o i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0 0
AYB,	0	0	0	0	01	0:	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	01	01	91	9	<b>0</b> i	<u>oi</u>	91	0	0	0	0	0	0	0	0	01	o i o
8	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	<u> </u>	0	0	0	<u>o:</u>	© i	0	0	91	<b>o</b> :	0:	0:	0	0	0	0	0	6	:0	0	0:	01	<u> </u>
1	0	0	0	0	0	01	0	0	0	01	601	0	0	0	6	60	0	9:	(0)	01	01	<u> </u>	0:	Oi	0	<u>.</u>	0	0	0	6	:   <b>0</b>	0	0	011	010
욼	L	<del>-</del>		_;	<del>i</del>	:			ਜ	_:	;	_ ;	<u> </u>	_	نـــــ	_:	:		_ :				;	- i	į	:			<u> </u>			-	· <del></del>	तः	HIF
18		0			:					_:		:				_				<u> </u>	:	_:		:		0		6			:	-	6	6.	916
X	_					:					:					8												~	~	<u>ر</u>	. <u></u>	6	0	<del>3</del> 1	010
akamadadasauan		:				:					:								_:	_ :									!		:	i :			
ব			_ :	_:	:		:				!						:					_ :		i	i				<u> </u>		_		- :		0 0
¥	0	0	0	01	<b>©</b> 1	0	0	.00	<b>©</b> i	0	91	0	0	0	0	0	0	0	<b>©</b> !	91	01	<b>©</b> 1	<b>©</b> 1	<b>ا ی</b>	<b>O</b> !	اه	0	0	0	0	0	101	1 <b>©</b> 1	91	010
A				:							:			i.	:					_ :		:		:	!				<u>:</u>	:		: :	<u> </u>		ø je
AEAG	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>6</b>	0	0	0	<u>o</u> i	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	010
	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>0</b> i	01	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	010
AC	0	! ©	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		: •	0	0	0	: ا ھ	<b>0</b> 1	0	<b>©</b> I	0	0	0	0	0		10	0	0	( <b>©</b> )	0:	o ie
\$	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>©</b>	0	0	<u>6</u>	ा	0	0	0	0	0	6	0	0	0	01	0 0
>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	<u></u>	0	0	0	0	0	0	<u>i</u> 6	0	0	0	0 0
3	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठ	0	0	0	0	6	0	0	0	0	010
5	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	اھ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0
S	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>o</b> i	0	<u>6</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	10	10	0	0	010
0	0	:0	0	0	0		0	0	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	<u> </u>	0	9	0	0	0	10	:0	0	010
6	6	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	<u></u>	0	0	0	0	0	0	10	10	0	<b>6</b>	010
늗	6	10	:   O	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	:	10	10	10	0	0:	: <b>0</b>   0
F	<u>_</u>	<u>.                                    </u>	<u> </u>	:			·					6	6	:		<u> </u>			:					:					!	1					010
上	L											:							:						- :				١						
	l s	. 0	0	GD	0	. 60		:0		(0)	0	0	0		. O	. 0	. 0	Ø:	0)!	<b>6</b> ):	Ø,	φ:	<b>©</b> :	09!	! نان :	<b>©</b> :	Ø	0	:0	. 60	. 60	. 60	.00	0	 و او
छ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	01	010
ш	Π								:						:				:	-										:					
$\vdash$	-	· ল		<del>-</del>	-	7		न	<u>.</u>	€1.		-	~	<del></del> 1	. <del></del>	-	· <b>н</b>		-	₩.	<b>~</b> ;	-1	7	٦.	ਜ :	Η,	Н	-	·	زجا	· <del></del>	· ল	· <del></del> -	<del></del>	
ပ															:															:	:				
	121	122	123	124	125	126	127	128	67	130	131	132	133	34	35	38	337	338	39	9	341	342	143	44	45	146	47	8	6	50	51	25	53	54	06355
۳	8	8	8	8	90	8	8	8	8	8	8	8	9	8	98	8	8	8	8	8	8	8	8	Ö	8	8	8	8	8	8	8	8	8	9	9 0
$\vdash$	22	82	98	82	88	စ္ဆ	8	8	35	6	9	9	96	126	86	6	8	12	8	8	8	92	9	20	80	8	10	11	17	: 2	14	13:	19	17	3:0
⋖	974	974	974	974	074	974	974	974	974	974	974	974	974	974	074	974	075	975	075	975	975	075	075	975	075	975	975	975	975	975	075	975	075	975	07518
L				٠.			. '	:	! .						: .								:			•					:	•			
	22	23	24	25	26	27	28	29	30	31	32	33	34	35	36	37	38	39	4	4	42	43	44	45	46	47	48	49	20	2	52	53	54	5	6356
	63	63,	63	63,	63.	63,	63,	63	63.	63	63.	63	63	63	63	63.	63	63.	63	ည်	63	63	63	63,	63,	63,	63,	63,	63	63	63	63	63.	63.	36
	<u> </u>			لت		ت		ت	لتا	لــــــا		ــــــ	ــتــ	<u>ــــــ</u>		<u> </u>		لت	لي			_		لت	لت	لت	_		二			-	لـــــا	ب	ــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ

		·m ·	<del> :</del>	<del></del>	<del></del>	<del></del>
BK		:2				
ВІ		112				
H	. :	न्त्र	1		:	
BG		102	<u> </u>		<u>:                                    </u>	
		86				
BF						
		120		: : :		
BE	:	M38054				
BC			000000	0 0 0 0 0	000000000	01010101010
4	0:01010	101001010	9101010101	000000	0101010101010	00000000
AWAYB	0101010	00000	9 9 9 9 9	0000000	1010101-101010	0 0 0 0 0 0
8	0:0101010	10 0 0 0 0	9 9 9 9 9	0000000	01010101010	1010101010
	0.0:0:0	00000	9 9 9 9 9 9	010101010	0.0.0.0.0.0	00000000
S	संस्त्राताल स		<u>, , , , , , , , , , , , , , , , , , , </u>		जिल्लासासासासासासास	ਜ਼ਾਨਾਜ਼:ਜ਼ਜ਼ਜ਼ <b>ਨ</b>
aljakjamadadasjal	0.0:0:0		9 9 9 9 9 9	010101010	0101010101010	10/0/0:000
O	00000		_:!		10101010101010	
M	0:0000	000000	900000	0:0:0:0:0:0	: 'ତାତାତାତାତାତାତା	0 0 0 0 0 0 0
A					ବାବାବାବାବାବାବାବ	
Z.		<u> </u>	_ i _ i _ i _ i		00000000	· · · : . 1
d d d	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·				0.0.0.0.0.0	
ABAG		<u>- 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1</u>	<u> </u>		0.0.000.0000	· · · · •
당					0101010:01010	
AAC			i:			
<			4 + + + + + + + + + + + + + + + + + + +		10:0:0:0:0:0:0	
<u> </u>				3 3 3 5 5 5		. 1
≥	! !		<u>. 1                                   </u>	<u> </u>	0.010.010.010	;
므					0:0.0:0:0:0	. [
S	·				000000000	i i
0	0:0:0:0	10 0 0 0 0	0 0 0 0 0	010101010	0.0.0.0.0.000	10:0:0 0 0 0
0	0.0.0	1010 01010	000000	0.0.0.0.0	0:00000000	0.0.0.00.00
Σ	010:0:010	000000	00000	0:0:0:0:0	00000000	000000000
$\overline{\mathbf{x}}$	0:0:0:0:0		0.00000	010101010	0.01000:000	0.0.0.0.0.0
	0.0:0:0			0:0:0:0:0	S S S S S S S S	91010.010.01010
5	0:0:0:0	:010:010:01	010101010	0:0:0:0:0:0	10:01010:01010	10'0'0:0:0:0
	:			· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		
F	_ ਜ.ਜ.ਜ.ਜ.ਜ	<del>, ere ere er</del>	nieleielei	; 	ः जानासायासासासासा	· ·=·\\\\:\e\\:\e\\:\e\\:\e\\\:\e\\\:\e\\:\e\\\:\e\\:\e\\:\e\\\:\e\:\e\:\e\\:\e\\:\e\\:\e\\:\e\\:\e\\:\e\\:\e\\:\e\\:\e\\:\e\\:\e\\:\e\\
ပ	·		* :			-
	58 58 60 60	2 6 4 5 8	2.8181814	2 E 2 E E	8:8:88:88:45:45:8 8:8:3:15:88:88:88:88	25.00 88.2 20.00 88.2
8	963 963 963 963	8 8 8 8 8 8	0 0 0 0 0	0 0 0 0 0	063389 063880 063881 063882 063883 063883	963 963 963
				•		
4	075 075 075 075 075	075 075 075 075	075	675 675 675 675 675	07543 07545 07546 07546 07546 07540 07550	075 075 075 075
				•		•
	58 59 67 67	65 65 66 67	86012	7677	63879 63879 6387 6382 6384 63864 63865	888 888 937 937 937
	633	933333		22222	233333333	53333333333
	1-1-1-1-1	-1-1-1-1-1		7-1-1-1-1-1		

Part   Part	<u> </u>	Т	14	:	_	;		_	;				-	<del></del>	•		· ·																			
No.   No.	署		. 80			•				•	:.					:		•	:							. :								:		
No.   No.	8		674	:	i	!			!				:		!		:			:	<u> </u>							-	:	,	-	1				
No. 10   N		╀	:स	<u>:                                     </u>	!-	+			<del>:</del>				<del>!</del>		-	<u></u>			:-	:	:				_	_	_	<u>:</u>	<del></del>	<del></del>	<del>.</del>			-		<u> </u>
No. 10   No. 10	U	T	161	<del> </del>	<del>-</del> -	<u>!</u>		•	<u>.                                    </u>	<del>!</del>	<del>: -</del>		<del>: -</del>		!	<del>:</del>		<u>:                                     </u>	1	i-	<u>.                                    </u>		;	-					<u>:</u>	<u></u>	1	<del> </del>	_			-
No.   No.		T	ln	i		-		·	:	<del>! -</del>		:	:	-	<del>: -</del>	-	:	;	:		<u> </u>	. ;	<del></del> ;					<del></del>	-		:	<u>:                                      </u>				<del></del> -
No.   No.	F	L	:	:	<u> </u>	!			:	:			!		!	: :			!		:		· :	_				!		·	! :	!				
Name	BE		8172	i	i	İ			:	:	:	ï		:	:	i			:	: !	:	į			:	:					į	:		:		;
N	0	6	iΞ	:	0	0	10	0	0	0	10	100	(0)	6	0	0		0	:	10	0	0	0	0	<u>.</u>	0	0	0	0	-	·	1			<u> </u>	নাক
A MANA AND AND AND AND AND AND AND AND AND	ব		:	:	1	1			1	:	:		:	i	i	:				:			•		:				•							
A HAACA         A HAACAA         A HAACAA         A HAACAA         A HAACAAACAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	图	_	i		<u>.                                    </u>				•	•			1	i	:	•		:			: .	. :	:								:		١.			
A   A   A   A   A   A   A   A   A   A	15			•					4 .	1			:	ł	i	i			:	:	٠.	:										:		. :		
A B C C E S S S S S S S S S S S S S S S S S	1		ı							i	:		:	•	ľ	1	:		•	:			- :				:					:	•			
A B C E S S S S S S S S S S S S S S S S S S	AS	П	ਜ		н	-	<u>-</u>	.ਜ	iਜ	न		-	-	н	П	<del>-</del>	-	7	न	-	<del></del>	<del></del>	٦.	₩:	तः	7	٦.	-1		н	+	<del>-</del>	ਜ	٠.	ed : 1	<del></del>
A B B C C E G C C C C C C C C C C C C C C C C	M			_										:																						
A B C E G G G G G G G G G G G G G G G G G G	¥	I							1				: .	1 1		:	•															: :				
A B B C C C C C C C C C C C C C C C C C	\$		i			:				1	:	•	:	:		<u> </u>							:			•								;		
A B C C E C C C C C C C C C C C C C C C C	<u>¥</u>			. :		į		. !	į	į	:	:	:			ì	i		i					i	:	:						١,		:		- : 1
A B B C C B C C C C C C C C C C C C C C	9				_				:	:	<u> </u>			!			•		•							- 1	:	:			٠.					
A B B C C C C C C C C C C C C C C C C C	P	0	0	0	0	0	0	0	i	;	•		:				:	- 1	<u>.                                    </u>							:						:				- 1
A B C C E C C C C C C C C C C C C C C C C	O	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	<u>0</u> i	01	0	0	0	0	0	0	0	01	01	010	916
A B C E G		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>o</u> i	0	01	0	0	0	0	0	01	0	0	010	0 0
A         B         C         E         G         V	>	1	1.			,			•				:		. :																					. 1
A         B         C         E         G         N         A           07558         06394         1         0	×	l		: :		:			:		٠.												- 1		:											•
A         B         C         E         G         A         M           07559         06394         1         0	<b></b>								: :	:								. :									. !									- 1
A B C E G − K  07558 06393 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0									•		•			1			;			:	-				:											,
A B C E G  07558	Ě																																			
A B C E G G G G G G G G G G G G G G G G G G	_					1		- 3		, ,		: :		- 1	:	:				٠.		- 1	:	1	i	i	:						:		_	
A         B         C         E         G           07558         06393         1         0         0         0           07556         06399         1         0         0         0         0         0           07565         06399         1         0 <th> -</th> <th></th> <th></th> <th></th> <th></th> <th></th> <th></th> <th>•</th> <th>'!</th> <th>! :</th> <th></th> <th></th> <th></th> <th></th> <th></th> <th></th> <th></th> <th></th> <th></th> <th>٠,</th> <th></th> <th>:</th> <th>- 1</th> <th></th> <th>i</th> <th>i</th> <th>:</th> <th>:</th> <th>:</th> <th>- ;</th> <th>- 1</th> <th>•</th> <th></th> <th></th> <th></th> <th>- 1</th>	-							•	'!	! :										٠,		:	- 1		i	i	:	:	:	- ;	- 1	•				- 1
A         B         C         E         G           07558         06393         1         0	<u>×</u>	L												•	- 1																•					ŀ
A         B         C         E           07558         06393         1           07559         06393         1           07561         06393         1           07562         06399         2           07563         06399         1           07564         06399         1           07567         06400         1           07577         06401         1           07577         06402         1           07577         06403         1           07577         06404         3           07577         06404         1           07577         06401         1           07581         06412         1           07582         06413         1           07583         06414         1           07584         06415         1           07585         06416         1           07586         06421         1           07587         06421         1           07588         06422         1           07589         06422         1           07590         06422         1											- 3			:				*																		1
A         B         C           07558         06393         1           07559         06394         1           07561         06395         1           07562         06396         1           07563         06396         1           07564         06399         2           07565         06399         2           07566         06399         1           07567         06400         1           07577         06402         1           07573         06403         3           07574         06404         3           07575         06403         1           07574         06404         3           07575         06403         1           07573         06404         3           07574         06411         1           07575         06404         1           07576         06411         1           07577         06411         1           07581         06412         1           07582         06413         1           07583         06414         1           07586	├─		_		_	_				_					-				<del></del>						<u> </u>				<u></u>	<b>∞</b> :	<del></del>	<u></u> -	<u> </u>	<b>6</b> 10	2016	9,6
A         B         C           07558         06393         07559         06393           07569         06395         06395         06395           07561         06396         06396         06396           07562         06396         06396         06396           07563         06400         07567         06400           07574         06401         07577         06401           07577         06401         07577         06411           07578         06402         07577         06411           07579         06413         07581         06412           07581         06412         07581         06412           07582         06418         07581         06412           07583         06412         07581         06422           07586         06422         07589         06422           07589         06422         07589         06422           07591         06422         07593         06422           07593         06422         07593         06422           07593         06422         07593         06422	Ш	1		ਜ	-	2	- 2		-		m:	<u> </u>	<u> </u>	: :		<u>_</u> :		~	_				:													
A         B           A         B           07558         06393           07559         06393           07561         06393           07562         06393           07563         06393           07564         06393           07565         06393           07567         06403           07573         06404           07574         06403           07575         06403           07577         06411           07573         06411           07574         06411           07575         06411           07576         06411           07577         06411           07578         06411           07577         06411           0758         06412           0758         06412           0758         06413           0758         06414           0758         06412           0758         06413           0758         06422           0759         06422           0759         06422           0759         06422           0759         06423	ပ									• • •	,		:			•	•	:	•	•		<b>Π</b> :1						-	П.	Π.	٠.	<del>የ</del> *1 :	<b></b>			1,-1
A A 67558 6758 6758 6758 6758 6758 6758 675	-	93	8	35	œ.	26	8	g:	· 	<u>ह</u>	2		,		ဖွ	2	<u>00</u> :	დ:	Ø	: !:	7:1	M) · ·	411	<u>.</u>	, ا : ه		20:0	<u>o</u>	Ø.	<del></del> .	7	m·	4::	ري ان	0 1	
07558 07560 07560 07561 07563 07563 07572 07573 07	8	963	963	0635	963	9635	963	9635	9	9	964	8	8	8	8	9646	9646	9646	9641	0641	8	0641	2	4	9	9	8	9641	96.	984	9642	9642	9642	9642	3 5	3642
	Н	28	53	8	5	29	63	8:	92	29	88	6	8	<del>킨</del>	2	23	7	2:	92	2:	80 1	D ! S	S) ;	71.0	7	2	4 11	S:	မ္တ	28	8	<u>დ</u>	8	<u>ਜ਼ਾ</u>	7:5	4
	٧	975	675	975	975	975	975	075	975	975	975	075	975	975	975	075	075	975	075	<u>075</u>	075	5/5	5		016	2	()	6/2	975	075	<b>0</b> 22	075	075	975	0750	9759
28822222222222222222222222222222222222																																				- 1
		39	39.	39	33	33	39	<u>\$</u>	9	9	5	\$	<b>\$</b> [	\$ <b>!</b>	\$ 	<del></del>	<del>5</del>	7	4	4	<u> </u>	1	1	1	֝֝֟֝֝ <del>֡</del> ֡֡֡֡֡֡֡֡֡	- F	֓֞֜֜֜֜֓֓֓֓֓֓֓֜֜֓֓֓֓֓֓֓֓֓֓֓֡֓֜֜֜֓֓֓֓֡֓֜֓֡֓֡֓֡֓֡֡֡֡֓֜֡֓֡֡֡֡֡֡	15	124	77	47	424	17	35	17 X	429
	Ш	9	9	9	0	9	9	9	9	9	اف	اه	9	٥ķ	اف	اف	اف	0	اف	οk	ه اد	οķ	o lu	οļú	οļú	o u	ĎΚ	ò	ام	اه	٥	اف	اه	ناه	စ်ဖြ	9

_	Т		_	-	_								_						•															<del>, .</del>				
Æ								:				:	510																					•	1957	707	•	:
8									!		:	1	430		!		•		:									:	:	: -	:	:			1227	ì	•	
BH				:			-		i	÷	-	!	248		· ·	:	İ	_				_			:		:	 !	:-	: ,			<del>!</del>		!	4		
BG								:	•	1	-:		29		:	:	<del>:</del>	÷	÷					-	<del></del>		:	<del>!</del>	<del>: -</del>	-				<u></u>	100	3		<del></del>
L	1	•	-					-	•	<u> </u>		İ	100	_	:	:	<del>:</del>			·		-				;	<u>.                                    </u>	<del>: -</del>	:	<u>:</u>	:	<del></del>	÷	<del>:</del>	10			<del>-                                    </del>
8			:				· 			:	:	-	<u> </u>		<u> </u>	į	:	:						:		•					:		Ė	:				<u>:</u>
BE	١			:					:	:	;	; ; [ ; [ ;	757		· !	í	:		•	:															247	Ì.	:	
6	1	916	5;	91	0	0	: 	:	!	: . † a		-	<b>8</b>		! 	-	:	:	,		_	-	_		; -	<del></del>		_	:	. <del></del>	:		1_	•	2	<u> </u>		00
兽	_			_:	_ :		1	•	1	i			i		1	3	ı									i	:	•					:	:	;			010
AYB.							•		:	•	:		- 1		:	1	:			٠			•						:				:	-				010
\ <del>\\</del>	4						:	•	:	-					i		•								:			•			•	•						010
MA							•	•	:	ı		-			:	•				:	·	i		•		1			:		-							010
ASA	┸	<del></del>					_	: 4-1	<u>.</u>	41+				*,	H			-	411	H.	<del>-</del>	_	<del>-</del>	<del>-</del>	<del>-</del>	<del>-</del>	<del>-</del>		<del>-</del>	<u>ਜ</u>	. <del></del>	· <del></del>	· <del></del>		110	1.1	ान	7 -
Ad	1	010	٠ ١ (	9	0;	0	0	0	. 6	910	: • i ھ	s :	01	0	0	0	i G		916	<b>S</b> :	0:	0	0	0	0	0	. 60	0	0	0	0	.0	10		) · G	0 0	0	0 6
Ю	†	910	9:0	91	01	0	0	10	iG	oie	910	911	0	0	0	0	10	10	<b>3</b> 16	<b>9</b> i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	:0	10	:6	16	0:0	10	010
AMA	Ť	9 6	<b>3</b> i 6	o i	0	0	0	10	16	P	910	91	0	0	0	0	16	je	910	201	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	10	0	10	2:0	0:0	0	010
X	ľ	<b>S</b> : <b>G</b>	910	<u> </u>	0	0	0	0	Ġ	٥١٥	ole	<b>9</b> 10	ा	0	0	0	6	ile	ءاه	9	o i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	10	0	Ġ	is	10	10	00
7																																						00
M									•	- 1		;									:										:						0	
CAE	_				2				•																		•											<u></u> छ। छ
A	Ł								:	i					1	i	(	;		- 1	:						:			•	:			ŧ				010
⋖					•					i							i							:			•			:			1					010
W	1_										•						•												:	,								010
<u> </u>	1										,						i																					olo
S	1						:									•																						010
0	1			:				•					•			!	:									•									*			010
0	_				1	:	:							,		•				:						:												010
Σ	ŀ	916	· (	<b>S</b> : (	9	0	0	0	6	i P I G	9 10	9:0	9	0	0	0	0	oi G	) (	9 1	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	:	:   0	10	:0	0	0 0
×	1				•				i	•	- 1	- 1		- 1			•	:	:									,					ı		;		:	00
																																						00
9																																						<u>.</u>
E	l		_							:			•	- :													<u>.</u>				_	_			_			
H	ŀ	71-	· -	4,,	4	7	-		i <del>e 1</del>	1 + +-	110	7.,	<del>-1</del> :	<del></del> 1 :	Н.	-	٠.	1 4-	1:4	٠.,	<del></del>	٦:	m·	₩,	<del></del>	-	<del>,</del>	7	<del></del>	<del>-1</del> .	-	ਜ	<del>.</del>	<del>-</del>		· <del></del>	· <del>- 1</del> ·	नां स्न
ပ					:					:				:						i																		
	5	430		1	754	433	434	435	436	137	0 0	0 0		440	441	442	143	144	10	119	9	147	48	6	58	51	152	53	54	155	56	157	8	53	8	61	3	06463 06464
8	č	9 . Q	8	3:8	8	8	စွ်	ģ	: &	Š	b i d	g i è	8	Ġ,	\$ 0	ģ	ģ	90	3:8	9 8	ģ.	8	8	8	8	8	8	<b>&amp;</b> :	8	8	8	8	8	8	18	9	8	\$ 8
	200	596	107	1 6	0	8	8	691	209	8	318	5 6	S	909	209	809	8	610		1:5	710	613	614	615	616	517	519	250	521	522	523	524	325	26	127	.28	5	07630 07631
۲	18	6. č	6	5 6	ا: و	é	6	0	6	0	5 6	i d	<b>i</b> i	6	6	6	6	9.	Š	5 6	Š.	6	8	6	6	20	8	6	8	6	97	07	976	976	976	976	926	976
H	¢	2E	5	i F	21	1	2	9	_	œ	Ø	<u> </u>	21-	=	7	က	4	نج	) (c	<b>下</b>	-k	مارح	ارد	하	<u>_</u> [	<u>~</u>	n	41	ر ا	او	$\overline{}$	<u></u>	െ	Б	F	2	mŀ	410
	$z_{E}$	543	Z Z	1		150	543	543	343	343	4			4	4	544	344	344	44		֓֞֝֓֓֓֓֟֝֓֓֓֓֓֓֓֓֓֓֟֝֓֓֓֓֓֓֡֓֓֡֓֡֓֡֓֓֡֝֡֓֡֓֡֡֝֡֡֡֝֡	4 4 4	44	545	5	<del>2</del> 45	545	545	<b>3</b>	45	45	45	:45	46	46	46	46	6465 6465
		<u>س -</u>	12	.19	1			<u>.</u>		۳	1	-13	1	בן.	<u>۳</u> ا	_	٧	س	14	714	7	الد	ارد	الا	الع	ΨĮ	9	P	اع	9	9	9	9	9	9	Ю	P	مام

•
$\infty$
~
_
Hilly
表

V	Γ	-		_		1			12	¥	-	:	:		-	-:		•	!	5109	100	<u>.</u>	_									<u> </u>	18		154	:					
異									100			: 		_	<u>:</u>	:																. '		: •	.4						· 
⊞	١				:				10	128		•	!	:	:				:	4575	2	3		:						. :		. !	974	: !	3828	:					:
H					:	!				₹.		-	:	,	-					नि	0	1											н	<del>-</del>	ī	:		•		-	
BG					1	-			10	\$			:		:				:	157	:0	3				_						:	119		327	:			:	:	:
HR.					:			:	0	9						-				95.5		•	-						!				99.2		97.2	•			:	;	!
	ŀ		_		_			-				<u>:</u>	:		· 				<u>.                                    </u>	٠	<u>.</u>	_:	<del>.</del>		_								-	<del>;    </del>	<u>.                                      </u>					· -	!
H				:	:				100	207		:			:	;				5248	16	n.	i				: :		:				02620		100968				•		
ပ္က	1	<u>.</u>	0	2	i	او	0	9	10	<u>5</u>	0	10	ie	1 6	· i c	<u> </u>	0	0	0	10	<۱ ا	<⊹	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0		•			. 0	: 60	: 0	10	0
8	ŀ	<b>S</b> :	0	-	10	<del>5</del>	0	0	ic	9	0	0	0	is	)   (	اٰدَ	0	0	0	0	10	• i •	0	0	0	0	0	0	+4	0	0	0	0	0	0	16	Pig	0	10	10	0
¥	ľ	91	0	S	i	او	0	0	ic	9	0	0	0	is	oid	9	0	0	0	0	6	إد	ा	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	S	010	.0	174	0	0
AKAMAGAGASAUAWAYBAB	L			_		_!		_	:	_:		<u>:</u>	į		:	_ ;				1	i	_i	. :							i			1		1	!	•		· ਜ	•	
Ĭ	ľ	9 !	<u> </u>	S		91	<u>0</u>	0	10	اد	0	0	-	īĠ	<u> </u>	اد	0	0	0	0	10	١	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	2	10	100	10	0	0
8	ľ	<u> </u>	<u>~</u>	-	114	-	_	-			_		1	-	• •		_	-	-	!=	-	<b>4</b> 1	٠٠:	-	-	-	-	7	2	-	-	<u>'</u>	-	1	! <del></del>	! -	11 <del>- 1</del>		: =	· <del>-</del>	[ <b>대</b>
8	L									_		:	:		i	:				<u>:</u> _							0					٠				:			10		•
M	L		_	_	:	:	_		-			•	:		:				i	;	:	:							:	:				:					10		
칠	ŀ	5)	0	6	i	9	0	0	10	9	0	0	0	is	) )   (	0	0	0	0	0	10	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	IG	010	10	ه اه	10	0
7	ŀ	20 !	0	S	1	5	Ø	10	1	<del>=</del>	0	0	6	ī	·	9	0	0	0	10	S	si.	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	İG	2.0	10	0	0	0
ABAG	ľ	91	0	0	ic	<u>s</u>	0	0	1	<u>s</u> i	0	0	0	is	o i c	9	0	0	6	0	10	اد	0	0	0	0	0	6	0	160	0	0	0	0	0	10	010	10	10	10	0
S	L								<u>.</u>	_						:			:	1	_i_	. :	:						-		:			;					0	:	:
AAC	L				٠	_ 1			i			<u>.                                    </u>		. i	:	i			i	1	ī		:						i			,		1		ì			0		:
₹	L	_ :			!	. !		i		_ :			!	1		į			!	ŧ		:	:					:	i	1		:	:		:	i			10	,	i
×	L				1	•			:	_:		i	<u>:</u>	1	. ;	i			i	1	i	1	:				i	!	:					;		i			10	:	•
읔	L				:	į						i							:	1	į	•							:					:					. 6	•	:
S	1	9	0	. 6	1	<u>.</u>	0	6	1	9	0	0	16	1	<del>,  </del>	إه	0	0	0	10	1 6	<b>&gt;</b>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	. 6	10	1 6	. 0	0	0
0	ŀ	91	0	G	110	<u>s</u>	0		i	9	0	0	10	,	o je	9	0	0	0	6	· (C	<del>s i</del>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	is	2:0	10	0	0	0
0	١	9'	0	S	10	اد	0	0	<del>।</del>	S :	0	(0)	10	9	510	9	0	0	0	6	i	<del>5  </del>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	G	ojo	: 0	10	6	0
Σ	ľ	9:	0	6	: 0							Ø			• i •	- 1		0																60				:0	10		0
고	ľ	9	0			91	0		110	5				10	oie																							10	0	0	0
	ľ	20.	0	S	110	s i	0	10	110	9	0	0	10	: 0	) i	اھ	0	0	0	6	10	<b>9</b> i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	10	ĪĠ	010	.0	0.0	10	0
ပ	ľ	9	0	G	, ,	5	0	0	110	9	0	0	6	: 6	216	0	0	0							0		0	0	0	0	0	0	0	10	0	S	10	0	0	0	0
ш	ſ																		:										:												
ပ													:						:		•								<b>:</b>										1.4		
																																							06498		
٨		9/937	07633	07634	110	6/03	9292	97637	0:0	0/038	6292	97640	07641	07642	2 : 0	07643	07644	07645	07646	07647	07070	9	07649	02920	07651	07652	07653	07655	92920	07657	07658	07659	09920	07661	07663	97664	97665	99920	07667	07668	69920
$\mid \mid \mid$			19	K Y Y		2	170	17	5	7	<b>‡73</b>	174	K	7		3	178	129	180	181	Ca	) k	83	184	185	981	187	88	681	06	161	192	193	194	195	961	761	86	6499	00	F <sub>O</sub>
Ш	Ĺ	ò	9	29	k	ò	9	9	)	ŏ	6	9	9	1	<b>&gt;</b>	٥	9	9	9	9	) lè	bk	٥	9	9	64	9	9	9	9	9	9	9	9	9	29	9	64	9	6	65

	_				_	_	_				_																				_	_ :									
BK					:							•										•						•					7,00			:	:	2454			
Bi		:		:	:	-										_	:	:				:									:	5	3394			:	:	2191			
ВН	I	:			ï	-									_		:	:				:	:	:	: .							-	-1					⊣;			
BG		:			;				_			_					:	<u>:</u>														: (	CFT .	•			٠.	261			
BF								•	•			:					1		;	;				:	:	:			;				94. 0	1				95.4	-		•
BE				-	_							<del>:</del> :				:			:			:	:	:			•	:	÷	-			.0431	•				90064			
O	6	>11	S	S	. ,	20 1	0	10	<b>&gt;</b> 1	0	0	G	<b>)</b> , (	91	0	0	16		i دی	0	0	0	:   (0)	0	0	216	16	916	316	0) (	9 i C	5) (	<u>د</u> ۱۱۵	<u>.</u>	01	0	0	Σ.	0:	0	010
AB	6	) 	9	S	_	; S I	0	2	· i	0	0	1 <b>G</b>	) ; c	! Q	<u> </u>	0	6	: ) ! (	ن نوی	0	0	0	10	10	10	210	:	o i c	<u>.</u>	9 0	916	<u>.</u>	510	9:	0	0	0	0	9:	<b>6</b> :	010
界	6	) 	9	6		5	0	īG	) i	0	0	16	) i (	ทเ	6	0	is	Dic	9	91	0	0	0	10	10	2 0	ois	o i c	<b>3</b> 16	910	<u>.</u>	<u>.</u>	<u>.</u>	91	01	0	0	<u> </u>	01	01	0:0
AWA	6	>10	9	S		9	0	10	; • i •	0	0	: 6		<u>:</u>	0	6	is	1	9	0	0	0	10	10	10	216	010	oid	9:0	910	: S i e	; 5 i e	910	91	01	0	O i	i Ø	91	01	<u> </u>
AL	ŧ	: >11	9	S	1 1	9	0	16	<u>:</u>	0	Ø	ıs	<b>)</b>   (	<b>S</b> :	60	:   (S)	: Is		<u>;</u>	0	0	10	:  0	10	16	2010	) i G	916	s	<del>-11</del>	<u>:</u>	<u> </u>	910	3) i	0	0	0	0	<del>, , ,</del>	7:	तात
S	-	111	=	-	1 4	7	-	;_	1	-	-		4.,	_	<del>-</del>		; -	• •	<del>- :</del>	<del></del>	-					11.	1: -		4	н.	<del>-</del>		٠.,	<del></del>	<del></del> ;	_		नः	0:	<del> </del>	0 0
<b>₽</b>	6	<b>&gt;</b> 10	9	6	) : 1	5	0	S	<b>)</b> :	0	0	: 0	<b>3</b> (	<b>S</b> :	6	10	16	,	<u>s</u> :	<b>o</b> :	0	_	·	: 6	. 0	2:0	i s	5 i c	» i e	0 . 0	9:0	S : 0	5) (	9:	0	6	0:	60:	01	<u>o:</u>	0:0
Q	L			_		_										·							0	10	.6	010	ois	316	916	0:0	910	911	516	91	91	0	0	01	01	01	010
M	ŀ	<b>3</b> 16	0	2	111	91	0	16	31	Ó	0	· G	<b>5</b> : (	9:	0	6	: 6	1	<u>.</u>	0	0	.0		0	- 6	2:0	0:0	) i c	9!(	0:0	9:0	<u>:</u>	910	<u>o:</u>	Ø i	0	0	0:	0:	0	0 0
A	ŀ	<b>&gt;</b>	0	G	1	0	0	10	) )	0	0	10	<b>3</b> : (	<u> </u>	<u></u>	0	is	1	9	0	0	0	10	0	16	216	516	o i c	911	o i o	<u>:</u>	910	<u>:</u>	9:	<u> </u>	<u></u>	0	0	01	<b>6</b>	010
AIA	ŀ	) ) (	9	5	111	9	0	10	<u> </u>	0	0	16	<b>5</b> ! (	: 	0	6	İ	. i e	5	0	0	:0	10	10	:		16	<b>3</b> ! 6	:	9:0	910	910	SI	91	9	0	6	0	0	91	010
Ad/	┸	_ :	_	_	_				_:			1				:	:		_ i										:_	•			:		:			:			010
AE	ŀ	) i	0	S	ij	0	0	10	٥į	0	0	is	<b>&gt;</b> : (	9 !	0	10	is	<u>;</u>	<u>.</u>	0	0	10	0	6	16	) i G	10	s i e	910	010	910	o i	<u>.</u>	9:	0	0	0	0	0:	01	0 0
AC/	ŀ	911	0	S	1	9	0	6	<b>S</b> i	0	0	is	<b>)</b> (	Ø:	0	10	S	<b>)</b>   (	91	0	0	0	0	10	is	) (S	10	<b>&gt;</b> : c	9:	0:0	S) i	91	ارج	91	0	0	0	0	0	01	010
रे	t	51	0	6	1	5	0	: 6	ə i	0	0	6	<b>&gt;</b> . (	0	0	10	10	1	9	0	0	: 0	10	. 0	1 6	) G	·	sic	s :	0	910	910	9:0	0	0	0	0	0	(S)	0	0 0
Υ /	١	أد	Ö	6	1	9	0	10	<u>;</u>	0	0	is	<b>:</b>	<del>-</del>	0	100	ıs	<u> </u>	9	0	0	0	10	6	: 0	o : c	0	9 6	91	0	<u>.</u>	91	<b>S</b> : <b>C</b>	0	0	0	0	0	0	01	00
<b>≥</b>	t	<b>D</b> 1	0	6	1	9	0	. 0	<u> </u>	0	0	is	911	9	0	0	6	310	0	0	0	10	10	16	16	o i o	10	9:0	5	010	S i	9 i e	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0:	0:0
	1	<b>)</b> i	0	: 6		9	0	10	) i	0	0	io	<b>&gt;</b> : •	9	0	10	10	اد	0	0	0	9	6	0	116	010	010	<b>S</b> : 0	9	0:0	<u>.</u>	91	<u>:</u>	01	0	0	0	0	0	0	0 0
S	1	) i	0	G	11	9	0	! 6	91	0	0	is	<b>S</b>	0:	0	10	is	) 	0	0	0	10	10	. 0	: G	316	010	5 : 6	91	0:0	9:	01	91	91	0	0	0	0	0:	0	010
5	1	<b>.</b>	<u>_</u>	6	) [	9	0	. 6	<b>&gt;</b> :	0	0	16	·	0	0	is	:	<b>3</b> 1	9	0	0	. 6	10	: 6	) · G	) i G		<b>9</b> : 0	; 9 i	010	91	011	<u>:</u>	0	0	0	0	0	0:	0	0:0
0	1	) i	0	1 6	1	0	0	: 0	<b>9</b> i	6	0	16	<b>&gt;</b> : •	<u>.</u>	0	16	10	1	9	0		60	16	. 6	10	216	: > 1 G	9:0	: S) (	<del> </del>	91	01	911	01	0	0	0	0	01	0	010
$\vdash$	ŀ	• i •	0	I G	H	9	0	10	) i	0	0		<b>5</b> 1	0	0	16	1 6	; > i •	91		9	. 0	10	. 6	10	3 6	10	916	<u>.</u>	910	91	10	: 510	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0:0
Σ	L	٠			:						:	_	_	_			_	ì	:				ŧ				:		:	:	:	:	:					,			•
X	L		_	_	:	_		·				٠.					:					_				•															010
	Ļ			_					_			:						:											<u>.</u>												0:0
၅	Ľ	⊃:•	<u> </u>	: 6	11	9	•		ا ھ ــــ	0	0	116	• 	© :	0	16	10	- i e	91	0	-0	10	16	. 6	10	216	916	910	91	Ø 10	<b>3</b> 1	91	91	9	0	0	0	0	0	0	010
E																																									
၁		4	Н		17	7	-		<b>→</b> ÷	-	-		4	4	-			1:	<del>.</del>	н	· <del>-</del>				1 -	4	1.	<b></b>	<b>-</b> 1	7.	<del></del>	<del></del>	H 1-	<del></del>	<b>→</b>	-	ਜ	ਜ	ਜ	<u>ω</u> .	e-1 : e-
В	1000	TO CO	06502	0000	)	96504	96505	ספבספ	000	06507	06508	06100	5000	06510	96511	06517	06513	3	06514	96515	96516	96517	96518	96519	955.70	965.21	2000	7700	825	96524	86525	96526	06527	06528	06529	06530	06531	06532	06533	06534	96535
4																																									07705
-													_				•	_													:										
	72		6 5 5 6	650		200	650	250	3	650	650	55		65	651	651	55.7		62	651	651	651	651	652	652	なれて	777	250	700	550	025	200	700	250	653	653	653	653	653	653	6536

c	٧	)
•	X	2
į	ľ	ž

8K		,	_		•			•	;		2261	472			-		:	•		_				:					:	:	<del>.</del>	:	•		1197		:
8	T		:	:	:			<u></u> -	:		1762	391	:	_		,		:	-					<del>.</del> -							:	-			8		<u>. :</u> ;
I	†	-			-		-	<del>:</del>	:		-	_	<del></del>		<u>:</u>	<u>.                                    </u>	-	<u> </u>			<u></u>		-	<u>:</u>		:	:					:			ःसः ग्ल	·	
GB	+		-	<del>!</del>		-	-	÷	-	_	5	6	<u>i                                    </u>	-	<u>:</u>	÷	<u>:</u>	+	<del>- :</del>	_					:	:-	-	:	_		:	-	:		4	· ·	<u>.</u>
18	+		· -	-	<del>.</del>	_	<u>.</u>	:	<u>:</u>	_!	6 22		-	-	:	!	÷	<u>:</u>		<del></del>			-	· ·		: <del> </del>	-	<del>.</del>				: <del> </del> -			· m		
8				!	:			1	:		95.	96.			!		:	:	!	:			:	: :	1	!		:	:	:	:	!	:		100		
E E	'		:					:	:	:	5715	4829				-				• ;						: .	:	:		-		:	•		4016		:
٥	0	0	0	10	0	: 6	010	010	911	0	₹	8 X	0	0	10	!	; > i c	910	0	<u>.</u>	0	0	0	0	0	10		10	: 100	10	10	:	110	:0	Σ	0	00
18	1												i	i												•											ਜ਼ਾਲ
AMB											- 1		•	•		•		- :	:													,	: 0				010
AM	1 :							ŧ		:																										<u>o</u> i	010
1	_		+1	<u> </u>	-	-	ii-			:			+	1	H	<u>i – </u>	• ; •		<del></del>		;	:	:	:			<u> </u>	<u>_</u>	m	<u>:</u>		!	। न	. स	<del></del>	<u>.</u>	<del>ਜ</del> ਼ਾਜ
SA	0	0	0	0	0	0	016	PIG	si e	o i	0	0	Ó	0	0	6	ie	910	01	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	io	io	0	:0	0	01	oio
A	0	0	0	0	10	6	20:0	Pie	911	9	0	0	0	0	10	·G	, i e	910	01	01	0	0	0	0	0	0	0	:0	0	! 69	:0	10	. 0	10	0	01	<u> </u>
A	0	0	0	0	9	0	2 : 0	: 0	<b>S</b> : 6	0	0	0	0	0	0	G	: 0	<b>S</b>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	:0	0	10	:0	0	0:	010
F	01	0	0	0	0	0	9	;	١١٥	S i	0	0	0	0	0	:0	) e	s i e	01	01	<u> </u>	<u>0</u> i	0	0	0	0	0	ō	0	0	0	je	10	0	<b>Ø</b> į	0	00
X	0	0	0	0	0	0	9	0	أو	9	0	0	Ø	0	0	0	ie	١٩	<u>ا اه</u>	<u>o</u> į	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ø	0	10	10	0	0	00
T	0	0	0	0	je	10	ie	٥	ه (د	9	0	0	0	0	0	10	10	اد	9	नं	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0 0
AG					1			- :	•			- 1																						0	ा	01	010
AHA		_									•				0	:				- 7	:													-	0	<u> </u>	00
AC	<u>.                                    </u>				:			;						i			•	•	i														i		0		
X	1	- :		•				9	•		i				1	:																					010
	1								•				- 1			:	•																				00
≥					:			ı	i		:				:	;	ï	- 1	•	- 1			- :										1				0:0
12						_	:	i	i		- 1	•					•	•	:	:	- 6	:															olo
S									•					1																							010
10					·				- 3					1								0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0:	00
0	0		- 7		ì			:	:	:	:				i	:			1	,	:				0								:00		-	_	0:0
Σ			:		1		;	1			:	:				•		:	÷	•	- 1	i				•				:							010
¥	ō	<b>o</b> i	0	0	0	.0	10	16	9 0	9	01	0	0	0	0	0	10	0   0	9 (	9 ! 6	<u> </u>	<u> </u>	0:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0:0
-	0 ; (	١ۻ	ص	0	.00	10	100	10	, i c	S) 1 (	0	0	0	S	0	0	16	910	S) i	201	O !	01	0	<b>0</b> i	<b>©</b>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	Ø !	0 0
9	0:0	01	0	0	0	0	0	S	oje	o i e	o i	0	0	0	0	0	! 6	<b>&gt;</b> (	9:0	910	o i	0:	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	011	010
Е								:	:				_										_	_							_	:	_			-	
၁	ਜ	<del>FT</del>	7	ਜ	ન	न	٠,	1 6	110	711	7	~	ਜ.	П.	н	<del>-</del>		1 .	-110	7!	<del></del>	<del></del> .	<del></del>	<del></del>	⊣.	<del></del>	₩.		m	Н,	<del>-</del>	7	: 🕶	<del></del>	<del></del>	नंत	714
В	96537	96538	96539	96540	36541	36542	16543	165.44	200	00040	96546	96547	96548	6249	6550	6551	16557	2 2 2	212	4000		9229	6557	6558	6229	6560	6561	6562	6563	6564	6565	6566	2959	6568	6269	6570	Ø6572
H	g :	5	जा ला	7	<b>m</b>	4	2	100	· : C	- ! •	ا دد : 00	بر 10	ارد ارد	अ	2	<u>w</u>	10	10	<u>ון א</u>	210 110	0) ان اداری	S) (1	9:	<u>م</u>	001	(O)	8	01	0	9:	0	0	165	00.	60:10	9 6	<u> </u>
⋖	9770	6//1	0771	0771	0771	0771	0771	0771	077	1	12/0	0771	0772	0772	0772	0772.	0777	0777	2770	7//0	0772	2//0	0773	0773	0773	0773(	07738	07735	07746	07741	07742	07743	07744	07745	97746	4//9	07750
$\vdash$	∞k	ומ	ज		7	33	4		 	<u> </u>	Ţį.	σī	n l	ol	<del>_</del>	~	lc.	ī	FL	) k	o la		مام	الا	न		\.	م	٠,		ان	_	~ I	~ I	<u></u> ~τ		اس
	653	000	624	654	654	654	654	654	<b>65</b> 4		024	450	654	655	655	655	655	<b>655</b>	SEE!		000	000	2000	025	656	656	1020	656	6564	656.	656	6567	6568	6569	65/7	007	6573
																															_						

4
Φ
-
表

置	
<b> </b>	
<b>E</b>	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
U	
<b>8</b>	
<b>W</b>	
	<u> </u>
<b>▼</b> 0:0:0:0:     ▼   0:0:0:0:     ▼   0:0:0:0:     ▼   0:0:0:0:     ▼   0:0:0:0:     ▼   0:0:0:0:     ▼   0:0:0:     ▼   0:0:0:     ▼   0:0:     0:0:    0:0:     0:0	0000000000
	00000000000
\$ 010:01010:01010101010101010101010101010	
विनानानानानानानानानानानानानानानानानानाना	
Q	0101010:0:01010
V s s s s s s s s s s s s s s s s s s s	
	0101010 0101010
	@:@!@!@ @!@!@!@!@
<u> </u>	
	· · ·
	· ·
	010101010101010
4 0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:	0 0 0 0 0 0 0 0 0
	0101010101010
<b>▼</b>   0.0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0 0 0 0 0 0 0 0 0
N 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	· i .
0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	: :
Z 01010101010101010101010101010101010101	
★ a: a: a: a: a: a: a: a: a: a: a: a: a:	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
	010101010101010
Q 0/0/0/0/0 0:0/0/0/0/0/0/0/0/0/0/0/0/0/0	0:00000000000
ш	. :
0	ਜਾਜਾਜਾਜਾਜ <sub>ਾ</sub> ਜਾਜਾਜ
8	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
86573 96574 96573 96574 96573 96574 96575 96575 96575 96575 96578 96578 96578 96578 96578 96578 96578 96579 96570 96570 96570 96570 96570 96570 96570 96570 96570 96570 96570 96570 96570	9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9 9
2 2 2 3 2 3 2 3 2 3 3 3 3 3 3 3 3 3 3 3	9 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8
A 07752 07753 07753 07759 07759 07764 07774 07777 07777 07777 07777 07777 07777	776 3776 3776 3776
	· .
27777777777777777777777777777777777777	- NEXX 10 F B B
65599 65599 65599 65599 65599 65599 65599 65599 65599 65599 65599 65599 65599 65599	1900

L	•	7
C	X	)
*	-	-
1	ď	×
1	п	н

	Γ				813	<del>-</del>							_					_		-		190			-		_		_			9			<del></del> -
異	L			· -	-		:			:	:							<u>:</u>				1766										222	i		
<u>@</u>		:		:	1748	: :				:						:	:	:		•	!	1669	i !			į			:			1265	:		
BH		-	;	:	H	·		_	_	-									-	:	<del>: -</del>	न	-							-	<u> </u>	ਜ		:	
BG			,		99		:			:	:		_		!	-			:	_	:	6	-						-			127	:		
BF	Γ		;	:	δ.	ł					_					:	:					.8	:									m	:		:
H	L	<u>.</u>	<del>,</del> _	:	100			_	_	! 						: !	· -		: 	-	<u> </u>	9	-									8			•
器		:	:		1732	 ! :							İ						:	!		5448				!			:			7395		:	
0	0	10	10	10	Ø.	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	·   0	9 305	0	0	0	01	0	0	01	0		0 102	<u> </u>	<u> </u>	00
용	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ना	्र छार	9 0
A A B				<u> </u>				i i											٠.	: .	i.							į				:			00
1	0	10	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	: S) (¢	8 8
B		· • —	+	iə	-	-		-	-	-1	ᄀ	ᆏ	넺	ᅱ	ᆸ	-	-1	ㅋ	-	H	-	ī	н	н	ᆏ	급	4	н	н:	П	न	₩.	ਜ,		<del></del>
<b>S</b>	0	io	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	ø i ø
À	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	69	010	916	0 0
AMAGAGASAUAW	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	910	o o
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	o i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	916	0 0
AK	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>6</b>	0	0	0	0	0	0	0	0	ठा	<u>ा</u>	9 6
A			<del>-</del>	-		:		L !		<u>.</u>										. !	!	: :			. !		:		- 1		•				0 0
ABAG		:	1	:	<u></u>				į ,	į į	, 1	,		! :		i.						! 1			- 1		i	:	1	- 1		:	i	;	9 6
₹ O	ᆫ			•							i :				Ι,		: :	! '	٠.						- ;	- 1	:		:	•		:		t	9 6
AAA	1_			:	<u>i                                     </u>	<u>i</u> :	:										i I	1	1					1	ŀ	1	į		•	,	i	ŧ	:	:	010
X	<u></u>	<u>i</u>	<u> </u>	_									i		L			li			1			: 1	1	ì	i	i	i	:	- 1		i	•	0 0
3	L	i	<u>.                                    </u>	<u>:</u>					<u>L</u> i			_ :				:				:	: !	. :		•	:	•	i	!	į	i		•	:	•	00
5	6	10	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>:</u> عادة	9 6
S	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	916	9 0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	6	0	0	0	010	210	910
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>ां</u>	Sie	9 0
Σ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0		0		0	8	0	0	0	0	0			<u>s : e</u>	910
¥	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0					0	0	0	0	0	0	0		010	2016	010
_	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0:	0!0	9 6	010
5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	010	S : C	<u>oie</u>
E			:			<del></del> ;				<del></del>				<u>;</u>				. :					- :			- :	-:				: خ	_		<u></u> -	$\vdots$
	-	· ল	<del>.</del>	<del>-</del>	9	<del></del> -	H	ਜ	ਜ	<del>-</del> i	m	ਜ	ਜ	नां	7	<del>, ,</del>	<del></del>			-	i (-1 )	7	<del></del>	<del>-1</del>	<del>,</del>	न	<del></del> -	7	٦,	<del>-1</del>	स्ता	<del>(-1</del> :	7:4		<del></del>
ပ		_		:					:													:		:				•	:					,	
8	609	610	611	612	613	614	615	616	617	618	619	620	621	229	623	624	579	979	279	628	629	630	631	632	633	634	535	536	537	538	539	540	241		96644
Ľ																																			
آمر ا	738	795	793	794	795	962	797	798	880	801	802	88	805	208	808	810	811	812	813	814	815	816	817	818	819	820	821	822	823	824	826	827	828	220	07834
۲	ø	ò	6	6	6	6	6	6	8	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6	6 6	6	6	6	6	616	કોંદ્ર	816
H	0	F	7	က	4	S	9	N	<u></u> ω	ച	o	=	Ņ	က	4	ار.	ဖြ	N	ωl	6	o	<u>-</u> 1	N	က	41	2	او		ωl	ച	ol	<u> </u>	νþ	٩٠	1
	199	361	561	361	9	9	<u>ဖွ</u>	<u> </u>	9	9	362	262	295	205	362	295	362	295	295	562	563	563	9	563	563	563	563	63	993	63	964	490	ŏ,	74	6645
	۳.		2	٧	J	<u>عا</u>	۳	۳	<u>"</u>	٣	۷	<u> </u>	<u> </u>	الا	Ę	Ψ)	9	۳	Ψ	Ψ	9	ات	۳	ات	٦	اك	ارد	9	9	۳	اص	او	o d	عاد	صر

					_													_												_						<del></del> -
凝			:	:		•							· i		٠	:	1	5266		11	1558	!	:						:	:			18	1379	•	
8			-	i			:							-				2228	!	į	1211		!	:			:	i		;			15	1043		
핆												:						न	<del></del>		<del>~</del> ;	Ì	∹	i			-	+					! •	4 5	:	$\Box$
86	_		_	_	-	_	-		_				— į					278		1	284	 :	i	<del></del> -							_ <del></del>		10	163	i	
			<del></del>		<u> </u>	_	<u>:</u>	÷										7.		•	4	<del>-</del>	÷		_!		<u> </u>	_	_+	<del>.</del>				9 W	+	<del>;                                    </del>
B			i		:		:		:					;				8	;	:	8		3							1				2 2	•	:
BE			:		:		: !		:									2555	-	•	249355	:		-:			:	:		-:			1	20868		
0	0	(O)	0	0	0	io	10	: 510	01	0	0	0	0	0	0	0	0	22 0	0:			0	0	0	<u>.</u>	01	01	: 61	0	0	0	0:0		8   8	<u>.                                    </u>	0
B							:	1	:								,			·	_	_ :							;			:		0 0	<u> </u>	
AYB,	L							÷					:				!			_ ,	:	:	!		:				:					9 0	-	
5		:			i		:	:	:			•								- :	:		:							:			:	<u>.</u>	:	!
ATA	1	7	ਜ-	~	<u> </u>	<u>:</u>	:		_;			<u>!</u>		⊣				!	<del>,</del>	_:	i	i		!	_:	_ :		- ;	_;	_	-	<del>-1</del> 1	<del>.</del>	- -	-	12
S	0:	0	0	0	0	S	ie	91	0	0	0	<u> 6</u>	0	6	0	10	0	0	0	<u>.</u>	0	0	0	0	01	91	01	01	0	0	0	0:	Ø:	010	10	110
B	0	0	0	0	: ! Ø	ıs	10	o i	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	<u>ा</u>	0	<u>6</u> ;	0	01	o i	0	0	0	0	<u>.</u>	0	o i	0 0	10	. 0
P	0	0	0	0	10	S	ole	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>o:</u>	0	0	0	0	0	01	01	010	16	ilo
AMA	0	Øi	0	0	0	16	10	si	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	01	0	0	01	0	0	0	0	01	01	0 0	IS	ه إ
AK	0	0	0	0	0	is	oic	s i	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	<u>o</u> i	01	01	0	9	Ö	0	0	0	0	o io	16	10
7	0	0	0	0	0	6	0	9	0	0	0	0	6	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>6</u>	01	0	0	0	0	0	0	0	0 0	2 0	10
AG	0	0	0	0	i ©	įs	o i c	9	0	0	0	0	6	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0 0	ांड	110
A	L						٠	. :			·	:	-	!		<u>.                                    </u>	<u>:                                    </u>	!				-			:	- 1		:					:	0 0	!	<u>.</u>
AC	0	0	0	<b>©</b> 	1 G		1	9	0	(O)	0	0	: <b>6</b> 3	0	; (0)		9	0	0	0	0	91	0	0	91	Ø1	0	ا <b>ہ</b>	0	0	9	91	ا وہ ن	010	100	
¥	0	0	0	0	is	16	i	91	0	(O)	.0	i 69	100	0	; ©	10	10	0	0	0	0	0	0	<b>©</b> I	0	<b>©</b>	0	0	0	0	0	01	01	010	15	10
>	0	0	0	0	:0	) i G	1	ا <b>د</b>	0	0	9	0	9	0	0	:		:	<u>.</u>	. :			::			:		:						010		!
≥	0	. 60	0	0	: 6	) : C	9 6	9	0	i <b>o</b> o	: 0	0	9	0	: 69	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	010	- 16	 
2	<u>L</u>			:	1		i_	_ 1		<u>:</u>	:		!	į	:	:	:	!	::										_					010		
S	_		:	!	1			:		<u>:                                    </u>	:	·	<u>:</u>	<u>:</u>	<u>:</u>	!	:													_	:		:	010	i	1
0	L		<u>.                                    </u>	:				_		!	:	:	<u>.                                    </u>		<u>:</u>	<u>.</u>	<u>i</u> _	1		ٔـــــــــــــــــــــــــــــــــــــ				<u>.                                    </u>										010	-:-	
0	<u>.                                    </u>	: O	:	:	į		i	:		<u>i</u>	:	:	<u>:</u>	!	1	<u>;                                    </u>	!	i	0	:			<u> </u>	٠. '				l 		_				010	i	
Σ		0			16	٥. ه	910	9	0			9	9	9	.0	10	9	10		9	0	0	0		0	01	0		0	0		0	0	0 0	9 6	ه ز د ا
$\forall$	0	:0	0	0	IG	) : C	<b>S</b> : 6	01	0	: 60	0	! 60	10	0	. 0	: 69	10	0	100	9	0	0	0	0	0	0	0	Φ.	0	0	i ©	0	0	<b>6</b>	) i e	واد
F	0	0	0	0	10	0	9 . (	9	0	0		: 0	10	9	0	10	10	0	0	0	0	0	0		0		0	0	9	0	Ö	0	0	000	o i c	9 6
5	0	0	0	10	116	010	916	9 !	0	0	0	10	10	0	0	i 69	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0 0	916	0 0
Ш		•		:			•			:		:	:						;			:		:							:					
U		2	त्न	1 4-4		1 · 4	4 i e	m i	٦	<del>, -1</del>	1	<del></del>	्न	i=		: ~	ं स	: -	न	· <del></del>	Ή.	त	7	<del>.</del>		-	ਜ	7	<del></del>	: स्न	•	· e ·	<del></del>	<del></del>	4 : +	110
	<u> </u>						-				-		100	<u> </u>	·						-				-	-	_			_					0 1 4	N 6
8														•	-										•									06677		
A	7835	7836	7837	7838	7830	210	040	7841	7844	7845	7848	7849	7850	7852	7853	17854	7855	7856	7887	17858	7859	7860	7861	7862	7863	7864	7865	7866	17868	17869	17870	7871	7872	07875	7070	7879
L	ļ			-	:		:			· -	i	:	<u>:</u>	!				_	<u>:</u>	:	i	!							: !	•	_	_				
	6646	6647	6648	6649	GREC	CCC.	000	200	6653	6654	665	6656	6657	6658	5650	666	999	2999	6663	999	999	9999	/999	9999	3999	199	. 799	2/99	299	6674	6675	9299	//99	6678	2507	200 200 200 200 200 200 200 200 200 200

ı	•				
(	3	(	)	1	
1	1	,		•	
۱	1	ı	ì	l	

K K	2360	:	<u> </u>	٠.	:		_	:	:	_				:	<del>-</del>		:	<del>-</del>	:							:	<u> </u>	:	<del></del>	-					- ;	
				i	:		· -	<u>i</u>	:	_			-	:	<u>:</u>	<del>-</del>	· <del>:</del>			:	· ·	_	!			_	: 				-	ţ			:	
E B	1 1700		<u> </u>	<u>!</u>			!	<u> </u>	!		:	-	_	L	L	<u> </u>	:	:	<u> </u>	:			:	:			!	! !			!					
8		1	<u>:</u> _	į_	_		: <u>:</u>	<u> </u>				:	_	Ĺ	i	: i_	<u>.                                    </u>	1	<u>:</u>	i :	<u>:</u>	· :	:	:			:	!	:						i	
86			: 	<u> </u>	_	_		:	_		·-		L		:	:	!			:		:	:			:	:	- -		:	-	:				
胎	98.6	• •	-		!		!	:	;	:	:	! .	el I			:	:		i	i		<u>.</u>		: . :				į į		į	i					
BE	82		•	<del></del>	:			<del>!</del> .	<del>:</del>	•	<u>.</u>	<u>.                                    </u>	-	-	i		<u>:</u> :	-	-	<del>.</del> .	:	•		•			-		<u> </u>	<u></u>	:	-	<del></del>		-	_
L	M602			Ĺ	:	<u>:</u>		:	:	:	i	:	:	į		!	:	:					:	: 1	. :					:	:	; .	•	:	:	
BC			•				:	1		:	•				:		•	1					i	: :			٠.			-					0	
AYBA				•	•								4				•	•		•													•		0	
\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\			:	i	•		:			•			1		÷	-			:	•	. '	•	•			,	٠.				: 1	•			0	
AUAV	9	10	9	0				<u>.                                      </u>	1	:	-	:	ł	i i	1	•	•	•					• •	:		:								- 1	010	0
ΙŽ	Ę	14	-	-					:				5			:				i eri															-10	7
dAS	1	10		<u>.                                    </u>			_	:			•		i	•	1	•	t			. :	:				:										010	
OAG	1												•																						010	
AMAG		1.		:				•					ŧ	:	t				•	- 1	١.										,				<u>oi</u>	1
1				:	•				1				1	,						٠ :															<u> </u>	
AK		<u></u>		ш.	:	-		•	•		1	!	ì	•	1_	i	1	į.	:	: :	4	ı i	; ;	: ;	- :	į	,	,		i	í				0	٩
GAI	┺	0	!	!	,		; ·		i				:	:	1					0																9
A	_	0			7					*		•		i	1		:		1																	٩
S																																			0 0	3
V	L.	1 1					•	!	:		*	;	•	i	1	•	:	:	i	: 1			. ;	:	- 1	- :	•	- 1					:		S   C	- 1
Y	1	I					i			:		•	ı	1	i	i	1	:	:	l i			. :		,	- 1	i		:		,				0 0	- 1
3	3	٠.			:			1						1	1					. ,															910	•
듬					t			i				ŧ	:	•	ŀ	:	:								- 1	:	:			:	:				o i e	- 1
S	1	:					:	•	•		••	•	•		•		•			:			: :		- 1		:			•					916	- 1
6	<u> </u>			,	•				;	:		:		:	1	:	٠.	į		: !	•	:	- 1		- 1				٠.		1				S 16	- 1
6	1.								:		•	•	•	•	!	1								1		i									916	- 1
Σ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0			0		9	0	0	0	0			0	010	9 0	9 6	۵
×	0	0	0	0	6:	0						0					0	0	0	0	01			0	9	0	<b>0</b> i			<u>.</u>	01	011	9;0	9 0	<u> </u>	ᆰ
-	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ब	0	0	0	0	<u>©</u>	0	01	0	0	0!	010	<u>s i</u>	9 6	5
9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>6</b> i	91	0	<b>9</b> i	0	<u> </u>	<u>o</u> i	9	0	0	0:	0	910	910	916	5
E																				<del></del>	-	_; ;		-	-			:								1
၁	7	-1	<del>न</del> :	7	1	<b>⇔</b> i	₩.	<del>, ,</del>	<b>—</b>	-	Н	ਜ.	-	-	<b>H</b>	н.	٦,	ਜ	<del>=</del> ;	<del></del>	<b>7</b> 1	H.	ਜ	<del></del>	<del>-1</del>	<del>,</del>	<del></del>	<del>d</del> i	ਜ :	-4:	<del></del>	<del>~</del> · ·	<del>~</del> ;;	7:7	110	ᆌ
		2	m i	₹ :	<u>د</u>	, (Q)	~	60	•	0		. :	<u>~</u>	**	10.	: (O						:			:											
В	8990	8990	8990	0668	0668	999	9990	9668	9668	6990	6990	6990	6990	6990	6990	6990	6990	36990	66990	96796	96791	96702	06703	96794	96795	96796	06707	96798	60290	96710	06711	06712	06713	00/14	00/15 06716	3
	7880	7881	7882	883	884	882	886	7887	889	890	891	892	893	894	895	968	268	868	86	901	902	983	8	905	60	911	912	913	915	916	917	918	916	220	22620	
$\Box$			•	- :								ī		:												9	6	6	20	6	6	6	9 6	9 6	9:6	5
	6682	83	8	3	989	8	88	83	8	6	92	93	94	95	96	6	98	99	9	5	76	312	2	2	910	3	200	200	⊇	=k	76	2	1	2 4	15	-
	99	6683	90	90	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	99	79	5	٥	اد	3					Š	<u>ار</u>	٥	2	200	/0	7/2		;
															_,																					ل

Ж				1			3520														,		:	_	-			<u>·</u>	:			•		
<u>8</u>				:		!	457				-					<u> </u>							<del>:</del>					<u>.                                    </u>	<u>:</u>			:		+
BH	┝÷	-	<u></u>	-		-	13	Н	<u> </u>			<u> </u>								<u>—</u> į	H		· ·	_	-		_	<u>.                                    </u>	_		<del>-</del> :	<u>.</u>		+
ច	-	<u>.</u>		÷	<u>.                                    </u>	: 	29		_			<u>-</u>	-			_			<del>-</del>						: 			_	<u>.                                    </u>	-				
E B	÷	<u> </u>	:	<u>;</u>	•	-	6					_		_	<u> </u>	_		ب	<u>.</u>	<u> </u>	_:	:		- ;				•	-	_			!	$\dashv$
BF						!	91			! 	:		·	! 					· '			. :						:			, ,	:	i	1
BE	:	٠	·! :		•	:	13852			. !							:	: :	:					-	:							٠.		
Ö	0	010	ی او	9	10	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	916	10
AYBABC	<b>0</b> i	<b>©</b> ∶0	9 6	9	10	0	0	0	ना	0	0	<del>-</del>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	9 6	, 0
	7	Ø i ø	9 6	oje	0	0	Н	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	o i c	0
Adasauan	0	010	ی او	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	010	9 6	, TO
Ž	1	<del>مارد</del>	71-	110	ije G	<u>.                                    </u>		:			. ,	ć	•	•								: :	٦.		٠.			-	ਜ -	7	ਜ	<del></del>	नांस	1
dAs	L	6 i 6						·															0				0	60	.0	0	0:		216	
P		010		.:		:		:							0		0										0	10	0	0	0		<u> </u>	
AMAO	0:	0	9 6	10	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	o i c	10
AK/	0	o i	9 6	10	ंठ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9 6	10
₹	_						•			! !					•	•	: :				٠,		, ,										216	
ABAG		010		<u> </u>	i	Ĺ		: 1	. ,		•	•		:		1	: :	:			1 (		٠,							: ;			0:0	: 1
ACA							:	• :	:			:										•								•			0 0	'
ব		- 1	_ :	╧	1	!			L				i			!	: ;		: ,	. :				-				:	i	i '		-	2 0	1
ΥA	0	0	وأو	10	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	© i c	9 6	0
3	91	0 0	9 6	ie	6	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	010	9 6	10
D	- :	:					•	: ,	,	:					1			: .	. :		:							i	: .	٠.			o i c	. 1
S										:	:					•	:		. :		٠.				•			•					9 6	
0		_:	1.	1		<u>:                                    </u>	!	<u>.                                    </u>	• :	:		•	<u>i</u>	t							١ :					:		•	:	:			2:0	: 1
0		-	_i_	:	Ĺ	1	i	į i	:	:	:	:	:	i	٠.		:	: :					: :		:	- 3				:	:	;	9:0	
Σ		_:	,	1	<u>i                                      </u>	<u>:</u>	1 -	l		1	;	ļ	i		:						i	i	i :					,	1	:			916	.
X					:	<u>:</u>	1	1		:				:	:				:		•		. :	:									210	
1			:	·		:	;				. '	ı	:	•	•			•			•	٠.			•						-		210	
9					_		:						_	_			-		_					<u>.</u>			_		_			<u> </u>	2010	
E	m ·	<del></del>	4 -		: !: <del>1</del>	<del>, , ,</del>	7	-	7	m		7	—	_	<del></del>	П.	н.	<del></del> -	ਜ:	<del>-</del>	<del></del>	П,	<del></del>	₩.	<del></del> ;		-	_	+4	₩.	ਜ.	<del></del>		
ပ								:																							•			,,,,
_	717	718	22.2	721	722	723	724	725	226	727	728	729	730	731	732	733	734	33	36	37	. 38	33	40	41	742	43	4	45	46	47	8	<b>⊕</b>	8 1	22
В	8	9 8 —	9 6	9	98	96	ğ	8	90	90	96	90	90	96	9	90	98	9	90	90	9	90	96	90	90	90	90	96	96	90	967	90	96751	290
A	7923	7925	7928	7932	7933	7934	7935	7936	7937	7938	7939	7941	7942	7944	7945	7946	7948	7949	7951	7952	7953	7954	7955	7956	7957	7958	7959	2960	7961	7963	7964	7965	02670	969
							:		,	:	: :									•													:	.
П	8	200	312	22	23	24	25	26	27	28	59	30	31	32	33	34	33	36	37	38	33	4	4	42	43	44	45	46	47	48	6	<u>S</u> F	<u>.</u>	2
	6	2/0	2/0	29	29	<b>2</b> 9	29	<b>29</b>	<u> 19</u>	29	29	29	<b>29</b>	29	<b>29</b>	29	29	29	29	29	/9	29	29	6	29	2	29	. 29	.79	7.9	29	200	6757	
					_											_				_				_				_						لند

	Г						_		:	-						_	<del></del>			_	,			<u> </u>	_	_				7	S		<u>m</u>		
異					:			:	:	:			:			-					i		,	. :						-	685		2393	٠	
噩					!				:	:	:	1		:	:	:				. :	:		!	. :	:		!			6865	491	:	1995		
BH		•					:	i	:	;	:	;	; ;	 :	_	:		-							:		:			-1	H		न:		<u> </u>
BB			-		:			-	!	:	!		!			i					<u> </u>				. :			<u>.                                    </u>		96	195		283		
#	Γ			!	i	:	•	: -	<del></del>		:	:	<u> </u>	:				<del>                                     </del>		!	:		<del></del>	•				-		0		_	·+!	•	
	L	<u>.</u>		i	: :-			:	: 	: 		—			, 		<u>.                                    </u>	-	_	<u>.                                    </u>	: 	· 		:						18		:	.8		<u>.</u>
BE					:	:						<u>:</u>	:	:		:			:	:		:		. •				:		<b>485168</b>	891	.	88		:
5	6	10	0	. 60	:0	0	10				6	·	!	_			•									_		-					₹63		0 0
層	L			:				:						:	!			<u> </u>		i				i	:				. :	•	<u>.</u>		. :		010
KAMAGAGASAUAWAYBAB	L												· -	:	:			:			:	: :		:		:	:	:				:			010
¥ A	L			<u>.</u>	1				!		i	:		ĺ			٠,						: :	4	:	į			: :	;	:		٠.	н.	ਜਾਦ ਜਾਦ
ş	7	<u>.</u> ,स्ये		i	:		!	<u>!</u>	:	:	:	<u> </u>		!	_			<u> </u>		: :	:				;							<u>.                                    </u>		0 i	9 9
3	0	10	:0	0	6	10	10	0	0	0	0	0	ြ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	o i	<u>oio</u>
ত্বি	0	10	0	6	0	: 0	:0	0	0	6	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0	0	0	0	0	0	6	0	01	0:	0 0
ð	0	10	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	o i	010
AM	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	00
AK	0	10	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0
AIAI					!		<u>:                                      </u>			!	:	<u>:                                    </u>		1		:		:						1	1		:	. ,			:			;	ماه
CABAG			<u> </u>	<u>i                                      </u>	i		:	:			<u>.                                    </u>	!		1	<u>:                                    </u>		•						: :				i	;			i			;	0 0
S	L				:					:				:			•									:									0 0
AA			<u> </u>	:	<u>L</u> .	i	i			:	Į.	i	i '			i							1		:	1	i						:	- ;	0 0
A	L_		<u>:</u>	:	<u> </u>			: i	<u> </u>	<u>1</u>	<u>:</u>	:		i	<u>.</u>	i							١.	. :		į					:		:		<u> </u>
W		1	i	ţ.	!	į	:	:	i	: 		<u> </u>	:	İ			!	l i				: :			· i	:			: :	:					010
Y	_	<u>.                                    </u>	<u>.                                    </u>		ii	i	(	·		i	<u>i_</u>	<u>.</u>	L	<u>.                                    </u>	L	1		ı							. :	;							. :		0 0
S	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ड ं	010
0	0	10	0	0	6	10	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 :	<del>o : o</del>
0	0	0	0	6	0	10	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	01	<u> </u>	010
Σ					0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	0 0
×		0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0 0
	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	010	9 6
9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	010	910
E		:			_						<u>.                                    </u>						 :			<del></del> ;				<del></del> ;	<del></del> :			:	<del>- :</del>		· 				<del></del> -
H	2	-	ı ei	. <del>ल</del>	<del>, , ,</del>	· <del>с</del>	<del>-</del>	'n		~	-	<u></u>	н	त	Н.	न		त्न	<b>H</b>	н	н	ਜ	ਜ:	4	ਜ	ਜ	ਜ	ᆏ	<u>د</u> ده	7	7	ਜ.	~	н.	नःस
ပ					:		į			:	•								:					:	:			:	:	٠					
_	753	754	755	756	757	758	759	8	761	762	763	7	765	992	767	268	69	270	771	222	773	774			72	278	23	8	781	782	833	784	28	9:1	06788 06788
B																																			
	971	973	974	975	926	212	981	986	987	988	989	966	991	992	994	995	266	998	666	8	991	8	903	8	805	8	200	808	8	910	911	912	913	914	08016
Y	62	0	20	6	6	6	20	6	6	20	0	6	6	6	6	6	6	6	6	8	8	8	8	8	8 8	စ်	8	8	8 8	ĕ	88	98	8	8	8 8
Н	4	2	9	7	ω.	6	0	F	7	က	4	2	و	F	∞l	ച	ଚା	<del>-</del> -	<u>ري</u>	က	4	<u>.</u>	9	<u> </u>	<u></u> Σ	ກ	ा	_	7	ന	41	ام	σŀ	_ lo	<u>බ</u> ෙ
	1	675	675	2	1	3759		7	/	1	$\sim$	7	/	7	$\sim$			7			7			77			780			<u>~</u>	$\sim$	<b>~</b> ₩	~1	~P	89
ш	۳	2	3	ت	2	ဖ	9	9	9	9	9	۳	9	9	ဖ	ဖ	ဖ	ဖ	ဖ	9	ဖ	9	9	ال	اِب	9	9	<u>ဖ</u> ျ	ဖ	ဖ	ဖ	ဖ	ωķ	οķ	oko

																			•											
Ж	852							:	3455	:	1		•			17.	, ()		. !	369			15	4787	5		:		2312	
8	236	*					•••		3344	:	:	•			:		730	,		172	-	:	10	2730	)	,	:		2087	
H	-								-	:	- :	:	-		_	15	75			ਜ			1	Hie	4	<u></u>				
BG	300					:	<del>:</del>	·	112	:		-				19	246		;	143				43.0		<u>:</u>	:	-	157	
	~				;	•			7	1	-	;	<del></del>		:	10	×0 ;			4		:	1	717	?:	<del>:</del> -	·-	. :	İ	!
BF	6	:	. : 		:	:	·•		8	i 	-	:				16	8 		!	2			:	18	₹:	:	: 		ě	<del></del>
BE	28407	÷			:			.	65024	•	:				•	10	14199		:	16453			10	63625	66476	:	;		86840	
BC	0	0 0	101	010	o i e	عاد	010	0	0	0	0	ा	01	0	010	9 6	<u> </u>	910	10	0	01	010	0	0 0	ع ز د	16	10	0	0 0	000
	0	0:0	10	01	9 ! 6	216	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0	0:0	<u>s :</u>	9:0	: <b>&gt;</b>   <b>0</b>	10	0	01	0:0	: :0 i (2)	910	)   G	0:0	10	1001	0:0	000
AYBA	01	00	10	0:0	010	>: G	0.0	0	0	0	0	0:	0:	01	0	9 (	9 : 0	: <b>910</b>	10	(0)	<b>6</b> :	0	911	710	916	0 : 0	. 6	100:	010	0.00
N N	ı	न न			:	:	1			:	:					·		ं नःस	<u> </u>					.!			<u>.</u>	i e-t		<del>.</del>
1	نند				:_	_i			1						•		•	i						- !	:		:	101	0 6	: : 0 0
S	<u> </u>					i				<u> </u>										: :	_		٠.	i			:			0:0:0
dadasadaw			: :						: 1	:	1									:			:		٠		·	<u>:                                    </u>		01010
P						1						_ :													_:_		· 			0:0:0
AMA	<u> </u>					:		,		- 1	·									:						:				0.0.0
₩	1		: 1		i_	1			:			٠					:-						i	i_	ŀ					0.0
AIAK		010	<u>. i</u>	_:	_ i_	1	i		<u> </u>		i	_ :				_:	i	į					i	i_	į	:	:	<u>:</u>	i	0 0
9			: :		<u>!</u>	_ :		:	:		:				;		_ :			:			- 1		_:					000
臣	0	<u> </u>	0	01	مأه	)   	010	10	0	0	0	0	<u>ज</u>	0:	ठां	o i	010	oie	10	0	0	0	0	<u> </u>	916	516	0 0	:   Ø	<u> </u>	0.0
ACABAG	0	010	10	0;	010	910	9:0	10	0	0	0	01	0	01	<u>0</u> i	0:	<u> </u>	310	io	0	0	601	01	010	o i e	216	9 ! 6	:01	0 ! 0	0:0
ব	0	0 0	0	0	0	9 6	0 0	10	0	0	0	0	0	0:	0	011	010	<u> </u>	10	0	0	01	<u>.</u>	o i o	916	916	· ·	; <b>(0</b> ) I	010	0:0:0
X	6	0 0	0	0	<del>=</del>	o i e	: 9   0	0	0	0	0	0	6	0!	6	<u> </u>	्रः ठा	<u>ः</u>	0	10	0	0	: 0	010	9:6	916	010	ं	010	0:0:0
×	0	010	0	01	اه	9 6	916	10	0	0	0	0	0	0	01	91	010	910	10	0	0	01	: 0 i	010	916	: > i	0	101	016	o io io
F					- :		<u>i</u>	:		<u> </u>	i	ii	:	:	_ :		-	•	_i	l	<u> </u>	i.	i	:		<u>.</u>	į			
13	0	910	10	01	0:0	9 6	910	10	0	0	0	0	01	0	0	0	0	916	10	0	i	0	ठां	010	9:0	516	10	10:	010	01010
0 5	نــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ	1			<u> </u>		1.	<u> </u>	<u>i</u> :				!	:	_ :	1	:	.1	<u> </u>	1	1	1	:			1	i.	: 1	:	0 0
-	1			:				<u>.                                    </u>	•			1					:	'	<u> </u>		: :				. :	:	_:_			010010
0	نــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ	į.	!	•	i			i	: .				1		_!	_ :	_ :	:	i	!						_ i		1		9:0:0
Σ	نــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ		:		<u>    i                                </u>	٠	. :	:	:			<u> </u>		<u>'</u>					:	!	: :	:	i				:	:		•
×			:	:			:		:						:			1	:	<u> </u>	: <b>·</b>				•	'			•	9 6 6
-	0	Ø:0	0	0	Ø i	9 6	9 6		0	9		0	0	0:	0	01	01	010	110	9	10	0:	<b>O</b> I	010	S) ( C	9:6		! <b>©</b> i	010	0:0:0
១	0	0:0	oio	0	Ø į	9 6	0	10	10	0	0	0	0	0	01	0:	0:	0 0	10	10	0	01	0	010	S) i G	9 6	910	1001	010	0:0:0
ш			:		-				:										:	:	:			:		:				
	m	~4 : <del>~</del>	<del></del>	<del></del>	<del></del>	<del>-</del> -	10		. ~	<del>,</del>	-	7	П	-	Π.	ਜ:	ਜ:	<del></del>	·	:~	٠,	٦.	ਜ:	w i a		4:-	<del>ا</del> ر	٠, 🚅 :	Hir	4
ပ					_ :		1				i						:		:								•			٠
8	5789	5790	3792	5793	5794	7.95	797	3798	3799	880	3801	3802	3803	5804	3805	3806	2807	80 8	3810	3811	3812	5813	3814	2815	2 10	0:0	819	3820	5821	96823 96824
					:						:															•				:
	017	018	929	921	922	623	925	976	927	928	929	030	031	032	033	034	036	937	939	940	941	942	643	4	45	0 0	948	640	929	08052
<	8	8 8	8	8	81	Sic	818	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	818	:18	188	8	8	8	818	518	518	8	8	818	8 8 8
-	6	<u></u>	ılm	<del>.</del>	ΩI:	οh	- lor	lo.	0		2	8	4	ارد	او		ωk	שור	<del>-</del>	<u> </u>	ကြ	41	ام	J N	. Iα	olo		<del> -</del>	Nh	1 kg [ c
	6	66	79	6	6/2	20	26	100	8	80	80	80	80	80	8	စ္တု	8		8	81	8	8	8	8	00		82	82	92	6824 6824 6875
	9	ဖြ	9	9	9	οľ	၁၂၀	9	Ó	Ø	Ø	Õ	Ó	Ø	9	ဖ	9	ماند	) O	Ø	Ø	9	0	Ó	οļú	οlα	عاد	Ø	ωķ	ာဖြင့်

_	
-	
o	1
_	
٦.	
ш	ì

쑮	:	1345	}.			<u></u>		:	i :		1835	:	·	;	:		:			<del>- ;</del> !	:	:	!			:	:	:	:	!	_		1	1703	C6.)T	7
8	:	1120	4 !	;	-	-		:			1462			:		:	+	:	-	-		- 1	-	-		<del>.</del>	:	<del>:</del> !		· ·				1364	n i	1
표	-	14	1:	+		:		:			-	i	:	-			=	-:		<del>- i</del>	1	;			-	-		:				<u> </u>	-	-	7	٦
86	— <del>;</del>	787		:	<u> </u>	<del></del>	-			ļ	103	-	:		•					!		-		-				 -		_ <u>-</u> ;				0	200	
BF	:	0	• !	1		:		•		:	93.2		:	;	;			:		i	1							:	!	1			:	:	4.	
BE	:	752	 }:	<del>:</del> -	- :	<u>.</u>			:	<del> </del>	10036		 :			<del>-</del> †	-				<del>-</del>	:		:	<del></del>		<del>;</del>	_ <u>;</u>	•	:		•			₹ 1	1
	:	15	3	-			-	•			<u> </u>		i		!	. !		į	_	j	j	-	- :	:		_;	:		į	:				15	긱	
BC	910	S : 6	916	>   S		9:0	91	oί ∶	9	0	0	0	0	ΟΣ į :	01	<b>©</b> !	01	Ø į	<b>o</b> i	<u>ල</u>	0	0	ادہ	01	<b>©</b> I	01	<u>ا</u> و	0	-1	<b>©</b> I	0,	<b>စ</b> ၊	0 I	910	ه او	٥
BA	Ø i t	n ie		9 6	o i c	<b>S</b> : 0	9	0	0	0	0	0	0	<u>©:</u>	61	<b>©</b> !	9	0	0	0	0	0	9	<b>6</b> 0 i	<u> </u>	0	<b>©</b>	<b>0</b> i	<u> </u>	9	<b>©</b> :	<u> </u>	0 i 0	910	١٩	٥
A B	010	910	110	9 6	o i c	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>0</u>	0	Ø	0	0	<u> </u>	0	<u>©</u>	0	0	0	0	0	0	छ।	ा	s i c	510	۶
¥	<b>←1</b> 10	71.	1: -	4 -	417	<del>-</del>	٦	-	+	न	-		ना	<u>၈</u>	4	<del></del>	٦,	ਜ:	ਜ:	7	न;	ਜ	ਜ	ਜ	-	٦:	<b>-</b>	नः	ਜ	ਜ	~	ਜ:	<del>त</del> ,	٦ [ ٦	नाः	ᆌ
A	0	S id	9 6	9 6	516	910	<u>o</u> i	न	0	0	8	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0	0	0	0	01	o i	910	SIG	키
AS	0	0	oie	ه اه	9 6	9	0	6	0	0	0	6	0	0	0	0:	0	01	0	0	01	0	0	0	0:	o i	0	0	0	0	0	0	o i	ه زه	ازد	ē
न्नि	01	0 0	9 6	9 6	o i e	91	<del>o</del> j	ठां	0	0	0	0	0	0	0	0	91	0	0	0	0	6	0	0	01	0	<u>o</u> i	0	0	0	Ø:	0	0	او	5	회
<b>AQ</b>	010	010	910	9 0	9 i c	91	0	6	69	0	0	0	0	0	0	0	<u>6</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	6	01	0	0	0	0	0.1	<u>oi</u>	910	<del>s j</del>	ब
3	Ø	010	910	9 6	9 j d	9	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>©</b> i	010	sje	9	ᆰ
Σ	0	0	اه	0 0	9 0	اه	ं व	ᇹ	0	0	0	0	0	6	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	9 0	اھ	8
¥	0	<u> </u>	اد	9 6	9 0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	اھ	اھ	0
GA A	-	0 0		_!_	i		!							i				L	$\Box$	i	i				i								!	i_	_	0
哥	01	010	<u>:</u>	910	، عاد	0	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>©</u>	<u>0</u> 1	0	0	0	0	0	0	9 10	<u></u>	5
Ö	0	010	ه ا ه	s i e	910	<u>.</u>	اه	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	ø j	<u> </u>	ड़ों	ᅙ
AA	0	010	; S) ! C	s   c	9!0	91	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9 I	0	0	0	<u>o</u> i	0	اھ	하	8
A	0	مأه	910	9 0	910	اھ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ot	6	0
-	_ :	: <b>O</b> (	. !	:	:	. 1	:			<u></u>	_								: :			!					- 1						[		_1	
<u>₹</u>	:	010	Ĺ	Ĺ			:				_	<u> </u>			_									_		:	_					:			- !	
12		010		- !	i	1	i				<u>.                                    </u>			_	<u> </u>	1									لـــا		;						!		_ !	
S	l	010	!	i	1	į	;		}	<u> </u>	:	<u> </u>	L	<u> </u>					L					Ĺ_			_ :			_			i			
0		:	. :		<u>.</u>				<u> </u>		<u> </u>	<u> </u>	_	<u> </u>				<u>.                                    </u>	1				_		1		_			<u> </u>				- !	_1	
0		9:0	•	_ ;					i		!	<u>.</u>		1	i L	!	:	1	; !			<u> </u>	! !	<u>i</u>						<u>!</u>	<u>i                                      </u>				_:	
Σ	0	O i	۱۱ د ا	o i e	۱ و	ا <b>ده</b> :	0	0	6	; 	i @	0	0	0	9	0		0	:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9 I	9	0
¥	0	01	5	910	9	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	:00	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	91	ा	0
-	0	0:0	91	910	9	0	0			0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	i Ø	0	0	0	0	0	0
5	0	0:0	910	9	<u>.</u>	0	0	0	0	0	10	0	6	0	0	10		0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	o i	0	0
<u> </u>	-		:			<del></del> :			-	<u></u>		-	-	-	<del></del>	<del>: -</del>		<u>:</u>		<u> </u>	<del>                                     </del>	_	<del>-</del>	-				_	-	<del>:</del>	<del>:</del>		-			_
岸	-	N ::	4	<del></del>	<del>.</del>	٦.	_	7		اجما	!	: : ; ;	-	(တ	-	<u>ः</u> . स	. <del></del>	<u>:</u>	: (स्प	: . ~	<u> </u>		: - <del></del>	<u>; —</u>	<u> </u>	-		<u>.</u>	7		: 2	<u> </u>	ਜ	<del>- 1</del> 1	ਜ:	_
ပ				1		:				:	:	:	:	:	• :				:				;							i	:			: 	· : 	
8	96825	96826	2890	06828	06829	06830	96831	06832	06833	06834	06835	06836	66837	06838	06839	06840	06841	96842	06843	06844	06845	96846	96847	96848	06849	06850	96851	06852	06853	96854	96855	06856	06857	96858	96859	09890
A		08055																															08087			
	928	6827	8780	3829	22	1831	1832	3833	1834	3835	3836	1837	1838	3839	3840	3841	3842	3843	1844	3845	3846	1847	3848	6849	1850	3851	1852	3853	3854	3855	3856	5857	6858	3859	2860	3861
	0	9	ام	<u>o</u> ľ	ام	9	9	စ	Ф	Ф	Ю	19	<u> </u>	9	10	9	9	10	9	9	9	9	9	φ	9	9	9	9	10	ſΦ	φ	9	9	9	<u> </u>	20

		<del></del>		_																														·
æ	<u> </u>	1821				:				:		:		1746		:				. ;		1360	: i .	·					4403				:	
8		1597			:	:					-			1582			-					1197		:					4183			1	•	
H		Fi.	: :			i				:			_	H				-				-1		-					ㅋ			<del>-  </del> -	÷	:
BG		577				-:			-					165							_	166	<u>.                                    </u>	<u></u> ;					221				<u>.</u>	<del>-</del>
1	!	×,						_				·		190	:	:			 :		-	00							'n		-	:	÷	+
18		<u>.</u>	- 1							:		:		-								8	: 						8				:	
BE		013627			:					:				(07695					:   .			100503			. !				<b>480482</b>			:		
BG		9 6	0	01	ा	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	010	2 6	10
াব	01	0 0	0	01	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	+1	0	0	0	0	0	0	01	010	عاد	0
AYB,	0	0.0	0	o i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ना	0	0	0	0	0	0	0	ی و	0
X	-	नान	H	4	el i	ᆔ	ㅋ	-	ਜ		त	17	ᆔ	7	H	7	ਜ	+4	-	-	н	m			ㅋ	m	ਜ	-	-1	S	H	71.	1,-	ान
1	o i	9 0	0	01	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	o i c	10
AS	011	0 0	101	0	0	01	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	010	o je	0
ब्रि	010	910	101	<b>6</b> 1	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	010	916	. io
O	010	910	<u>।</u>	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	010	016	10
AMA	S)	9 0	0	<b>©</b> :	Ø i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	o i	ی او	10
X	ठा	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ء أح	10
1	0	0 0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	916	0
AG.	0	00	0	0	0	0	<u>©</u>	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	io
A	ळ ।	<u>ब्र</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठ	0	0	0	0	0	0	010	916	0
B	0	9 0	0	01	Ø į	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	o i	عاد	0
ব	0	9 9	0	0	न	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>61</u>	0 0	2 6	0
X	0	010	0	0;	<u>©</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	010	9 6	0
	0	0 0	0	01	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	0	0	0	0	0 0	9 6	
片	010	9 0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	010	316	9 0
		9 0	<u> </u>	1	_ !	- 1	_ !			_ :	į	1			1 1	l	i			! i			١.		1		1			١.	:	ţ		1
6	. :	910	1	i	i	ı	•			•		ĺ	1		l i		) i	1	l į	i		! :	; 1		i	i	i	i :		1	;	i		: .
-	<u> </u>	0 0	, .	:			:				:	!	:			•	i	i					! !	٠,			i	i	.			- 1	1	1
10		00		•	- 1	- 1	ļ			! :	i	i			! !			li		1					ļ		- 1	: 1			į	i	!	
Σ	l . :	1		•	- 1	:	•				:	:			. !			. !	!	i				١ ۽		:				:		•	1	,
×		010			:	. 1				:		,								' i		:	:	. :	- 1	ì				•		i	į	
	<u> </u>	<b>.</b> 6				•	:		•								'		٠.:				:	:	•	:	:		. !	:				
9	0:0	0:0	0	<u>0</u> 1	01	<b>6</b> 0 i	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	01	0:0	916	Ö
Ш										:								-	_:								-			:				
ပ	•	न्ःस												•	•				:	•		. :		:				. !		:		7	110	i e-d
В		96863																																
A	08091	08093	08094	08095	0800	08097	8698	66080	08100	08101	08102	08103	08104	08105	08107	98198	08109	08110	08111	08112	08113	08114	08115	08116	08117	08118	08119	08120	08121	08122	08123	08124	08126	08127
<u> </u>			•			•	•	:		: :		:	•				:	-	•	:				į		:	i	:	į	:		- 1	:	
	7989	6864	6865	6866	6867	6868	6869	6870	6871	6872	6873	6874	6875	6876	6877	6878	6879	6880	6881	6882	6883	6884	6885	6886	6887	6888	6889	6890	6891	6892	6893	6894 2007	6896	6897
									_				_			_				_	_			1					_				ـَـــ	

	_						100	-	,					_				_					_													_
품			:	:	·		2969					:		:	:				2051	4107		į	8	:	:	•			:	i :	:					
8		:					2021		: 	;			i	İ	!	:	:	:	1454	4016		1	513						i !	-	1	:	:			
BH	Γ	:		:		•	1-1		!	:		į	-			· ·			-		-		65	<del> i</del>	<del>i</del>			_	<u>.                                    </u>	<del>!</del>			<del></del>	-		
BG	T	:	<u>:</u>	:			8		:	<del></del>		<del>-</del>	i	:	<u>:                                     </u>	:	•	<del>:</del>	298	89			77.1	<del>-</del>			-		:	<del>: -</del>	<u>:</u>		:			_
8F	T	, i	;		:		6	•		<del></del>	<del>-</del>	1	-		-	:	<del>: _</del>	:	~	ī'n	_		4.	_	:				<u>:                                    </u>	<del> </del>	+	<u>:</u>	:			
8	L		:	<u>:</u>			18	į		: -	!		:	<u>.                                    </u>	:	:			6	8	:		97		:				:							
38			:		:		57500	!	: :	!				:	•		:	· ·	10923	59303			31457	:					:				:			
Ö	ē	10	0	6	10	0	SX SS	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	×	0	0	<u>2</u>	0	0	0	0	0	0	: 10	:		6	10	0	0
BAB	<u>.                                    </u>	_:	÷	-	:	:	;		!	į	i	:	i	:	1	:	:		٠.			:			:	•			:	1				[ <del>-1</del> ]		
AYE	_			ž.	•	•	•	ł.	i	:					÷	•	•		•			•	1	:						:	:			10		6
M	ı_			:		<u>;</u>	ــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ	<u> </u>	<u></u>		<u>i</u>	<u>i</u>	1	:	1		:	ŧ	:		:	•	<del></del>	<del></del>	H	<del>ار</del> ،	-	Н.	<del>.</del>		न	:		-		
AL	8	je	6	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	10	10	10	0	0	0
क्र	s	10	0	10	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	01	0	0	0	9	0	0	0	10	10	10	10	10	0	0
प्र	6	0 6	10	0	0	10	0	0	0	9	0	0	10	0	0	0	0	:0	0	0	0	0	6	01	01	0	0	0	0	0	10	10	10	10	0	6
AKAMAGAGAS	e	0:0	0	0	0	Ö	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Øi	0	0	0	0	0	10	0	10	10	0	0
A	s	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	10	10	10	0	0	0
¥	S	ां छ	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	न	0	0	0	0	0	jo	0	10	10	0	0	0
A	G	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	10	0	0	0
EAG	G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	اھ	0	0	0	0	اھ	0	0	0	je	0	0	10	0	0
¥	ட			-	:	0	-	i		•	:	:			:		•	•									:		•					0		
¥	1	i	:	i	1	:	!	:	!	i	i		í	:	:			:							:	•				:				0	•	- 1
<b>₹</b>	ł	1	\$	}	:	:	ł	i	i	i	!	•	i	:	•	i	:				- 1	i			- 1				:	:	1			10		
>	↓_	<u> </u>		<u>:                                    </u>	<u> </u>			<u>.                                    </u>	<u> </u>	1	•	<u>:</u>		:		•			٠ :	. :					•	:				:				0		- 1
×	<u> </u>		1	<u>!</u>	:			<u>:</u>	(	:		1						٠		- 3	٠.	:		:	i	٠		- 1						0	:	
1	ட			· .	:				i	:		:	!	:		:		: :	. '	٠.			•	•									:	0		- 1
S	L.		4	1	1	:		í	ì	:	:	ì	1				:	i.	, ;	:			i		- :	- 1					:			0		- 1
Q	ட	·		<u>.                                    </u>	:		!	1			:	,		:	:	•		i	: :		- 1	- ;	•		· i						i	:		0		
0	l		:	:	:	1	1	1	1	:	:	1		,	į	;	•		: :			,	. !		;									10	0	9
Σ	L	·-		┶		0	١					<u>:                                     </u>		:		:	•	; ,		;					i		:				:			:	0	ত
X			1	<u>:</u>		:	i	: !	•		:				•	:				:														i <b>o</b> i		ŀ
-	9	10	:0	0		:0	0	0	0	0	0	.0	0		0	0	0	0	0	9	0	01	0	0	0	0;	0	0	0	0	9	0	0	0	0	छ
9	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	01	01	0	0	0:	0	0	0	0	0	0	اها	0	0
E												:			:	-									<u> </u>		~									٦
၁	Ī	ंत	· <del></del>	<u>i <del>- 1</del></u>		· •-1	ਜ	7	н.		<del>-</del>	· <del>( -1</del>	Н	+	. <del></del>	ਜ	-1	<del></del>	7	<b>ਜ</b>	ਜ :	←1 · ·	ਜ ਂ	ਜ	ਜ:	7	न :	ਜ ਂ	7	-	H	-	• स्न	10	<del>~</del>	1
$\vdash$	26	80	66	8	8	8	®	8	Š	8	20	8	8	10	11	12	13	4	13	16	7	80 !!	13	20	27	22	53	24	25	26	27	28	62	8	31	沄
В	898	898	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	98	8	8	8	8	8	8	8	8	8	8	9	600	8	690	690	690	06930	8	8
	3128	3129	3130	3131	8132	3133	3134	3135	3136	3137	3138	3139	3140	3141	3142	3143	44	3145	3146	3147	3148	149	150	151	1153	154	155	156	1157	158	159	160	161	08162	163	20
٧	Ø	:ଉଁ	· 6	100	Ō	: :	'ରି'	હ	<u>ଟ</u>	ଷ	õ	Ö	õ	õ	ତ	õ	õ	ର	õi	Š.	ŏ:	8	õ	ö	õ	ö	õ	ත් :	õ	i 8	8	80	88	8	8i	8
	38	39	0	_	)2	)3	74	2	9	7	98	6	0	Ð	7	3	4	S	ဖ		∞	တဖြ	<u>ə</u>	- k	V	n	4	vi	9	<u></u>	8	9	0		V	2
	689	683	69(	69(	<u>)69</u>	9	9	9	969	969	969	23(	169	.69	. 69	. 69	. 69	.69	9	.69	69	66	200	380	380	39.5	36	392	392	269	392	392	<u> </u>	6931	2	39.3
			二	Ξ.	<u></u>	لت									_	_								<u>~r</u>	<u>ר</u> י	۳	ا ح	۳	9	9	۳	۳	9	9	2	٢

Note	92.	955	93:		<del></del>	· - i							596								·		<u> </u>		<u> </u>	J
1			1093			:						<u>.                                    </u>	. 1			:	:		:.							
Name	1905 702	1905	887	:		٠ :	•	:					938				:							:	2589	ВІ
N	T - T		नि	1		: !	7	-	-				īN	<del></del> -	:		:				÷			<del>i - i</del>		
Name	381 51		202	:		- :		<del>:</del>	<del>-</del> -	<del>-:</del>			8			-	<u>:</u>		<del></del>		:		<del>_</del> _	<del></del>	Š	_
No.   No.	. 10		7.			:		<u>;                                    </u>	;		<del></del>		- ,	+	-	-	<del></del>		<del>. :</del>		<u>-i</u>				7.	l l
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	92,		(6)	:				:				١,	18		:		:			: !				: :	<del></del>	⊞
N	42.09 89.60	90.	194	•			٠	:	:			;	100												349	اییا
A   A   A   A   A   A   A   A   A   A	<u> </u>	18	H24										18			:	:								M / /	"
Name	0:0:0:0:0	Ø   Ø   Ø	اھا	0:0	0	10		10	910	010	:0	10	9 i <b>G</b>	0 0	0	9	0 0	2010	010	0	010	010	011	0	010	
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	000000	000	0	0:0	0	0	10	10	0	010	0	0	916	010	0	16	0	s c	010	0	0	0:0	0:0	10	0:0	ব
A   A   A   A   A   A   A   A   A   A	00000	000	10	010	0	101	O	10	o o	010	10	10	210	0	0	0	0	2010	0	ioi	010	010	0	ioi	0 0	X
A S         C         E         C	नानानातान	ततिन	गुन	नान	H	ाना	بِ	न	1	7 -	·	i <del>l -</del>	nie	+17		17	गुल	<b></b> -	٠.,		1	<del></del>	-	न	न्न	
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	000000	1010:0	اهاد	010	0	10	010	io	010	010	0	10	916	010	0	10	0 0	s 6	010	0	010	0.0	0:0	101	0 0	
881177   66993   66993   7   7   7   7   7   7   7   7   7	000000	1010:0	0	00	0	10	0	10	0:0	<u> </u>	0	10	2:0	011	0	10	) i (0	<del>5</del> 6	010	0	0 0	0.0	Oi	0	0:0	S
881157   666953   1   666964   1   666964   1   666965	000000	000	010	0:0	0	101	010	0	916	0:0	:0:	10	910	01	0	0	0:0	S) : C	0:0	اها	010	0:0	0.	101	0:0	ğ
A A A C A E B B B S S S S S S S S S S S S S S S S	<u> </u>	1010:0	010	010	0	101	0	10	910	0:0	101	010	910	0!	0	0	0 0	910	010	10	010	0	0	101	0:0	
A NA         C NA <t< th=""><th>0101010</th><th>1010:0</th><th>0</th><th>00</th><th>101</th><th>10</th><th>0</th><th>0</th><th>9 0</th><th>0:0</th><th>:01</th><th>ojo</th><th>910</th><th>0</th><th>0</th><th>0</th><th>0 0</th><th>916</th><th>010</th><th>0</th><th>0 0</th><th>010</th><th>0</th><th>101</th><th>0 0</th><th>Σ</th></t<>	0101010	1010:0	0	00	101	10	0	0	9 0	0:0	:01	ojo	910	0	0	0	0 0	916	010	0	0 0	010	0	101	0 0	Σ
881158 088158 08	000000	10101	910	00	0	0	010	10	0	0:0	10	0	910	01	0	0	9 6	010	010	0	9 6	010	0	10	010	Y
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	000000	010:0	9:0	00	0	10	010	0	<u> </u>	0:0	:01	0	910	011	6	6	9 6	<u> </u>	011	0	910	0:0	01	10:	010	-
A A B C C B S S S S S S S S S S S S S S S S	00000	0:0:0	0:0	oio	اها	o jo	0	io	9 6	0:0	0	016	9:0	0:	10	0	0 0	0 0	0	0	910	0:0		10	010	
A NADA         A NADA           088156         069934           088167         069934           088178         069934           088177         069934           088178         069934           088179         069934           088179         069934           088179         069934           088179         069934           088179         069934           088179         069934           088179         069934           088179         069934           088179         069934           088179         069934           088179         069937           088179         069937           088179         069937           088179         069937           088179         069944           088179         069944           088179         069944           088179         069944           088179         069944           088179         069944           088179         069957           088179         069957           088179         069957           088179         069957           088179	000000	101010	010	00	101	0	010	je	0 0	010	10	5 6	910	0	0	10	<u> </u>	010	0	10	0:0	010	<u>.</u>	101	010	
A         A           08116.5         08116.5           08116.6         08116.6           08116.6         08116.6           08116.6         08116.6           08116.7         08116.6           08116.7         08116.6           08117.7         08117.7           08117.7         08117.7           08117.7         08117.7           08117.7         08117.7           08117.7         08117.7           08117.7         08117.7           08117.7         08117.7           08118.8         08117.7           08118.9         08117.7           08118.9         08117.7           08118.9         08117.7           08118.9         08117.7           08118.9         08117.7           08118.9         08117.7           08118.9         08117.7           08118.9         08117.7           08118.9         08117.7           08119.7         08117.7           08119.7         08117.7           0819.7         0817.7           0819.7         0817.7           0819.7         0817.7           0819.7         0817.7	0101010	1000	010	00	0	0:0	0	0	o i e	0:0	10	016	0 0	01	0	io	0 0	010	0	10	<u>o i o</u>	0	0	101	0:0	O
A   A   A   A   A   A   A   A   A   A	00000	اهاها	وماد	00	0	0	010	16	916	010	اه	ois	0 0	0	10	9	2010	<u> </u>	0	0	9 6	010	101	اها	010	বি
881.73 965945 11 06956	00000	000	010	00	0	010	0:0	0	9 6	<u> </u>	0 0	2 6	0 0	0		ه اه	9 0	0 0	6	0	9 6	0:0	101	10	0 0	
A B B C C C C C C C C C C C C C C C C C	000000	000	910	0 0	0	010	0 0	10	<u>,</u>	010	0	2 6	<u> </u>	01	0	io	9 6	010	اھا	10	<u>.</u>	00:0	101	10	0 0	Ľ
A   A   B   C   C   C   C   C   C   C   C   C	00000	10:01	010	0   0	0	910	9:6		0 0	0	: 1160	216	010	0	6	10	010	<b>9</b> . <b>6</b>	01	10	9 6	0 0	101	010	0 0	
A   A   B   C   C   C   C   C   C   C   C   C	00000	0:0:0	0 0	00	10	0:0	2:0	2 0	9.6	010		916	<u>.</u>	0	10	10	9:0	<b>©</b> :0	0	10	916	0 0	0	010	0:0	H
A   A   B   C   B		: :	•	1 1	: '			,	·	:					i	<u>i</u> .	;			•		:	٠ :			
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	01010101	010101	910	616	100	. 0								;	i	:		•	:	:	:					$\vdash$
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C	<u> </u>		1	1	!	:			<u>i</u>			:		,	1_	1	<u> </u>		<u> </u>	<u>:</u>	_i_	<u> </u>	<u>:                                    </u>	<u> </u>		10
A B C C C C C C C C C C C C C C C C C C			:	;	į					. :	:	:	;	٠.	:	1			: :	ì				:		Σ
A   B   C   E   G   G   G   G   G   G   G   G   G		1			<u>:</u>					•	٠	•		: .		•				•				÷	ŀ	×
A B C E G E G E G E G E G E G E G E G E E G E E G E E G E E E G E	10101010	10010		10016	9	9169	D 1 G	o i G	916	0	010	S : C	010	0	10	916	916	0:0	10	:	210	0:0	10	010	00:0	F
A   B   C	0101010	1000	010	1010	10	0:0	<u>5 : 6</u>	916	2016	01	0 0	S : 6	0	0	10	9 ! 6	916	01	0:	010	2:0	0:0	0	0 0	Ø: 0	5
A B C C 08165 06934 08166 06934 08167 06935 08167 06936 08172 08172 06937 08177 08177 06944 08177 08178 06936 08188 06955 08188 06955 08191 06955 08191 06955 08192 06955 08192 06955 08193 06955 08195 06964 08195 06955																										ш
A         B           08165         06934           08166         06934           08167         06935           08177         06936           08177         06944           08177         06944           08177         06944           08177         06944           08178         06946           08179         06944           08177         06944           08187         06944           08187         06944           08188         06946           08189         06946           08181         06946           08181         06946           08181         06946           0818         06957           0818         06957           0819         06956           0819         06956           0819         06957           0819         06956           0819         06957           0819         06956           0819         06960           0819         06960           0819         06960	יתיתותות:ר	· <del></del>	<del>त : त</del>		i			4: -	П.,	171	41	٦.	m:	त्न	गंल	110	<del></del>	ч.	· — ·	िल		. 4-4 1 4	. त	114	٠.,	$\vdash$
A																			•							0
A	965 965 766	962	361	920	358	52.00	ν. γ.	7 1	52.3	952	321	4 n	84	747	46	4:4	813	342	41	3	80:00	337	36	35	133	
																										180
	08199 08200 08201 08202	6.6	2 9	9.9	.6	126	2 0	0.0	00 i 0	98	83	2 6	22	8	2	200	9.7	22	7	31	2:2	6	89	8 6	92	
470	8 8 8 8	8 8	8 8	8	88	8 8	8 8	9:6	80 6	8	88	8 8	88	981	8	8 8	8 8	88	081	8	88.8	081	081	82.5	081	<
	lakak kak	المالية		احا	<u> </u>	. I~	o k	<u> </u>	- h	l	_ la '	<u> </u>	<u></u>	امما	<u>. h</u>	<del>. j</del>			: la 1		_1_	lee !		- le -	-	<u></u>
	36/1	196	16/7	36(	(E)	358	Ž Ž	3	が よ に よ	55	352	₹ F	345	148	4	17	744	7	4	4	35.4	38	137	136	34	1
	येथेथेथेथे	တ်တို	သြင်	100	<u> </u>	စ်ဖြစ်	عاة	၁ပြ	ا م	9	90	0	9	9	9	9	٥	9	9	50	عادر	39	9	9	30	

	_				_							_				<u> </u>		_	-,-	_	·	<del>-</del>	<del>-</del>		<del>-</del>	<del>-</del>		<u> </u>			<del>-</del>	- !		_	- ;			$\neg$
쑮					:		į	1	İ	!	:			1051	31	•					•	:	•			:		1			:	: :	•	:			:	
B				:		:	-		i	:	:			200	3		!		i		i	;	:		:			1	:			!	:	i	:	:	:	
H	<del></del> i	_	<del>                                     </del>		-	÷	+	+	-	;		_	:	-	1	1	- <u>+</u>	1	1	:	1	•	1	i	:	1		-	-		1			:		:	:	
BGE	-		<u> </u>	T	:	1	+	+	_				:	19	3	Ť	-	1	i		1		-	1			i		7		-			1				٦
			┞	+	Ť	+	+		-	T		_	:	14	•	+		–∔ i	7		1	-:		1			i	į	7								i	
<b>B</b> E	į		1		1	!	1						1	8	8			_	-	-i			!				-	_		j					_	_		_
BE			-	1		:		-   	-	i				8	10000			1	!   		!		!			:		1										
ပ္	0	0	0	١	1	9:0	0	0	0	0	0	6	10	) (S	S   (	9   	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0
B	0	0	10	i e	o į c	9 (	0	0	0	0	0	S	9 6	) ) (	او	<b>S</b>	0	0	6	0	6	0	0	0	0	0	6	6	0	0	0	0	0	0		0	0	0
門											•		•		- 1		•	:			•		: :				•	0		1								. 1
AUAWAYB	1	į.	1	1	1						i	:		•					- 1	:				' ;			- 1	-		- 1		:					· i	
1	i	1	1	1	i		7						1			- 1		,		1	- 1		. 1					0		•				. :			:	: 1
S											•	•	•															0						•				
Ą	0	10	10	16	) ) [	<u>.</u>	0	0	0	0	0	10	5 6	9 0	जं	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
<del>V</del>			•				- 1				:													•				0					•	•				
AMA	0	10	0	0	5	9	0	0	0	0	0	10	٥	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
₹	0	6	10	1	1	0	0	0	0	0	0	10	5 6	5	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
볼	0	S	10	) i	1	0	0	0	0	0	6	10	<u> </u>	9	0	6	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A P																												0										
N N	0	10	1	<b>3</b> (	s i	0	0	0	0	0	0	le	١٥	=	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0
P	0	İs	गंद	9 0	9	0	0	0	6	0	10	ie	وأه	5	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	100	0
1	6	16	1	9	9	<u></u>	0	0	0	0	6	ı	20 10	9	0	0	0	0	0	0	0	0	6	6	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0
×	0	٥١٥	٥١٥	١	9	0	0	0	6	0	9	ار	اه	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
	0	1	وأد	١٥	اء	6	ō	0	10	0	0	o i e	9	0	0	0	0	0	0	8	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0
5	6	10	o i c	او	5	0	0	0	0	6	ie	i	0	0	0	0	6	0	60	0	10	6	6	0	0	0	0	0	0	6	9	ie	0	0	io	कि	0	0
S	6	10	o i c	<u> </u>	إد	0	0	0	6	10	1 5	1	9	히	0	0	0	10	0	9	6	6	6	6	10	10	10	0	0	10	10	le	10	10	0	10	10	0
0	6	اد	510	: • i e	9	0	0	0	10	0	10	> 1 4	اد	0	0	0	0	6	0	60	10	10	10	9	0	0	10	0	0	9	10	is	6	6	10	10	10	0
6	G	٥١٥	9 0	9	0	0	0	0	10	6	18	510	0	0	0	0	0	6	jo	10	0	10	10	10	10	10	10	10	0	0	0	10	is	0	6	10	10	io
$\vdash$	6	1	910	9	0	0	0	0	10	9	1	+	0	0	0	0	0	0	10	0	6	عاد	9	6	10	6	10	0	0	0	10	S	10	10	10	10	0	10
2	L	_i_		٠	!			!	16	┺	100	<u>i</u>	9		0		!	10	<u> </u>	1_	!	-	1	!	1_	1		10	<u> </u>	0	<u>:</u>	<u>:</u>	<u>:</u>	<u>.                                    </u>	:	<u> </u>		0
×	1_	:			;	0		<u>!</u>	!_	ļ	) )   G	<u>;</u>	! 01	0	0	0	0	0		10	; ;	0	10	10	10	0	10	0	0	10	5	10	10	9 6	S	مأو	10	10
_		1	!	:		0	:	<u>:</u>	1	ļ		_!	. !	_		L	1		!	!		<u> </u>	1	1	:	!	!	10	!	:	!		<u>:</u>		<u>:</u>	<u>!</u>		<u>:</u>
19	Ľ	;	-	<u>-</u>	_	_	-	:	, ·	+	-	-			_	_	-		:	1	<del>-</del>	1	<del>.</del>	-	:	+	· :	-	:	-	÷	;	-	<del>-</del> -	:	÷	-	<del>:</del>
13	1	:	;	<u>:</u>		_		!	!	1		:			_	_	:			<u> </u>	1	<u>:</u>	110	11.5	!	11.5	:	i Leef	:	<u>:</u>	· Liv	!	110	٠	1.6	11-		ान
ပ			- ! ·										;				:		:		:		:	:	•								:	· ·	:	;		· ·
8	02020	0000	0/690	06971	06972	66973	96974	06075	96076	2200	0200																	96994					0000	00000	07001	07007	07003	970
A	20,00	1070	S280	98796	08207	08208	08200	200	00770	11100	2007	CT790	08214	08215	98216	98217	82.18	08219	08220	08221	08222	2000	08274	2000	96236	08227	08228	08229	08730	08737	90222	2000	2000	75 500	00737	82.280	98239	08240
<u> </u>	1	ः जा	_ [ _ [		_	· 	·	1	: > -	1	:	:	:		ļ	•	1		ī	:	:	:	•	:		<u>.</u>	! जन्म	- 6-0	:   	<u>ار</u>	- la	olo	יי	- 51-	<u>- ۲</u>	Jkr	্যৰ	-140
	2070		03/1	7/69	6973	6974	6975	200	6977	2070	2000	200	9869	1869	2869	698	FOR 2	FORT	SOR S	S C C C C C C C C C C C C C C C C C C C	SQ Q	2002	6969 6960	000	6000	609	2007	669		g	000		000			7007	Ž	100

						·																	•													_
BK		8478	:				1589	-	2851	1		i	•		· •				•		: : :		•	:			•	1	2075							
8		8422		:			1297		2615	İ	<u>;</u>		ļ	Ī		1	-		-	•			!			;			1974	-		:		:	:	
BH		7		!			ਜ:		-	<del>-</del>	!			1		<del>!</del>		:		:	-		-	-	-	:		1	-		-		-		:	7
BG		22			:	<u>i</u>	275	ij	214			1	1	-	<del></del> ;	<del>!</del>	<del></del> ;	<del></del> :	;		:	-	:	- <del>:</del>	:	:	•	1	101			_		,	:	٦
	,	?	i			_	~	ᅥ	Q.	1	1	+		+	<del>- ;</del>		-	-	1	<del></del>	- :	1	i		ij	:	1	$\neg$	96	- 1		_	-	+	Ť	٦
8		8			:		8		8				j	į	!	:		;			:	- !		- 1		:		- :					:	_ :		
BE		06133	1			j	8		86		į	•	!			1		;	:			:	:	;	į	!	:	į	99			:	:	:	i	١
B		196		:		Ì	\$55700	ij	120298			!	į	į	!	į	i	;	-		;		:	:	į		•		0008				İ	i	1	
BC	0	0	0	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	ा	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>6</u>	<u> </u>	<u>o</u> i	<u>ा</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	۶
AUAWAYBAB	0	0	0	0	01	0	0	0	0	٦į	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>6</u>	0	<b>©</b>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>9</b> i	o i	S
AY	0	0	0	0	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0	<u>6</u> 1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>691</u>	0	S
A	1 ~		i	- 1	_ :				1		İ	1	⊣	7	-	Н	٦,	:	. !	!	. <u>i</u>			ਜ	i	i	أ						<u> </u>	<del></del>	नः	7
¥				:	_ :				!		- 1	•		:				:	i	:	1	t		:	_ ;	.1		;	'					<u>.</u>	910	
AKAMAGAGAS		: :			:							1		:				:		:	:					!	i		0			:			010	_[
×		0										:					:		;						_ :				0	0					010	긔
X	_	:	:	٠:										. :							:				į	:				:					69 (	_
\$				;		į	L_ :		Í	<u>i_</u> i			į				! !	_ !	_ !		į			i	i	i	i				i	. :			0	
	辶	0	<u></u> ;				<u> </u>	<u> </u>										_ !		ı										_	!			;	0	
A	L	0			_		<u> </u>		_						<u></u> .	L	:	- 1		<b>.</b>	_	<u>i</u>								<u> </u>	1			:	0	
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	.0	0	0	0	8
S	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठ	0	:0	0	જા	0	0
<b>₹</b>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	न	10	0	0	0	0	0
*	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0
5	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	Ø	0	0	0
S	0	10	0	0	0	0	0	6	6	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	10	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0
0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	9	:	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	9	10	; :	0	0	0
Σ	0	! <b>©</b>	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	i <b>©</b>	0	:0	0	0	0	100	60		10	0	0	0
¥	0		0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	6	0	0	0	0	:0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0
_	0	10	0	0	0	0	i 👨	100	10	0	0	0	0	i (5)	10	10	0	0	0	0	0	.0	0	9	0	0	0	10	0	0		:0	10	0	0	0
5	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	io	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	io	: 0	0	0	0	0
F	T	:		:	:	<del></del>	:	-	:				-	:	<del>:</del>	:		:			:	:	· :	:		<del>.</del>			· ·	:	:			:	<del></del>	
	1-	ंत	नि	· <del>- 1</del>	स्न	<del>;                                    </del>	H		न	iN	न	ਜ	<del>. [ ]</del>	<del> </del>	1 4-1	i+	। <del>स</del> :	<u>:</u> ! ←1 :	. <del></del>	:	<del></del>	न	न	· <del></del>	त्न	·H		नि	įН	्रस	i	·H	; <del>(-1</del>	; <del>(  </del>	<del></del>	긁
				:	<u>.                                    </u>		į.	_		!	<u>.</u>			!	•	:		:	_	: 	,	i		!	:				<u>.                                    </u>					:	:	
8	37005	37006	70076	37008	37009	37010	37011	37012	37013	37014	37015	37016	37017	37018	37019	37020	37021	37022	97023	37024	37025	97026	77027	37028	97029	37939	37031	37032	37033	37034	37035	37036	37037	07038	97039	07040
-								-		•	•	1	•														•									
4	982	085	082	985	082	85	. 982	082	082	. 082	082	982	982	982	082	082	082	982	985	. 082	082	982	082	982	082	. 082	88	982	. 082	882	082	982	082	982	08275	082
	9	<u> </u>	80	<u></u>	0	F	~	m	4	5	9	_	œ	6	Ō	F	2	3	4	2	9	_	8	6	0	E	2	3	4	2	9	_	ω	6	<u>o</u> l	Ξ
	00	90	7008	600	0	0	107	10	6	6	701	10	201	2	7020	702	7022	7023	7024	702	702	702	702	7029	703	703	7032	7033	7034	7035	703	7037	703	7039	6	704
<u></u>		1	-	<u> </u>		<u> </u>	٢	P >	<u>"                                    </u>	<u> </u>	<u> </u>	<u></u>	<u>r                                    </u>	۳_	Ľ	<u>"`</u>	<u> </u>	<u> </u>	<u>'</u>	_	_	<u>                                     </u>		<u></u>	<u> </u>	-	<u>'`</u>	<u>"`</u>	<u>"                                    </u>	1	<u>"</u>	1	1	Ľ		_

		-	<del>-</del>	10									_		_				_	_				_											_
发				1316	•					2760						2856				1394		:	:	!	:	•	:		1		•	:	· :		
8		:		1145			,			2268						2704	'			1152	ー; !				i						:	.	!		
BH	-	:	;	-	. ;					-						-				-1	İ			-		:	+					-	•	j	
BG	·	.:	i	172	. :			:		123						153				23	-		•	-		-			-	<u> </u>		— <del>:</del>		Ť	7
BF			i							m					-	4				100	- ;		;	-								<u>_</u>		-	$\dashv$
8		•	╧	97		ا				8				! 	_	18								:		; +					_				
BE		į :	!	M57892				:		X03918					: :	KØ3195				9783	:		:		1	:			i				:	:	
ပ္	01	9 6	10			0	0	0			0	0	0	0	0	8	0	0	0	9	0	0	0	0	01	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AB	0	9 6	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	:0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>60 i</u>	<b>o</b> .	0	0	0	0	0	0	0	0
AYB	<u> </u>		ᆜ	L_				<u>:                                    </u>			0			i		•																	:	0	
AWA	-	7	1-	-	-	F				-	-			н	<u>-</u>	_	H	ᆏ	П	7	-	-	-1	᠇	급	<b>-</b> 1	<del>-1</del> :	7	Η,	ਜ	ī	+4	न	न	ᆔ
T	0	9	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0	0	0
AS/	0	916	oio	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0
Ad	Ø:	010	oio	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
ΨQ		010	.:						-			_			1	;	: .	. :	: ;				: :			;								<u>ा</u>	
AKAMAO		9 6	<u>i</u>	: :					: 				1							. !	j						, i					i	į	- :	- 1
	_	9 6	<u> </u>	1				1	!	!	. 1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
ĠΑΙ		0 0	<u> </u>	i	: :			<u>i</u>	<u> </u>	;							<u> </u>						أسا				;							0	
ABA	:	010	į			_		:		:		<u> </u>	١	Ĺ_	L	<u> </u>							i			:	!					. :	:	0	
ACA	-:	0:0	1					<u>;                                    </u>		!			!	<u> </u>	!	<u> </u>	1		: :	: :						:		i	i :						
T	0	0 0	0		0	0	0	10	<u> </u>	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	S	0
YΑ	0	o i o	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0
<u>×</u>	0	0 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0
j	Ø1	010	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	6	0	0	6	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
S	0	010	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	S I	0	गंड	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	010	0	Î 6	0	0	0	<u>.</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	100	0	0	0	0	0	0	0	0	् 	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Σ	0	बंब	9	.0	0	0	0		0		0	0		0	0	0		0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
¥	0	010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
-	0	010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0
9	0	0 6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Е		:	:						-	:			İ		:		:		-														!	•	
၁	ਜ	N 4	rie	न	. <del></del> .	Н	ਜ	<u>-</u>		. —	↔	~1	7-1	<del>-</del>	· +-I	<del>-</del>	:	. <del></del>		7	न	-	-	-		<del></del>	ਜ		<del>П</del>	-	-	-	<del>-</del>		7
			:			_				:		_				· ·				'								_					==		
8	97041	07042	9704	07045	0704E	07047	07048	97049	92020	07051	97052	07053	97054	07055	92020	07057	07058	07059	9296	07061	07062	07063	97064	07065	99020	07067	07068	07069	07070	07071	97972	07073	07074	07075	97076
A		08278																																	
	0	S S	5 i S	હ	Ö	Ø	Ö	Ø	Õ	Ö	Ö	õ	ତି :	õ	ୖ୕ଌ	i⊗	Š	Ö	Š	8	8	ŏ	õ	õ	ŏ	õ	8	õ	8	8	ŏ	õ	8	න් :	õ
	7	5 4	5	16		8	6	õ	Ę	25	33	54	55	9	Ç	8	6	õ	1.5	3,2	2	4	55	96	7	ထွ	ကျွ	0		72	3	4	2	ဖြ	7
	7042	ŹŚ	7045	7046	704	7048	704	7050	202	7052	70.	7054	7055	701	6	7058	7059	2060	907	7062	2907	706	706	706	7067	7068	690/	707	707	707	707	707	<u> </u>	Õ	20/
	ш.			<u>r -</u>	لت	لت	ت		بت	ت			<u></u>	<u>.                                    </u>	_		لت	لت		ت	لت				لت	ات	ات	, ~	ت			ت	لــا	ات	لت

	12	4		, ;	9	. i				_			_	_		. ;				-	:	. !	22:	2	ļ	<u>6</u> :		- !	84					
BK	247	1	<u>:</u>		1866						!											. !	118	165		1639			4		:			! 
8	21.47	777			1290							į								:	:		344	1293		874			34	÷	:		-	!
BH	1.	1		-	F										:				<del>·</del>	•	<del>-</del>	- 1		—;	1	ਜ		<del>-</del>	ਜ	<del></del> ! :	<del> </del>		+	+
BG	970	250			310									İ	:	-						1	962	295	i	413	-!	i	297	<del></del> :			!	-
BF		:	:		4.66									•	i								97.3	93.9		93.2			8	:	:	İ	-	
H	H	<u> </u>	<del>-</del>			_							_	· 		_			· · ·	-	;		-		-						<u>·</u>		<u>.</u>	
BE	100007	200	•		M60626									i İ	:	-			;		:		8	M81637	ĺ	17017			21130	:	:	!	:	
80		<u>-:-</u>	<u> </u>	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	<u>×</u>			<u>8</u>	0	6	0	0	0	<u>a </u>	9 6	0
BA	0	Pic	9 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	ᆔ	0	0	0	0	0	<u>0</u>	0	<b>9</b> : <b>c</b>	9 0
A	0	9	9 6	0	-	7	7	-	П	-	ਜ	4	-1	-	Н	H		П	ਜ:	ਜ	ㅋ	П	m	7	H	6	П	7		<del></del> !	н.	н,	<del>ار</del>	<del>-   -  </del>
AW	<b>-</b>	1 -	गुन	H	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9 0	9 0
A	(O) (	9	9 6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	9 6	9 0
AS	0	<b>9</b> [ 6	0 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	9 (	916
Ad			916	: .												<u>.                                    </u>				:		:			- 1	!	١		. :		_ :			:
AO			910	į						:															:		. :							
AN	_	-!-	910	1	<u></u>				i		i			•	: '		١.					:		:		:					:	:	:	
¥		:	910								!			_							:					!					;		1	9 <u>;                                   </u>
GA	oxdot		910								0			:	<u>.                                    </u>	1		<u> </u>	0	i	. !	į	1	!:		i			0	- :			1	<u>बांब</u>
A		:	910			į	:								:	!		:	i		!	! :			ì				ì	•	:	•	į.	1
S			010			•								•		:									1		. :				:	;	i	
\ <del>\</del>	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	01	0	0	910	9 8
Y	0	10	0 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	010	9 0	9 0
×	0	5 0	910	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>©</b> :	0	010	20:0	ماء
<b>D</b>	0	oid	0 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	910	ه اه
S	0	o je	0 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	910	oie
0	9 0	9 0	<u> </u>	63	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	160	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	١٥	0 0
0	0	9	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	910	9 0
Σ	0	9 0	9 6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9 0	010
¥	0 0	٥١٥	0 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	910	9 6
	010	910	010			0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>©</b> 1	0	010	9 0	0 0
9	010	<b>9</b>   6	010	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	01	0	010	<u> </u>	0 0
E		:		:												<u>:</u>																		
C	त्तार :	416	न स	; <del>,</del>			~		-	<del>دا</del> .	П	4	₩	<del></del>			त्न	-	<del>با</del>	<del>1</del>	<del></del>	<del></del>	m	~	71	on ·	<del></del> i	~	<del>,</del>	<del>(1</del> )	<del>, i</del>	+11+	-ic	x0 : ←I
$\vdash$	7:0	: 0   <u>c</u>	n Ø	<u>. ದ</u>	22		4	ξ.	92	2	00	စ္ကာ	9	ਜ਼ ਜ਼	2	m	4	Ŋ	ڡ	<u>~</u>	00	Φ.	Ø	=	<u>.</u>	m,	41	اريا	٠٠	_	<b>∞</b>	: مار	9 i e	नारा
В	7070	200	02080	9708	9208	9708	9208	9208	9208	9708	90/0	0708	929	9709	0709	020	9709	6020	920	60/0	970	920	9710	0710	0210	0710	9710	0710	0710	0710	0710	621	2 15	07112
A	38313	1000	38316	38317	38318	98319	38320	38321	38322	38323	38324	38325	38326	38327	3328	38329	8330	8331	8332	8333	18334	8335	8336	18337	8338	8339	8340	8341	8342	8343	8344	8345	9 15	08348
		;		•		· į				. :								•			:	:	_	:	- :	:		:			_	ا ا	۱ و :	310
	7078 7078	Van V	7081	7082	7083	7084	7085	7086	7887	7088	7089	7090	7091	7092	7093	7094	7095	960,	7097	7098	2099	8		7102	7103	/104	7105	7106	107	108	109		-	713
لـــا		<u> </u>				لتا		ت	ت	لتا				_	_	_						<u>'</u>	'				<u>'</u>	_	<u>'</u>	-	7		1	1

뽔	23.33	<u>.</u>	:	:			2328		i !:•				!	2546	_			2076		:				_	!	1550	<del></del>		:				26.36	0000	
BI	1624	- - - - -	<del>                                     </del>	<del> </del>			2110	:	<u> </u>	<u> </u>	_		-	450			_:	207	i	<del></del>	_		<u>;</u>			1250			1		:	-	760		
H	F	1	<u>-</u>	<u>:</u> :	<u>.                                    </u>		· ল	_	-	<del> </del>				1 2		H	-	급			-				_	-	-						14		-
BGE	305	3 ;	<u>.                                    </u>	:			204	÷	-	-				85				337	_		_	_			-	301		_				-	10	8	
	4	١.	-	:	<u>:</u>	-	1.	+	-	-	_			100			_	00 m	-	_	_;				$\rightarrow$	W.		_					10		
BF	ő	3	:				9							Ä				8								8	_ !				:	:	15	<u>~</u>	:
BE	X17519	CT	:				462505	:		<u>.</u>				K25720		: .		14076		:						469043	:						1	CTTOOL	:
BG	٥	o o	0	0	0	10	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	ତା	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0	9 6	010
BA	G	910	0	Ø	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>61</u>	0	9 ! =	10
A	F	1:-	17	7		· <del></del>	<u> </u> ~	-	-	-	-1	-		16	1	-	ਜ	ਜ	Η.	Н.	H	П	ਜ	н	ਜ	m	ਜ	П	П	ਜ	7	ਜ	нl	חור	नात्न
AW	9	10	i <b>o</b>	0	0	) i ©	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	9 6	0 0
M	L	1	:	<u>:</u>			:	1.	:			€.					:	:				:	:		i	:	:				·		. i		910
AS	0	010	i Ø	0	16	0 0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>0</b> i	; <u>@i</u>	<u> </u>	910
Ad	L							<u>:                                     </u>		<u>.                                    </u>			نــــن													i					·:				910
Ad	L	<u>.</u>	:		:		:	:	<u> </u>	<u>:</u>		<u>.                                    </u>					:	į	:		į					_									910
KAM	L		_		ــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ		!	!	<u>i</u>	<u>i                                     </u>		<u>.                                    </u>					!	!	i		- 1				1	. i				: :	:		ŧ		0 0
AK	L	Ĺ	i_	L	L	:	1	L	Ĺ		L.	L		L	Ĺ						. !					ì		i	i	i		i	!	:	0 0
<b>GA</b>	L	0 0	<u>!</u>	1_	<u>:</u>	:	<u>i                                    </u>	<u> </u>	_	<u> </u>		<u> </u>							<u> </u>				<u> </u>		!	i						- 1	_ !		9 0
AEAG	1_		!	1	:	<u>.                                    </u>	<u>i</u>	!	i	į	<u> </u>	<u>:                                    </u>			i								: ;			Ì			t					1	9 0
C		•	<u>:</u>		<u>:</u>		.:	:		:		i _				:									: :	. 1			:			_ :		i _	9 0
AA	6	9 6	10	0	10	9 ! 0	6	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø i	0	s   c	9 6
YA	6	٥١٥	10	10	2		0	6	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	5 6	0 0
×	6	9 0	0	0	2	010	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9 6	0 0
5	9	010	0	0	0	10	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9 0	9 6
S	6	9 6	0	S	is	10	10	6	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	sic	9 0
0	٩	9 0	0	6	S	9	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	9	916	0 0
0	İ٩	0	6	0	2	ماد	10	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Oic	9 6	0
Σ	١	916	10	G	2	010	10	0	0	0	0	0	:	i	0	0			:		0		0		: :	0	0	0			0			ء ز د	0 0
×	6	9 6	0	S	S	) : G	10	0	10	10	0	0	0	0	.0	0	0	0	0		0			0			0	0	<u> </u>					910	9 6
二	٩	9 6	0	16	) I G	0 0	10	0	6	0	0	0	<u>:</u>		0	0						0	0				0	0	0	0	0	0	010	9:0	010
5	٥	916	0	2	ois	0:0	10	10	10	10	0	0	0	0	:0	10	:0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	910	0:0
<u> </u>	+		<u>:</u>		-			:	-	<del>!</del>	· :	:	:	<u>.                                    </u>		<del>:</del> —	-	<u>.                                    </u>		<u></u>		L :			:		-	<del></del>	:		-			<u> </u>	
U	-	4 : स	: ~	<del>, -</del>	· · <del>·</del>	<del>.</del> .	7	 	17	П	:	ı	<del> </del>	19	<del>i ci</del>	<del></del>	स्त	н	<del>त</del>	<b>-</b>	<del>, -1</del>	ਜ	<b>.</b>	: • <del>नन</del>	न	m		; <del>, , ,</del>		н	7	₩.	<del></del>	010	<del>7</del>
-	13	1.4	:2	1 4	7 . 1			2	172	. 22		24	52	92	22	28	53	30	31	32	33	34	35	36	37	80	8	8	4	42	43	4	5:5	<u> </u>	2.80
8																																			07148
4	07500	08350	08351	08352	08353	08354	08355	08356	08357	08358	08359	08360	08361	98362	08363	08364	08365	08366	08367	08368	08369	08371	08372	08373	08374	08375	08376	08377	08378	08379	08380	08381	08382	000000	08385
	V 1 .	15	7116	7117	71 B	7119	7120	7121	7122	7123	7124	7125	7126	7127	7128	7129	7130	7131	7132	7133	7134	7135	7136	7137	7138	7139	7140	7141	7142	7143	7144	7145	7146	γ <b>γ</b> γ	7149

Ж		1678	10300		2805						:			. :	0892	8		
<u>a</u>		934	14	<del>-   -  </del>	2681	. :			· ·		:		-		2,00	3:		
핆		<del>[</del>	ंस्	•	ांन		-		: ;		-	<del>! -                                   </del>				<del>ا</del> :		
8		262	10:	· ;	123							<del></del>				<u> </u>		
		12	10	· :	12.	<del></del>	_ <u></u>		<del></del>	:	<del>- :</del>		<del>-</del> -	+		• :		$\dashv$
18		8	:86	· : ·	96				· '.		:	1	· 		18	n: n:		
BE		X71427	X75304	: :	08238			· .			: :	:	:	:	10477	17,40		
	00000000			00	ढांड	10101	0.0	00	101	0 0	0	101	010	010	ا ماد	910:	0 0	10
B	0 1 0 1 0 0	10	0:00	0 0	0 0	1010	0:0	00	101	010	010	9:01	0:0	010	010	9 i Ø i e	010	10
A K	सामा <b>लात</b> ्यान	ंन	नक्त	नन	नान	निन	7:1	नान	إجا	<del></del>	नार	J. (-)	44   4-	11-		नात्ना	7.7	, =
3	0 0 0 0 0 0	0	01010	00	00	1010	010	010	101	0	oie	10	010	ग्र	0	910	00	0
A	0 0 0 0 0 0	10	000	9 0	0 0	0:0	010	0:0	0	0 0	010	101	0	9 6	0	910	0 0	10
AS	0000000	0	000	00	<u>oio</u>	10.0	00	00	0	00	010	10	010	010	0	:هاه	0 0	0
AQ	0000000	101	000	<u>ाठ</u>	00	100	00	00	10	010	0	اھاد	0 0	9 6	واها	9101	0:0	0
Ad	0 0 0 0 0 0 0	0	010101	00	00	1010	00	00	:01	00	0	9169	0 0	0	010	اهاِه	0.0	.0
A	0000000	(0)	000	o o	00	000	010	00	101	010	0	أواة	<u>© i c</u>	0	0	0 0	0 6	100
A	0000000	0	000	00	00	000	010	00	101	00	0	0	000	<u> </u>	1010	: :	0.0	0
A	0000000					· .		:	1 .				:_		1			
Ad	0.0.0.0.0.0	; (	·	- i :					. :	4					: .			
N.	0 0 0 0 0 0 0							: :	1	. 1	1 1	. t						
¥		<u>i</u> !	<u> </u>			<u>i : </u>	<u> </u>	<u> </u>		_ :	: 1	1 :	:	i	1 :	į ,		
¥	0 0 0 0 0 0			نا		1	<u>.</u>	<u> </u>	1.1		<b>.</b> .		1	:	<u> </u>			
	000000000	;	·	ا ـــاــــــــــــــــــــــــــــــــ	:		: <u>:</u>	: <u>:</u>	:		1 1	<u>i.</u>		:	<u> </u>			
≥	00000000	i							1 .	:	: :	. :			1 :	_ i :	:	
12	0000000	1	:				i	1	: :			• :	<u> </u>		1 1	1 1	•	<u>:</u>
S	0000000	<u> </u>	أخضنا		:				<i>:</i> :			! :	: :		. :			<u>;                                    </u>
10	00000000	i	1		:	<u> </u>	<u>! : </u>	: :	1.		<u>i i</u>				<u>:                                    </u>			<u>:</u>
10		į	1	i		:		! !			! i	i	i		. !	: :	_ :_	<u>:</u>
Σ	00000000	<u>. i</u>	i		į į	: •		<u> </u>				1 .	<u> </u>		:	1		·
노	olololololo		i	!	<u>:</u>		·	·	<u> </u>		<u>:</u>		<u></u>		: :	<u> </u>		910
-	0 0 0 0 0 0	9 ! 69	10:010	00	010	) (O) (O)	1000	· • • •	3163	@   @ :	01	310	0	910		0101	<b>©</b> :©	)   60
9	000000000	0 0	10:010	010	010	0:00	0:0	1016	اهاد	0 0	01	010	101	010	101	0101	0:0	100
Ш						•	:	: !				i	. 1	i		;		
0	नायान कानायान	न (स्त :		ਜਾਜ	-1-	ग्ल∙लं		्रांसाट	नां स्ता :	<del>तात</del> :	स्या	717	<del>न</del> ः	नास :	114-41	<b>स</b> ंसः	<i>(</i> 4 · €	• ←
m	07159 07151 07151 07153 07153	07156	Ø7157 Ø7158 Ø7159	07160 07161	07162	07164 07165	97166	07168	07170	07171	07173	07175	07176	07178	07179	07180 07181	07182	07184
4	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	08393	08394 08395 08396	08397	08399	08402 8403	08404	08406	08408	08409	08411	08412	08414	08415	08417	08418	08420	08422
	7150 7151 7153 7154 7155	7157	7158 7159 7160	7161 7162	7163	7165	7167	7169	717	7172	7174	7176	7177	8/1/	7180	7181	7183	7185

	_					_	-	_		_																				_					_		
뽔			:	:			•	-							Î			i	:		;	:		:	:		:					1502	:				
8		1		ì	!		:																				į	:	-			1342					
표			:		:	1	-			_													:		:		<del>-  </del>				-				,		
BG		1	<del> </del>	<u>:</u>		:	i				-					_			-			;	_							-		161					
Н	_	-	-	:	:	÷	+			-	<u> </u>									<u> </u>			_	_		-	-				-	4					
8F		-		_		!	-			_	_	:					: 		;													ጽ				!	
BE				:	:	:										:		: !				i					1	:	;			24122				. :	
BC	0	0	0	S	916	je	9	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	8	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0
BA	0	10	0	is	16	ole	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	नं	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6
AYE	7	! M	7	<del>:</del> +	1:-	11.	4	-	н	Ħ	7		7	П	ਜ	4	न	ਜ	-	-	H	7	<del></del>	н,	-	ᆏ	ਜ;	<del></del>	न	н	ਜ	H	-	-	=	7	-
3	0	110	9	١٥	o i e	10	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	601	0	0	0	6
ALLAW	0	10	0	6	16	910	إد	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6
AS/	6	ie	ie	16	010	10	<u>;</u>	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	6	6	0	0	0	0	0	0	0	0
Αq	0	10	0	is	9 6	) i c	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>©</b>	0	0	0	0	0	0	0	0	0
O	0	9	0	is	ole	o i e	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>©</b>	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AMA	0	10	10	10	10	910	2	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AK	0	0	Ø	G	S	3 6	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
A	0	0	6	G	9	10	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0
ABAG	0	9	.0	6	9 6	1	<u>s</u> i	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	اها	0	0
	_		٠.	:			:				<u>i.                                    </u>	<u>i</u>	1			<u> </u>	1	<u>.                                    </u>	<u> </u>								Ĺ									0	
AC	0	9	6	į	ie	1	9	0	0	0		0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	© ا	0	0	0	0	0	0	0	0	0
¥	0	)   <b>0</b>	0	0	o i c		<u>ا ده</u> :	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	60	0
<b>&gt;</b>	0	10	9	10	10	910	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0
≯	0	9	G	S	ە د	9 0	S	0	0	0	i o	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
n	0	10	İS		916	<b>&gt;</b> i c	اِھ	0	0	1 <b>0</b>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	61	0	0	0	0	0	0	0	0	0
S	0	0	ļG	10	916	1	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	0	S	10	0 0	oie ·	ا وہ ا	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	0	9	ie	10	; 516	910	9	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
Σ	0	0	16	10	) i G	910	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
X	0	0	S	10	0:0	516	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ठ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
_	0	0	S	i	105	o i c	<u>s</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
G	0	010	S	ie	216	<b>5</b>   6	9	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
E		<del></del>	<del>:</del>	-	<u>:</u>	-		_		<u>-</u> -		<del>!</del>	!		-	<del>.                                    </del>	:			-					-	_	•		_	-	-	_			!		-
	1	1100	;		     -	; 4 ; ;	<del>.</del>	₩,		<del>-</del>	7	<del>-</del>	7	-		4	-		-	_	-11	7	-	1	+	त्न	<u>, , , , , , , , , , , , , , , , , , , </u>	ਜ਼੶	н	-	<del>-</del>	<del>-</del>	<u>_</u>	н	-	7	<del>.</del> –
၁			:		÷.						:	: <del>: :</del>	:		_		:			-			-			_					-			_	<u> </u>		
В																																				07219	
A	68423	08424	08475	00476	08427	100	08428	08429	08430	08431	08432	08434	08435	08436	08437	08438	08439	08440	08441	08442	08443	08444	08445	08446	08447	08448	98449	08450	08451	08452	08453	08454	08455	08456	08457	08458	08459
	7186		7188	7189	7190	100	2	7192	7193	7194	7195	7196	7197	7198	7199	7200	7201	7202	7203	7204	7205	7206	7207	7208	7209	7210	7211	7212	7213	7214	7215	7216	7217	7218	7219	7220	7221

	_						٠.,																													
뽔								<u> </u>		: :				:		:	: : i			:			:							:				:	:	
面		-									<del>-</del>						-			į			Ī	:												
표					•						:			_			:	;					-						_	<del></del>					- !	
80					:					<del></del>	-	i	<u>:</u>						<u></u>	<del>:</del>		_						:	<u>:                                    </u>	;						$\dashv$
М										<del>'</del>					<del>-</del>		į	:		<del>,</del>			:			<del></del>		-		:	-					$\dashv$
描										:	:								_						-	l			: —	:	<u> </u>	:		j	:	╝
띪							. :			:				:		. !									:				:		:				:	
<u> </u>		:										!																:			!					
BC	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
BA	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	o i	0
AYBA	2		7	-	1	-	-		7		2	-	-	-	~	н	F	7	-	-	ਜ	Т	П	-	7	-	н	ਜ !	ਜ	-		<del></del>	+-1	-	ਜ	न
SALAW	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	<u>Ö</u>	0
M	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0
I۷I	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	01	<b>o</b> i	ন
Ad	ш			<u> </u>				0	<u> </u>	_			_								<u>:</u>							_		·					i	_
Ad		: .		<u>.                                    </u>			:	9	i	i .										. ,									:	i	:					
Y		1						0	:	1 1							<u> </u>												!		:			!	!	
AK		_		<u> </u>				0	:		L						<u>.                                    </u>					Ĺ						<u>.</u>	<u>!</u>	İ	i			i	i	
A		:	<u> </u>	i				0	•	_			<u> </u>		_	<u></u>						L	.			Ĺ		ــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ	<u> </u>	<u>:                                    </u>	<u>:                                    </u>	<u> </u>		:	:	
ABAG				<u> </u>			<u> </u>	0	<u>L_</u>	:							<u> </u>				<u>i</u>	:		<u>.                                    </u>	:		<u> </u>	į	i	;	!	<u>.                                    </u>		i !	:	[
S							:	10		:						:			:				<u>:                                     </u>			:	<u>.                                    </u>				· 					!
A		!					<u>.                                    </u>	0	į	į			j		•	<u> </u>			_		ł	i		:		į .		· ·			1		·	!		
Á		<u> </u>	į	<u>:</u>				6	1	į		<u>i</u>	İ	<u> </u>		<u> </u>		i	<u>.                                    </u>	i	i		1	į .		ł	i	į.	i	į	1	:		. ;	į	ŀ
W			<u>:                                     </u>	i		<u> </u>		0		<u>i                                     </u>				!		_		<u> </u>	:		:	1	!	:		<u>.                                    </u>	<u>.                                    </u>	:		:		<u>.                                    </u>			_:	
		:	:	i	i		!	0	i	1		•	į	i	i	Ì	1	į		;	į	į	i	!	:	i	1	:		ı	•	:		i	1	١ ١
SIL	L_			:	Ĺ	<u>:</u>	;	;   0	!	:	:	<u>:</u>	1	Į.	!	1	1 3		•	<u>.                                    </u>	<u>.</u>	i	į	:	;	!		i		i	i	ı		- 1		. 1
0	0	9	0	0	0	0		0	10	10	:   0		10	0	0	10	0	0	:   0	6	100	10	10	0	0	10	0	0	<u>.</u>	:	0	.0	0	0	0	
0		:		<u> </u>	<u> </u>	:	!	10	1	<u>:</u>	<u>!</u>	!	!	1		<u>.                                    </u>	!			:	!	:	·	<u> </u>		1	1	į.	_	i	i				:	
M	6	0	<u>:</u>	0	0	0	0	0	6	10	10	10	0	0	0	0	0	0	0	6	10	10	0	: 60	0	0	0	0	0	10	8		0	0	0	
H	0	:	10	100	1 10	10	10	0	6	10	10	100	10	160	100	10	10	0	9	60	. 0	0	10			10			0	10	0	<u>i</u>		0	0	0
×	<u>.                                    </u>			<u>.                                    </u>	<u>.                                    </u>	!	:	10	<u>.                                    </u>								·											_		-				•		
					{		•	<u> </u>	:	•		•			į	!	ţ	!	:				:	:		:	į	:		i	:			: :	٠.	.
9	Ľ			3	-			0					3		-						-				· · · ·				_			· · · ·	· Ø	0	ا <del>د</del> ی	_
Ш		_	_		<u>!</u>				-	:			!		ــِـــــــ			•			<u>.                                    </u>		•						:			:		; 		
၂၂	~	٠ ٦٦	: +-1	:	· ল	٠ 🕶	! <b>←-1</b>	: <del></del>	. **	· ~	٠,	' <b>←</b>	-	. <del></del>	· <del></del>	٠,	٠,		· 🗂	· ল	i <del>r 1</del>		i eri	٠,	. ~	-	: <del>- 1</del>	· <del>~ 1</del>	: <b>-</b>	ڊ <b>ط</b> :	: <b>~</b>	•	· 🕶	· — i	Н.	7
<u></u>			· ·	! 	_	-,-	<u> </u>		· 	:		-	-	i			:	<u>:</u>			;	· !				: :	-	<del>  _</del> -	! !=	:						
m	7221	7222	7223	7224	7225	7226	7227	97228	7229	7230	7231	7232	7233	7234	7235	7236	7237	7238	7239	7240	7241	7242	7243	7244	7245	7246	7247	7248	7249	7250	7251	7252	7253	7254	7255	7256
_	3460	3461	3462	3463	3464	3465	3466	08467	3468	3469	3470	3471	3472	3473	3474	3475	3476	3477	3478	3479	3480	3481	3482	3483	3484	3485	3486	3487	3488	489	490	1491	1492	3493	464	495
<	စ်	õ	ő	ଞ	õ	õ	õ	õ	8	ıõ	⊹õ	õ	ାର୍ଚ୍ଚ 	( <b>6</b> )	õ	: 83 :	Ö	õ	Ö	õ	8 8	õ	õ	õ	õ	õ	Ö	Ö	8	; Ø	8	8	8	8	8	õ
	2	m	4	7	ဖ	<u></u>	<b>1</b>	ெ	o	-	2	m	4	5	9	$\overline{}$	ω	6	0	F	N	w	4	Ų	9	_	<sub>∞</sub>	6	Б	F	2	m	4	رم اما	9	
	22	22	22	722	72	722	72	7229	723	23	723	723	723	733	23	733	723	733	24	724	24	24	724	24	724	24	24	724	23	23	725	23	25	띯	25	23
Щ	Ļ	<u> </u>	<u> </u>	<u> </u>	1	_		-	<u> </u>		<u> </u>	_	<u> </u>		_	<u> </u>	_		_		_				<b>Y</b> ~	<u> </u>		<u> </u>		~	<u></u>					

Ç,	,
C	>
Ċ	u
ш	×
H	ŏ

<u></u>		.2	<u>اه،</u>								: :	:			: 🛨		10		
異		1962	2939					•	: '	•				:	200	:	5167		
噩		753	2200		. !	;	-	i	. :			_		÷	1595	!	3809	i	
H		<del>.</del> —	; <del>ert</del>	:	<del></del> -								-	-	ांन		न	-	
BG		302	445		: :	:						:	:	:	112		61	:	
BF		66	96.2					: :	:	:		:	-	:	94.6		91.8		
F		. :	1 1	<u>.</u> .	. :	<u> </u>	·	<u> </u>	<del>`</del>	- <del>:-</del>	-		<u>.                                    </u>			•	<del></del>		
BE		48568	98252	•	. :				. !			:	!	:	303143	. :	13638	į	
BC	0101010	000	000	1010	00	010	0.0	010	IOI	<u> </u>	0	ø jø	0	<b>©</b> (	10	0	12	0 0	00
BA	00000	000	00	10.0	00	10010	0	N:0	0.0	<u>© </u>	0	0 0	10	010	0	0	9101	010	00
A	नानाना द	न न न	निन	निन	न न	HIF	1 7	7:-	ान	41-	1-	नान	ਜ	-1-	1 ਜ	( <del> </del> -		7 7	निन
AUAW	0.0.0.0		<u> </u>	<u>: :</u>	<u> </u>	: !	:	l :	. t			:	:		i	: ;	1 1	-	• • •
$\sim$	0.0.0.0	i	1	Ý	•	: :			:	i	•	•				. :			1 .
AdA	0:00:00	<u> </u>	<u>i i i i i i i i i i i i i i i i i i i </u>			:		•	:		!	•			•		•		
AOA	00000				· ·						: :			: :		1			
AM	00000	000	00	10:0	00	000	010	010	0	0:0	اهاد	010	10	0 0	00	0	9 0	00	100
AK	00000	000	00	00	00	1010	10	010	0	0:0	0	0 0	10	0 0	9 0	0	0	010	00
M	00000	<u> </u>	00	!	<u>_</u> !		•	٠ ;	; :	•			1	:	:	. :	. :		: 1
<b>EAG</b>	0 0 0 0 0			. :		: :					: .			:		i			: 1
ACA	0101010		<u> </u>			<u> </u>					:				•	٠ :			1 1
AA	0.0000	000	00	10:0	00	00	0	010	0	010	0 0	0.0	6	010	9 6	0	9:01	<u> </u>	1010
7	00000	000	00	000	00	100:0	0	00	0	0:0	0 0	0:0	0	0:0	0 0	0	0:0:	010	00
*	0 0 0 0 0	000	00	000	00	160 6	0:0	010	10	010	0	00	0	00	0 0	0	9101	o jo	100
U	0 0 0 0 0		: ,		ŧ ;				· i	:	: :	i	;		•	1 .	· .		: :
S	00000		1 :	1	<u> </u>						: :	:					٠.	į	
70	0 0 0 0 0	1 1	1 .		i '			<u> </u>	: :			:	:		+		٠.		
10	0 0 0 0 0	000	10:0	10:0		1010		: :			! :		1		:	;		į	1 ;
K	000000		<u>:                                    </u>	• •	100	10010	10	010	اها	010	0 0	010	:	0 0	:	. :		•	: 1
	0101010	000	00	00		000		0:0				010			0	1010	9.01	<u>o i o</u>	1010
9	0101010	0:0:0	1010	:010	0:0	1010		000			101	010	0	010	910	1016	9:00:0	010	1010
E			:			: '		:		····	+-								:
C	ਜ਼ਜ਼ਜ਼ਮ	नः नः न	<u> </u>	ःस∙स	त्तन	<del></del>	1 7	4.4	· <del></del>	<del></del>	<del>; ;</del> ;	नःन	· <del></del>	<del>-1</del>	4.44	• • • •	4 ( -4 - )	ना्न	(स्पे स्प
			<u> </u>															<u></u> .	
8	07257 07258 07259 07260 07261	37262 37263 17264	7265	7267	7269	7271	7273	7274	7276	7277	7279	7280	7282	7283	7285	7286	7288	7289	7291 7292
-																			
⋖	08496 08497 08499 08499 08500	0856 0856	0856 0856	9856	0850	0851	0851	0851	0851	9851	0851	0851 0852	0852	0852	0852	0852	0852	9852 9852 9852	0853 0853
-	8 <u>60-</u> 2	<u> </u>	<u> </u>	യത	o -	Ne	4	200		∞lσ	lol	- 2	m	4만	200	<b>\</b>  \ \ \ \	اماد	<u></u>	2000
	7258 7259 7260 7261 7262	726 726 726	7 <u>26</u>	726	727	727	121	727	727	2/2/2	28	728 28	728	728 78	728	/28 gc/	282	20 20 20 20 20 20 20 20 20 20 20 20 20 2	29
<u> </u>	-1-1-1-1-	1-1-1-V	<u>                                     </u>	<u>                                      </u>		F - F -	· [ _		<u>                                      </u>	<u> </u>		<u> </u>					-1-1	<u> </u>	77

黑	i ·		1724	1784	5255
8	; :	<del>!</del>	1124	1524	1932
土			्स	· स	ास ।
믕		<del>!                                    </del>	10	180	357
8		<del></del>	231	20.	m m
8	•		92	18	88
Н	<del></del>	<del></del>	·m·	100	
BE		;	8663	9696	10361
Q	01010101010	000000	<u>@ @ @ @ </u>	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	ବାରାବାବାବାବାବାବାବାବ
AB AB	0:010:0:0:0	000000	0000	000000000	0000000000
쀳	नन्न निन न न न	.त.त.त.त.	<u>स्त्राताला</u>	नानः यः नाना यानः नः न	नानागानान नानानान
N A	<u> </u>	00000	0000	0 0 0 0 0 0 0 0 0	0.0000000000
	<u> </u>	00000	00000	<u> </u>	00000000000
S	<u> </u>	10101010	00000	<u>                                      </u>	0 0 0 0 0 0 0 0 0
B	0.010.0.0.0.0	10101010	: · · · · ·	0:0:0:0:0:0:0:0	:ତାତାତାତାତାତାତାତାତ
0	0 0 0 0 0 0 0	000000	00000	@:@:@:@:@:@:@	: ତା ଡା ଡା ଡା ଡା ଡା ଡା ଡା
Δ	0:0:0:0:0:0	000000	0.000	0:00.0:0:000	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0
Y	<u> </u>	000000	0000	<u> </u>	0000000000000
AA	0 0 0 0 0 0 0	00000	0000	000000000	00000000000
Ó	0 0 0 0 0 0 0	00000	0000	0 0 0 0 0 0 0	000000000000
<b>B</b>	6 6 6 6 6 6 6 6 6	00000	00000	010101010101010	000000000000
Q	0:01010.01010	ololololo	00000	010101010101010	0000000000000000
ि	0 0 0 0 0 0		ତ ତ ତ	0000000000	00000000000
X	0:0000000		0 0 0	0:0 0:0 0 0 0	
≥	0 0 0 0 0 0 0		00000	<u> </u>	10101010100001010
5	Ø1Ø1Ø1Ø1Ø1Ø1Ø		0000	0 0 0 0 0 0 0 0	000000000000
S	0:0:0:0:0:0	00000	0000	0000000000	
0	ଡ:ଡାଡାଡାଡାଡାଡାଡ	000000	<u> </u>	Q:Q:Q:Q:Q!Q!Q!Q!Q	010101010101010
6	0.010:010:010			0 0 0 0 0 0 0 0 0	1010101010101010
1	ତ.ଡ:ଡ:ଡ:ଡ:ଡ:ଡ:ଡ		0101010	00000000000	10:010:00 0:010:0
		10000000	. (0) (0) (0) (0)	0:0:0:0:0:0	: 0: 0 ! 0   0   0   0   0   0   0   0   0
X	:	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		:	
	0 0 0 0 0 0 0	10.0101010	.0101010		1010101010101010
5	0 0:0:0:0:0:0	010101010	01010101	010:0:0:0:00	010:0000000000000
ш					:
O	नःसःसःसःसःसःस	( स्वरस्तरस्तरस्तरस्त :	·ਜ·ਜ·ਜ m· ·	ਜ਼੶ਜ਼੶ੑੑੑੑੑੑੑ੶ਜ਼੶ਜ਼੶ੑੑੑੑੑੑ੶ਜ਼੶ਜ਼੶ਜ਼	ਜਿਜਾਨਾਜ ਜਾਜ ਜਾਜਜ
$\vdash$	w.4.∿.6 r ≈.0.6	5 H N M X M	9 2 8 9	0 H 2:W 4:V 9 F 8	9.0 H:N:M 4 N:0 N:0
8					07320 07321 07322 07323 07323 07324 07326 07326
_	25 25 25 25 25 25 25 25 25 25 25 25 25 2	3541 3542 3543 3543	3545 3546 3547	2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2	08558 08559 08550 08560 08561 08565 08565 08565 08565
_		1		•	· . · ·
	2294 2295 2297 2298 200 300	303 304 305 305 305	307 308 309 310	33151432	7320 7321 7321 7322 7323 7325 7326 7328 7328
	アアアアアアア	アアアア	アアアア	ファファファファ	アアアアアアア

u	)
$\subset$	>
0	J
址	ď

		_			-											:			_							20				_	_		10	9	_			
Ж										:						:							•		16	5508	;		,	•			: 6	9957  -			:	
8				:	!	:				1							:	:	:	-				:	- [	4622	:				;	į		1755	:	į	:	
표			_		:	:			_	Ţ	-:	-						1	:	:	:		_		٦,	<del>-</del>	!		:				1	522		,		
তা	_		•	<u></u>	<del>+</del>			_		<del></del>	<u></u> -			-	_	<del>: -</del>	-	<del>;    </del>	<u> </u>	<del>- i -</del>		<del>-</del> i	<u> </u>	i	- 11	- 2			÷					161		:	•	-
<u> </u>	_		-	<u>:</u>	+	-				+	<u>:</u>				_	-	<del>.</del>	:	<u>:</u>		:	<u>.</u>		-;		m:	+		+			- !	-	7			<u>:</u> -	╧╢
8			:		*					:	:		:				: :	:	!	•	:	i	į		j	9:	:	:	:	,		:	ļ	S		:	: 	
BE		:	:		:	;					:				:	:	:	:						:		103779	:		:	:				58957			:	
ᄓ	0	10	ıc	,	او	0	0	0	: 6	910	91	<u> </u>	0	0	0	0	10	10	910	91	91	0:	0;	<u> </u>	i		<u>.</u>	0	0	اره	<b>©</b> i	<u> </u>	0	<u>~</u>	0	0:0	916	o io
뜅	0	10	IIG	) (	91	0	0	0	16	316	: 50 i	<u> </u>	0	0	0	6	٥	10	510	<u> </u>	<u>.</u>	<u> </u>	<u>.</u>	<b>6</b> 1	01	<u> </u>	01	0:	<u> </u>	o i	01	oi.	<u>ा</u>	01	0	0:0	910	o jo
YBA		:							:	,					:		!	1	_ :		!	- 1		•			:		- 1								_:_	4 (-)
ا∢ا	Ì				1				:	1					•		i	;	;	:	:		. :	:	_ :	i	:				_:	_ :	- :	<u>:</u>				i
M	l		!	:	ı	-	ı		•	i	:	!			1	:	:	:		i	:			:	. :	ļ		1			•		;			Ċ	- 1	910
¥	ł				- 1		į			:						:	:			- 1				i							_ :		:					9
AS					:					:				:		:	:						_ :		:	- :					1				i	·		910
A	0	īs	ic	) i (	9	0	0	0	16	S) (	0	0	0	0	9	G	İG	010	91	0	0	0	01	Ø i	0	<b>©</b> i	01	01	0	0	0	0	0	0	01	<b>⊙</b> ī¢	910	9 j Ø
P	0	0	16	5; (	91	0	0	0	10	١١٥	0	0	0	0	( S	10	S	o į c	<u> </u>	<u> </u>	01	0	0	<u>o</u> i	01	01	<b>©</b> 1	0	<b>0</b> i	0	01	01	<b>o</b> i	<b>©</b> 1	01	010	210	o io
A	0	is	10	<b>3</b> : 6	9	0	0	.0	10	9 !	9	0	0	0	0	S	16	010	91	91	0	0	0	0	0	01	01	01	0	0	0	0	0	0	<u>ा</u>	010	oie	00
Y	6	10	) (	<b>&gt;</b> i	0	0	0	10	oie	اه	0	0	0	0	ie	6	16	<b>&gt;</b>   0	<u> </u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	01	0	010	<u> </u>	0 0
A A	6	is	, i c	<u>.</u>	0	0	0	16	iic	5	<u>6</u>	0	0		<u> </u>	1 6	·	210	5	0	اه	0	6	0	0	0	0	0	0	0	01	0	न्	0	0	0 0	اه	00
þ	6	10	i	91	0	0	0	6	10	او	0	0	0	0	6	١	16	नं	si	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	910	0 0
	6	110	) i c	91	0	0	0	16	ic	91	0	0	0	0	İG	16	9 6	<u>;</u>	<u> </u>	न	0:	0	0	0	0	o į	0	0	0	01	01	o i	0	0	0	o i	910	ماء
2	6	) I G	910	21	0	0	10	' 6	o į c	<u>:</u> او	9	0	0	0	İG	is	je	<u> </u>	91	0	0	0	0	o i	6	0	0	0	0	01	0	<u></u>	0	0	0	010	s i c	0 0
V	6	o i e		31	<b>O</b> :	0	. 0			201	0	0	0	:	is	1	ه اه	5	0	0	0	0	0	: 	0	0	0	0	0	601	0	0	0	0	0	<u> </u>	<u>510</u>	<u> </u>
₹	ı		ż							į				ŧ		÷	ì	i	. :	. :	j			1	- 1				;	:						:		00
_	ı						:			i						3									- 1		. :			:						:	_ :_	:
₹	1									:					:	÷				:							i								:			9:0
2	1	•		:												1.	1	_:	_ :							: : :			::									0 0
S	S	010	910	9!	0	0	iG	) · G	o į c	91	0	0	i <b>(S</b> )	i Ø	10	o i c	) i d	9 :	<b>©</b>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	(O)	0	0	9	91	911	O   O
0	6	o : e	<b>&gt;</b> : c	91	0	0	10	: 6	5:0	9 !	0	0	0	10	10	oic	910	! 0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:0
0	G	210	3 : 0	9:	0	0	iG	) ( (	<b>5</b> (	o į	0	0	0	is	16	ه ز د	٥١٥	<u>i e</u>	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:0	0 0
-	6	) i c	<u> </u>	91	0	0	īS	016	510	0	0	9	0	is		010	<u> </u>	<b>S</b>	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0 0
1	10	516	510	<u>.</u>	0	0	:	)   6	516	; 	_	:   0	10	:	) i G	) ) ( C	: <b>&gt; 1 C</b>	5	0:	0	0	10	0	0	0	10	0	0	0	0	(0)	0	0	0	0	01	0	010
×	ı		•							i		:		:	:		:										<u> </u>					: :						0 1 0
	ł					:			÷	:				•	1	:-											: :	:	· 									
5	Te	010	916	9:	0	0	! 6	9 . 0	916	آ <b>©</b> :	0	0	:0	16	10	910	910	<b>9</b> 1	0	0	(0)	0	0	0	0	. 6		10	.0	0	10	0	. 0	0	0	01	91	o i o
Ш										:																:					:							,
J	t	-6 · e	411	7	₩	; =	ı . <del></del>	1 -	4	<del>न i</del>	7			11 =	4 : 4	41.	41.	<b>—</b> :	<del></del>	7	: स्न	· · লো	· <del></del>	-		. <del>ल</del>	न	7	7	Н	<i>ੌ</i> ਜ	. <del></del>	<del>-</del>	ਜ	· н	7	<del></del>	ન ન
										•																												
8	07270	00000	01330	07331	07332	07333	07234	70000	0(222	07336	07337	07338	07339	07340	27.00	11070	24570	07343	07344	07345	07346	07347	07348	07349	07350	07351	07352	07353	07354	07355	07356	07357	07358	07359	07360	97361	07362	Ø7363 Ø7364
-																																						
4	2000	0 0	200	085	0857	0857	000	2 6	2	0857	0857	0857	085	32.00	0.00	0:0	200	085	085	9858	985	9858	0858	982	985	985	085	985	085	085	085	085	085	086	086	980	086	08604 08605
	722/		100	1334	7333	7334	7335	7556	0000	7337	7338	7339	7340	7341	75/12	1346	101	1344	7345	7346	7347	7348	7349	7350	7351	7352	7353	7354	7355	7356	7357	7358	7359	7360	7361	7362	7363	/364 7365
	1			_		<u>"</u>	L	<u>-r</u>			_	<u>r</u>		T.	1	Ĕ	~ P	ت			<u>"                                    </u>	<u>.                                    </u>	<u>-</u>		<u>-</u>	<u>r -</u>	تــَ		<u>r</u>		ſ`		<u> </u>			لب		

						<u>.                                    </u>							- :	9	_	_						_							<u> </u>		
æ							:	.1.			•		į	1760						•					:				1281		
⊞		: :		:		:		:						838										:					266	. ,	
H		:		:				_						ਜ	- :					;	:			•	-	;	•		· <del>(1</del>		•
BG				<del></del>			:	i	نب :		<del></del> :			402					<del></del>	•				:	<u>:</u>	<del></del> -		<del></del>	286	:	
	-	: :	:			-	!		÷	-		_		46	:	<del>-</del> -				+				<del></del> -	:	-	<del>- ; -</del>	:	<u> </u>	: 1	
8F		· -		:		:	:				:							•									:.		95	:	•
띪			:	:	:			-	-		•			9064		:			:	;		:	:	:	į		•	•	3627		
Ы	010	10	010	9 6	910	0		0	-	<u> </u>	<u> </u>	0		₹.		01	<u> </u>	916		:	<u>.</u>	01	614	914	516	916		516	E	101	00
AB(	<u> </u>	٠.	:	,			: .		:	-	:							. :	•	:		. :	:		•						÷
l mil	9 11			_:_			: :					!	<u>.                                    </u>			_:				:											•
MAY	:	:		:	: _:		:		:		:		•			:		٠		•		i		٠	•	:				:	
AUA	010	. :	<u> </u>	<u>.</u>		• •	1			į						:						•					- !				
SAI	0.0								:		i	:			<u> </u>				:	1 3				•	. 1						
IVI	0:0					:			1	:													:					•			
JAG	010										:										٠			_ :	÷		,				
Ad	0.0	. 1	:_						:		:																				
AKAN	0.0		:_	٠	·	!			•	- 1			,	: :											:		:				
	00	: •				!	. :				:		:	-		;		- 1		: 1			. !	<u>.</u>			:				•
A	0.0	<u> </u>		. :		L	:											· ·		<u>:</u> _				- :			- :				
Ad	0.0		:_	•		1							. ;			-											:				
CAE	00			:		i	:																	_ :			- :				
⋖		: :		_i_	1	i		:	į				: ;	<u>.</u>	:	:	,		:				:	:	:		;	.:		: :	;
AA			i	į		ı			i					:		_ :		:		<u> </u>		:		-1		;	. :			;	00
٨						:																	:			:	-	:			@   @ 
≥						<u> </u>	1 :						<u></u>										:	:							00
2		<u>i :</u>	•	•	:	:							:							: .					:		. :	:			00
S	0	101	010	9 6	910	10	10	0	9	0	0	0		01	<b>6</b> 0 i	01	01	010	9:0	:0	0	0:	0:	0:	010	910	9 ! 6	20.0	0	.00	0 0
0				<u>.</u>			<u> </u>																								010
0	0.0	1001	010	Sic	0:0	9	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9:0	<u>5 6</u>	:	0	<u> </u>	0	0	910	S) ! (	911	516	0:0	01	0.0
Σ	0:0	10	010	916	0.0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	01	0!	0 0	216	10	0	<b>Ø</b> i	<b>စ</b> ၊	0	010	9 ! 6	511	910	0:0	0	00
¥	010	10	010	s į e	9.0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>©</b> i	Øi	0.0	9:6	10	01	0	01	0	010	910	910	910	0:0	0	0 0
	010	0	010	20:0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	0	0	2 G	10	0	0:	01	01	910	910	\$10	910	010	01	0:0
9	0 0	0	010	916	0 0	10	0	0	0	0	0	: 60	0	0	0:	0	0	0 0	0:0	10	0:	01	0	0	S: 0	9:0	911	20:0	0	(0)	010
E				<u> </u>			<del></del>		:				•	<del></del>						-:	٠			·		<del></del>	÷				<del></del> -
H	<del>त्त्रं त्</del>	н	<del></del>	<del></del>	<del>-</del>	्न	. <del></del> .	<del></del>	<u>,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,</u>	<del></del>			. 4-4	· <del></del> -	₩.	٦.	ਜ-	-1	1	i - e-1	٦.	<del></del>	-	₩.	-1:4	<del>.</del>	-11		1 7	٠ جـ ا	त त
ပ										į																					
8	07365 07366	367	368	2. c	371	372	7373	374	375	376	7377	378	379	380	381	382	383	384	7 90 0	387	388	389	390	391	392	2016	4 :	0 0 0 0	397	398	399
	606	909	600	010	612	613	614	615	1616	1617	618	619	1620	621	1622	623	624	625	627	628	679	630	631	632	633	534	3	635	638	639	08640
A	8 8	8	818	ဗွီး	8 8	8	188	8	8	88	8	8	8	8	80	88	80:	8 6	916	88	8	80	8	8	80:0	818	S	8 8	8.8	8	8 8
	<u> 366</u>	80	9	2 -	-72	3	4	2	9/	17	8	6/	20	<u></u>	32	2	4	Σľ	2	8	က္ကု			7	2	ţ	S k	20	8	5	ջ
	33	3	73(	ع إن	360	3	73	73	73,	73,	73.	73.	731	3	3	73	33	32	3	3	735	/35	73.5	2	313	SE.	Ç.	30.	35	6	44
		1	· - p	<u>-r`</u>		r -	<u>r                                    </u>	ت	لت	ت	لــــا	<u></u>	<u>.                                    </u>	لت	لت	ئت		<u>-r`</u>	-1-	<u> </u>	الت				<u> </u>	- J'	- p	<u>- l.,</u>	<u> </u>		-1-

	110							
发	3085	,	: ;		2022	2727	:	1316
В	2765				1868	1124		955
用	(न				न न	( <del>el</del> )	· · ·	न :
BG	321		; ; ;	<u> </u>	134	248	•	353
М	7.		: :		iw.	ıω	····································	m
8F	86				8	97	: :	96
BE	<u>6626</u>				151	834		3056
O	12		1000		X	X59		€
100		01010101010		: <u>'                                   </u>	<u> </u>		1 1	
AYBA		0:0 0 0 0	<u>i</u>	<u>.</u>	<del></del>			000000
MA	1	1.e.e.e.e.e.e	· .	i				
ALAN			1.1	<u> </u>	1111		: 1 i	
Ķ		<u> </u>		i :	<u> </u>		-	
AKAMAGAGAS			: :			:		, '
Ř			1 1 1		1			1 1 1
¥	L				1 :			
Š			.1 :	1. i. i. i.		! :	: : :	
Ž		0 0 0 0 0 0	11.	1 1 1 1			1 1 1	
qAI			1 1			: : :	· • • •	
ABA	<u> </u>		1 (	<u>`</u>	1 1 1 1 1			
ACA		0.000000		1	1 1 .	<u> </u>		
ব		9 0 0 0 0 0		111.				
YA	00000	000000	0000	0000	101010	0000	0000	00000
*	0 0 0 0 0	9 9 9 9 9 9	0000	0000	00000	0000	00000	00000
5	0:0:0:0:0	<u> </u>	0000	0000	00000	00000	0101010	00000
S	000000	0 0 0 0 0 0	000	0000	0000	0000	0000	00000
0	00000	000000	0000	0000	0000	0.000	0.0.00	00000
0	000000	000000	0000	0000	0000	0000	0000	000000
Σ	000000	000000	1 - 1			0000	00000	00000
X	0101010	000000		00000	00000	00000	@1@1@1@	00000
	0000000	0.0000000	0101010	10101010	00000	0000	0:0:0	00000
9	000000	0:000000	0000		100000	ଡାଡାଡାଡା	0000	@ @ @ @ @
E (			<del></del>	:	1			
H	नंत्रां संत्रां सं	- गन्मासासासासास	<u>ः</u> गत्मासम्	:  सासास स	heheheh	नःसस्तर्	नःन नःन	N.H.H.H.H
ပ			• : •					
8	7401 7402 7403 7404 7405	07407 07408 07409 07410 07411	414	418	421 421 423 423	424 425 426 427	428 429 431 431	07432 07433 07434 07435
A	38642 38643 38644 38645	08648 08659 08651 08651	8655 8655	8658 8659 8669	8661 8662 8663 8664	8665 8666 8668	8679 8671 8671	8674 8676 8676 8678
	W   W   W   W   W	2 0 0 0 0 0 0			1.01010101	01010101	0:01010	0.0:0:0:0
П	25 4 5 5 5 5 7		400	<u></u>	-NE4	20/00	20-N	<u> </u>
	7403 7403 7405 7405	7409 7410 7411 7412	441	444	4424	424242	4434	7433 7434 7435 7436 7436
	-1-1-1-1-1	- 1 - 1 - 1 - 1 - 1 - 1 - 1 - 1 - 1 - 1	<u> </u>	<u> </u>	· b - b - h - h -	, -   -   -   -   -	-4-1-4-	-1-1-1-1-

								_																											_
뽔	1599	2484								t									:		٠		:	787							2211			:	
B	1209	2220			:	:			:				=							:			1	704		. ! 					1798	:			
H	1	न	_		•	:												_	ł	- :			1	!-		:					ĺω	:	-	- ;	1
BGE	360	566	<u>-</u>		<del>! -</del>		-																1	10	•	<del>-</del>	_ <u>-</u> -			<u></u>	504	:	: :	:	1
	9	~	<del></del>	_	:	•		<del></del>	;								:						Ť	8	3	:	-	-	_		m	٠.		:	٦
BF	86	18	· -			:	:	,						:		:	:		:		•	:	Ĺ	-	1					-;-	:8			' <del></del>	_
BE	32426	303571	:		!			:				:			:	: :	:	•	: :				:	24804	3	. :					61831	· .		1	
ठ	8	0	0	0	10		+16	210	911	01	01	0	0	0		6	10	0	0	0	<u>0</u>	010	<u> </u>	9 6	9 0	0	01	0	0:0	2 6	0 0	10	0	010	9
18	<u> </u>				:	:			·					<u>.                                    </u>	!		<u>.                                    </u>						_ :_	416		. +-1	त	<del></del>	н.,	:	٠. ح	i. —	1 4-6 1	ਜ਼,	ᆔ
AYB)	Ľ				_		<u> </u>	:	_ :				_	. <del></del>							•		į				61	:	<del></del>	010		10	6	014	닒
4	$\Gamma$	·	. <del></del>	! ~~	·: •••		:	:		<u>ا</u>	:		-		į		:		1	. ;	:			•		: 1	:	:			į		: .	i.	
AUAW	l	Ò	•				:	•	ŧ		-		:	•	i			•	:	•	1		i_	;		::				916	:			!	_
F	0	0	0	10	0	IG	916	o i c	91	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	<u>0 i</u>	01	910	<u>516</u>	0	0	0	0	Ø i (	<u>ي</u> ا ھ	. 6	10	1001	91	9
AS	0	10	0	0	0	. 6	010	9:0	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	ø	0	0	Ø.	o i	2010	0	0	0	0	<b>S</b> i	9 0	0.0	10	0	010	গ
प्रि	0	10	10	0	:0	: 6	D I G	910	91	0	0	0	0	10	0	10	10	10	0	0	0	01	910	910	010	10	01	<b>0</b> ;	01	010	9 6	0:0	0	01	ଵ
ि	6	: 0	10	0	:0	116	oie	<u> </u>	01	0:	0	0	0	0	10	10	10	10	0	0	<b>©</b> 1	0	oio	9:0	o io	10	01	01	01	0 0	010	110	0	01	0
AMAGAG	6	10	10	10	10	16	o i c	<u> </u>	<u> </u>	0	0	6	i	6	10	0	10	10	10	0	0	<u>o</u> i	010	sie	0 0	0	0	<u>0</u>	0:	olo	016	oio	اها	0	6
15	ı		į	•	•	į	1	1	:	•		1	į	i	į	:	•					į	. !				1			010				i	_
AK	1	•	į		i	i	- !	i	i			i	!	!	:	i	<u>i</u>	<u>:</u>	:	<u>: _</u> ;	;			:		<u>:</u>		_ :	_ :		:		ــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ	0	_
M	J		i		i	:		_ i	:			: .			:	:	-	:	:	. :		:	i	. !			<u>: :</u>			o je				0	
ABAG	1	i	:		•		:								1		÷	:	:				:	:			: :			©   6			!		
Z	ı				i									·		i			:		:	:	:_							010	<u></u>		:	<del></del>	
AC	ı		ī											:		:	;							:						010				: : :	╝
<b>₹</b>	9	910	0	10	916		S) . (2	9	<b>©</b>	0	0	0	0	10	0	0	10	0	9	0	0	0	0 I	ە زە :	9 ! 6	10	<b>(</b>	0.	Ø:	0	<b>S</b> : 6	o:0	10	100 I	9
7	6	0	10	: 6	ois	oic	9 ! 0	9	0	0	0	:0	10	10	10	. 6	6	,0	:0	0	0	0	0	0	2 6	010	0	0	0	010	<b>9</b> ! <b>G</b>	9:0	10	0	0
₹	G	9 6	ie	10	010	510	910	5	0	0	0	io	0	jo	10	10	ie	9	0	0	0	0	01	0	210	0 0	0	0	0	010	010	0	0	اها	0
5	ē	0:0	10	10	s i s	5 0	<u> </u>	9	0	0	0	0	0	lo	is	ie	010	io	0	0	0	0	0:	010	916	i e	0	0	0	010	o i e	0	10	0	히
-	-	2 6	: 6	: ) i <b>G</b>	10	210	910	10	0	0	0	10		10	عاد	1 6	916	0:0	10	10	0	0	0:	9 i 0	210	io	0	0	0:	0 0	910	010	10	1001	6
S	1				•	1.	•							:								: :	:							010				· :	
0	1				:	į						1		1	•							:	:		•	<u>:</u> .		·		010	:		1		$\Box$
0	1				İ	1	i	.;				:	:	1	1	:			:				!			<u>:</u>	: '			:					
Σ	9	216	. 6	16	o i c	910	010	آ و	0			i <b>©</b>		S		2			10	60	0			910 ;		010	9	0	01	Ø i Ø	916	910	i <b>©</b>	<b>:0</b>	ိ
$ \nabla$	6	9:6	. 0	9 ! 6	o i o	9 (	011	0	0	0	0	0	10	16	16	010	010	0	0	; <b>Ø</b>	0					010	10	0	0	010	9:0	0 0	io	10	0
		<b>5</b> : <b>6</b>	2:0	) : 6	<b>&gt;</b> : 6	911	0:0	0	0	0	0	10	10	: 6	10	2 (	o i c	0.6	0:0			0	01	010	516	010	0	0	0	0:0	9 0	<b>9</b> : <b>0</b>	10	0	0
<u> </u>	1	2:6	16	)   6	5 i 6	511	0:0	0	0	0	100	0	10	1 . (5	16		0 0	. 6	010	10	0	60	0	0:0	<u>516</u>	010	i <b>o</b>	0	0	0	9:0	010	10	i Ø I	0
9	4			_					_	_				_				_	_	_															
Ш	1				i	:										_						• :		_:.		<u>.</u>									
ပ	1	4	٠.	4 - 4-	<b>-1 · ←</b> :	- <b>1</b> : (	7		1		. 7		li <del>-</del>	! <del>-</del> : :	4 · <del>-</del>	4 · ←	4 · ←	•	• -		· <b>~</b>	:	7	<b>←</b> 4 · :	W : 4	r ; <del></del> 1	· <b></b>	· <del>- 1</del> ·	· e-4 ·		<b>-</b> 4 · ₩	<b>-1</b> · <del></del> -		· <del>- 1</del> ·	7
$\vdash$	42	C : 00	2:0		2:5	7::	7	Œ.	4	£	9	47	100	9	115	315	1:0	1 1	. 4	55:	26	22	28	23	8:2	1 2	63	2	65	99	٥٠٥	0:0	2	7	22
m	4													,																07466	4/0	470	974	974	974
	2	0.0	20.00	5 6	700	6	684	685	989	587	688	689	9	3 6	116	310	219	200	96	697	869	669	8	701	08702	3 8	785	706	707	708	8:0	08710	712	713	714
4	8	8 6	3 8	3:8	8 8	8::	8	8	80	8	80	Š																•						8	88
Γ	6	300	SA C	1	177	4	43	444	45	446	47	448	49	20		)     	727	24	7.	56	57	58	59	9	0	532	64	65	99	467		703	Ť	72	73
	F	72	7		77	֓֡֡֡֞֜֞֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡֡	4	4	74	74	74	74	7	7	7	7	7	7	7	74	74	7	74	7	7	74	7	7	74	74	7	14	74	74	74
_				_					_				_	_	-			_	-		_														

5	•
	)
$\bar{}$	1
4	í

	_	_	_		_	:					-				_	_	- ;		_					_													:-	-2	ਜ਼	<u></u>
쑮						:				•		:			:	:				:																		•	8201	
8			:				:			:	;	:		:	:						:	i	:	:		:				:						:		471	5220	1501
표	Г	;	-	-		• • • •	; -	****		:	;	-			:	-	i			!	:						-									:		न्न	144	न
BG	$\vdash$	:	•	:		<u>:</u> :		:		:	:	-:		: .	;				-	!				•				:								:		335	m	336
H	$\vdash$	:			_					<u>:</u>	-	•		<u>:</u>	1	-	<u>`:</u>		-	<u> </u>	-	:	:	;	:			:			<u> </u>				<u></u>	ì	<del>.</del>	im	7	
<u> </u>		!	!			•				:	:	:		•			!			į	!	}		:				;		:					•	:		-66	2	
	Γ	;		:		:				:	i			:	:		!		!		•	;	:	:				:		:						:	-	98	547	9
BE								,	!		1	:		:	:				! !	:	1	:	:	i				:	:			;	!	!	:			32:	X635	× 78
8	G	s i c	91	0	0	S	o į	0	Ø	16	s i	9	0	S	i	9	0	0	0	0	10	0	0	0	10	10	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	10	10		ि
BA	-	110	VI.	7	-	Ť	1	Н.	Ħ	i -	11.	<b>-</b>	ਜ	-	۱į۰	-	4	त	1	7	ım	-	-	īĦ	• ल	· <del></del>		-	: =	17	न	-	. <del>ल</del>	Н	<u>-</u>	ī		174		4
AY	8	oic	S i	0	0	6	3	0	0	is	1	<del>o i</del>	0	S	) (	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	is	0	0	0
AW	6	10	91	0	0	G	ا <b>د</b>	0	0	İ	গ	0	0	6	1	9	0	0	0	0	16	0	0	10	io	10	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	G	10	0	0
A	6	oic	9 :	0	0	G	<b>&gt;</b> 1	0	0	(6	۱۹	0	0	ē	1	9	0	0	0	0	10	10	10	0	10	10	10	10	0	i Ø	(0)	0	0	0	10	0	S	0	Ø	0
AS	٥	oic	9	0	0	ıs	<b>5</b> 1	0	0	ie	<b>5</b> 1	0	0	İG	1	اہ	0	0	Ø	0	10	io	0	IG	10	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	16	0	10	0
A	6	010	9 !	0	0	.0	ا <b>د</b>	0	0	IC	9 i	0	0	10	<b>9</b> [ 6	9	0	0	0	0	: 6	16	10	S	0:0	0	10	10	0	0	0	0	0	0	6	10	16	ि	10	0
PA	G	5 (	91	0	0	10	<b>5</b> i	0	0	ic	9 i	0	0	S	i	0	0	0	0	0	. 6		0	16	. 6	0	0	0	. 6	:0	10	0	: 0	0	0		S	9 9	10	9
A	6	<b>&gt;</b> i e	91	0	0	16	ة :	0	0	16	9	0	0	S	1	<u></u>	0	0	0	6	201	10	0	S	. 6	10	10	0	0	0	0	0	0	0	9	10	10	010	0	0
X	٥	0 0	2	0	6	9	91	0	0	d	<u> </u>	0	0	İ	<u>ا</u> د	0	Ø	0	0	10	0	16	0	S	2010	ie	6	6	6	0	0	0	0	0	0	10	ois	0	0	0
1	6	o i e	9	0	0	d	اَد	0	0	de	9	0	0	Ī	5	0	0	0	0	G	٥	10	ि	G	010	10	10	9	0	0	0	0	0	0	0	10	10	ojo	0	0
Ag	٩	910	<b>S</b>	0	0	नंद	S i	0	0	ie	8	0	0	10	<u> </u>	0	0	0	10	e	0	0	ole	S	2   6	916	9	ه اه	10	0	<b>6</b>	10	0	0	0	6	0	10	10	0
M	1_								,				:						•								•								-			010	<u>:</u>	
AC	1					į	.:			i	1			1	į			:	:	• ;				:			!	i	•	:	:		;	<u>!</u>	Ì.	:		910	:	
¥	6	<b>S</b> .(	9	Ø	15	10	S 1	0	! 6	1	9	0	( <b>0</b>		۱ <b>د</b>	0	0	0	! 69	) i c	9   6	) i G	216	,	9!6	216	9	910	: 6		10	10	:0		10	211	16		10	10
>	L					1	1			:	. :		:	ŧ	:			:	1	:		:	:	•		•	1	:	1	:	1	:	1	i	1_	:	:	0:0	<u>i</u>	:
≥	1	<b>9</b> (	9	0	10	ole	آ د :	0	S	o Te	9	0	9	i c	ا و ا	0	0	0	9	10	919	) i G	916	i	916	916	16	916	!	<u>:</u>	!	<u>!</u>		1		•		910	:	•
Э	ı	•				:					:			1	į			:		;		ı	2 6			:	i	:		:		:		4	į	:		10	:	
S	1	•							i	ì				:	:			į.		:	i	<u>i</u> _	:				•	:		į.				:	:	:		010	<u>.</u>	i '
0		:				ı	:			;			:		į		<u>!</u>	<u>:</u>	:	:		:	:	:				·	ı	•	<u>:</u>		:	ŧ	;	•		216	:	1_
0	ľ	9,	0	Ø	. 6	> i e	ا دی :	0	. 6	1	9	0	;		<b>9</b> 1	0	0	0	S	10	<b>5</b> : 6		916	:	9:0	o : 6	) IS	910	9 6	10	: 6	10		10	) S	:		216	10	10
Σ	1	91	0	0	i	010	S) I	0	S	<u>ا د</u>			0	) : C	9			•	6	) i G	<u>ه ا د</u>	٥١٥	9 i G	<u>,                                    </u>	9 : 0	216	) (S	9 (6	. 6	9		: 6		0	10	) i G	5∶¢	216	10	
$\overline{\mathbf{z}}$	t	91	0	0	is	o j c	9	0	is	516			ıs	ic	<b>5</b> i	0		0	is	10		Die	9   6	) i d	010			o j c		0	0	0	10	0	is	10	0	216	010	0
-	1	9:	0	0	: 0	o i c	9	0	16	<u>-</u>	0	0	: 65	10	S !			io		16	016	٥١٥	<b>&gt;</b> i <b>S</b>	010	<b>5</b> : 6		_			010	10	:0	S	ois	is	016	S : 6	216	010	9
5	1	9	0	0	. 6	010	9	0	16	<b>5</b> 10	0	0	· c	10						oio	010	510	016	016	<b>5</b> : 6	9:6	016	110	2 6	oic	io	0		oie	10	010	<b>S</b>	<b>2</b> : 6	016	olo
<u>Г</u>	+	·						_												-				. <u>-</u> _					-											
F	1	<del>-1</del> .	7	7		1 - 1	<del></del>	-	٠	4 . ,	<del></del>	-		1 - 1	<del>-</del>	_			1 - +-	110	4 - 1	7 : 5	<del>-</del> 1 · <del>-</del> -	4 - +	4 - 4	4 · ←	4	4	1	1.7	ı . <b>.</b> .	1	<u> </u>	4	11+	4 :	4 - «	<del>-</del> ~	, . <del>.</del>	
ပ																			٠.																					•
8		(4/3	7474	7475	147.	2 !	7477	7478	74.70	1	7480	7481	7487		1403	7484	7485	7486	7487	100	0:0	010	2 5	110	7647	7 7 7	7405	7496	7407	7498	7499	75.00	7.67	7507	716	7 . 6	1001	75.06	7507	07508
F																			•																					
4		08/1	0871	0871	100	1 100	0871	0872	0873	911	0872	0872	0872		7/80	0872	0872	0872	27.00	1100	200	000	000		000	000	0 0	210	200	22.4	0874	0874	0874	200	200	0.00	000	2/80	4780	08750
-	+	4 )	2	ع	<b>F</b>	- 10	·	6	i c	> k	=	~	c	ъ.	Ŧ		9	<b>~</b>	-  α	olo	אוכ	5F	-1~	JIC	<u>مار</u>	τlu	טוכ	₹	- α	ं जि		) <del>-</del>	-	٦l٣	্যব	- 14	2 4	<u> </u>	- lax	) D)
	ħ	٠,	4	47		- 1	4	47	ĮΨ	2 4	48	48	7AR3	2 0	9	48	48	48	Z Z	26			7497	35	10		10	14	JA J	49	5,5	<b>元</b>	S P	Sh.	SE.	SF	S F	SE SE	šķ	509
L	1	<u> </u>	_		1	-1	_	_	P	1	_	_	1	<u>- I</u>	<u> </u>	_		1	ľ	1	Ŀ	1	1	1	1	1	-1	1:	1	-	ľ	-	-	1	1	-1	-1	<u> </u>	1	1

			101		<del></del>
BK		866	1792	: 	1446
В		541	1491		1051
ВН		-	ਾਜ ਜ		न
BG		326	303		298
BF		Si	2.		m
8		26	188		8
띪		9760	7836		339
O	0:0:0:0:0:0:0		X   X   X		2 S
lmol	1 1 .	नानानानानान नान			
YBA		000000000000			• •
ΝA		000000000000			
ALA	: :	0000000000	. 1		4.5
ASA	<u> </u>	00000000000			
₹		010:0:00000000			
Ò	0:0:0:0:0:0	1010 0 0 0 0 0		<u> </u>	000000
B	0:0:0 0 0:0:0	0000000000	0000000	00000000000	010101010
AKAMAGAQ	ତାତାତାତାତାତାତ	000000000	000000	00000000000	0000000
A	00000000	000000000	000000	000000000	000000
CABAG		00000000000		that the second of the second	
X		01010101010101010			
	<u> </u>	00000000000	1. 1		
₹		000000000			
<u></u>		0 0 0 0 0 0 0 0			1 1 1
W	it		A Company of the second		
2		000000000000		_	: ! !
S		101010101010101010			
10		00000000000	_ :		
으	i	0 0 0 0 0 0 0 0			
Σ					1 1
K		101010101010101010			
匚		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·			: •
9	010.0 01010:0:0	0:0:0:0:0:0:0:0:0	31010101010	<u> </u>	0 0 0 0 0
ш		·			
ပ	चाः स्वः स्वः स्वः स्वः स्वः स्वः	) स्व (स्व:स्व)स्व (स्व)स्व स्वरस्व स्	वःसःसःसःसःसः	स्तरस्य स्तरस्य स्तरस्य । स्तरस्य । 	नाः स्तरस्तरस्तरस्तरस्य
8	512 511 512 513 513 515 515	07517 07518 07519 07520 07521 07522 07523	5222	10101010101010101010101010101010101010	541
4	08755 08755 08755 08755 08755 08757	08759 08760 08761 08762 08765 08765	087769 08770 08771 08771 08772	08778 087778 087778 08778 08780 08780 08780	08785 08786 08787 08788
H	0-26430	7518 77519 77521 77523 77524 7524	330287	2000 2000 2000 2000 2000 2000 2000 200	4444
L	KKKKKKK	KKKKKKKK	SKKKKK	KKKKKKKKKK	3222

				_		_		_																														
照															:		_									٠.					-						-	
<u>8</u>					;		•				•			:	:	;									:									:	:			
핆			;		:	•				_		•	-	<u> </u>	:	_				•	:	-		_										-	·	;		
छ		_		-	:	_	÷	:						<del>:</del>	-						-	! <u>.</u>			-									:	-	<u> </u>	-	
191				<u>.                                    </u>	<del>: -</del>	<u>.                                    </u>	-	-			·			+	÷			_	<u>.                                    </u>	:	-	<del>-</del>		-	_	_		<del>-</del>		-			:	:	÷	<del>:</del>	:	<u>:</u>
8			:		:			:		_				:	:																		:		_	:		
HE					:			:							:							•	:		;						:		:			:		
0	0	<u></u>	0	0	0	16	DI 0	:	0	0	:   	10		) i e	311	100	0	0		. 0	100	(S)		10	0	0	0	6	0	0	60		10	is	16	: 010		10
8				_	:			<u>:</u>								- ;						:			<u>:</u> 1 ← 1						<u>.</u>				115	: (1 e-1	्न	ंत
AYB,					ŧ			_:					· .		į	,				:	:	1		1		:			-		100	100	10			0	0	0
8				:	•			:	- 3				,	:	i	;									:				:				!	:	:	·		
ASAUAW			٠	<u>:</u>	1	•		_!	:		:				1	:				<u>:                                    </u>	:		<u>.                                    </u>		:			·					:		-	10		ــــــــــــــــــــــــــــــــــــــ
X					_						·	:			<u>:</u>									<u>.                                    </u>	<u>:</u>				:				<u>:</u>	<u>.</u>		10		
AS					1			:		_													٠		10								1			-10		
Ad	0	0	0	.0	10	110	916	<b>9</b> i	0	0	0	10	16	910	او	0	0	0	10	0	10	9	10	ÌØ	i <b>o</b>	10	0	0	0	0	10	10	10	116	210	10	9	10
P	0	0	10	:0	0	! 6	9!0	9;	0	Ø	0	io	16	ه ا د	91	0	0	0	0	0	0	0	10	:0	9	9		0	10	0	10	10	. 6	oic	10	10	10	10
AM	0	0	0	S	0	10	910	9	0	0	0	10	16	oid	او	0	0	0	0	10	10	0	0	10	0	0	0	:0	0	0	10	0	is	16	) I G	OIO	0	0
AK	0	0	0	0	ie	ie	910	9	0	0	9	9	ie	s c	إو	ठ	0	0	0	10	10	10	0	10	0	0	0	0	0	0	0	10	G	is	o i c	10	10	10
V	0	0	0	10	2	10	911	9 i	0	0	10	6	ic	Si c	91	0	0	0	10	0	10	10	10	10	0	0	10	0	0	10	10	10	16	6	016	10	16	10
D	0	0	0	S	16	i e	9 (	91	0	0	10	16	ic	ماد	9	01	0	0	10	10	:0	io	10	10	10	0	0	0	0	0	io	10	is	10	9 : 6	010	10	10
ABA	0	0	0	0	10	oie	9 ! (	<u>o</u> i	0	0	0	ī	ic	510	10	0	0	6	: 6	10	6	.0	:0	10	ि	io	10	0	0	:0	:0	:0	is	10	9:6	oio	:0	10
C	0	0	0	S	je	10	910	91	0	0	10	IS	710	<del>si c</del>	<u>s i</u>	<u>6</u>	0	0	10	0	10	10	10	10	10	0	10	10	10	10	10	10	16	10	916	0	9	10
AAA	0	0	10	is	ols	10	91	0	Ø	0	0	le	10	اه	5 i	0	0	:   0	S	10	10	0	ie	10	0	10	0	: i <b>©</b>	0	0	10	10	10	٥١٥	) i G	010	10	10
7	0	0	0	6	is	10	9 :	0	0	0	10	:6	oid	واد	9	0	0	0	is	9 6	:0	10	10	io	वि	6	0	10	0	10	0	: 0	is	0	<u>ه</u> : د	olo	10	10
3	0	0	.0	G	0	) (	9 i	0	0	0	10	is	i	s	9	0	0	9	S	; <u>e</u>	10	10	6	10	0	6	0	io	0	0	0	0	is		9 6	010	0	0
1	0	0	10	is	ی ا	10	91	0	0	0	10	is	i	اد	5	0	6	0	10	116	is	16	0	10	10	6	10	0	10	0	:0	10	116	10	<b>S</b> : 6	0:0	10	10
Is	0	0	: 6	10	i s	2:0	9	6	0	10	10	16	1	5	9	0	6	:0	·	:	16	. 6	i s	0:0	10	10	10	:0	10	10	: 6	0	· · · ·	0:0	) i G	010	10	0
6	0	0	:0	G	100	010	<b>S</b> :	0	0	10	i <b>6</b>	16	o i c	9 10	9 !	0	0	10	10	2 : 0		116	210			10	:0		10	10	10	010		: 6	) : G	010	10	: 6
$\vdash$				•	:			_ :				<u>.                                    </u>	:	:											1	:										<u>:</u>		010
10	<u> </u>	:	:	:	:		:	j		i	:		;	1	i		_	<u> </u>		:		-	:	<u>:</u>	:	<u> </u>	:	i .	:								:	:
Σ			!	:	!		•			 	i	1		:			·		:	:	:		1	:	į	:	:	:								: .	;	<u>.                                    </u>
¥	0	0	10		016	0,0	91	0	0	0	16	! 6		9 ! (2	9:	0	0	9	IS	010	10	: 6	) G	O	0	0	9	! 0	0	10	10	is	16	9 ! 6	9 ! 6	916	10	010
-	0	0	0	is	o i o	<b>5</b> i c	91	0	0	0	16	ois	010	910	9	0	0	10	is	010	210	ıs	. C	116	10	10	10	10	0	:0	io	10	is	0:0	010	oio	10	010
5	0	0	:0	: 6	0	9 ! 6	91	0	0	10	16	16	) i d	9	0	0	0	0	10	0 1 6	10	:6	. 6	10	10	0	10	10	Ö	10	:0	9:0	16	) i d	) : C	010	10	o i o
ш													•	:	:											:							:					
U	F	-		114	1	4.5	4 .			i =		i -	4: •	-11-	ਜ:	ਜ		-		1	-	ı: <del>-</del>	<del>-</del> -	1;-	िस्स	-	•	<u>, –</u>	. ~	. –		• • •	4 ; -	1	4, -	4 . 4-	्न	ग्त
L						_	_	_									!							<u>:</u>	:													
8	07545	97546	07547	0727	0777	1 1 1	97279	07551	07552	07553	07554	07555	1:0	97220	07557	07558	07559	07560	07561	97567	07563	97564	97565	97566	07567	07568	07569	07570	07571	97572	97573	97574	97575	27.70	7.75	07578	07579	07580
	1																																					98826
4	ı		•		;							•												•		•			•			٠						
	546	547	48	OV.	ST.			552	553	554	355	150		) () K	228	559	560	561	567	163	564	565	565	167	568	569	570	571	272	573	774	7	72			96	80	7587
L	<u>E</u>	E	<u></u>	F	F	- [	-	_	<u></u>	<u> </u>	<u> </u>	F	- [	-	<u> </u>	7	_		r	F	<u></u>	F	_	F	<u>F</u>	<u></u>	<u> </u>	<u></u>	<u> </u>	/	F	Ŀ	F	-	<u>-</u> F	1	F	<u>F</u>

		_					_																			_	-	_		_					—,
BK				:																							. :	:							
8				:					:	:	į				:	,	:		:	:	:	1	į	:	;	:		į		:			:	٠	
ВН		-		i				:		:		<del></del>							<del></del>			<u>.</u>	-				:								
9							<del></del>		<u>-</u>	:	:							_	i					<del>i</del>				-	-:						
8				<u>:</u>			<del></del> ÷	- :								į			<del></del> :			_ <u>;</u>	<u> </u>		- :		;	- :		. ــــــــــــــــــــــــــــــــــــ				<del>.</del>	_
띪			:	<u>:</u>			;		:								;		:	;	;	:	;	!	:	: :		i	į						
BE			:	:	;	-	:					:	;		:			:				:				:			i						
ပ္က	011	<b>S</b> :0	5 : 0	<u> </u>	91	0	; 0	0	0	0	0			0	0	0	0	0	0	<b>0</b> 1	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<b>©</b> :	<u>o</u> i	910		0
AB B	٦.,	<del></del>	4,,	<del>- 1</del> 1	4 .	<del></del>	<del></del> i	ᆲ	<del>-</del>	4	<del></del> 1	_		<del></del>		П.	ਜ	<del></del> -	-	<del>, , ,</del>	-	न	ਜ਼	-	<del></del>	Н,	H	~	н	н	7	ਜ :			ंन
묏	01	6:0	910	910	S i	01	01	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0	9	<u> </u>	اه	0	0	0	01	0	0	0	0	0	0:	010	210	010	10
W	05	0:0	510	910	91	61	6	0	0	0	6	0	0	91	0	0	0	0	0	01	01	01	<u> </u>	6	0	61	<u> </u>	0	0	0	01	0:0	916	010	10
ALAWAYB			. 1		•		-	•			-	. !						. :	:	:	_ :	:	:			!	;	!					916		
S					:				:	:										•	٠,												2010	•	
AdA				:				:		: :			:						,				_:						_	: :			2016		
K								:								:														<u>:</u>	·		010		
AKAMAO				. :			!			: :	1	l					:													:			010	,	
Ś				- 1	i	:	- 1			:					٠ ;	:	:	. :			:			:						:					:
				i						<u> </u>							:	<u>.</u>			:									i	<u>;</u>	- ;	9 6	1	<u>:</u>
A							i	:								<u> </u>	:	:				<u> </u>								:	:		<u> </u>		
ABAG	L		:	i_				!		<u>;</u>												:						:		:			916		
CAI																					:	:											ङाङ ङ		
V			į	i.			į			!	!	i	!			Į.		:												:					:
₩.			;	i	:	:			_	į	:	<u>i</u>				į		:	:											i	<u>.                                    </u>		9:0		<u>.</u>
Υ_	0	<b>©</b> :	Ø į	osi.	<b>©</b>	01	0	Ø	0	0	0	100	0	0	0	(O)	0	0	9	0	0	01	0	0	0	0	1 Ø	9	0	9	0	<b>O</b> :	9:0	216	110
×	0	01	<u> </u>	01	0	0	0	0	9	0	0	:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	(O)	01	<u>o</u> ic	216	00
n	0	0:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0:	S) G	oic	9 6
S	0	0:	0:	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	:0	0	.0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	60	0	0	210	010
ठि	0:	<b>o</b> .	0:	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	210	0
6	0	0:	0	01	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	0	:0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	10	0	010	216	oio
-	0	01	01	<u>0</u> 1	0	0	0	0	0	<u>;</u>	0	9	0	0	10	6	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	10	0	010	2:0	10
<u> </u>	0	0:	9	O i	0	0	0	(3)				_	_	_						0				0	.0	. 0	: (0)		100	10	0	0	o i o	9 6	010
똔												:	:																						010
				٠					:		:	:	:	:									:							,					
9	0	0	01	<b>©</b> i	0	0	0	0	0	10	.0	10	0	:0	.0	10	:0	:0	-0	.0	0	0	0	:0	0		.0	9	0	:0	10	<u>o</u> .	<b>S</b> i6	316	, 16
ш					_									_				_	_	_															
	ਜ.	н	<del></del>	नः	4	<del>,</del> ,	-	-	-	:	<del></del>	ia	<del>-</del>	٠ا	<del>,</del>	-			<del>-</del>	. —		-4		-		ī		~		<del></del>	١٨.	-		1.4	411
ျ				:					<b></b> _		-		; 	<b>-</b>				·		<u>.                                    </u>	·												:		
В	07581	07582	07583	07584	07585	07586	07587	07588	07589	0220	07591	07592	07593	97594	07595	07596	07597	97598	97599	02/0	07601	07602	07603	97694	07605	97696	07607	07608	07609	07610	07611	07612	07613	07014 07614	97616
	827																																		08863
<	88	8	8	8	8	88	8	8	: 88 :	:80	8	188 :	:8	:8	8	8	80	88	.60	8	8	8	8	80	:83 	8	8	8	8	:8	8	8			
	82	83	84	82	98	97	88	89	06	16	92	93	94	95	96	16	98	66	00	5	02	03	40	05	90	10	80	60	10	E	12	23	4 4	2 4	下
	2	2	2	2	2	751	3	75	75	73	3	3	73	73	75	75	75	73	761	76	26	9/	76	<u> 26</u>	76	9/	76	19/	9/	9/	9/	9/	9	2	7617
	لت				ائــــ	<u> </u>	ت			Γ.		<u> </u>				<u></u>	г	<u> </u>				_		_		L	<u> </u>						-г		

쐶	3453										10	8 2		:.												:										:				1155		•			1	3589
	263	<del>-</del>	:	_				<u>:</u>	_			9	-	_			<u>.</u>				:	;	_		:	+	<del>-</del>		_		-	<u> </u>	•			<del>- :</del> :	<u>:</u>		_	1067	:	;		<del>:</del>	1	23
BH	<del>-</del>	<del></del>		_								23		-				_		_	•	1	_		-	:				<u>.                                    </u>	-	:	:-			<u>.</u>	<del>-</del>	_		i =	-	-	÷	÷	<u> </u>	1 32
_	101	<u>:</u>	-	_		+	_		_		:	290	-	-	:		:				:	<u>·</u>		_	-	<u>:</u>	_:			! ! !	-	-	<u>.                                    </u>			<del>-</del> :			_	16	<u>:</u>	<u>:</u> :	-		- 11	275
	<u>ਜ</u>	:	:		,-	i	_	,	-	_	~	8		<u>:</u> :					-		-				<u>.                                    </u>	<u>:</u>	<del>:</del>	:	_	-	-	-			<del></del>		_;		· :	100		÷	<del></del>	<del>-</del>	_	: 1
BF	94	; ·	•		:	-		<u>:</u>			j;	8		•			:	•	_	_	:	:				:	:			:	!	:								; <del>=</del>			<u>:</u>		-	- 92
BE	(68742	i	:		:	-						23613						:				:				<u>:</u>	:	:		:	:				:	:			: :	155409			:	•		011466
ပ္ထ	8	ıs	(c	Ø	. 6	5	0	ic	9	-	414	2 0	0	10	9	0	ic	<u>ا</u> و	0	0	i	9	0	0	is	oic	<u> </u>	0	0	0	0	100	ie	911	9 !	ा	0	0	0	S	S	<u> </u>	910	ه ا ه	_	_
BA	7	•	4	7	-	11	<del>-</del>	i •	7	-	•	-	-		-1	7	i	<del>-1</del>	<del>,</del>	-	1	<del>- i</del>	ਜ	-	1 <-	11.	Ŧ		ਜ	iw	m	i	1:-	411	7	<del>त</del> ;	ਜ	ਜ	П	1	iie	1	- <del>1</del>   -	11+	<b>⊣</b> !	=
A	0	į	<b>9</b> i	0		١,	0	10	9	· 6	•	ē	0	11	9	0	!	<u>آ</u> د	0	0	10	<del>أ د</del> :	0	0	0	1	<u>5</u>	0	0	0	0	S	9 6	<b>&gt;</b> !	0	0	0	0	0	S	6	1	9 6	9 0	۱۹	0
	0	Ē	<u>!</u>	6	10	5	Ö	i	9	8	1	0	Ø		9	0	10	5	0	0	10	i د	0	0	S	) (	<u>5</u>	0	0	0	0	6	16	911	9	<u> </u>	0	0	0	16	is	) i c	9 0	916	9	0
AUAW	ŀ					:		•	_		:	:								:	1	- 1			<u>:</u> _		. :			Ĺ	:	:			_:					1	:		<b>S</b> [ <b>C</b>			
AS											:																													·			910		•	
Ad		:				_ ;		:												:																			·		_		916			
Ad					:	:		:			:	- 1	i					:			:	:			:		:			<u>:</u>	:									:			oie oie			_
AM		į	į		:	1		÷			:						:	į		į	!	í			١.	*	i			1	· -	1_	:	ì				:		<u>i_</u>	:	:_	9 0		_!	
IAK		1	:			_i		:		į		. !		:			i	İ		1	İ	į		;	L		i			•	i	Ĺ	1		_;	:				1_	i_		910	-		<u>~</u>
<b>GAI</b>		:	- 1					1			. !						i	:		: .	<u>i</u>	i	i .	:	į	_ :_	_ :			!		٠.	•	_:				:	:	:			510		_ !	<u>_</u>
AEA	0	i	<b>9</b>	0	ic	91	0	i	0	IG	नं	0	S	ì	0	S	۱	9	0	6	١	5	0	I G	10	<u>s i e</u>	0	0	6	٥	6	G	o i c	si Ie	6	0	0	0	0	Is	oid	<del>)</del> (	ماد	<b>5) (</b>	9	9
ACJ/	0	ie	١	0	ic	إد	0	110	0	G	<u> </u>	0	S	)	0	S	1	ا د !	0	S	310	9	0	10	10	<u> </u>	ठ	0	0	0	0	ie	910	<u>9 i</u>	01	0	0	0	0	İ	10	<b>&gt;</b> 1	Sic	2010	أف	0
¥	0	10	<u>5</u>	0	: 0	9	0	100	0	6	<del> </del>	0	5	) I	0	G	1	اد	0	is	<u>.</u>	0	0	S	ار	oie	6	0	0	0	ie	ie	9 6	اه	ठां	0	0	60	0	10	oie	910	Sie	9 0	s i	Ģ
٨/	0	o i c	<u>.</u>	0	10	5	0	i	0	S	ᅣ	0	S	) i	0	S	i	5	0	īG	51	0	0	16	ie	910	0	0	0	10	6	10	916	أد	<u></u>	0	0	0	0		oie	910	او	s i e	i e	0
Α	0	i e	5	0	10	<u>5</u>	0	1	6	10	۱ د	0	6	) [	0	S		9	0	16	011	0	0	is	i e	910	0	0	0	0	ie	ie	<del>ار</del> ة	<u>s</u> i	o i	0	0	0	0	9	010	<b>&gt;</b> 1 (	o i e	soio ∶	S	0
n	0	10	ا د :	Ó	10	9 i	Ø	110	0	is	ا د ا	0	G	į	0	5	) i (	5	0	S	511	0	0	S	10	9 !	0	0	0	10	S	ie	si c	s i	01	0	0	0	10	ie	010	او	910	<del>5</del> i e	اد	0
S	0		<u>ا د</u>	0	1	9	0	11	0	e	اٍ د	0	is	) i	0	S	1	0	0	16	51	0	0	S	1	9 !	0	0	0	20	S	16	910	اِد	0	0	0	0	0	1	010	<del>5</del> ; (	9	S) i	<u>5</u>	0
Ø			:			:					:			.:		;	•			:	1		:	:	:	1				:	!			٠				:	:	i	•		9!	1	_ :	
0	0		9 !	S	10	9	S	:	0	10	ופ	0	İ	> i	0		!!	0	0	!6	را د :	<u> </u>	0	16	10	ا و :	0	0	0	16	916	:	910	9	0	0	0	(0	10	10		911	ە i دە :	910	9	0
Σ	0	916	9 1	0	:	9	S	1	0	10	١	0	•	) !	0	S		0		! 6	91	0	0	S	:	١٩	0	0	0	2	i i	i	9 į (	9	0			0		i i	010	911	<u>ا ه</u>	9	<b>S</b>	0
¥	ı		:					:			:		:							•				•		. :					S	ole	יופ	91	0		:	<u>;</u>		:			010			
<u> </u>	0	10	9	0	ic	9	S	) (	0	į	٥i	0	C	<b>&gt;</b> :	0	: G	1	0	0	10	91	0	0	10	1 0	S ;	0	0	0	16	100	·	9 ! 6	Sī	0	0	0	0	10	16	<b>S</b> • 6	91	o i	911	9	0
5	0	••	9	G	10	9	S	1	0	: 0	9 !	0	10	<b>&gt;</b> į	0	10	i	0	0	10	۱ <b>د</b>	0	0	: 03	010	3 :	0	0	.0	is	116	10	9:0	S)	0	0	0	10	S	iid	0 1 0	16	910	SO i €	ا وہ :	6
ш																								_															:					<b></b> -		_
ပ	-	110	4	_	1.,		-	• • •	-		<b>J</b>	ਜ	•	4			1	ਜ	-		4.	╗			1	<b>∃</b> 1	<del></del>	П	-		:	; i c	711	H!	7		<del>-</del>	· <del></del>	-		4 · •	4	<del>, , ,</del>	<del></del> 11	Π.	
8																																			07642	07643							07649			
4	08864	0:0	08800	98866		0880	ORRER	3:	08869	1000	0000	08871	00077	7	08873	00074	1	08875	08876	00077	2000	08878	08879	00000	3:0	2887	08882	08883	08884	0000	288	3 10	70000	888	68889	08890	08891	08892	08893	0000	0000	0000	98890	26880	8880	0880
-	761R		010	7620	100	170/	7622		7623	1637	+70/	7625	7626	2	7627	75.2 B	010	679/	7630	7621		/632	7633	7634	7636	(02)	/636	7637	7638	7639	7540	75/1	104	1046	7643	7644	7645	7646	7647	7640	0724	1040	020	100	7697	7653

BF BGBH BI BK						:			2201 2284	:	-				2910	:	:	:		•					· 				
ВСВН						:			2201	:	:																_		
BG		:		-		:					•			:	840	:	1	:			:			:			:	:	
BG		; ; ;		-		<del>-</del>			<b>-</b>		<del>1</del>			•	न	-		÷		<u>·</u>	:	•				<u> </u>			
			<del>: :</del>	÷				.	7					<del>.</del>	236	<del>,</del>				<del></del>	<del>:</del>							<u></u>	
8	: [	. : . :	į ·		į	÷	<u> </u>	-	7	÷	<del>-</del> ;				19:	<del>- i</del>	<u>-</u>	1		-	<u>.</u>	:		_				-	<del></del>
	: }				:	i		. !	6		:				¦කි.	;	:			. :	:	•	, ;					-	:
8			:	:	:				4810		:			:	910			:			:		, '					:	<del>:</del> ,
O	00	00	101	<u> </u>	S i d	) S   G	0:0	0	8	<b>©</b>	010	S 6	9 i G	:	69X	;   (0	: 	610	910	9 ! 6	10	10	0	01	<u>:</u>	910	010	10	100
8 -	. स. स	नान	<u> </u>	7.	<del>-</del>	414	· • न	· +1	-	<del>-1</del> :	7	<del></del> -	<del></del>	संस	<del></del>	<u>.</u>	<del></del>	<del></del>	<del>_</del> ;,	ः नःस	i <del>, ,</del>		· H	.त	ਜ.	<del>त</del> :	rd: r	<u>:</u> गत	2
AYB	00	00	0	0 0	9 0	: 5   6	010	0	9	<u> </u>	010	0:0	916	10	101	0	01	010	910	916	10	10	0	0	01	010	010	010	6
5 0	00	00	101	<u> </u>	910	<u> </u>	910	0	0	01	Oi	S: 0	916	0 0	0	01	: 610	610	<del>5 i</del> 6	9 6		10		6	91	911	916	10	0
ALA	00	00	101	0	<u>s i c</u>	916	10	0	<b>6</b> 5	01	0	910	9 6	10	0	0	01	<u> </u>	910	216	10	0	0	0	<u> </u>	01	916	010	10
	00	010	01	010	<del>si</del> c	2 · C	0 0	0	0	0	0	<u>s: c</u>	9 6	010	10	0	0	010	<u>s i</u>	210	10	0	0	0	<b>O</b> j.	911	010	010	0
	100	0 0	101	010	9 6	0 : C	0	10	0	0	0	0:0	<u> </u>	010	0	0	01	010	<u>s</u>	210	10	10	0	0	0	0	010	010	0
010	0:0	00	101	0	sie	<u>5 : 0</u>	0 0	0	0	0	0	0:0	عاد	oio	0	0	0	010	510	0 0	6	0	0	0	01	01	0 0	010	0
AMA	0.0	00	101	<del>o</del> ic	916	9 6	0	0	0	0	0	0:0	0:0	ojo	0	0	0	6 i e	s i e	9:0	10	0	0	0	0	0:	010	010	0
	1010	0:0	0	0	ماد	9 6	<u>ं</u>	Ø	0	0	0	0 0	ه اه	0	0	<u>o</u> i	<u>اه</u>	0 1	s i	0	oio	0	0	0	0	01	010	oio	0
₹ 0	1010		<u> </u>		i	i_	_:	i		•	- 1		- 1	:	<u>.                                    </u>		_ :	:					1	;					2
العا	1010	:	: .	- :	_i.	:		1 1	• !	•	i						÷												:
	1010		•			•			<u> </u>						:	_ :													
				i_	i	_!			;	: :			•		. :	:		•		:	:	:		÷	. :				
<b>⋖</b>	0 0	į			i	. :		í.	1 :		•		•	!			:	:	:		:			i	:				:
	0.0	<u>:</u>							نا	<u>.</u>			:	:			_ :			. :	!			:					:
2	1010								· ·	. ;	1							;			:								÷
	0:0	<u>i</u>		į	į	i.			1	İ	:	•	:	i	: :		;	i	:	:			ŧ	i.	:				:
-   -	(0:0		1 1		:_	i				i	1		:		-				:	:	:		:	:					
	00	<u>: :</u>	ii		:	:_	<u>.</u>	i	! *	1				!			į		•				:	•				•	ŧ
$\square$			! :	i		i_	<u>:</u>	<u>i</u>	<u>.</u>		:					:	;		:	:	•								;
	1010			_!		_ :	_		١.	. !	:		:	:			÷		i	:		:				•		•	
	1010									• •			_ :							÷			:						;
	10:0		<u> </u>		<u>.</u>	_:_		:	:				•	<u>:</u>		÷	:						-						•
9 0	10:0	1010	101	<u> </u>	010	<u> </u>	910	10	0	0	01	Ø.0	2010	9109	:0	01	0	<b>o</b> i	010	910		010	i <b>o</b>	.0	0	<u>o:</u>	010	010	10
ш					,				:																				
U	•स्त•स्त • ः	· <del></del> -	ا د جاء	7	<del></del>	- <del></del>	-1 · +-4	:	:	· <del></del> -	7		<del></del>		· +-4 ·	щ.	ਜ.	<b>—</b> 1 і і	д.	<b></b>	4	ı <del>, ,</del>		<del></del>	<del>.</del>	τ.	<del></del> 1 · <del>-</del> -	1.4	2
B 7653	<b>07654</b> <b>07655</b>	7656	7658	7659	200	7661	7663	7664	7665	9992	1992	7668	7669	7671	7672	7673	7674	7675	9/9/	7677	6292	7680	7681	7682	7683	7684	7685	7687	7688
L								•											:										
A 0890	08901	2680	2680	9680	3680	9896	0891	0891	0891	0891	0891	0891	0891	0892	7680	0892	0892	0892	2680	2680	0892	0893	0893	0893	0893	0893	0893	889	0893
7654	7655 7656	7657 7658	7659	7660	199/	700/	7664	7665	7666	7997	7668	1669	76/2/	7672	7673	7674	7675	9/9/	1/0/	76/0	7680	7681	7682	7683	7684	7685	1686	7688	7689

S
<del></del>
2
袠
lil.

뽔		421	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·		1993
18		344		<del> </del>	973 2
Ŧ		<del>[[</del>		<u> </u>	ਜ਼ਿ
8		100	<u> </u>	:	L 19
<b>B</b> G		10	<u>:</u>		34
BF		98.7			97.7
匚			<u> </u>		
BE		581			3315
		<b>1 2 3 3 3 3 3 3 3 3 3 3</b>			× 12
BC	0101010.01010101010101010	1 .: : :	<u> </u>		
BA			<u> </u>	i e e e e e e e e	
Α	Ø:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0	4 . 1 4.	<u> </u>		
AW	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	1 1 :		<u> </u>	
M	0:0:0:0:0:0:0:0:0:0:0			<u> </u>	
AS	010.0101010101010101010	_:_:_		1 1 1 1 1 1	
M	010 0 0 0 0 0 0 0 0			<u> </u>	
8	Ø 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	4 . : :		·	1 1
KAMAGAGA	<u>ତାତ:ତାତାତାତାତାତାତାତାତା</u>	00000	0 0 0 0 0 0 0	910:01010101010	010101010
A	0000000000000	0000	0000000		0000000
A			<u> </u>		
BAG BAG	ବ ବାବାବାବାବାବାବାବାବାବାବା				
IX	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0				
AG	01			4 4 4 4 5 6 6	
₹	0 0 0 0 0 0	1 1 1	<u>. i l i l i l</u>		
>	@:@i@i@i@:@i@i@i@i@i	•		·	
₹	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0				
Э	000000000000	0000	00000000	0.0.0.0.0.0.0	0 0 0 0 0 0
S	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	101010	00000000	210:010:010:010	0 0 0 0 0 0 0
0	0.0.0.0.0.0.0.0.0.0	0000	0000000	000000000	00000000
0	<u> </u>	0000	01010101010	0 0 0 0 0 0	0.0.0.0.0
Σ	0.0000000000000	0000	000000	00000000	0 0 0 0 0 0
	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0			010:0:0:0:0:0	
	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	0:0:0:	0000000	0000000	00:0:0:0:0
9	0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0				0 0 0 0 0 0
E		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	<u> </u>		
	a a a a a a a a a a a a a a	तांसांसांस	<del>dididididi</del>	ल : ल : ल : ल : ल : ल : ल : ल :	talalalala
ပ	: : : : .				
	80 90 90 90 90 90 90 90 90 90 90 90 90 90	2 8 8	96 97 98 110 10	11 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2 2	22 22 23 23 42
18	97699 97691 97691 97693 97695 97695 97698 97699	700	700	67.00	760 770 770 770
				· ·	
₹	08939 08940 08941 08942 08944 08944 08946 08946 08946	8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8 8	8 8 8 8 8		9 9 9 9 9 9 9 9
	690 691 692 693 700 700 700 700 700 700	7545	000	7m4m0/80	252225 54322 54322 54325
	77666				
_	<u> </u>	_p _p _p _p	- h - h - h - h - h - h - h	- p - p - p - p - p - p - p - p - p - p	* -1 -1 -1 -1 -1 -1 -1 -1 -1 -1 -1 -1 -1

	_		_		-:					.:. :		0	_		_				;				_			<del>-</del> -		_		_				19	<del></del>
器				:				:		:	1	1860	:	:	:			!		:		}	717				,	•	:		:		•	. 6	n [
81				-					!	- :		1316							i	- !			566	- :	:		-!	ī	-					100	1007
ВН				<del>-</del>	:			•		-	-	귀	<del>-</del>		-	_		_	_	<u>·</u>	_	ij	ਜ		-	-	:	:		_	:		;	!+	
BG		!	:					:	- :		-	329	i	i	_	<u> </u>		i				<u> </u>	152	:		-	!	•					:	10	2
		-			=	-	i		:		ij	S.	-	_	_	-	1	j		-			86	:		1	<del>i</del>	1					1	į	₹.
BF		ļ	!			i 	_	-			!	8		!					!			- 1				:	;	_					i 	18	ň į
BE						:	:	•				95		!		,		į					941	:	:		:	:						1	<b>~</b> 1 !
	_	1		_	-		_	_		_	_	014	_		_	_				_			X54		-	1	- :	_	_		•	_			MZ
ABC	_	<u>i </u>							:		_		!	i			_ !		j					_ :		_	_	_;			0	<u>~</u>	010	S) (	9 0
AYB4	_		<u>:</u>		;	_:	:	:			-	:	:		_		:									-:	_ ;				6	-	910	- · ·	110
(A)		-	Ĺ		!			:				!	!	i							į			<u> </u>		i	i	:							9 0
ALLAW		. !	!	!									_ 1	!			:		:	_					:	i	_ !	;		_				<u>:</u>	010
S	L	!				:		i								<u> </u>										_ :	- 1								0 0
AdA	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	0	0	0	0	6	0	010	910	واو
Ø	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Oi	910	9 0
AMAC	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	oie	<u>ब</u>
AK	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>ब</u>	0	0	0	0	0	0	0	<u> </u>	0 0
A	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	00
AEAG	L	:	!								i					1											:			<u>:</u>	<u>i</u>			;_	0 0
K	L.	·		_		<u>'</u>										<b></b>				<u>!</u>	:	_					i		<u> </u>	<u> </u>	·		:		<u> </u>
AAC	L		<u>:</u>		!											<u> </u>				_			i .						ı		<u>i                                      </u>			:	9 0
⋖	L	:	<u>i                                     </u>	<u>L</u> _							<u>:</u>	•							i .	<u> </u>		Li	<u>i</u>	:					i				. :	1	00
<u>\</u>	ட	:		<u> </u>		_				<u>.                                    </u>			L_		<u> </u>	<u>i_</u>				<u> </u>			_			i	:		<u> </u>	١				4	010
<u>×</u>	L	:	:	:	i			<u>.                                    </u>								<u>i _</u>			:				<u> </u>			_ ;	;		!	1	!			<u>.</u>	010
S	0		10	6	0	0	0	0	6	0	0	10	0	0	0	6	: 0	0	0	6	10	6	0	0	0	0	اه	0	.0	0	0	0	0	0	<u> </u>
0	0	10	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	0 0
0	0	10	10	10	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0	6	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	01	0	010
2	6	10	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0			1				0				0	0	0			10	0	0!	00
~	0	10	0	0	0		0	0	<b>©</b>	0	10	0	0	0	0	0		0			0		0	10							10	0	0	<u>o i</u>	9 6
三	ē	10	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	:   <b>©</b>	0	. 0	0	0	9	10	0	9	0	0	0	0		0	0	10	0	0	911	9 9
5	0	0	10	10	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	10	: 0	0	0	0	0	:   <b>©</b>	10	0	0	0	0	0	10	:		0	0	010	010
	-		<del>:</del>	<del> </del>	:	:	<u>.                                    </u>	i			<del>:</del>	:	<del>-</del>	_	!	<del></del>			!		:	<del></del>							<del>-</del>	:	<del>}</del>	-	•		<del></del>
-	-	न	• स्न		-		त	-	· —	-	. न		<u>.</u> न	7	न	· +4	· त्न	न	· - —	न	न	ਜ	<del>.</del> न	-	<del>.</del>	π,	н.	-	<u>.</u>	. ল		· <del></del>	· <del></del>	<del></del>	; <del>, , , ,</del>
ပ			:	•	:			:							:					;	•		:	•			:	! :	: :		:				
<u> </u>	52	2	27	28	23	8	걾	32	33	7	33	36	37	38	39	- 6	41	42	43	4	45	46	47	1 80	6	20	21	22	53	12	22	56	22	α Ω:	2 8
8	07.7	077	077	077	077	077	977	077	077	67	077	077	077	077	077	077	077	077	077	07.7	077	07.7	077	077	07.	07.	07.7	677	07.7	97.	077	//0	6	6	07759
	375	320	377	378	979	88	381	382	383	384	38	986	387	388	989	96	391	392	393	994	395	966	397	398	9	8	301	302	303	8	305	986	202	80	09009 09010
⋖	986	980	980	980	986	980	98	88	98	280	98	986	88	88	188	980	986	98	98	986	986	986	88	88	88	ğ	8	Š	ğ	ğ	Š	Š	ğ	8	\$   §
-	100	·	m	<u>.</u>	C		N	: m	4		ю	<u></u>	100	<u>.</u>	, 	<u>.</u>	N	3	<del>.</del>	10	ဖ	<u>-</u>	: 00	ച	0	<b>—</b>	7	8	₩	<u>.</u>	ما	7		n k	<u></u>
	7	12	72	72	73	73	73	73	3	73	736	73	73	73	74	74	74	74	74	74	74	7	7	74	75(	75	75	75.	Ķ	7	73	75	3	ं	36
	_	1	1	~	<u></u>	_	^	_	_	_	_			/	<u></u>		_	<u></u>	_	<u></u>	<u>~</u>	_	<u> </u>	_	7	7	_	/	<u>~</u>	^		^		<u> </u>	<u>1</u> 2

_
•
2
袠
MA

BK		:			:				793	:							1450		:	1	1568	!	:	:		:	:		683	1681		:	:	:	•
18		i	-	:		-		-	222					-	_		1219				686	<u>. i</u>	- ;	- ;		-	-		423	1555	-	<del>:</del>	<del></del>	:	
BH	$\vdash$	<del>!</del>	!						4			_					м Т	;	-		26		-	1					н	ਜ		- ;	÷	÷	-
BGE	H	<u>:</u>	;	:					69	ij			-		_	-	6		<u> </u>		265			-		•		_	26	23				 :	<del></del>
	┝	÷	+	<u> </u>	-				ø	_			-	-	_		5 19				1 2	-		-			-		93 25	00			- :	:	<del>-</del>
BF	L	!	-	! 					86							l	6				8		į			!			0.	<u> </u>					
BE		i		!					303191								X57348			j	M24069	İ				:	:		421302	(66029			:	:	1
80	G	0	0	10	0	0	0	0		0	0	0	0	0	0			न	ਜ	ਜ	쥬	-	ᆔ	ᆔ	н.	7	m	н	7	7	-	~	<del></del>	<del>-</del> [	ᆔᅲ
AYBAB	F	1	। न	2	-	ਜ	Н	↔	ਜ	᠇	1	1	-	7	-	<b>~</b> 1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	91	<u></u>
AY	9	0	0	; ;	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	9	<u>ब</u> ्
AW	G	Ģ	0	9	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	s i	0 0
₹	L	:	•		!	:					0					:	. !									:								_	<u> </u>
AS	上							!		:			0	0	<b>-</b>	0	0	0	0	0	0	0	91	001	0	01	0	0	0	0	Ö	0	010	91	Ø 1 Ø
×	ᆫ		<u> </u>		<u>:</u>						0	<u>.                                    </u>	0	i		0			<u>.</u>	<b>-</b>	_ :	0	:			:	:					_		_ :	<b>Ø</b> i <b>Ø</b>
¥	L		<u>i</u>	:	<u>i                                     </u>						0	<u></u>		<u>.</u>												:						:		-:	0.0
\$	L	i	0	辶		0			:		L			L		Ŀ				j				_ :		i	i					i		i	0:0 0:0
AIJAKAMAGAGASAU	L	1	10	<u> </u>	<u> </u>	1					0			Ĺ.,	L	Li				- 1			-	. :			į						i_	i	00
10	L		0	i	i				•		į	L	0	0	_					i						i	i					_ :	1	:	00
ABAG		:	<u>i</u>	<u>i</u>	1	:		<u> </u>			0		i ;	_	!	!	i	1	۱ ¦	•	i	i :	. !		!	i	:				. :		010	i	Ţ
<b>V</b>	6	016	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>0</u>	0	0	0	0	0	010	9	00
1	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	91	00
X	S	ی زم	10	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	9	00
₹	G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	9	00
5	S	٥١٥	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5	00
S	9	9 0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Oi	<u>s i</u>	<u> </u>
0	G	9	10	60	60	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	9	00
0	S	ء اح	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	9	00
Σ	6	0		0		0		0	0		0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	20	0 0
¥	G	ois	io	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0		0	0		0		0	0	0	0	0	0	010	21	0 0
=	6	ی ا	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	010	91	010
5	6	is	ंड	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	010	91	00
<u></u>	T	:	:			:		i	—					_					_			-	<del></del> i	<del>-</del>		:					-	:		:	:
	F	i (-	i <del>-</del>	7	-			-	77	-	-	F	ᆔ	-	ਜ	<u>-</u>	П	-	н	ਜ	7	-	7	Н	v-4 (	7	н,	H	7	7	<u>-</u>	7	411	<del>~</del> 1 j	नान
ပ				:		10	_	~	•	_		21	~				_	~		-						•		~							
8	•		•	•	:				١			•		•		١.								:					•		•			•	07795
A	09011	09012	09013	99014	09015	99916	09017	89018	99019	09020	09021	09022	09023	99024	89025	09026	09027	82060	62060	08030	09031	09032	09033	09034	09035	09036	09037	86060	68639	99040	09041	09042	09043	4000	09045
	7762	7763	7764	7765	2766	1767	1128	1769	7770	7771	7772	[7773	7774	7775	9///	7777	7778	7779	7780	7781	7782	7783	7784	7785	7786	7787	7788	7789	7790	7791	7792	7793	7794	22	4/96/

				_	_					ď																														_
ВK	4463	2011			:	1	7191					1	2360						1	2458										:	:				1918	5167	11	1888	1181	
18	Ş	COT:			:	1	1268				;	1	1576			1	-	:		2116					:		i	:	:				:	į	1551	3793		1627	284	٦
BH	ŀ	4;			•	_	<del>-</del>	_		_			-1				_	_		ਜ			:	-	_					-	_		<u>-</u>		=	-		<del>=</del>	-	┪
BG	ŀ	107	-		:	1	351		<del>: -</del>	<del>:</del>	į		169	-	:				-	326	<u> </u>		_			-i	-	- :	-	_				-	25	78	1	123	2	$\dashv$
	t	<u> </u>	: 		:	_	m :		<u> </u>	!	- ;	-	8	:	; 	÷	-	:		5	-	_	: 			-				<u>.</u>		- :			2 32	-			23	$\dashv$
8F	ľ		:			ļ	8			:	:		88		1	ì	:	:	į	86				•				,	!	:	:	:			93		. 1	97.	88	
E	ŀ	¥ .			_	i	8			•	:		20	•						790		-				!	-	-		!			-		86	38	:	ş	902	٦
BE		4000E			:		98269		į :		:		493150	:	:	:		;		8					:		:	:	:			:			X040	3136		186	83	
BC	ŀ	7	=	7	irv	1	00	ਜ	i <del>n</del>	•	-4 :	ਜ	7	-	;	1	4 !	ਜ:	H	a	H	н	=	-1	H	н	4	ਜ	7	<del>न</del>	m·	<del>-</del>	7	н.	ਜ	ਜ	ता	7	귀	퀴
ই	ŀ	۱۹	0	0	įs	o į	9	0	0	ic	91	0	0	0	<u>.</u>	10	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	0	ब	6
AYBA	ŀ	<u> </u>	0	0	is	<del>ا</del> د	<u>.</u>	0	0	10	9	0	0	0	6	ie	91	0	0	0	0	0	6	0	0	0	0	0	0	0	0	ा	0	0	0	0	01	<u>6 i</u>	0	0
₹	ŀ	۱۹	0	0	16	7	9	0	0	i	9	0	0	0	6	١	नं	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	히
	ŀ	9	0	0	6	<del>-  </del>	9	0	10	10	9	0	0	0	è	ie	9 !	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9
KAMAGAGASAI	t	o i	0	0	Ö	<del>ا د</del>	0	0	10	110	<u>s</u> i	0	0	0	is	oi e	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	<u>o</u> i	0	0	0	ø	6	0	0	0	0
ङ्ग	ŀ	91	0	0	10	o i	<b>0</b> i	0	0	ij¢	9	0	0	0	6	10	91	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	6	0	0	6	0	히
Ş	ŀ	91	0	0		اد	0	0	0	, i c	9	0	0	0	: 6	ic	9 :	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	01	6	0
3	Ť	91	0	0	10	<b>&gt;</b>	0	0	0	Pic	9	0	0	0	16	o i c	9 !	0	0	0	0	O	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
AK	ŀ	ie	0	0	ie	P	0	0	G	गंव	9	Ø	0	0	S	١	اِھ	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
7	t	9	0	0	١	5	0	0	6	1	0	0	0	0	6	> 0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	oi	<u></u>	0	0
M	1	i			i.	1			:	į	. !		4	<u>:</u>	L	:	- :			!	!	1		<u>!</u>		:		i						. 1	į	:	100	į	i	0
1	L		_		·				_		:		:	:	1_	1	_:	:			1	<u>.</u>		1	<u>:</u>											<u>:</u>	0	_ !		0
AC	1								:	į			!	:	1	!	:			:	:	<u> </u>			<u>.</u>								:	•	<u>.                                    </u>	:	101	į	. :	
¥	ľ	9 i	0	0	1	<b>3</b>	0	0	! !	) i (	9	0	0	0	10	1	! د <u>ح</u>	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0
>	ľ	S)	0	0	ic	<b>9</b> i	0	0	9	) i e	9	0		0	16	) i	ا دی :	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
≥	ľ	9	0	0	1	<b>3</b> [	0	0	16	) i (	0	0	0	0	6	1	9	0	0	8	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	i <b>o</b> o :	0	0	0	0	0
5	Ī	<b>S</b> i	0	0		<u>ا د</u>	0	0	i G	) i e	0	0	0	0	6	1	91	0	0	0	i <b>G</b>	00 	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	i 0	0	0	0	0	0
S	ľ	91	0	0	ic	<b>S</b> :	0	0	16	1	0	0	0	9	6	516	5 i	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	60	0	0	0	0	0	0
0	ľ	01	0	0	10	9	0	0	16	1	0	0	0	0	6	गं	<u>5</u>	0	Ø	0	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	Ø	0	0	0	0	0	0	0
0	Ī	S i	0	0	10	9 !	0	0	10	) (	0	0	0	10	10	<u>ه ا</u> د	S) !	0	0	<u>।</u>	0	0	0	0	O	ठ	0	0	0	0	0	0	0	10	0	0	0	0	0	0
Σ	Ī	9	0	0	iie	9 !	0	0	S	į	0	0	0	9	is	910	s i	0	0	0	10	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
¥	t	91	0	0	) : 0	9;	0	0	16	911	0	0	0	G	16	o i e	9	0	0	10	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	10	10	0	0	0
_	ŀ	0	0	0	ije	9 !	0	0	G	<b>)</b> i	0	0	0	0	ig	o i e	9	0	0	0	10	10	9	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
5	1	91	0	0	10	91	0	0	is	· ·	0	0	0	10	IS	o i e	91	0	0	10		10	0	10	10	i 🔊	0	0	0	0	0	0	: 60	0	0	0	0	0	0	0
	t								-		_	•				÷					-		<u>.                                    </u>								_								,	$\dashv$
$\vdash$	1	<del>,</del>	7	-	1:0	n ·	œ			1.,	<del>, ,</del>	П	<u>:</u>	, ,	ı , <del>,</del>	4 - 4	н.	-	<u> </u>	. <del>.</del> .	-			स	<del>-</del>	. <del></del>	<del></del>	-	-	<del>-</del> -	· m	· <del></del> 1	٠.	ᆏ				7	<del>.</del>	
ပ														:	:	:	:			:		:		:_		:	<u>:</u>		! !				:	:						
B		7677	7798	7799	100	000	7801	7802	7803	31	7804	7805	7806	7807	7808		608/	7810	7811	7812	7813	7814	7815	7816	7817	7818	7819	7820	7821	7822	7823	7824	7825	7826	7827	7828	97829	7830	7831	7832
<u>_</u>	4				•																		•		:	•							:	1					•	1
4		9994	0904	9904	2	200	9905	9905	2000		8985	8985	0905	9995	3606	Coco	9905	<b>990</b> 60	906	9060	9060	9060	9060	9966	9860	39060	9966	9907	7060	2060	9907	7,060	9907	92076	7060	37060	62060	99086	8968	99085
-	ŧ	Ω	<u>ق</u>	O	·	-1	~	m	4	-	2	9	<u></u>	∞	_	516	5]	-	2	m	4	2	9	<b>~</b>	œ	6	o	F	2	က	4	S	9	~	,   	ച	0		7	3
	Í	86//	1779	780	100	3	08/	780	7804		/80	780	7807	7808	/ RO		/8/	781	781	781	781	781	781	781	781	781	782	782	782	782	782	782	782	782	782	782	7830	783	783	783

A B C E G I K M O Q S U W Y AAACAEAGAIAKAMACAGASAUAWAYBABC BE BF BGBH BI BK 7834 29083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0			•				
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGAIAKAMACAGASAUAWAYBABC BE BF BGBH 629083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		æ			3419		
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGAIAKAMACAGASAUAWAYBABC BE BF BGBI 629083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		圆			3066		
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGA AKAMACAGAGASAUAWAYBABC BE BF 62983 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	ı	五			-		
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGA AKAMACAGAGASAUAWAYBABC BE BF 62983 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0			-				_
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACAEAGAIAKAMACAGASAUAWAYBABC BE B B 029083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		8		!	78		
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGAIAKAMACACASAUAWAYBABC BE 29083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		BF			92	ļ	
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGAIAKAMACACASAUAWAYBABC  292083 07834 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		BE			92693x		
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGA AKAMACACACACACACACACACACACACACACACACACAC	1	$\tilde{\Sigma}$		П	П	н	7
A B C E G I K M O Q S U W Y AAAC AEAG AI AK AMAC AC ASAUAWAY AY AAAC AEAG AI AK AMAC AC ASAUAWAY AY AAAC AEAG AI AK AMAC AC ASAUAWAY AY AAAC AEAG AI AK AMAC AC ASAUAWAY AY AY AC AEAG AI AK AMAC AC ASAUAWAY AY AY AY AY AY AY AY AY AY AY AY AY A	ı	A	0		0		
A B C E G I K M O Q S U W Y AAAC ABAG AI AK AMAC AC AC AC AC AC AC AC AC AC AC AC AC A	1	8	6	~			_
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGAIAKAMACACASAUASAUASAUASAUASAUASAUASAUASAUASAU		4		_			
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGAIAKAMACAGASS 0.0833	1	AN	1		0	0	0
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGAIAKAMACAGASS 0.0833		X	0	0		0	0
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGAIAKAMAGAG 09083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	1	S	0	0	0	0	0
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGA AKAMAC 62083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		ð		0	0	0	0
A B C E G I K M O Q S U W Y AAAC ABAG AI AKAMA 299083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	Ī				:		
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGA AKA A A A A A A A A A A A A A A A A		¥			:	i	į
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGAIAK  099083 07834 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	ļ	A					
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACABAGAI 09083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0			0		0		0
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACAE  09083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		d۱۷	0	0	0	0	0
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACAE  09083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		γþ	0	0	0	0	0
A B C E G I K M O Q S U W Y AAACA 99083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		种					,
A B C E G I K M O Q S U W Y AAAA 09083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0	į	¥			0	i	•
A B C E G I K M O Q S U W Y 202083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		₹		1			Ĺ.
A B C E G I K M O Q S U W Y 202083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		\$			0	0	0
A B C E G I K M O Q S U W S U W S U W S U W S U W S U S U W U S U S			0	0	0	0	0
A B C E G I K M O Q S U N O O S U N O O O S U N O O O O O O O O O O O O O O O O O O		_	0		9	0	
A B C E G I K M O Q S L S C S C S C S C S C S C S C S C S C		-			0	6	6
A B C E G I K M O Q S O O O O O O O O O O O O O O O O O		<u> </u>				i	i
A B C E G I K M O 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0				i .	. O	0	
A B C E G I K M C 20083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		0	ł	0		0	•
A B C E G I K M 69083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		0	0	0	0	0	0
A B C E G I K 6 99083 07833 1 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0 0		_	6	6	6	0	0
A B C E G 69083 07833 1 0 0 09085 07834 1 0 0 09085 07835 1 0 0 09086 07835 1 0 0 09087 07835 1 0 0 09087 07837 1 0 0		2	Ļ	:	_	!	L
A B C E G 69083 07833 1 0 0 09085 07834 1 0 0 09085 07835 1 0 0 09086 07835 1 0 0 09087 07835 1 0 0 09087 07837 1 0 0		¥	8	0	9	0	
A B C E G 69083 07833 1 0 0 09085 07834 1 0 0 09085 07835 1 0 0 09086 07835 1 0 0 09087 07835 1 0 0 09087 07837 1 0 0		_	0	0	0	0	0
A B C E 69083 07833 1 09084 07834 1 09085 07835 1 09086 07835 1 09088 0785 1 09088 078		5	ठ	0	0	0	0
A B C C 69083 07833 1 69084 07834 1 69085 07835 1 69086 07835 1 69086 07835 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1 69088 0785 1		ш	H	·	:		-
89083 89083 89085 89086		<del> </del>	-	٠,	<del>, , ,</del>	<del>; –</del>	-
89083 89083 89085 89086		ပ		:		:	·
89083 89083 89085 89086		B	7833	7834	7835	7836	7837
		L.	1		:	•	i
7835 7835 7836 7837		4	69083	69084	89082	98060	09087
			7834	7835	7836	7837	7838

配列番号:1 配列の長さ:704 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00001

配列:

GATCTTCAAA CAAGCATCAG CGTTTTCCAG GGCTTCCCAG AGGTCTGTGC GACTAGCCCG 60
TGTCTATCAA AAGTTATTAG AGAGGATGAA GCATTAGCTT GAAGCACTAC AGGAGGAATG 120
CACCACGGCA GCTCTCCGCC AATTTCTCTC AGATTTCCAC AGAGACTGTT TGAATGTTTT 180
CAAAACCAAG TATCACACTT TAATGTACAT GGGCCGCACC ATAATGAGAT GTGAGCCTTG 240
TGCAŢGTGGG GGAGGAGGGA GAGAGATGTA CTTTTTAAAT CATGTTCCCC CTAAACATGG 300
CTGTTAACCC ACTTGCATGC AGAAACTTGG GATGTCACTT GCCTGACATT CACTTTCCAG 360
GAGAGGACCC TATCCCCAAA TGTGGAATTG ACTTGCCTAT GGCCAAGGTC CCTTGGNAAA 420
GGGAGCTTCA GTATTTGTGG GGGCNTCATA AAACCATGGN TTCAAGNCAA TCCAGCCTCA 480
TNGGGNNGGT CCTGGGNACA GTTTTTTGGT AAAGGCCCTT GGCCCAGNTG GGGGGAATGG 540
GCCTCCTTTT TAAGNTTTGG GNTGGAATNG TCTNGCAAAT TGGGGCTCCC ATTTCNCGGG 600
GGTTTGGGGG TTTTTTNGGG CCTTNCCNGG NNGGAAGGGN TGGGTTTGGG GGNTNGGTTN 660
CCNTTGGGNG GGCCTGGGGN TTTGATTNA CCCGGGNCTT NGGN 704

配列番号:2 配列の長さ:659 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00002

配列:

GATCTTTAAA ATACACACTC AAATCAAGAA ACTTAAGGTT ACCTTTNTTC CCAAATTTCA 60
TACCTATCAT CTTAAGTAGG GACTTCTGTC TTCACAACAN ATTATNACCT TACAGAAGTT 120
TGAATTATCC GGTCGGGTTT TATTGTTTAA AATCATTTCT GCATCAGCTG CTGAAACAAC 180
AAATAGGAAT TGTTTTTATG GAGGCTTTGC ATAGATTCCC TGAGCAGGAT TTTAATCTTT 240
TNCTAACTGG ACTGGTTCAA ATGTTGTNCT CTTCTTTAAA GGGATGGCAA GATGTGGGCA 300
GTGATGTCAC TTAGGGCAGG GACAGGATAA GAGGGNTTAG GGAGAGAAGA TAGCAGGGCA 360
TGGCTGGGAA CCCAAGTCCA AGCATACCAA CACGGAGCAG GCTACTGTCA AGCTCCCCTC 420
GGAGGCGGNG CTGGTTCACA GCCAGCTGGC ACCAGNTTTT NTNGNGGAAG NCTTTTCAA 480
ACAGTCTCAG GNAATCCAAT NTGCAAAGAC TTGCTTTNAG NAAAACCCAG NAGTTGAAAG 540
GCTCCCCAAGN ATTTTAAGGG NACTTNCCAA AACGGGGCCC CNGGNNCCTT TTGGGTTTNG 600
GGGNTCAAAA CCCCGGAGGG GTTTGGGAAG NTTTTAAATTG GNTTTAAAAN ATNNNTNN 659

配列番号:3 配列の長さ:625 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00003

配列:

GATCTAACTG GGTACCTGAG ATATTTNACA GCTGGACCTA GTTTCACAAT CTGTTGTCTC 60

CAGGCTCTGCA TATGTCTGGC CAGGGGGCTT CTAGGAAGTA GGTTTCATCT ATCAAATGTC 120
TCCTCTGACT TCCTTTTGAA ACTTACTGCT CTTCTGTTTT ATTTTGTTTT GTTTGAAGCT 180
CAGAGGGAGA TGGGCAATTG ACAGGGATGC AATCCAGGGT GGGATTTCTT GAGGAAGTTA 240
CAAATAAGCT TGTTACAACA TCAAGATAGA TGGAATTGGA AGGATGCTAC CAGGAGAGTA 300
CTTACATAGT GCTCAGGAGT TTCTCTTCTT AAAATGTTTA CTGCTGAAAG ATGAGCAGGA 360
CCAGGGCGTT ATAGGCAGAG CCCTAGCCGA GAAACCTGCT GGCCTCTGCC TGTTTTCATT 420
TCCCACTTTT GGTTGTTGTG GCATTACTTT CAGAATTTGC ACTTTCCTGC TTGTCATGAC 480
TTTTTTTGGCA CACTTGCCAT GACGGGTGTT TCTGNGAACC ATGGAAGTTT TGCGGTAGTG 540
CCTCCAGGGG CAGGGGGNAA GGAGGNGGTG TANCTGCATT TNGTNCAAAT AAATCCNGCC 600
TATTGTTAAT NAACCAGTCT TTTGN

配列番号:4 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00004

配列:

GATCTGCCAG GCTGGGGTGT TTTCGGTATC TGCTGTTCAC AGGTCTCCAC TGTAATCCGA 60
ATACTTTGCC AGTGCACTAA TCTCTTTGGA GATAAAATTC ATTAGTGTGT TACTAAATGT 120
NAATTTTNTT TTGCGGAAAA TACAGTACCG TGTCTGANTT AATTATTAAT ATTNAAAATA 180
CTTCATTCCT TAACTCTCCC TCATTTGCTT TGCCCACAGC CTATTCAGTT CCTTTGTTTG 240
GCAGGNTTCT GCAAAA 256

配列番号:5 配列の長さ:616 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00005

配列:

GATCAAGCTC AAGAATAAGC TGAAATATGG CCAGACTATC AGGCCCATTT NTCTCCCCTG 60
CACCGAGGGA ACAACTCGAG CTTTGAGGCT TCCTCCAACT ACCACTTGCC AGCAACAAAA 120
GGAAGAGCTG CTCCCTGCAC AGGATATCAA AGCTCTGTTT GTGTCTGAGG AGGAGAAAAA 180
GCTGACTCGG AAGGAGGTCT ACATCAAGAA TGGGGATAAG AAAGGCAGCT GTGAGAGAGA 240
TGCTCAATAT GCCCCAGGCT ATGACAAAGT CAAGGACATC TCAGAGGTGG TCACCCCTCG 300
GTTCCTTTGT ACTGGAGGAG TGAGTCCCTA TGCTGACCCC AATACTTGCA GAGGTGATTC 360
TGGCGGCCCC TTGATAGTTC ACAAGAGAAG TCGTTTCATT CAAAGTTGGT GTAATCAGCT 420
GGGGGAGTAA GTGGGATGTN TGCAAAAACC AGAAGGCGGC AAAAGCAGGT ACCTGNTTCA 480
NGGCCCGAAC TTTCACATCA NCTNTTCAA GGTNTTNCCT GGNTGAGGNG GAACNTCCAN 540
GTTGGGGGTT TTGGGTTTTT TTAAGGGGTT CNTGTTNGCA AGGGGGTTGG GNTTNNTTTA 600
NNCCTGTTNN GNACCN

配列番号:6 配列の長さ:615 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00006 配列: GATCTCTGCT ATTTTANCCC CCCAAATAAG TTATTTGTCC TTTAAGGTTG GTTACNNATA 60 ATACCCCTCA GTAAGATTCC AGTATTAATT TCTGGGCAGT TTGTTCTCTG TATACAATTG 120 CAAATGATAA GCATTTTTGT GAGTGACCAC CTTTGCAATA TGTTTGTTAA TINTTCATGT 180 TGGGTTCTTT CTGAAATGTA CATCTTTACA TAAAAACCTC ACATTCTACT TGATTTACAC 240 TTCCTAGTCT ACATTACATG TGGTTGAAGG TTTTATACAT TCTATATGCT TTTACTAAAT 300 ATACAAGATT TACTACTAGA AATTTGGAGA AAGAACACTA ACACATGTAC TTGTGATTTG 360 TTCATGTTAT ATTAAAACCT TGAGATTTGT GTATTTATGT AGGGGGGGGT ATTGNCCAGG 420 NCTGNTGGTT TTTTGCTCCN TGGGGCTATT NTAATAAANC NGGGGTATNG GGTTGNTGGC 480 CTNGGTTTGG GCCTAAANTT GGATATATNT GGGGTTCCTT NGNTTTTACC AAAATNGNTT 540 TTGGTTGGTA GGGTTNTTAT TGGACCCNNT CCTGGGCCTG GGATAATNTG GCNGNTTCCC 600 NGGANAAAAN NCCCN 615 配列番号:7 配列の長さ:608 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00007 配列: GATCAAACCA AAGGAAAAGT GTTGCTAGAG AAAATTGGGG AAAAGGTGAA AAAGAAAAAA 60 TGGTAGTAAT TGAGCAGAAA AAAATTAATT TATATATGTA TTGATTGGCA ACCAGATTTA 120 TCTAAGTAGA ACTGAATTGG CTAGGAAAAA AGAAAAACTG CATGTTAATC ATTTTCCTAA 180 GCTGTCCTTT TGAGGCTTAG TCAGTTTATT GGGAAAATGT TTAGGATTAT TCCTTGCTAT 240 TAGTACTCAT TTTATGTATG TTACCCTTCA GTAAGTTCTC CCCATTTTAG TTTTCTAGGC 300 TGAAAGGATT CTTTTCTACA TTATACATGT GTGTTGTCAT ATTTGGCTTT TGCTATATAC 360 TTTACCTTCA TTGTTAAATT TTTGTATTGT ATAGTTNCTT TGGNGGTATC TTAAAACCCT 420 ATTTTTGAAA ACCAACCTTG GCTTTGNTAA NCATTTGGGC CGCTTGGGTA NGTCCGGACC 480 THECTTING CCCHAGGGCC TGTCAGGAGN GCCGGNTTHN CCGGGGNGTT GGNCCCGNNG 540 CCTTCCCGAT TTTTNGGGGT TGGGTCCTTN GGTTNCCGGC NTCTGTANGG GGTNCNCCTT 600 608 TTNNNCCN 配列番号:8 配列の長さ:606 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00008 GATCGCTTCC TAGAAATAAG CAACACCTCT CCCAAAAAGC AGCCCACAAG GCAGGGGCCA 60 GCAGCCCAGC CATCACTCAT CTTTNAGGAA ATNAGTTGGT AGCCTCTGTG CACTGTTTGG 120 TGGCCACATC ANNGGTGATG TCCTGTTCAC ATACCTGCTT GTATTTAAAG CCCTCAGTCT 180 GTCCTGTTGT GTGGGGCGAA GTGATGGACT CTGCCAGGTG GACATGCTGT GGGTGGATGT 240

TCCCGGCGTG TGCCGGCCTG AATGGACAGG GGTCACTTCA CAAGCATGTC AGGGAAAATC 300 ACTGTCACAC AATTCCAATG GATTTTGTGC TCTTTTTGAA AAAAAAAAAT TCTTTAGCGT 360 AAACCATGNA TTTTTTTTCA ATGTAGNCCC TTGGGGANTG AANTGAAATT TTGGGCTTCT 420 TCANATNCGN AAAATNAAAT TTTTACCCCT GAGGGGGGGA GCCCCTTTCT GAAAGAAGGT 480
NTGGGCCAAA AGCCCTTTTA ATGNTTGCTG GCCNTTGNTG GTTTTNANNG TCCANTTTGC 540
TTGGGGCGAA NGCCGNNNTG ANAAAGGTGG GTTTCNCTGG NGGNTTTAAG GNGGTGGTTT 600
GNTTTN 606

配列番号:9 配列の長さ:606 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00009

配列:

GATCTTCANN NGTTAAGCAC TTGCTCTNAA GATTAAAATT CCTTTTCTTT TTAAGGTTAA 60
GGGTGTGTAC GTATGGCAGT GATGTCTATG TTGAGATTAA CTTATGTATT GAGGAAAATT 120
TGAAGTTTAT TTTTTCGATG AATAAGGCTG TCAAATNATT TAGTATAGAT TAATGACATC 180
TTTTTTAGAA ATATTAAAGT GAGTATTCCT CATTATGTCA TCATTTCTGA TAATTAGAGT 240
GCTAATTTGA ATGTTAGATA ATGNTTCCAC ATCTATACCT ATTTCTTCT AGGGCACTTC 300
TGACCCTGGG GCTTGGGGAT GGCCTTTAGG CACAAGTAGT GTCTGTGTTA AGTTCACTAA 360
ATGTTATTT AATGAGAAAC ATTCCNATGT AAAAAATGTGT GTATGTAAC GTATGCNNAC 420
ATTGTTATTG TGCACCNGTA CATTGTGAAG AAGTAGTTTN GAAATTTTGT AANGCACAAC 480
CCTTAANGNG GTGTGGAGTT ATTAAANTGN TGTAGGCNCA AATGTAATGT TTAGCCTATA 540
AAAGGCCCTC CTATTGTCCN TNGGCAAGGC TTTGNCNCTT GNAANTAAAN CCCGTNTTTG 600
TTTAAA

配列番号:10 配列の長さ:606 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00010

配列:

GATCAGGGGA GACCCCAACT GCCAGATATA TTTTAATGTA CAAAACTGAA ACCAGATGAA 60
ATAATGTTCT GTCACGTGAA ATATTTAAGT ATATAGTATA TTTATACTCT AGAACATGCA 120
CATTTATATA TATATGTATA TGTATATATA TATAGTAACT ACTTTTATA CTCCATACAT 180
ACCTTGATAT AGGAAGCTGT TTATTTATTC ACTGTAAGTT TATTTTTCT ACACAGTAAA 240
ACTTGTACTA TGTTAATACC TTGTCCTATG TCAATTTGTA TATCATGAAA CACTTCTCAT 300
CATATTGTAT GTAAGTAATT GCATTTCTGC TCTTCCAAAG CTCCTGCGTC TGTTTTTAAA 360
CAGCATGGAA AAATACTGCC TAGGAAAATG CAAAATGGAA ATAGGAGAGA GTAGGTTTTC 420
CAGCTTAGTT TTGAGGGGGGG CCGGTTACCT TGTATATTCC CCCATTCACA TTTGGTGTCC 480
ATGTGTAGGG GAAGGTAAAG GGGTGGTTCC ATAATCAAGT TCCCCGTGGG GTGTNCCCCC 540
TGTTAAATGT CCCTGGTTTG GTGTTACCCG GGCTTTATGG GGNCCTTTCA TTATTTCCGG 600
TNGGGN

配列番号:11 配列の長さ:598 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00011

配列:

GATCAACAAA AGATAAACAA ATTTGCACGG AATACAAGTA GAATCACAGA GCTGAAGGAA 60
GAAATAGAAG TAAAAAAGAA ACAACTCCAA AACCTAGAAG ATGCTTGTAA TGACATCATG 120
CTTGCAGATG ATGATTGCTT AATGATACCT TATCAAATTG GTGATGTCTT CATTAGCCAT 180
TCTCAAGAAG AAACGCAGAA ATGTTAGAAG AAGCAAAGAA AAATTTGCAA GAAGAAATTG 240
ACGCCTTAGA ATCCAGAGTG GAATCAATTC AGCGAGTGTT AGCANGATTT GAAAGTTCAG 300
TTGTATGCAA AATTCGGGAG CAACATAAAC CTTGAAGCTN GATGAAAGTT AAACATTTTA 360
TAATACTTTT TTTATTTGNT TTAATAANCT TGATTATTTG TTTAANATGG TAATTTTTCC 420
TTCTTCANAT GGCGNNGGGT NAGCAAANCT TTCTTTTTTT AAAAAAATTTT CCANTTGTTT 480
AATGGGGAAC TTTGCCCNTT TCCNCATGG CNTGNTNATT NATTTTNTNT TTTTAAAGGG 540
GGGGCAGTTT TCCCCCNNGG TTTTTTTGNCT TNNCGGTTNT TNCAGGNNTN GGGGGTCN 598

配列番号:12 配列の長さ:597 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS00012

配列:

GATCGACAGA CCTGAAGCCA TCAGTGAAGA GAGGTTGCGA GAGATGTTTG GTTTATATGG 60
TCAGACAACA GGAAAGGGGA GTATATCTCT GAAAGAACTG AATGCCCGAC CCTTAGAAGT 120
TTTCATGTGT AGTGTGCTCA AAAGACAAGG TTACGGAGAA GGCTTCCGCT GGATGGCACA 180
GTACATTGAT TAACACAAAC TCACATTGGT TCCAGGTCTC AACGTTCAGG CTTACTCAGA 240
GATGTTTTTT AGATTATAA TATTAAANTCA ACTTAATTTG ANTGNGAATT NGAAANCTGA 360
TTCAAGTAAG NTTTGAGTAT CACANTGTTA GCTTTCCTAA TTCCATAAAN GTACCTTGGG 420
TTTTTTNCAG NTTTATAAAT CTGGCCATCA NCCCCNGCGG CCTTTTNGTA AAGGGGCACC 480
TTTTCCNGCA GGCCATTTGG NAGCNCTTTT TTAACCACCT TGGGNTTTTT AACCCTTTTT 540
TNAAGGGNCN NCNTGGTTAA NTTTTTTNNT GGGCCCTTTNC NGGGCCTGGT NTTTAAN 597

配列番号:13 配列の長さ:593 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00014

配列:

GATCTTCCAA AGCACTATTT GTTGTAATAA CTTTTCTAAA TGTAGTGCCT TTAAAGGAAA 60
AATGAACACA GGGAAGTGAC TTTGCTACAA ATAATGTTGC TGTGTTAAGT ATTCATATTA 120
AATACATGCC TTCTATATGG AACATGGCAG AAAGACTGAA AAATAACAGT AATTAATTGT 180
GTAATTCAGA ATTCATACCA ATCAGTGTTG AAACTCAAAC ATTGCAAAAG TGGGTGGCAA 240
TATTCAGTGC TTAACACTTT TCTAGCGTTG GTACATCTGA GAAATGAGTG CTCAGGTGGA 300
TTTTATCCTC GCAAGCATGT TGTTATAAGA ATTGTGGGTG TGCCTATCAT ACCANTTGTT 360
TTCTGTATCT TGAAAAAGTA TTCTCCACAT TTTANATGGT TTTATATTNG GGGATTCCTT 420
TAATGCCCCC TTGGNCAAAT TTATATATAT GGGCCCCCATN GTTNCCNTTT NAATTTTTNG 480
GTTTTNGGGT GTAAGGGNCN TGCNCNTATG GTGGGGGCCT CCCAAAANTG GGANCANGNT 540

PCT/JP94/01916

TTTNCCTNNG GACNCCCNNT TGGTTGTTNA GGGGGGCCAA TNTTTCNTNC CCN

593

配列番号:14 配列の長さ:574 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00015

配列:

GATCGTNCTG CAGTGGGAGC GTGTGACTGC GGAAGTTGTG AAGCCACGGG AAACTCGGAG 60
CCTAGAGCAG CAGCTCAGCG CTTCTATGGG AAGCGGTCTC GAGCAGAAGC CCCACTGAAG 120
TGTCCCCTGG CAGACACCCA CATGAACTCT TCCGAGAAAC TCCAGTTCTA TAAAGAGAAA 180
GCCCGAGATT GCCATGGGCC AGTNTTGAAA CACGAAGCTA TCTCAAGCCA GGAGTCAAAG 240
AAGAGCAAGA AGAGACCTTT TGAGGAGTCA GAGACAGAAC AGAATAACTC TTCACAACCT 300
TCAAAGCAGA AATATGTATG TNTTGCTGTG GAAGACTGGG GACTTGTTAA ATTCCTATTG 360
ATTAAGTAGA TACAAGTTGA CCTTTCTCTG GCCCCCAGCT CTAGTGTTTG AGTAAAGGGA 420
GACTNAGGGT GGGTTTACTT TTTTNGGTTT GNATTTANCC TATTGGCATT TAGNCATAGG 480
TAAAGCGGGTN TTTTCNNCCT TTTNTTGGNT TTGGGNGGGG GATTNTNNN GGGGNNNNAA 540
AAAANTTNCC ANGGGNTTTT TCCAAANCAT NGGN 574

配列番号:15 配列の長さ:573 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00016

配列:

配列番号:16 配列の長さ:567 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00017

配列:

GATCAAAACA GTCTCACCAG CACCATATCC ACATTCTAGC CCATGGAAAG GGTAAAGAAA 60 AGAAAGTGGA AGATATTAGT TTCCATTTAA GGAAGTGACA TGGAGNTAAT ATAAGTCACC 120 TGTGTTCACA TTCCACTGGC AAAAATTCAG TCACAGGAAT GTACTTAGCT GCAGAGGAGG 180 CTAGGATATG CCCTCCAAAA ACTCAGGGGG GATGTCCTAC TTGTAAAAAGG AAGAAATGAA 240
AANTGGACAC TGAGAGGAAA TCAGCAGTCT CAGAGGTAAT ATACTTACAC AAGTTTTTTA 300
AAAACCATAA AATGATGCAG AATGAAGTTT CCACTCTATT CACCATCTAT CCAGTCCTCA 360
TGCCTCCCAN CANGNGGTAA ATNCTTTATT ATTGTGTCAT GGTATCTTTC CAGGGTTTTT 420
CTAAGCAATT TTGCAACNGN TTTTAATTAT GTATCCTNAT TTCCTACNTT ACCCCNTTTT 480
TGTCCATGNA NGGNANANTN TCCTGNGGNN TAACCTTCNT GTNTCTTTTT TTCCCCTNAT 540
ATTTTTTGGC GGTNCCNTNN NTTTGGN 567

配列番号:17 配列の長さ:552 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00018

配列:

GATCTTACCC GTGACAAAAT GTGTTCCATG GTCAAAAAAT GGCAGACAAT GATTGANGCT 60
CACGTTGATG TCAAGACTAC CGATGGTTAC TTGCTTCGTC TGTNCTGTGT TGGTTTTACT 120
AAAAAAACGCA ACAATCAGAT ACGGAAGACC TCTTATGCTC AGCACCAACA GGTCCGCCAA 180
ATCCGGAAGA AGATGATGGA AATCATGACC CGAGANNNGC AGACAAATGN CTTGAAAGAA 240
GTGGTCAATA AATTGATTCC AGACAGCATT GGAAAAGACA TAGAAAAGGC TTGCCAATCT 300
ATTTATCCTC TCCATGGNTG TCTTCGTTAG AAAAGTAAAA ATGCTGAAGA AGCCCAAGTT 360
TGAATTGGGA AAGCTCATGG AGCTTCATGG TGAAGGCAGT AGTTCTGGAA AAAGCCACTT 420
GGGGNCCGNG ACAGGTGCTT AAAGGTTGAA CCGNGCTNGA TTGGTTNTGA ACCCACCAGT 480
CCCAGGAATT CTTGTTTAAA GTTCCAGNCN TTCAATTAGT TGGCAAATTA AAAANGTGCT 540
TNTTTGNGGA AA

配列番号:18 配列の長さ:581 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00019

配列:

GATCGCCGTT CTGGTAAAAA GCTGGAAGAT GGCCCTAAAT TCTTGAAGTC TGGTGATGCT 60
GCCATTGTTG ATATGGTTCC TGGCAAGCCC ATGTGTGTTG AGAGCTTCTC AGACTATCCA 120
CCTTTGGGTC GCTTTGCTGT TCGTGATATN AGACAGACAG TTGCGGTGGG TGTCATCAAA 180
GCAGTGGACA AGAAGGCTGC TGGAGCTGGC AAGGTCACCA AGTCTNCCCA GAAAGCTCAG 240
AAGGCTAAAT CGAATATTAT CCCTAATACC TGCCACCCCA CTCTTAATCA GTGGTGGAAG 300
AACGGGTCTC AGAACTGTTT GTTTCAATTG GCCATTTAAG TTTTAGTAGT AAAAGACTGG 360
TTTAATGATA ACAATGCATC GTAAAACCTT CANGAAGGGN AANGGAGGAA TGNTTTTGTG 420
GGCCCACTTT GGGTTTTNCT TTTTTNCGGT GTNGGCAGTT TTTAAGGTTN TTAAGTTTTT 480
TNAAAATNCA GGACCTTTTT TAANTGGNAA CCAACTTTGG CCCAAAAAATT TTGTCACCAG 540
ATTTTTTNGG GCCCCNTTTA AAAANGTNTT NATTNGGGAA A

配列番号:19 配列の長さ:556 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00020

配列:

GATCAGCAGG GTTCTTTGTA AATAGTATTT TGAGACACTA AGATGTTTCT ACTGCTACGG 60
AATGTATTT AAACACATAT CGTTTCTTT TCTTGGAAAA AAAGTTGATT AGGACCACAG 120
NNNNGGTTTA GAAAGGGTAA TATTTTGAAA TACTACAAGG TTTAGACAGT CCATGAAATC 180
GACCTGTTTA ATAATTTACC ATCCTGAAAG TCCAGAATTA AAATATGGAA GCAAGAACTA 240
TATAATTGAT TAGGATGCTT GGTAGGTTTT TTTCATTGTT CAAATATTCA TTGCACAGTG 300
GATTGTTTTG ATTAGTTAGT ATGCTTTTT TTTAATTAAT TCAGTCTTCT GTTAATTTTT 360
AAGNTTTGGT TAGTGCCACA AGGAATTNA CTTNTTGATT TGTATAATNG GAACCTGACC 420
TNGGGATTNG TAGCGGGGNT TTGAAGGGTG GGGACCTNCC CNCAAAATAA GGGGGAGGTT 480
NCCCCCCAGG GGAAAN 556

配列番号:20 配列の長さ:555 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00021

配列:

GATCTGGTAC GAGTGTGTA AAACATCCCC ATTGTGTTGT GTGGCAACAA AGNGGATATT 60
AAGGACAGGA ANATGAAGGC GAAATCCATT GTCTTCCACC GAAAGAAGAA TCTTCAGTAC 120
TACGACATTT CTGCCAAAAG TAACTACAAC TTTGAAAAAGC CCTTCCTCTG GCTTNCTAGG 180
AAGCTCATTG GAGACCCTAA CTTGGAATTT GTTGCCATGC CTGCTCTCGC CCCACCAGAA 240
GTTGTCATGG ACCCAGCTTT GGCAGCACAG TATGAGCACG ACTTAGAGGT TGCTCAGACA 300
ACTGCTCTCC CGGATGAGGA TGATGACCTG TGAGAATGAA GCTGGAGCCC AGCGTCAAGA 360
AGTCTAGTTT TATAGGGAAG TTGTCCTGTG ATGTCAGCGG TNCAGCGTGT GTNCCACNTC 420
ATTATTATCT AGCTAAGCGG ACATGTNTTC ATCTGTGGGN TCTTAAGGAG NTGAGTNGNN 480
TNGGNGTNAT NTGGANTTAA AAATAACTTC ATTNTTNGGC CNNATATTTA NGTNTTTTNG 540
CCCGNTTNNT CCCTN

配列番号:21 配列の長さ:544 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00023

配列:

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

TTCAGATGNT TTTTTNCNCT NGTTCAGCAA CTTNCCCNNT NNCTTGTCTT GATAGGGNAC 540 NTCN 544

配列番号:22 配列の長さ:538 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00026

配列:

GATCTCTATC CAGTTGGACA CTTAATTGCT TTCTTCATTC AGAAAGATAG TCATGTTCAC 60
TGGTATATTT GGTCACTCTT AGAACCTGTC CTTCACATAT GTTTTTATG GGACCCATGA 120
ATGGTTAGCC TTTCTGTACT ATTGTAGAAG GAAATAAATA GGCGTAAAAA GACCATTGTA 180
GTAAATAAGT TCAAGGGGAA CTTGGGACCA GAAACCACTG GTATGTACAA AAAAGCTGGC 240
AATTTGAATA ACCTCAAGTT TGACAATAAT TTTTAAATTT GAACAGTTAT GATAAATTTC 300
AGTAGTTTTA TACACTAGAT GTGCCTAGAT GGTTCTCAAG GCTTATAGGA CTGGCTCACA 360
GTTCACCATT TCTAGTGGCT TTTCTTGCGT TTGGGTCTG GGGGCTGGG GCAATGGGCT 420
TTTTTCCTTG GGTTGCCAAT CGGTTTCTCT GGTTGGTCAG TTTCCAATCC TTNGGGGGGT 480
CNTTGTGNTN TTNNCNGCCC NGNNNGGTNN GTCCNGGGTG TTNGCCGGGN NCNTTTTN 538

配列番号:23 配列の長さ:535 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00028

配列

GATCCTGGAA TATGTCGAGG TTATATTACC AGGTATTTT ATAACAATCN GACAAAACAG 60
TGTGAACGTT TCAAGTATGG TGGATGCCTG GGCAATATGA ACAATTTTNA GACACTGGAA 120
GAATGCAAGA NCATTTGTNA AGATGGTCCG AATGGTTTCC AGGTGGATAA TTATGGAACC 180
CAGCTCAATG CTGTGAATAA CTCCCTGACT CCGCAATCAA CCAAGGTTCC CAGCCTTTTT 240
GAATTTCACG GTCCCTCATG GTGTCTCACT CCAGCAGACA GAGGATTGTG TCGTGCCAAT 300
NNGAACAGAT TCTACTACAA TTCAGTCATT GGGAAATGCC GCCCATTTAA GTACAGTGGA 360
TGTGGGGGGA AATGAAAACA ATTTTACTTC CAAACAAGGA ATGTCTGAGG GGCATGTAAA 420
AAAGGGTTTC ATCCAAAGGA TTTCANAAGG GNGGCTNATT TAAAACCANA NGGAANNGGN 480
AGGAGGCNGG NNGTGAATTT GNNTTTTGGN GGAANTTTTT GNTTNAANNT TNTGN 535

配列番号:24 配列の長さ:528 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00029

配列:

GATCTACACT TGGATGGATG CAACTTTGAA AGAACTGACA AGTTTAGTAA AAGAAGTCTA 60 CCCAGAAGCT AGAAAGAAGG GCACTCACTT CAATTTTNCA ATCGTTTTTA CAGATGTTAA 120 AAGACCTGGC TATCGAGTTA AGGAGATTGG CAGCACCATG TCTGGCAGAA AGGGGACTGA 180 TGATTCCATG ACCCTGCAGT CGCAGAAGTT CCAGATAGGA GATTACTTGG ACATAGCAAT 240 TACCCTTCCA AATCGGCAC CACCTCCTTC AGGGCGCATG AGACCATATT AAATTCTATT 300
TACTATTTGT TGAATTTATT TTTCCGTCAG TTATGTAAAA TAAACATACT CTNCCTTCCT 360
CCCCTGGATT TATTGCCATT TAAGGCTTTT AAAATTCTAA TCAANNTTTG TNANTGCAAT 420
CATCTGTTTN GGGNGTTNNG TTTTGGGATG TGCTTTTTGN NTGGNTTNCG GNTTAGNCTT 480
GGNTTGTTTT AATGGCCNTT CNNGTNANAT TTGGNGGNAA NGNGCTTN 528

配列番号:25 配列の長さ:528 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00030

配列:

GATCAAGGTA TAATGGAAAA ATATACCTAT TCTTGAAGTA GTTTATATN GTTTCAAAAT 60
TGATTTATAC CATTATTAAC CTGATGTGGT CTGCTTAAAA AATGAATATA TCAGTATTTA 120
GAAATAAATT GCAAAGGTGG GAATATATAC TTAAATAATT TGTCTTAAGT AAATTAGCAT 180
TTGGTAGTCT GANATGGTGA CAGATTACTT GTTAAAAATTG TGAAANCTCT GTTGTTCCT 240
CTCTNCCTAC ATTTGTCCCT GAGAGTNCTC CACGATTACT AGGTTCTTGA TTCCCTTATA 300
TGGCAATCAG GCAGAGGCGT TCCTTAAGCA TTAGAGAGTT CTGAAGCTTA AGATTTGTTT 360
TGGTTGGATG AANGTCCTTA GTACAGTTGA AAANCAGAGC ATTAAAGNCT ANTCANTTTG 420
TTTTGNCCTC ACCAGTCATT TTAAAATNNG TNGGAATNCT TNTTNNCTCA GTGCTTAAAA 480
NTTTCCNTTG TTTCAANCTG NNGGGGGTTN GGATTAAAACC AGGCCNCN 528

配列番号:26 配列の長さ:527 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00031

配列:

GATCAGAATG CCCCTCCACT CATGAGACTC TTCATTTTGT CCACTTTGAC AGGAAAAGTG 60
GGAATGTATG CAGAGCTCTC AAAAGAAACA AAAAAGGCCA AAACGGTGCC TTCAGCCACA 120
TCCTCTGAAT TGGCCCTGAC TTGGACTAAA TGCACTAATG CAAAATCCCT TGACAAAAGC 180
GCATAGGTTA TTTCAAACCA GCATTGTTTT TTATGTAACC TGTTTTACCG CATCTTCTCA 240
GCAGCTTCTG ACCACTGCTC AATTTCTCC TTTACAGCCA TTGTTCTGGT GGACAAATAA 300
CCTAGGTACT CCAAATCCTG GCAGGAAAAA TATACAGCAT TATGAANCAG CACTCANGTA 360
ATCCTAAAAT GGATTTCCAA AGCTGGTTAC ACATGGCCCT GGNAANGTCN TATTGANTTT 420
ANANGGGCTT TCTTCNTTTC AGGAGTTTNG GTCAACGGTG GCAAAATCCNT GGGGTNNTTA 480
ANTGGNNNGG TTNNTTAANT TNTGNTANTT TCNTNGGGGC CANAGGN 527

配列番号:27 配列の長さ:520 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00033

配列:

GATCAAAATG GTTGGTGAAC CTCCACATGT CCAGTTCTGT TGCCAAACTT TCCATTCAGA 60

GTATTTGGTG GAGTTTGAAT TTGAGCAAAC TAAATGCCTT CATCTTAGGT AGAAAGGGCC 120
TGAATCTTCC ATTTTATATT CAAACCTCAT TGTTATTTGG CCTAAGTAAA AAGTCAGATT 180
TCATTTCCAT TTACCTGAGT TCGCTTTAAA GAGCTTTTCA AAGAGAGCTT TATAGACACC 240
CACAATTGTC CCCAATCTCT TCATGATGTT GCATTAATAG TTGTTTTTGT CCCTTTCTTG 300
GAAATGTTAA TGCCAAAGNT TGCCTGAACA TTNGGGCGGG TTTTCTTAAA TTTGAANGTN 360
TAAAAANTTTT NTAANGGGGG AATTNCCAAA NGGGTATTTA AAAGGGTTNG TTTTAACCAG 420
GTATTGTNGT GGGGGGATGG TCCAATAATC CTCCNGGGGG AGGGCTTTCA AGGGAAATCC 480
CNTTTTNGGG GAAATAAAAA NNGGGTTAAA ANNNTTTTN 520

配列番号:28 配列の長さ:514 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00034

配列:

GATCAGCGAG GCCGACAAGA AGAAGGTGCT GGACAAGTGT CAAGAGGTCA TCTCGTGGCT 60
GGACGCCAAC ACCTTGGCCG AGAAGGACGA GTTTAAGCAC AAGAGGAAGG AGCTGGAGCA 120
GGTGTGTAAC CCCATCATCA GCGGACTGTA CCAGGGTGCC GGTGGTCCCG GGCCTGGGGG 180
CTTCGGGGCT CAGGGTCCCA AGGNAGGGTC TGGGTCAGGC CCCACCATTG AGGAGGTAGA 240
TTAGGGGCCT TTCCAAGATT GCTGTTTTTN TTTTGGAGCT TCAAGACTTT GCATTTCCTA 300
GTATTTCTGT TTGTNAGTTC TCAATTTCCT GTGTTTGCAA TGTTGAAATT TTTTGGTGGA 360
AGTACTGAAC TTGCTTTTTT TCCGGTTTCT ACATGCAAGA GATGAATTTA TACTGCCATC 420
TTACCGGCTA TTTCTTCTTT TTTAATTCCA CTTAACTCAG GCCATTTTTT AAAGTTGGGT 480
ACTTGCAAAG TAAAATAAAC TTTAAAAAATT CAAA

配列番号:29 配列の長さ:513 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00036

配列:

GATCATCATT CTTCTGACTC TAGATGGGAC ACTTGACAGT GACTTGAAAC ATTTGCATAT 60
TCAGGAATGC ATGAGATTTC AAGAGAGCCT ACAGTATGAA ATCATTTCA CAAAATAAGC 120
AGCTTGCTTC TGAAATGCTG TCTTTCCCAG TAGCTACTCA CCTGCCTCTG GTGGCTGGGA 180
TTCAGATGCC ACAAAACTGT CAGTATCTAT AGACCAGGTC TGTGCCACCT CCTCTCTCCT 240
CTGTGCTCAG TGAGGAGGCA GTAAATGAAG TTACAGGCTA GCACAATACC TAACTCATGT 300
TTCCCAGTAC ACCTGTTGGA TATTNNCTGT NCCTTTTAAT GGTTCTCAAG GGANTTAGGT 360
TNTTGNCCTG TTTCCAGNGG TTTCCAGGTT TTCTTTGGGT NCTTTTTNAA TTTTNAANTT 420
CCNAGGGGGG GGGNNTTTTG GGNAAGGGGG GGGCAAAGGG GNTTTTTTT TTNTTGGGCC 480
NNGNTTTTTG GGGGGAAANC CTTTNNGGTN NCN 513

配列番号:30 配列の長さ:512 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

507

クローン名:HUMGS00037 配列: GATCTAAATT GTTACATTTT ACCATTTCAT TCCGAAGTTG GTTTTACTTT ATTAAATGAA 60 GATTTAGTTT TCATATCGTA TACATAGCTG TATAGATTTC AAAATNAGGT TGTTAATTTG 120 TGTCACTTAC TATTTTTGTG TTGGTAATGC TTTAAATGCA TACTTAAAAA TGAAGTACTG 180 TTATCTAAGC TACTGTGTTT AGAAAATGTT AAGAATGAGC AGAAATTTTT ATAGAAAAGT 240 ATAACCGGAA GANGAGAGAA GATACTGCGA ATAGGCCCTC AANCTTAAAA NAGAAAAACC 300 TTTGCCAGTT TTANGGACAT ATTTTGATTC TTTCNGTATT CTTAACACCT TTTTAAACAA 360 NGTTCTTGAT AGTACCCACT ATTATTGGGT TTGTTTTATG CCATTATTTG ATTCTTGGAT 420 ATTCAAGCAT TINCAATGTG GCATATITNG NITTCCNNIN NCCIINCNII ITTINGGNCN 480 NCNTTACCCT TTCCNTTGGA AAGNCANTTN GN 配列番号:31 配列の長さ:510 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00038 配列: GATCAGCCAG GCACAGAATC TCCAGAACAA CCTAGAGAGT GAATGCTAAT TTGTAGAGCG 60 AACTTCCATT TGGCCCATNA TTTGTAACTG TGTAACTGCT CCAAGTGCCA GANTGCTTAC 120 ACGTTAAAGC AGCACCTTTC CATTTGCCCA CATATTCTTC TTGCACACCC CTTCCATTAC 180 TGCTGAATAG GACATTGCAT GGGAAGAGTA CAGAGGTGGC AGANTGANGC TAGAGTGGGC 240 AGGNCTAAAG ACTGAGCCCC AGAGTGCTCC CAGCAACCGC CACGTACANG GTCTGNAATG 300 NCANGGGCAN GNGTGAGATT GGAANCTGTG TGTGAANGGT AAGCCCTTGC AGTNTTTCTG 360 CCTCCCTTTC TTTCTGCCTT TCACCCCNCT TANTTGTNTG GTTNTTGGTT TGCCCGTTCT 420 TCTCTTGGTG GNTGCNCATT TGTTANATGG TGTTAGGGGT GTGGGGNTGA GGTTTTCCCC 480 510 TTTGATGTGG GNTTNTTCCN TTGGGTTTAN 配列番号:32 配列の長さ:507 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00039 配列: GATCGTGAAG CCCAATGGCG AGAAGCCGGA CGAGTTCGAG TCCGGCATCT CNCAGGCTCT 60 TCTGGAGCTG GAGATGAACT CGGACCTCAA GGCTCAGCTC AGGGAGCTGA ATATTACGGC 120 AGCTAAGGAA ATTNAAGTTG GTGGTGGTCG GAAAGCTATC ATAATCTTTG TNCCCGTTCC 180 TCAACTGAAA TCTTTCCAGA AAATCCAAGT CCGGCTAGTA CGCGAATTGG AGAAAAAGTT 240 CAGTGGGAAG CATGTCGTCT TTATCGCTCA GAGGAGAATT CTGCCTAAGC CAACTCGAAA 300 AAGCCGTACA AAAAATAAGC AAAAGNGTCC CAGGAGCCGT ACTCTGACAG CTGTGCACGA 360 TGCCATCCTT GAGGGACTTG GTCTTTCCNA AGCGGAAATT NTNGGCAAGA GGANTCCNGN 420 GTCAAACTTT GNTTGGCANG NCGGGCTCAT AAANGGTTCA TTTTGGNNCA ANNGACNAGN 480

配列番号:33

AGGNCCAATT NTGGGNCAAA NAGGNTN

配列の長さ:508 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00040

配列:

GATCAGAAAC TCACCCTAAA TCTNAACGGG TGCCGCTATA ATTNGTNACA TCTGGCAAGA 60
TTTCCCTTTA TGTATATATT TAAACAATCC GCTTGGACAC GAACAAAGCC ACACTTCTAA 120
CTGCTTCTGG CGAACTGATT TAATTTTNAA TTTTTTNCAA TAAAGATATT CTTAGATACT 180
GAAAGAAATA GTTAATGAGT TTNCATTTGT CCTTGAGAAA ATTTGGCTCA AGTCCATTG 240
GCTGTAGTGT CAACGATGTT TCCAGTAGTG TTTAGGATTT GGTGTCTTCA AAGGTAGTTG 300
ATTAAACCAA GTGTGTCTTT AATATCTTGT ATCAGAATAA CTTTGTATGT TACCAACTTA 360
AATTGCTAGA ATAAGGGTAA ATTGGATACA CAACTGCTGA TTTTTAATTT AGGANCTTTG 420
ACCNNATTTT GGGGTTTTCA AANCCGTTTT TGGNTGCTNT GTATCCTTAT GCTGTTTGGT 480
TNATTTCCAN TAAAAANTTC ACNCGNGN 508

配列番号:34 配列の長さ:505 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00041

配列:

GATCTGTAAG TAACTTCACA TTAAAAAATG AAATATTTT TAATTTAAAG CTTACTCTGT 60
CCATTTATCC ACAGGAAAGT GTTATTTTA AAGNNAGGTT CATGTAGAGA AAAGCACACT 120
TGTAGGATAA GTGAAATGGA TACTACATCT TTAAACAGTA TTTCATTGCC TGTGTATGGA 180
AAANCCATTT GAAGTGTACC TGTGTACATA ACTCTGTAAA ANCACTGAAA ANTTATACTA 240
ACTTATTTAT GTTAAAAAGAT TTTTTTTAAT CTAGACAATA TACAAGCCAA AGTGGCATGT 300
TTTGTGCATT TGTAAAATGCT GTGTTGGGTA GANTAGGTTT TCCCCTCTTT TGTTAAATAA 360
TATGGCTATG CTTAAAANGGT TGCATACTGG GGCCAAGTAT AATTTTTNTG GTAATGTGTG 420
GNAAAGGATG NCCAGTTATT GGTTACCNCT TTANGNNATC CNNTAANGGG AACCTTCCCC 480
TNGGTTAAAA NCANGNNGTA NANNN 505

配列番号:35 配列の長さ:62 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00042

配列:

GATCTGGAAA GAGCTGTTTT GGATGAATGC AGTATAAAAT GTAAAANCCC TGCTAAATGA 60 62

配列番号:36 配列の長さ:503 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00043 配列: GATCGAAAGG CACTCCATGA GCTAAAACTG GAAGAGTGGA AAGGCAGACT ACAAGTTACT 60 GAGCACCTCC CTGAGAAAAT TGAAAGTAGT TTACAGGAAG ATGAACCTGA GAATGNTGCT 120 AAGAAAATTG AAGCACTGCT AAACCTTCCT AGAAACCCTT CAGTAATAGA TAAACAAGAC 180 AAGGACTGAA AGTGCTCTGA ACTTGAAACT CACTGGAGGG CTGAAGGGAG CTGCCATGTC 240 CGATGAATGC CAACAGACAG GCCACTCTTT GGTCAGCCTG CTGACAAATT TAAGTGCTGG 300 TACCTGTGGT GGCAGTGGCT TGCTCTTGTN TTNTTCTNGN CTNTTTAACT AAGAATGGGG 360 CTGTTGTACT CTCACTTTAC TNATCCNTAA ATNTAAATAC ATACTGATGN TTTGTATTAA 420 TCGNTCCAAT ATATGNNTAC ATGNANTATA TCNACNCNCC TTNGATNTTT AAGCANGTAA 480 ATAAAACCAT TNNGCAATGG AAA 配列番号:37 配列の長さ:497 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00044 配列: GATCGATAAA GAATTGGCTA GTGGTGAATA CTTTTTGAAG GCAAATCAGA AGAAGCGGCA 60 GAAAATGGAA GCAATAAAGG CTAAACAAGC AGAAGCCATC AGTAAGAGAC AAGAGGAAAG 120 AAACAAAGCA TTTATTCCAC CTAAGGAAAA ACCAATTGTG AAACCTAAGG AAGCTTCTAC 180 TGAAACTAAA ATTGATGTGG CCAGCATCAA GGAAAAGGTT AAGAAAGCAA AGAATAAGAA 240 ACTGGGAGCT CTTACAGCTG AAGAAATTGC ACTTAAGATG GAGGCAGATG AAANGAAAAN 300 GANGAAAAN NAGTANCATA CCCAAANCTC CTTGNCTNGG ACCTATCTCC TTTTTNGTAA 360 AGGGGTTTTT TGGGGTTTTC AGGCCTTTAG GTTNCCCTTT TTTTGNGGGA AANTTTTNTT 420 GGGGGGGTTT TTTNNCNTTT TTTNGGGGGG GGNGGGGGTT TTNNTCCTTG GGNGGGGTTT 480 497 TCTTTNNAAA AATTTTN 配列番号:38 配列の長さ:498 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00045 配列: GATCTTATGG ATGCTGAGCA TGTTCTGCAC TGGTGCTAAT GTCTAATATA ATNTTATATT 60 TACACACATA CGTGCTACCC AGAGATTAAT TTAGTCCATA TGAACTATTG ACCCATTGTT 120 CATTGAGACA GCAACATACG CACTCCTAAA TCAGTGTGTT TAGACTTTTC AAGTATCTAA 180 CTCATTTCCA AACATGTACC ATGTTTTATA AACCTCTTGA TTTCCAGCAA CATACTATAG 240 AAAACACCTG CTACTCAAAA CACAACTTCT CAGTGTCATC CATTGCTGTC GTGAGAGACA 300 ACATAGCAAT ATCTGGTATG TTTGCAAGCT TTCAAGATAG CCTGAACTTA AAANGTTGGT 360 GCATTAGTTG TATCTGATGG NTATAAATTT TGCCTCCTAG GTTCACTTTG GTGTCCAGGN 420 GCTAAACCTG TGGANCCTAA CTTTCCCCTN ATTGGGGGGG GAATAACCTG GAAAATAAAG 480 498 GGTTTTTTTC CAGGGNTN

配列番号:39 配列の長さ:494 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00046 配列: GATCTGTGCT GTAGAAAAAC ATTAACCCTT GTTCAAAAAA GAAATGGATA ANCTTGGCCT 60 TTCTAAGTGG TAAGAATGAC CTGTCACTAT AATATACTGT ATGTTTACAT TTNATTTAAA 120 TTTAATCTCT TATGTATAGG GTGATAACCT TCCCCAGAAA CAACAGTGAT TGCNATTGTT 180 TTCTAGAAAC TNCTTTAAAG TGCCACATTT GGCAGTACAA ATGAGTCTGA GTGTAATAGC 240 CCAGAGATTT ATATATAGTT GAATGTCTAA NATGGTAAAA TGTGCCACTG TGTCAAGTTA 300 CAGTGGCTTA TGTTTTTCAT AGTAATTCAN ATGANCTTCC TATTTTTGNT AGTAAATGGC 360 CATTTAATAG NATTCCTTGG CCATTTGAGG CTCACTGGCA AATTTTAGGT GCNGGGGGNG 420 GAANCCANTT TTTTANATGG NAATCCTTGG GTTTTTNCCN CCNTNNTNCC TGGNCCNTTC 480 494 CCCCAAAAAN CCTN 配列番号:40 配列の長さ:244 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00047 配列: GATCAGTTGA CAGTGGCAAT TAAACTGTAA ATAACTTGCC CTGGGGGCCT TTTTTTAAAA 60 AACAAAAACC ACAAAAATTC CCAAACCATA CTTGCTAAAA ATNCTGGTAA GTATGTGCTT 120 TTNTGTGGGG GTGGGATTTG GAAGGGGGGT TGGGTTGGGC TGGATATCTT TGTAGATGTG 180 GACCACCAAG GGGTTGTTGA AAACTAATTG TATTAAATGT CTTTTGATAA GCCTTCTGCT 240 244 CAAA 配列番号:41 配列の長さ:283 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00048 配列: GATCACTGTA AATGAACCTC CCTGTTGGCC GCTCTGTGGA TGANACTTTA AGACTAGTTC 60 AGGCCTTCCA GTTCACTGAC AAACATGGGG AAGTGTGCCC AGCTGGCTGG AAACCTGGCA 120 GTGATACCAT CAAGCCTGAT GTCCAAAAGA GCAAAGAATA TTTCTCCAAG CAGAAGTGAG 180 CGCTGGGCTG TTTTAGTGCC AGGCTGCGGT GGGCAGCCAT GAGAACAAAA CCTCTTCTGT 240 ATTTTTTTT NCCATTAGTA AANCACAAGA CTTCAGATTC AAA 283 配列番号:42 配列の長さ:486 配列の型:核酸

配列: GATCAGTTTT CNTTGTAACA CTGGGTTTAA TCTGAATGGC GCTGATTCTN CCAAGTGCAC 60

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00049 TGAGGAAGGA AAATGGAGCC CGGAGCTTCC TGTCTGTNCT CCCATCATCT GCCCTCCACC 120
ATCCATACCT ACGTTTGCAA CACTTCGTGT TTATAAGCCA TCAGCTGGAA ACAATTCCCT 180
CTATCGGGAC ACAGCAGTTT TTNAATGTTT GCCACAACAT GCGATGTTTG GAAATNATAC 240
AATTACCTGC ACGACACATG GAAATTGGAC TAANTTACCA GGAATGCAAG GGAAGTAAAA 300
TGCCCATTCC CATCAAGACC AGNCAATGGA TTTGTGGNAC TATCCTGCAA ANCCCAACAC 360
TNTNTTTCCA AAGGNTTAAA GGCCACATTT TGGGTTGGCC ATTGGTNGGG TTATTTNTCT 420
TGGGAGTTGG GCCCCGGANG GAANTTTGNN TNTGTTNCCN NAANCTTGGG GAACCCTTGG 480
GTTTNN

配列番号:43 配列の長さ:470 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00050

配列:

GATCCACCAG CTGAGAATTC GTCCGCTCCC GAGGCTGAGC AGGGCGGGC TGAGTAAATG 60
CCGGCTTACC ATCTCTACCA TCATCCGGTT TAGTCATCCA ACAAGAAGAA ATATGAAATT 120
CCAGCAATAA GAAATGAACA AAAGATTGGA GCTGAAGACC TAAAGTGCTT GCTTTTTGCC 180
CGTTGACCAG ATAAATAGAA CTATCTGCAT TATCTATGCA GCATGGGGTT TTTATTATTT 240
TTACCTAAAG ACGTCTCTT TTGGTAATAA CAAACGTGTT TTTTAAAAAAA GCCTGNGTTT 300
TTCTCAAATAC GCCTTTAAAG GTTTTTAAAT TGTTTCATAT CTGGTCAAGT TGAGATTTTT 360
AAGNCCTTCA TTTTTAATTT GTAATAAAAAN GTTTACCACC TTGGATTTTT TCAANAAAGG 420
TCAACCAANC TGCAANGCAC CTGTTAATAA NGGGTCTTTA ANTAATTAAA 470

配列番号:44 配列の長さ:479 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00051

配列:

GATCTGTAAG TAACTTCACA TTAAAAAATG AAATATTTT TAATTTAAAG CTTACTCTGT 60
CCATTTATCC ACAGGAAAGT GTTATTNTNA AAGGAAGGTT CATGTAGAGA AAAGCACACT 120
TGTAGGATAA GTGAAATGGA TACTACATCT TTAANCAGTA TTTCATTGCC TGTGTATGGA 180
AAANCCATTT GANGTGTACC TGTGTACATA ACTCTGTAAA ANCACTGAAA AATTATNCTA 240
ACTTATTTAT GTTAANNGAT TTTTTTTAAT CTAGACAATA TACAAGCCAA AGTGGCATGT 300
ATATGGCTAT TGTAAATNCT GTGTTGGGTA GAATAGGTTT TCCCCTCTTT TTGTTAANTA 360
ATATGGCTAT NCTTTAANGG GTTGCNTACT GGGCCAGGTN TAATTTTTTG TAATGGNGTG 420
AAAGGGTGCC ATTTTTTTGT CNCACTTNGG GGGTCTCANT GGGGGGNTTC TNNCNGGGN 479

配列番号:45 配列の長さ:477 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00053

配列:

GATCTCTAAG GAACTCCTGT TGCTAAATAT GAAGAGTATG GAACATTCAT ATAGTCTCTG 60
TGAAGCATGG GGGAGGGAA GACATTCTT TTTCTTATAG GCTTTATGCT CAAATGTCAT 120
AGTCTCCTTT CAAAGAATTG TGTTGCATTT TAAATGCACC CAGCTTAAGT AGAAGACATT 180
GAAGGATGCA TTAATTTTCA GGAACTATTT TGAATTATGA AAAGAATTCCC AATTGAAAAA 240
NTTATTCAAC AAGTAAAAGC TAAGAAATTT CATTGAAAAT CATTCAACCA AGAGANGAGT 360
NTTGATAAAAA ATAGCTGTGT ACTACTAATT AATAGAAAAT CATTCAACCA AGAGANGAGT 360
CANGTGAATA TCGTTTGTTT ATTTGCTAGT GAGTTTCTTT GTAACGTTGG ATTTTATTAA 420
NTGGTTAATN TTTGGTTAGG TATGTCCTAT GTTANTNAAA ANTGGNCCAA NTTTAAA 477

配列番号:46 配列の長さ:476 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00055

配列:

GATCACCATT AGCAAATGGA AATNACATTT GAAAGCCATT AGACTTATAG GTGATGCAAG 60
CATCTAAGAG AGAGGTTAAT CACACTATAG AGGCATAAGT GGTATCAGTT TTCATTTTCN 120
TAATTGTTTA ANCTGTGTTT TATACCAGTN TTTGCAAGTA ATTGGGTGTT AGCTTGAGAT 180
GGTTAAAGGT GGTTTGGGGA GGGACTTCGT TGTAATGGTT TTCCTGTAAA ANATGTTTCC 240
AACTCCNCTG AAATGTTGCT GAAAAGCATG GTGCTGGTAA CAGTTCAACA ATCCCGTGGC 300
TGCTCATTCT TGGCCTACTT TTACTCTCCC ACTTGNNAGC AGGTTAGCGT TTGAAGGGTG 360
GTATGGGAAA AGCCTNGCAT TGCCTGGGCC AAATTCCTTT TGGGGTTCTN CTCCNTTCCC 420
CNCTTCNCCN TNTCCTTCCT TTCCCCCNTN ANGTCCNNCC NCTTNCNTTA GGTTTN 476

配列番号:47 配列の長さ:472 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00056

配列:

GATCAAATCT GCACTGTGTC TACATATAGG AAAGGTCCTG GTGTGTGCTA ATGTTCCCAA 60
TGCAGGACTT GAGGAAGAGC TCTGTTATAT GTTTCCATTT CTCTTTATCA AAGATAACCA 120
AACCTTATGG CCCTTATAAC AATGGAGGCA CTGGCTGCCT CTTAATTTTC AATCATGGAC 180
CTAAAGAAGT ACTCTGAAGG GTCTCAACAA TGCCAGGTGG GGACAGATAT ACTCAGAGAT 240
ATAATTTACC TGCCTCCCAG CGAGCCTGGA GTACACCAGA CCCTCCTAGA GAAATCTGTT 300
ATAATTTACC ACCCACTTAT CCACCTTTAA ACTTGGGGAA GGNNGCNTTT CAAATTAAAT 360
TTAATCNTNG GGGGNTTTTA AACTTTAACC CTTTTNCCNT TNTNGGGGTN GGNANTTGNC 420
CCCNTTAAAG GGGGNNCCCC TNCNNGGGGG AATAAAACAA NTTNNTTTTT TN 472

配列番号:48 配列の長さ:472 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00057

配列:

GATCAAANCT GCACTGTGTC TACANATAGG AAAGGTCCTG GTGTGTGCTA ANGTTCCCAA 60
TGCAGGACTT GAGGAAGAGC TCTGTTATAT GTTTCCATTT CTCTTTATCA AAGATAACCA 120
AACCTTATGG CCCNTATAAC AATGGAGGCA CTGGCTGCCT CTTAATTTTC AATCATGGAC 180
CTAAAGNNGT ACTCTGAAGG GTCTCAACAA TGCCAGGTGG GGACAGATAT ACTCAGAGAT 240
TATCCAGGTC TGCCTCCCAG CGAGCCTGGA GTACACCAGA CCCTCCTAGA GAAATCTGTT 300
NTANTTTAGC AACCCAGTTA TCCNCNTTAA NNCTGNGGAG AGTGGTCTTT ACATCTTAAT 360
TTTATTCNTG TGGTGGTTNT TACCTTTAAC CCGGTTTCTT ATTTTTGGGT TTGTTATTGG 420
CCCTTTTTAG GGGTGGTCCC TNTTCCNGGT TGGNTTTCCC TTTTTTTTGTG TN 472

配列番号:49 配列の長さ:319 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00060

配列:

GATCTCATGG TCCGGAATGA CACCCCCTGT GGAACCACCA TTGGACCTAT CTTGGCTTCT 60
CGGCTGGGGC TGCGGGTGCT GGATTTAGGC AGCCCNNAAC TGGCCATGCA CTCTATCCGG 120
GAGATGGCCT GCACCACAGG AGTCCTCCAG ACCCTCACCC TCTTCAAGGG CTTCTTTGAG 180
CTGTTCCCTT CTCTAAGCCA TAATCTCTTA GTGGATTGAG CCCTCTTGGA AAGACTTCTC 240
TGCCATCCCT TTGCACCTGA GAGGGGAAGT TCTCAGCTGA GCTGAAGCTG GATTATTAAA 300
GTGGATTGTC ACTCAGAAA 319

配列番号:50 配列の長さ:461 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00061

配列:

GATCTTCCTC TAATTGACAG CCTCATTACG GGTCTTACAA AATATGGAAC AGTGTCAGAA 60
AAAACCAGAG AACTCGGCAG AGTCTAACAC AGAGGAAACC TAAAAAGGACT GATTTAACCC 120
AAGATGATTT CCACTTGAAA ATCTTAAAAGG ATATTTATG TGAATTTCTT TCTAATATTT 180
TTCAGGCATT AACAAAGGAG ACGGTGGCTC AGGGAGTAAA GGAAGGCCAG TTGAGCAAAC 240
AGAAGTGTTC CTCTGCATTT CAAAACCTTC TTCCTTTCTA TAGCCCTGTG GTGGAAGATT 300
ACCCTTTCCC AAGTTTTAAA GGGTTTCAGG TCTTTAAATC CCTGAAATTT TGGGATAAAA 360
ACCCTTTCCC AGGTTGTTA AACCTTTTAT TTTTTCCTCC N 461

配列番号:51 配列の長さ:458 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00062

配列:

GATCTAGCAT ATTTCACTAT TCTGTGGATG AATACATAGT TTGTGGGGAA AACAAACGTT 60 CAGCTAGGGG CAAAAAGCAT GACTGCTTTT CCCTGTCTGG CATGGAATCA CGCAGTCACC 120 TTGGGCATTT AGTTTACTAG AAATNCTTTA CCTTAAGCAG CACACACATT TACTACACAC 180
ACAGNCCTAA CAAAGCACTG TGCTTAGAGG GTAAAAAGGA ATCACAAAAC AAGAATCTTT 240
CCAAAGTTGT CTCATTCAGC AATGTTAAGG CATCTGTATC AAATTATTTT GGATGTAAAG 300
ATTCCTGTGT CTCATAATAT GAATGTATTT TTTGATATAC AAGGAAACTG GCCATAAAAA 360
TGGTGNGGNA ANCCGCCCNN TAATTTTNCC CCTGGGGCCC CAATTGGTNN NNTCNANTCT 420
NGGNTTNAGC NTTTGTCCTC AAATGGGATN CANTTNNN 458

配列番号:52 配列の長さ:459 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00064

配列:

GATCTATCAC CCAAACATCG ACGAAAAGGG GCAGGTCTGT CTGCCAGTAA TNAGTGCCGA 60
AAACTGGAAG CCAGCAACCA AAACCGACCA AGTAATCCAG TCCCTCATAG CACTGGTGAA 120
TNACCCCCAG CCTGAGCACC CGCTTCGGGC TGACCTAGCT GAAGAATACT CTAAGGACCG 180
TAAAAAATTC TGTAAGAATG CTGAAGAGTT TACAAAGAAA TATGGGGAAA AGCGACCTGT 240
GGACTAAAAT CTGCCACGAT TGGTTCCAGC AAGTGTGAGC AGAGACCCCG TGCAGTGCAT 300
TCAGACACCC CGCAAAGCAG GACTCTGTGG AAATTGGCAC GTGCCACCGN CTGGCGTTCG 360
NTTGTGGCAG TTACTAACTT TTCTACAGTT TTCTTAATCA AAAGTGGTCT TAGGTAANCC 420
TGTAAAGGNA AGGGGTTTAN NAATTTTANG GTTGGTCTN 459

配列番号:53 配列の長さ:458 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00065

配列:

GATCAGCTGG CCAACTCAGC CAATCCGCAC ATTTAGCTCT CCAACTACCA TACAACGTGC 60
TTGGTTTAGG TCGGAGCGCA AATNTNCTTG ACCATCTCTA CGTTGGTATT CCCCGTCCAT 120
CTGGAGAAAA ATCTATACGA AANCAAGAGT GGACTGCAAT NATTCCAAAT NCCCAGCTAA 180
TTGTCATTCC ATACCCTCAC AATGTCCCTC GAAGTTGGAG TGCCAAACTG TATCTTACAC 240
CAAGTAATAT TGTNCTGCTT ACTGCTATAG CTCTCATCGG TGTCTGTGTT TTCAATCTTT 300
GGCAATAAAT TGGCATTTTA CCATTTGNCA GGGAAAAGGA AAGGCNGGTT GGNTTGGGGG 360
GAAAACCGGC CAAGGGANGG CCCCCCCGGG TTTTCNATTT TTGGNGGGNT TNTTGGGNNT 420
TTTGCCTTTT TAAANTTTTT CCNAANAAAN NGGGANTN 458

配列番号:54 配列の長さ:454 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00066

配列:

GATCAGTTNC GTGTCCGCNG GAGCAGGCCT TGCTGAGTGA AGACACTGGN ACTAGCTGGG 60 TCCTGGGGTG ACTTGGAGGC TTTGGGCCTA AAAGGGCAGC CTGAACCTGG AGTCTTATCT 120 CCCCCAGGAG CCGAAAGCAC TTTTCTTGAT TTCCCCCAGG AAATCAAGCG CTGCTTCTCA 180
GCTCCTGTGG TTTTAGTATT TATATATCTG TATCTTCTTT GTAGAAATTT ATTTATTTTT 240
GAATAAGAAT ACCTGCCTGG ACAAAATTTA AAAGGACGGG AGGGCGAANT GCAAGGGAAG 300
GCCTCTCCTA TGCCGNCCCA GAGNAGCACT GTACCAATTT CATGTGATCC CTTAACTCTG 360
TTTAAGGAAG CTCTGAAACT GTCATTTCCT TTGCAGATTG TTNTGAACCT GGAAACCCNG 420
AATTTATNGN TAANNCTCAN TTNCCACCNG GAAA

配列番号:55 配列の長さ:505 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クロデン名:HUMGS00067

配列:

GATCGTTGGG GAACCCAGCC CCTTGGAACT TGGAAGACCC GTGTTTCCTG GACCGCGAAT 60
CAGTGTGTTG GGCATCAGTG TTTTCTGCAA GGGTTGTGC CTGAAACTT TTAAAAACCA 120
CCCACCTTTG GGGAAGCATT TCTGAATTTA TCCATCACCA ACCATTTCTT CTTGGATACC 180
ATCAAGTAAC AGCTATTATT TGCCAAGTGG AGCTGTCATT TAATTTGATG CACCTCTGGN 240
ATCANTGGCA TTTCAAGTCT TCTGANACAA CATGCCTGTA TGTGCGTGGT CCATAGCACA 360
ATCAATGCAG CATCTAATAA GNGTTTCCAT TTGTAGAATT NTTTTCNNCA NACTTNTAGT 420
TAAANNCAAA ATTTTTAAT TTGNAAANAA GNGNTGNGTT GGTTATTNN GNTGTTNTTT 480
GTNTNTGGTT GNTNTGTTTA TTNTN 505

配列番号:56 配列の長さ:450 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00068

配列:

GATCAGAGAC TGGAGAGGTG GAGTGAGAAG TCTCCGCTGC TCGGGCCCTC CTGGGGAGCC 60
CCCGCTCCAG GGCTCGCTCC AGGACCTTCT TCACAAGATG ACTTGCTCGC TGTTACCTGC 120
TTCCCCAGTC TTTTCTGAAA AACTACAAAT TAGGGTGGGA AAAGCTCTGT ATTGAGAAGG 180
GTCATATTTG CTTTCTAGGA GGTTTGTTGT TTTGCCTGTT AGTTTTGAGG AGCAGGAAGC 240
TCATGGGGGC TTCTGTAGCC CCTCTCAAAA GGAGTCTTTA TTCTGAGAAT TTGAAGCTGA 300
AACCTCTTTA AATCTTCAGA ATGATTTTAT TGAAGAGGGC CGCAAGCCCC AAATGGAAAA 360
CTGTTTTTAG AAAATATGAT GATTTTTGAT TGCTTTTGTA TTTAATTCTG CAGGTGTTCA 420
AGTCTTAAAA AATAANGATT TNTANCAGGN

配列番号:57 配列の長さ:447 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00069

配列:

GATCTTTGAT AGTNGAGAAA ATTATGCAAA GTTCCTCAGA AGTNGGTTAT NATGCTATGG 60

CTGGNGATTT TGTGAATATG GTGGAAAAAG GAATCATTGA CCCAACAAAG GTTGTGAGAN 120 CTGCTTTATT GGATGCTGCT GGTGTGGCCT CTCTGTTAAC TACAGCAGAA GTTGTAGTCA 180 CAGAAATTCC TAAAGANGAG AAGGACCCTG GAATGGGTGC AATGGGTGGA ATGGGAGGTG 240 GTATGGGAGG TGGCATGTNC TAACTCCTAG ACTAGTGCTT TACCTTTATT AATGANCTGT 300 GACAGGAAGC CCAAGGCAGT GTTCCTCACC AATAACTTCA GAGAANGTCA GTTGGAGAAA 360 AATGANGAAA AAGGGCTGGC TTGAAANTCA CTNTTAACCN NTTANGGTTG CTTGGGTTTC 420 ANGTTGGCCA NAGTTTTNNN TNNTGGN

配列番号:58 配列の長さ:445 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00070

配列:

GATCACTGAG CAGTTTTCCC AGAGCTCCAT GGGAAGGCAA GCTCTCCCTC CCAATGGGAG 60 CCCCACTGTC ACTAACTGTA AACTCAGGCT CAGGCTTCAN CTGCCTACCC CCATCCTCAT 120 ATTTCTGTCT GTCCCAGCAC CTCAGGAGCA TTCTCATTGT GGCCGGCTAA CTCCGCCTGG 180 ATGTGAACAG GCAAGCACAG TGGGAAATNA GTCACGTACT TGTATTGCAC AGTGGACACC 240 TCTAGAGGTC CATTGGTTTA AAGGGATAGG GAAGGAGGAG GGATGAGACC ATCTCCCCCT 300 CCCAGGAAGT AAATCTAAGT ATCTAAGGTT TTCTTTATNG CCTTNGAGTC AAACTANTAA 360 CTGGCTAGTA CGGGAGGTGT NTGCTNGGTT TNTTTCGGGT GGTTTTTTCC TAATGNAATA 420 AACTICATIT NTTGCNTGNT TGGNN

配列番号:59 配列の長さ:459 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00071

配列:

GATCTTCGGT GGCCTCATGT AAACGTGGCA GCCAGCCTCT TCTAGAACCC TAGCCCAGGG 60 ACTGGAGCAG GAAAGGGACC TTCAAAGTGA AGACTGCCTT GTCCCGCAGC TCCTTCTGGC 120 TTAGATTGAA ACATGGGCTT CCTAATGGGT TAAATCCTTT AAAACAAGGA GTTGTGGGGG 180 AAGGGTGTCG TGCACTCCTA GAGAAAGGTA CACAGTTGCC CGGTTGGGAA TGTGCTTGGC 240 GCTGACCCTG CGGGCATCTG ACTGGTCTTC CAGCTCAGGA AAAAGAATTT GAAAGAGGCT 300 TAGCGTGAAG GGGAATCAAA GAGGAGGTTG TNATTTNGGT CGAAGGTGCC TTGGTTTAAG 360 TCCTNGTAAT TTGTNCTTAT TAATTTTTTT TNATATAATA TNATTTTNTT GGGGGGTAAA 420 CCATTTTTAA ATTAAACCAA CCATTTGTCT TNCTNGAAA

配列番号:60 配列の長さ:441 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00072

配列:

GATCAGACAC TTCAAGGTCT AGGCTAGACA TGGCAGAGAT GAGGAGGTTT GGCACAGAAA 60

ACATAGCCAC CATTTTTCC AAGCCTGGC ATGGGTGGG GGCCTTGTCT GCTGGCCACG 120
CAAGTTCACA TGCNATCTAC ATTAATATCA AGTCTTGACT CCCTACTTCC CGTCATTCCT 180
CACAGGACAG AAGCAGAGTG GGTGGTGGTT ATGTTTGACA GAAGGCATTA GGTTGACAAC 240
TTGTCATGAT TTTNACGGTA AGCCACCATG ATTGTTTTCT CTGGCCTCTG GGTTGACCTT 300
ACAAAAACCC ATTTGGAACT TGNNGACTTT GAAANGGTGC TCTTTGCTTA AGGCTTNAT 360
ATNGNGCCTT GTTTAATTGG GANGGTCNCT TNAAAAAGGCC NTTTCCTTTA NTTAANGGNG 420
GGGTTNTTAN GGNTGTAGAA A 441

配列番号:61 配列の長さ:436 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00073

配列:

GATCCGTCAC TCTTCCTTGT GGTAATCCCT AGACTGGGAG CTCAGGTACT CTTTTAGTCA 60
TCTTTGTATG TCTTTAGCAG AGTTCTTGAC ATGTGGTAGG TGCTTAATAA ATNTTTGTTG 120
TTTATCAAAT TTTATGGTAG GGAGAGTAAG TCAGCATCGG TATAAAATCG CTTACTCCAC 180
GTAACTCTTC TTCTGATAGG GTTTGATTTT CTATTAGAAG CTCAATTTTA GTTTTTTTC 240
ATATTATAAC TAAATATGTT TCCTGAGAGA TAAGAGAAAT AATGTTCCTA CAATAGTTGT 300
ATGTATCTAA GATAAGACAT ATAGATGCTT AAGACATTTT GTTTCACTTG CTATTCACTA 360
GTGTACTTGA ACCATGGTCA TTTTTAGCCC TTTTCCTAGG GACCATGCTT ATTTCTCAAT 420
AAGGAAATAC CTTCCN

配列番号:62 配列の長さ:434 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00074

配列:

GATCTTTTC CATCCAGCAG TGGAGTTTAG TACTTAAGAG TTTGTNCCCT TAAACCAGAC 60
TCCCTGGATT AATGCTGTGT ACCCGTGGGC AAGGTGCCTG AATTCTCTAT ACACCTATTT 120
CCTCATCTGT AAAATGGCAA TAATAGTAAT AGTACCTAAT GTGTGGGGTT GTTATAAGCA 180
TTGAGTAAGA TAAATANTAT AAAGCACTTA GAACAGTGCC TGGANCATAA AAACACTTAN 240
TAATAGCTCA TAGCTAACAT TTCCTATTTA CANTTCTTCT AGAAATAGCC AGTATTTTGT 300
TGGAGTGCCT ACNATGTTAG TTCCTTNTAC TAGTTGCTTT ACATGGATTA TCTTNATATC 360
CTGTTTTAAA GNTNTTCAC AGGTACCAGG TTTTCATGGA ATTTTCCTTT NANTAAANGG 420
GGAGGNNAAN GNTN 434

配列番号:63 配列の長さ:433 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00075

配列:

GATCTGTGAA TCTTGGCTGG GACTTCCTCT GAGTGATGCC TGAGGGTCAG CTCCTCTAGA 60

CATTGACTGC AAGAGAATCT CTGCAACCTC CTATATAAAA GCATTTCTGT TAATTCATTC 120
AGAATCCATT CTTTACAATA TGCAGTGAGA TGGGCTTAAG TTTGGGCTAG AGTTTGACTT 180
TATGAAGGAG GTCATTGAAA AAGAGAACAG TGACGTAGGC AAATGTTTCA AGCACTTTAG 240
AAACAGTACT TTTCCTATAA TTAGTTGATA TACTAATGAG AAAATATACT AGCCTGGCCA 300
TGCCAATAAG GTTCCTGCTG TGTCTGGTTA GGCAGCATTN CTTTTGATGC AAAATTTCCTA 360
TTGGNCCCTN TNTTNNTCCA AAAAGGTAAA TGNCTTNNAT TNCCCGGTTA AAAAATNNTT 420
CCCNGGNNAT TTN

配列番号:64 配列の長さ:432 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00076

配列:

GATCCTGGAG GTCTTTCTA GTCTGAGCTT CTTTAGCTAG GCTAAAACAC CTTGGCTTGT 60
TATTGCCTCT ACTTTGATTC TNATAATGCT CACTTGGTCC TACCTATNAT CCTTCTACTT 120
GTCCAGTTCA AATAAGAAAT AAGGACAAGC CTAACTTCAT AGAAACCTCT CTATTTTAA 180
TCAGTTGTTT AATAATTTAC AGGTTCTTAG GCTCCATCCT GTTTGTATGA AATTAAATC 240
TGTGGATTGG CCTTTAAGCC TGCATTCTTA ACAAACTCTT CAGTTAATTC TTAGATNCAC 300
TAAAANTCTG AGGAACTCTA CATGTAACTA TTTCTTCAGA GTTTGTCATA TACTGNTTGG 360
CATCTGAATG GCTACTCAGC ATTTGGTTAA CATTNGNGTA AATTTGGAAT AAANTTCCCC 420
AGTAAGCCAT TN

配列番号:65 配列の長さ:459 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00077

配列:

GATCCATCGC AGAGTCCTAA AGAAGAACCC ACTGAAAAAC TTGAGAATCA TGTTGAAGCT 60
AAACCCATAT GCAAAGACCA TGCGCCGGAA CACCATTCTT CGCCAGGCCA GGAATCACAA 120
GCTCCGGGTG GATAAGGCAG CTGCTGCAGC ANCGGCACTA CAAGCCAAAT CAGATGAGAA 180
GGCGGCGGTT GCAGGCAAGA AGCCTGTGGT AGGTAAGAAA GGAAAGAAGG CTGCTGTTGG 240
TGTTAAGAAG CAGAAGAAGC CTCTGGTGGG AAAAAAAGGCA GCAGCTACCA AGAAACCAGC 300
CCCTGAAAAG AAGCCTGCAG AGAAGAAACC TACTACAGAG GAGAAGAAGC CTGCTGCATA 360
AACTCTTAAA TTTGNTTATT CCATAAAGGT CAAATCATTT TGGNCAGCTT CTTTTTGAA 420
TAAAAGNCCT GNTTTATACC AGGGCAGTGA GGAACCAAA 459

配列番号:66 配列の長さ:626 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00078

配列:

GATCTACAAA GGCCATGGGA AAAATTCAGA GAGTTAGGAA GGAAAAACCA ATAGCTTTAA 60

AACCTGTGTG CCATTTTAAG AGTTACTTAA TGTTTGGTAA CTTTNATGCC TTCACTTTAC 120

AAATTCANGC CTTAGATAAA AGAACCGAGC ANTTTTNTGC TAAAAAAGTCC TTGATTTAGC 180

ACTATTTACA TACAGGCCAT ACTTTACAAA GTATTTGCTG AATGGGGACC TTTTGAGTTG 240

AATTTATTTT ATTATNCCCG TTNGTTTAA TGTCTGGTGC TNNCTATCAC CTCTTCTAAT 300

CTTTTAATGT ATTTGTTTGC AATTTTGGGG TAAGACTTTT TTATGAGTAC TTTTTCTTTG 360

AAGTTTTAGC GGTCAATTTG CCTTTTAAT GANCATGTGA AGTTATACTG TGGGCTATGC 420

ACCAGCTCTC ACCTACNGGG GGNCTTACCT TGGGGGTAGN GNCCATACCA GNCCACTGTA 480

TGTTTACTTC CTCACCCATT TGGNGTTGCC CCANCTTGGT TNAACACTNG GGCANCATTN 540

TGGTTTNAGG GGNCCTTAGG GTTNACCAGN TCNTTTTAAC NGGNTATTTN CCCGGGGTTT 600

TTTNAAANTG GCCCAAAATN CTTAAA 626

配列番号:67 配列の長さ:534 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00079

配列:

GATCAACAGT TCTAGTACTC TTCTTTGTCA GTATATCAAC CTACAGCTAT TGAATGCAAA 60
GCCACAAGAG TGTTTAATGG GGACAGTGGG CACTCTCCTG CTTGAAAACC CACTTGGGCA 120
GAATGGACTC ACCCACCAAG GTCTTCTGTA TGAAGCAGCC AAGGTGTTTG GCCTTCGGAG 180
CAGGAAGCTA AAGCTGTTTC TGAATGAGAC CCAAACGCAG GAAATTACAG AAGACATCCC 240
CGTGAAGACT TTGAATATGA AGACTGTGTA TGTTTCTGTG TTACCAACAA CAGCAGACTT 300
CTAGCATGTA CTTATCAATG TTGTTCGGTC AGCCCTTCCC TAATTACACC TATCCCCTAC 360
ACATACATGC ACATAGNCAC ACACATGNAC ACACTTGAAG GTATTTCCTT CAAGGTGTGT 420
GTAAAAAATAT GCTGCTTGGN TTTGAATTCA AATGGGGTTG NTTAGGTCAA GTACTTTGNG 480
GCCTNANAGG NATCTTCACA CTTAACCTTA GGCACTTTTG ANGCATTGTT GGGN 534

配列番号:68 配列の長さ:417 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00080

配列:

GATCTTAGTT GATATTTTGG GCTTGGGGCA GTGAGGGCTT AGGACACCCC AAGTGGTTTG 60
GNAAAGNAGG AGGGAGTGG TGGGTTTATA GGGGGAGGAG GAGGCAGGTG GTCTAAGTCC 120
TGACTGGCTA CGTAGTTCNG GGCAAATCCT CCAAAAGGGA AAGGGAGGAT TTCCTTAGAA 180
GGATGGCGCT CCCAGTGACT ACTTTTTGAC TTCTGTTTGT NTTACGCTTC TCTCAGGGAA 240
AAACATGCAG GTCCTCTAGT GTTTCATGTA CATNCTGTNG GGGGGTGACA CCTTGGTTCT 300
GGTTAAACAA GCTGTACTTT TAATAGCTGT TNCAGGAAGG GTTAAGGCCA ACTACAAATT 360
AATGTTGGTT GCAAATGTAG TGTGGTTCCC TAACTTTNCG GGGTTTTCCT GAGGAAA 417

配列番号:69 配列の長さ:417 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00081

配列:

GATCTGCCTG CCCACCAACT GGTGATGGAA GGTTACAAGT GGCACTTCAA TGAGACGGTG 60 CTCACTGTGT GGTCGGCACC AACTACTGCT ACCGTGTGGG AATGTGGCAG CATCTTGGAG 120 CTGGACGAGC ATCTCCAGAA AGATTTCATC ATCTTTGAGC TGCTCCCAAG AGCACGGGGC 180 ATCCCTCCAA GAGCCGTGCC GCTATTCCTG TGACCCGCCG GCCTGCCCTC ACCTTTGGCT 240 CGACATGTGC TTGCATTTCT AGCGAGCTGG CGTGGGGGCT GTCTGGTTGT GTCCCAAGAG 300 GTGTTGAGGT AGGTNTTGAG AGCTGAGACT AGTCATGTCT CTCTTTCCAT TACATGAGTT 360 CATATTTTTN TTTTCTNTTT TGTGTTAGTA ATTTGGAAAT GAAATTATAA GGAATGN 417

配列番号:70 配列の長さ:415 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00082

配列:

GATCTTTCTG GGAACACAGC CCNGCTGGCG GCTAACCTGC TGTTTGAGAT GCTATGTGCT 60
CTCCCCAAAG TGACAACCGT CTGAGTCTTG TGCTCTTCAA GACAAAACAG ATTGCGTCGC 120
TGACAAGTTC TCAAGAAGAA CTTATGAGTA AGCAGTCTGA GAACTAAAGA GTTTATGCCA 180
AGAAAACTTT CTGCTGAAAG TGTCATTGCT GGCTGTAAG TCGGGGAAAA CAGAAGAGT 240
CTCACCCAAA CAGCAACATT TCTAAGGAAC TTGGATTAAT TGGGGGAAAA AAAANGGGGT 300
ACTTGTACTG CTTTGATTG TTTTCCTTTG GNTGAAAAGN TGGGGGGTTA AANGGGGGAT 360
NGTGAGGGGG ANTTTNCTTN TNNAGGGNTT TNTTNTNANC CCATTTNGGN NTNCN 415

配列番号:71 配列の長さ:415 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00083

配列:

GATCAGAATC ATTAAAAAAT ATTTTGTTT AGTAAGTTTG AAGATTCNN GCTTTNAGGC 60
CTTTCCTATT TTGTCCCATT TATTTTTNCA GGCAATCTTT TCCATGGAGG GCAGGGTATC 120
CATTCTTTAC CATGGGTGTA CCTGCTTAGG TTAAAAAATCA TACCAAGGCC TCATACTTCC 180
AGGTTTCATG TTGCGTCTTG TTGAGGGAGG GAGAGCAGGT TACTTGGCAA CCATATTGTC 240
ACCTGTNCCT GTCACACATC TTGAAAAAATA AAACGATAAT AGANCTAGTG ACTAATTTNC 300
CCTTACAGTT CCTGCTTGGN CCCACCCNAC TGNGGGTNGG CTCCATTGGT NNGTTCCGGG 360
GCCGTNNTTT AGGGGGNANT TGGGGGNTCG GTTAGGCCTN TNGGTTTGGG GAAAN 415

配列番号:72 配列の長さ:410 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00084

配列:

GATCTCCCCN CTCTAGGGGT CAGGCTCCAT TAGGATTTGC CCCTTCCCAN CTCTTCCTAC 60

CCAACCACTC AAATNAATCT TTCTTTACCT GAGACCAGTT GGGAGCACTG GAGTGCAGGG 120
AGGAGAGGGG AAGGGCCAGT CTGGGCTGCC GGGTTCTAGT CTCCTTTGCA CTGAGGGCCA 180
CACTATTACC ATGAGAAGAG GGCCTGTGGG AGCCTGCAAA CTCACTGCTC AAGAAGACAT 240
GGAGACTCCT GCCCTGTTGT GTATAGATGC AAGATATTTA TATATATTTT TGGTTGTCAA 300
TATTAAATAC AGACACTAAG TTATAGTATA TCTGGACAAG CCAACTTGTA AATACACCAC 360
CTCACTCCTG TTACTTACCT AAACAGATAT AAATGGCTGG TTTTTAGAAA 410

配列番号:73 配列の長さ:406 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00085

配列:

GATCGTGACG CTGAATAAAT GTCTTTTTT TAATGTGCTG TGTAAAGTTA GTCTACTCTT 60
AAGCCATCTT GGTAAATTTC CCCAACAGTG TGAAGTTAGA ATTCCTTCAG GGTGATGCCA 120
GGTTCTATTT GGAATTTATA TACAACCNGC TTGGGTGGAG AAGCCATTGT CTTCGGAAAC 180
CTTGGTGTAG TTGAACTGAT AGTTACTGTT GTGACCTGAA GTTCACCATT AAAAGGGATT 240
ACCCAAGCAA AATCATGGAA TGGTTATAAA AGTGATTGTT GGCACATCCT ATGCAATATA 300
TCTAAATTGA ATAATGGTAC CAGATAAANT TATAGATGGG AATGAAGCTT GTGTATCCAT 360
TATCATGNGT AATCAATAAA CGGNTTNAAT TCNCTTGGAN TGGAAA 406

配列番号:74 配列の長さ:408 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00086

配列:

GATCACATTG TAAAACTATG GATGGTCTGA TAAGGCTTTN ACTGACCCCA CTGACTTCAG 60
AGTTATACTC TGTTTGCNAC ATCATAATGC TGGTTTTCCT GACTTTTGT NTTTTAATAT 120
ATTTATAAAA AAAGAAAAAG TTGGTGATTG CATTGGGAAA TTCCCAGGGT ATTACTGGAC 180
CTATGTGGTG TATTGTTAAA CCAGTGTCCT TGTNATACTG TTGCTCTTGA TGTTCCTGAT 240
ACAGGTAAGG ANGCAGTTGG TCAACTCTNA TACAAAGTAT ATATACAGTT CAGTATTGTC 300
TCTGTTCATT TTGTTTTAAT TTCATTGGNC AAANTCAANC CAGCATTCCC CATTTGTGTA 360
AATAAAATGAT TTTCCTGGAA TAAAAGGNAA AGGNCTTNAA ATTCCAAA 408

配列番号:75 配列の長さ:407 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00087

配列:

GATCAAACTA GCTCAGGCCA AACTTTAAGT TCATACCTGA GCTAAGAAGG ATAATTGTCT 60
TTTGGTAACT AGGTCTACAG GTTTNCATTT TTCTGTGTTA CACTCAAGGA TAAAGGCAAA 120
ATCAATTTTG TAATTTGTTT AGAAGCCAGA GTTTATCTTT NCTATAAGTT TACAGCCTTT 180
TNCTTATATA TACAGTTATT GCCACCTTTG TGAACATGGC AAGGGACTTT TTTACAATTT 240

TNATTTTATT TTCTAGGTAC CAGCCTAGGG GATTTCGGGT TAGGTACTCA TTTTGTATTC 300
ACTGTCACTT TTTCCTCATG GTCCTAATTA TAAATNGNCC CAAAATCAAG GNTTGCCTNA 360
AAAAGGGGGN AAAATGGTTG GCCCCNNGGT TNTTNGNNNC CCCNGTN 407

配列番号:76 配列の長さ:413 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00088

配列:

GATCTACCGA CTCACTTCTG AGAATATTTT TNACAGATTA TCTTTGGGCC TTTCCATTAG 60
AAAGCTGTTT GTTTGTCCCC CTGTTGGTAC ATTTGGTTAC CTCATTTTGC CGTTTCAAAT 120
TGTAAAAGCT CACAGGGGTG TTTTTTTGGAA TCATTTGCTG AGTCATTTTC TCAAATCATA 180
TTCCATTGTA TCAGTTAACA TATAGTTTTA AATGTATGTA TTATAAATNT CTGTANCCAA 240
ATCATTTGAA GGCTTGATAA ATTTNTAACA ANGTTTGTAC ATTTNTCATG AAAGTCACTA 360
GTAATGCTNG GNGNGGTAGT GCAATGGANT TTTCCNTTTT TCNTCCCTGT GCCCATTTTG 360
GAGTTGAGAG GGTTGTNGGT AATNAACTGT ATGGTGTACA NTGNANCCNA NNN 413

配列番号:77 配列の長さ:417 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00089

配列

GATCGGCAAG CCNCNCACTG TCCCTTGCAA GGTGACAGGC CGCTGCGGCT CTGTNCTGGT 60
ACGCCTCATC CCTGCACCCA GGGGCACTGG CATCGTCTCC GCACCTGTGC CTAAGAAGCT 120
GCTCATGATG GCTGGTATCG ATGACTGCTA CACCTCAGCC CGGGGCTGCA CTGCCACCCT 180
GGGCAACTTC GCCAAGGNCA CCTTTGATGC CATTTCTAAG ACCTACAGCT ACCTGACCCC 240
CGACCTCTGG AAGGAGACTG TATTCACCAA GTNTCCCTAT CAGGGAGTTC ACTGACCACC 300
TCGTCAAAGA CCCACACCAG AGGTCTCCGT GCAGNGGACT TCAGGNTNCA GNTTGTGGTT 360
ACAACATAGG GGNTTTTTAT ACAANGGAAA NGTAAAGGTG NNNTTAAAGN GGTGAAA 417

配列番号:78 配列の長さ:404 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00090

配列:

GATCAGAAGA AACACTCCAA AAATTGAGAT GAAATGTTGG TGCAGCCAGT TATAAGTAAT 60
ATAGTTAACA AGCAAAAAAA GTGCTGCCAC CTTTTATGAT GATTTTCTAA ATGGAGAAAC 120
ATTTGGCTGC ATCCACATAG ACCTTTATGT TTTGTTTTCA GTTGAAAACT TGCCTCCTTT 180
GGCAACATTC GTAAATNAAG CAGAATTTTT TTTTCTCTTT TTTCCAAATA TGTTAGTTTT 240
GTNCTTGTAA GATGTATCAT GGGTATTGGT GCTGTGTAAT GAACAACGAA TTTTAATTAG 300
CATGTGGTTC AGAATATNCA ATGTTAGGTT TTTAAAAAAAG TATCTTGATG GTTCTTNTTC 360
TATTTATAAT TTCNGACTTT CATAANGTGT ACCCANGANT TTCN 404

配列番号:79 配列の長さ:622 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00091

配列:

GATCCCCGCA ACTCGCTTGT CCTTGGGTCA CCCTGCATTC CATAGCCATG TGCTTGTCCC 60 TGTGCTCCCA CGGTTCCCAG GGGCCAGGCT GGGAGCCCAC AGCCACCCCA CTATGCCGCA 120 GCGGCCCTAC CCACCTTCAG GCAGCCTATG GGACGCAGGG CCCCATCTGT CCCTCGGTCG 180 CCGTGTGGCC AGAGTGGGTC CGTCGTCCCC AACACTCGTG CTCGCTCAGA CACTTTGGCA 240 GGATGTCTGG GGCCTCACCA GCAGGAGCGC GTGCAAGCCG GGCAGGCGGT CCACCTAGAC 300 CCACAGCCCC TCGGGAGCAC CNCACCTCTG TGTGTGATGT AGCTTTCTCT CCCTNAGCTG 360 CAAGGGTCCC GATTTTGCCA TCGGAAAAAG ACAACCTCTA CTTTTTTNCT TTTGTATTTT 420 TGATAAACAN TTGAAGNTTG GAGCNTGTTA AAATTTATTN TTTGGGGGGA AACCTNAAGA 480. ACTGGGNCTT AATTTNGGNG TTCGTGGGAC CCTNTTANNT GGTTTTNAAT NAANCGGTTA 540 NGGAATTAAA CTGTTTTGGA ANANTTGGTT TAAAGNTTTA AAATTTTGGG AAAAAAAGGG 600 GCTTTTTAAA TTTTTTGGGT TN

配列番号:80 配列の長さ:400 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00092

配列:

GATCTTCCTT TNTTCTNTGA ATGNGCTCTG TTGNCTTTTT CTCTTTTTTC TCATGTGTTC 60 TTTTCAGTAG TACAGGCTTC TTGCCGATAT GAAGGGAACT TTTCAGAAAG AGACCTACTC 180 TGGGTCATTT AATTTTGAAT ACAGTTTTCA ATCGTTCAAG TTTTGGNNNG NTTATATCTA 240 ATGTGTGTTT CATTTTTTG GAAAGCTATA TTTTGTATTT AGGAAATGGT ATACTATTTT 300 GCTATTTGTA CTGAGTGAGT ACATTGGCAT AAATATAGAA ATTTATATAT ATACATATAT 360 400 ATAACTGTGC TNNTTGCCCT TTTTNNTGNG GGAAATTGGN

配列番号:81 配列の長さ:396. 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00093

配列:

GATCAGACTG TGGCATTGTA AATGTCAACA TTCCAACAAG TGGGGCTGAG ATTGGAGGTG 60 CCTTTGGAGG AGAAAAGCAC ACTGGTGGTG GCAGGGAGTC TGGCAGTGAT GCCTGGAAAC 120 AGTACATGAG AAGGTCTACT TGTACTATCA ACTACAGTAA AGACCTTCCT CTGGCCCAAG 180 GAATCAAGTT TCAGTAAAGG TGTTTTAGAT GAACATCCCN NAATTTGAGG GTGTTCCAGC 240 AGCTGTTTTT GGAGAAGACA AAGAAAATTA AAGTTTTCCC TGAATAAATG CATTATTATG 300 ACTGTGACAG TGACTAATCC CCCTATGACC NNAAAGNCCT GATTAAATCA AGAGATTCCT 360

## TTTTTAAAAA TCAANTAAAA TTGTNACACC ATAAAA

396

配列番号:82 配列の長さ:400 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00094

配列:

GATCGATGGT TGACAATCCA GAGTGGTGAA CAGCCCTACA AGATGGCTGG TCGATGCCAT 60
GCTTTTGAAA AAGAATGGAT AGAATGTGCA CATGGAATNG GTTATACTCG GGCAGAGAAA 120
GAGTGCAAGA TAGAATATGA TGATTTCGTA GAGTGTTTGC TTCGGCAGAA AACGATGAGA 180
CGTGCAGGTA CCATCAGGAA GCAGCGGGAT AAGCTGATAA AGGAAGGAAA GTACACCCCT 240
CCACCTCACC ACATTGGCAA GGGGGAGCCT CGGCCCTGAA CAGAGCAGCT GCTGATGTCT 300
GGAGGCTGAT TTTCCTGTTC TCTGTTCTCC ACTGGAAAGG TTGTTTACGA CAAACCTCCT 360
TGTCAAAAGTN TGTAAAAATA AAGGATTGCT CCATCCTAAA 400

配列番号:83 配列の長さ:397 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00095

配列:

GATCTGGGCA CTGTACTTNA GCCTGGGCGA CAGAGAGACC CATCTCAAAN AAAAAATTGG 60
AACCTGAGAA GGGGTCGTG GGGTCCCCGG GGCCCACCGT CTGCACTTGG NATCTNAAGT 120
CGGGGTGGNC TTGTGGGACT NACCCNTTAC CCTGTGGGTT CTGTACTAGC TCCGGGNAAT 180
TGGTGACAGA NTCGAGTTAA ATTGTAGGAC ATCGCGTTGG TGTCTGAGAG GGAGTTGGAG 240
AGCTGGTTGG TGTGGAGGGA AAGGNTTACA CACATGTNAT TTCAGAAGCG TTCTGTGGGT 300
AGAGGAATCG TTTTCTCTTT GAGACTGTTA TGAGTATGTA CAAATTTTAT TTCCTGTAAA 360
AATATTTNCA TTTTTTAAAN TGGTTATTTT CTAGAAA

配列番号:84 配列の長さ:390 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00096

配列:

GATCGAAGAT TTATCCCAGC AAGCACAACT AGCAGCTGCT GAGAAATTCA AAGTTCAAGG 60
TGAAGCTGTC TCAAACATTC AAGAAAACAC ACAGACTCCA ACTGTACAAG AGGAGAGTGA 120
AGAGGAAGAG GTCGATGAAA CAGGTGTAGA AGTTAAGGAC ATAGAATTGG TCATGTCACA 180
AGCAAATGTG TCGAGAGCAA AGGCAGTCCG AGCCCTGAAG ANCAACAGTA ATGATATTGT 240
AAATNCGATT ATGGAATTAA CAATGTAACC ATATGGANGC AACTTTTTTT TGGTGTCTCA 300
NGGTTATTNGC TCCTTTTTT GGNTTGGAAA 390

配列番号:85

配列の長さ:392 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00097

配列:

GATCACTTC ACTNTCAATT ATTTGCCAGG NCTCACAGAA CTCAGAAAAG CTCAGANCAC 60
TCATGGTTAC TATTTAGTAA AGCAAAAAGA CACAAATNAA AATNAGCAAG TTTGGCCGGG 120
ATTGCAGGCA TGAGCCACTG AGCCCGGCCC CCAACTGTTA CATCAAAATA TTATTTGAGA 180
GTATATGTGT CCTCACGTCC CTAAAACACT AGAAACTGTC AANCTTTTAA TCTTTGTCAA 240
ACTCTCAAAAA GTAGTATCTC TGCATTTGCA TGCCTTTGNG TNCTAATAAG GTTGAGTACT 300
GCTTTAAAAAG TTTGCTGGNC ATCTNTTTGN TTTTTTTTAAG GACCTGCGGT GGNNAGGCCC 360
NTTCAANANA TTNTTTCNTT AATTNGGGCC TN 392

配列番号:86 配列の長さ:393 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00098

配列:

GATCAGTCTG GCTGGTGGTT TAACAGGTGT CACTCTGCAA ACCTGAATGG TGTATACTAC 60
AGCGGCCCCT ACACGGCTAA AACAGACAAT GGGATTGTCT NGNACACCTG GCATGGGTGG 120
TGGTATTCTC TGAAATCTGT GGTTATGAAA ATTAGGCCAA ATGATTTAAT TCCAAATGTA 180
ATTTAATTGC TGCTGTTGGG CTTTCGTTTC TGCAATTCAG CTTTGTTTAA AGTGATTTGA 240
AAAATACTCA TTCTGAACAT ATCCATGCGC AATCATGATA ACTGGTTGTG AGNAGTGCTT 300
TTCACTATCTTC TCACTTGCCT TTGTTACTTA ATGTGCTTTC AGGACAGCAG ATATGCAATA 360
TTCACCAAAT AAATGTAGGC TGGTGGTAAT AAA

配列番号:87 配列の長さ:391 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00099

配列:

GATCCAGAAA TACTTAACAC GTGAATATTT TGCTAAAAAA GCATATATAA CTATTTNAAA 60
TATCCATTTA TCTTTTGTAT ATCTAAGACT CATCCTGATT TTAACTATCA CACATGAATA 120
AAGCCTTTGT ATCTTTCTTT CTCTAATGTT GTATCATACT CTNCTAAAAC TTGAGTGGCT 180
GTCTTAAAAG ATATAAGGGG AAAGATAATA TTGTCTGTCT CTATATTGCT TAGTAAGTAT 240
TTCCATAGTC AATGATGGTT TAATAGGTAA ACCAAACCCT ATAANCCTGA CCTCCTTAT 300
GGTTAATACT ATTTANGCAA GGANTGCAGT ACAGATTTGG NTACAGTACG GATTTGNCCA 360
AATAANTTCA NTAAAAGCCT TAAAGCTGAA A 391

配列番号:88 配列の長さ:390 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00100

配列:

GATCAACCCA CAGAACAAG CGGATTTCCA AGGCATCTCC CCAGAGCGAG CCTTTGCTGA 60
TTTTCTCTTT GCCAGCACCA TCCTGCACCT TGTTGTCATG AACTTTGTTG GCTGACTCAT 120
TCTCATTTAC TTAATTGAGG AGTAGGAGAC TAAAAGAATG TTCACTCTTT GAATTTCCTG 180
GATAAGAGTT CTGGAGATGG CAGCTTATTG GACACATGGA TTTTCTTCAG ATTTGCACTT 240
ACTGCTAGCT CTGCTTTTTA TGCAGGAGAA AAGCCCAGAG TTCACTGTGT GTCAGAACAA 300
CTTTCTAACA AACATTTATT AATCCAGCCT CTGCCTTTCA TTAAATGTAA CCTTTTGCCT 360
TCCAAATTAA GGACTCCATG CCACTCCTCN 390

配列番号:89 配列の長さ:390 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00101

配列:

GATCTTTCTN AATGTGTATT GATTGGTCTT TTCAGCTACT CTGAACAGAT TACTAAGGCC 60
ATCTCCTCAT CTCTAAGGGA GAAAAATAGT CTGTAGATGA ATAATGTAAG GTAAAGAGTT 120
GCATGTCAGT CTTTGTAATN ATTTACACTT TAACTTTCTC CAGAACTCAG ACATGATTC 180
AACATGGTGT TAGATTTGTG CATTTNATTT TCCTGACCAC CTCATTCCAG CCAATGTATG 240
GTTATCCACT CTGTGTGCNA AANCCAATCA TGCNTTTCAC GGCCCTTTAG TTCAGAGAAG 300
TTCTGCACTG ATTTTTAGTC TCTTGATGTC TCAATCTTAC ATGTATACCA ATCACAATGG 360
AATAAAAAAGT GTTTGAGGTT GTACTGTGGN 390

配列番号:90 配列の長さ:391 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00102

配列:

GATCCGAGGA GGCGGAACAA GTCCACGGAG TCCCNNGCAG GCCAACGTGC AGCGGCTGAA 60
GGAGTACCGC TCCAAACTCA TCCTCTCCC CAGGAAGCCC TCGGCCCCCA AGAAGGGAGA 120
CAGTTCTGCT GAAGAACTGA AACTGGCCAC CCAGCTGACC GGACCGGTCA TGCCCGTCCG 180
GAACGTCTAT AAGAAGGAGA AAGCTCGAGT NATCACTGAG GAAGAGAAGA ATTTCAAAGC 240
CTTCGCTAGT CTCCGTATGG CCCGTGCCAA CGCCCGGNTC TTCGGCATAC GGGCAAAAAG 300
AGCCANGNAN GCCGCAGANC AGGATGTTNG TAAGGAAANN ATTTANAGCC CCTCCTGGGN 360
GACCTTTGGG ATTCAGTCGN CAGTCAATAA A 391

配列番号:91 配列の長さ:391 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00103

配列:

GATCTGTGCC AAGCTCAGGG TGTAGCGCTG CAAACGATGA AGCAAGAGAT TCTCATTAAC 60

CTTGTGAAGC AAAAGCCACA AATAACAGAG GAACAACTTG AGGCTGTCAT TGCAGATTTC 120
TCAGGCCTGT TGGAGAAATG CTGCCAAGGC CAGGAACAGG AAGTCTGCTT TGCTGAAGAG 180
GGACAAAAAC TGGNGNCAAA AACTCGTGCT GCTTTGGGAG TTTAAATTAC TTCAGGGGAA 240
GAGAAGACAA AACGAGTCTT TCATTCGGTG TGAACTTTTC TCTTTAATTT TAACTGATTT 300
AACACTNTTT GGTGAATTAA TGAAATGNTA AAGACTTTTT ATGTGAGATT TTCCTTATCA 360
CAGAAATNAA NTNTCCTCCA AATGTTAATA N 391

配列番号:92 配列の長さ:385 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00104

配列:

配列番号:93 配列の長さ:381 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00105

配列:

GATCTTTGAT AGTTTTGGTG AACTCTCTAA AATACATTCA CTGTGGGTCC GACGCAATTT 60
ATAAAAATNA TGTACTCAAG AAGGGAGACC TGTTTGTTTC ATTCTCATC TGTTTGGGAG 120
ATGATTTTAG AGCACTAGAA AGGCACTGGG GAGATTCTCA GCTTAAAACA TCCAGCAGTT 180
TGAAGTATGA TTAGGTACAT CAGGGCTGCA TTGTCAATNT TCTCTTTAAG TCTTTTAACA 240
TTTATAGCAA TTTTTTTTTT CCCGGAGAGT TTAGGTTGCA AGTTTTGGGT TTCTTGTTTG 300
TTTTTGTTTT GCTTCCTGCT TTAATNCTTN AATTTNCAGT CATTACTGGT ATTGAAAAAT 360
AAAAATATCTT TAAANCANNG N 381

配列番号:94 配列の長さ:380 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00106

配列:

GATCTAAGAG ACTCAAGAGC TGGGTTTCTT TCAGCACTCT GTACTGTCCC AAATAGCAAA 60 CAAATNACTT TGTAGCCAGA TTTCTGAATG GAAATNAGAA ATTGAATTCT CCATGGACTT 120 TTAGGTTTAT GGGGGAGTTT TAGCTGTGTT TCTTGGTTTT ATTTCAGCCA AACATGTCTG 180 CTTTTGATTT TTTTTTAAA GTATAAGTGG TCTATATATA TGTTCACCTT TTAAATGTAA 240 ATGITTAAAA AGTAAGCATT TATGTGTTTC CATAACTGAC ATCTGATGCA GACCTCATTC 300
TCTCCCCCTC TTCTACCCTC CTCTTTTCCC CCTTTTCAAT ACTCTTGTAT TGGGTTCTAA 360
TAAAATGGGT TGCTTTTTCN 380

配列番号:95 配列の長さ:379 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00107

配列:

GATCCATACT TGGATGATAT TGATGATGAG ATGGACCCAG AGATAGAAGA AGCTTATGAA 60
AAGTTTTGTT TGGAATCAGA GCGTAANGNA NAACAGTAAA GTTAAATTTC AGCATATCAG 120
TTTTATAAAG CAGTTTAGGT ATGGTGATTT AGCAGAACAC AAGAGAGCAA GAAAATGTGT 180
CACATCTATA CCAAATTGAG GATGTTGAGT TATGTTACTA ATGTATGCAA CTTTAATTTT 240
GTTTAACACT ATCTGCCAAA ATAAACTTTA TTCCCTATAA CTTAAAATGT GTATATATAT 3G0
ATAATAGTTT ATTATGTACA GTTAATTCTA CTGTTTTGGC TGCAATAAAA TCGATTTTGG 360
AAATAAAATGG AATGTTGGN

配列番号:96 配列の長さ:384 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00108

配列:

GATCTTTGCT GGCAAGCAGC TGGAAGATGG ACGTACTTTG TCTGACTACA ATATTCAAAA 60
GGAGTCTACT CTTCATCTTG TGTTGAGACT TCGTGGTGGT GCTAAGAAAA GGAAGAAGAA 120
GTCTTACACC ACTCCCAAGA NGAATAAGCA CAAGAGAAAG AAGGTTAAGC TGGCTGTCCT 180
GAAATATTAT AAGGTGGATG AGAATGGCAA AATTAGTCGC CTTCGTCGAG AGTGCCCTTC 240
TGATGAATGT GGTGCTGGGG TGTTTATGGC AAGTCACTTT NGNCAGACAT TATTGTGGCA 300
NATNTTGTCT GACTTACTGG TTNCAACAAN CCCAGAAGNC ANGTNAACTG TNTGANGTTN 360
ATNAAAAGNC ATGTNCTGAA CAAA 384

配列番号:97 配列の長さ:583 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00109

配列:

GATCCTCATG AATGACTATC CTAAATTTAA GTATGCAGTT CTNTTTTTGC TGGGTTTATT 60
CGTGCTGGTT CATCGNGAGT NAGANGCCTG CCTTGCTGTT CCTGGGAAGA TGCCATAGTT 120
TTCGTTACTG GATGTTTGGA GTAGATACTG GTCTGTNATT GGTGGAATGG AGAACACACG 180
TGTTGGTGCT TCTGGGTAGC ACTGGTTTGC ATTAGTTTAT GTTTCCATGC CAGAGTTTGT 240
GTGGGCGGC GCATGTCCAC CACAGAGTGC ACTCGAGGGG ACTTTCAGTC ACAGGATTTC 300
ATAATTGTNA TTGTCACACT TTCAAAATTTT TGTACATCAG TGAATTTTTT TTATATTAAA 360
AGGTTGAGCC AAAGCCCCCA GTGTTTTGTA TTTTGAAGCC AAGCTTCACT TCTAAAAGTG 420

CCTACAGAGG ACTTGTAAAA TGGAAAATGC AGCTCTGCAC GGAGTTTGAA ACCGTCATAC 480 CTCCTTCTAT TAGGGAATNG GCATATACTG AGGGTGGTCC GGAAGNNNTT AACTTCCTAA 540 AATTTTTAAA TAAAAGGCCT TTGCACCATT GGACCCCNTT AAA 583

配列番号:98 配列の長さ:370 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00110

配列:

GATCAAGAAA AGCAACTTAT GGAAACAACT ACAGAATTTA CAAAAAAGGA TACTCAAACC 60
AAAAGTATTA TTTCAGAGAC CAGTAATAAA ATTGACGCTG AAATTGCTTC CTTAAAAACA 120
CTGATGGAAT CTAACAAACT TGAGACAATT CGTTATCTTG CAGCTTCAGT GTTTACTTGC 180
CTGGCAATAG CATTGGGATT TTATAGATTC TGGAAGTAGT ATTAATGCTC ATCCTGCTGT 240
GGCTGTTGGC TTCTTAGAAC ACCAAACCGG GAGAGATTTA CTTTGAACAT TGTCAGTTGC 300
AGCAAAAATT TACTACACAA GATTATTCGA AGTGTATACG GACTAAAAGA GGAAGTGTTT 360
TAGAATGAAA

配列番号:99 配列の長さ:384 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00111

配列:

GATCTGAAGA GCGTCCTGGG TCAACTGGGC ATCACTAAGG TCTTCAGCAA TGGGGCTGAC 60
CTCTCCGGGG TCACAGAGGA GGCACCCCTG AAGCTCTCCA AGGCCGTGCA TAAGGCTGTG 120
CTGACCATCG ACGAGAAAGG GACTGAAGCT GCTGGGGCCA TGTTTTTAGA GGCCATACCC 180
ATGTCTATCC CCCCCGAGGT CAAGTTCAAC AAACCCTTTG TCTTCTTAAT GATTGNCCAN 240
AATACCAAGT CTNCCCTCTT CATGGGAAAA GTGGTGAATT CCACCNAAAA ATAACTGNCT 300
GTNGGTNCTC AACCCCTTNC NNTTCATCCN TGGGCCCNTN GGCTTGGATN GANAATTAAA 360
AGAAGGGGTT GNGGCTNGGG NAAA 384

配列番号:100 配列の長さ:374 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00113

配列:

GATCTTTGAA ACCTTGGTCC CGTTAACTTA CTAGTCACAT TGACCAATGT TTTATAGAAA 60
TGCCTAGAAT TTTGAGACTA ATNGTAGTTA TCCATTAACA TTCCAAAAGT TTTGTNCTTT 120
TNAAAATTTG TNTTGGTAAT TATCACATTT NTNCCTCTTA CCTTCCTTTA AATGGCCACA 180
GTGTGTACTG CTGGANTGTN CCATCCAAAA GATGTAGCTT CAGANGCACA GTGATTGCCC 240
CAGGGTCCAT GAGATATTGT TTGTATTATG ANGTTGGAGT GCTGTCTACT GAAATTATAC 300
TCTTAAATAA NTATGTATGT NGTGTGTAAT ATTCCTAAT AAATNCTTTN GATAAACTAA 360
AAAACTNNNG CTNN 374

配列番号:101 配列の長さ:382 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00114

配列:

GATCTGTGCA AGGTATTAAC GTGTCAGGGC TGAGTGTTCT GGGATTTCTC TAGAGGCTGG 60
CAAGAACCAG TTGTTTTGTC TTGCGGGTCT GTCAGGGTTG GAAAGTCCAA GCCGTAGACC 120
CAGTTTCCTT TCTTAGCTGA TGTCTTTGGC CAGAACACCG TGGGCTGTTA CTTGCTTTGA 180
GTTGGAAGCG GTTTGCATTT ACGGCTGTAA ATGTATTCAT TCTTAATTTA TGTAAGGTTT 240
TTTTTTTGTAC GCAATTCTCG GATTCTTTTG AAGNAGATGA CAACAAATTT NGGTTTTCTA 300
CTTGTTATGT GAAGACCATT AAGGCCCGAA GCAACAAGNC AATTNTGTAA GGGAAANTNA 360
AAGTTCCTTG CNGTAANCCA AA 382

配列番号:102 配列の長さ:368 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00115

配列:

GATCTGICTC TGCTGTTTAA CTTCATTGGA TTAATCAGCT GGTTTCAACT CTACTGCGAA 60
ACAAAAATAG CTCCTTAAAA GTACTGTTCT CCTTCAGTGG CATGTAGTTA TCTAATCAAG 120
ACACCTCATT CAAACAAAAC CTGCCTTAGG AAAATTTAAT ATATTTNAAA TNATTTTAAA 180
AGAAATACAA CATCTTATTC TTTAGCTTTC TTAATCGGTG CTTTATGGAG GCCAGTGTAA 240
CGNTACATGA CTCGTTGAGA AAGTTGAGGA ATTTCCTCTA CCACCTTTGT TGCTTGAAGA 300
AAAACATGTC TTTTCAAAAT GAGAGGCTTT CATTGAAGAA AAGAAAAAAA CAACAGTTAA 360
AAGCTAAA 368

配列番号:103 配列の長さ:367 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00116

配列:

GATCTCGGAT GACCAAACCA GCCTTCGGAG CGTTCTCTGT CCTACTTCTN ACTTTACTTG 60
TGGTGTGACC ATGTTCATNA TAATCTCAAA GGAGAAAAAA AACCTTGTAA AAAAAGCAAA 120
AATGACAACA GAAAANCAAT CTTATTCCGA GCATTCCAGT AACTTTTTTG TGTATGTNCT 180
TAGCTGTACT ATAAGTAGTT GGTTTGTATG AGATGGTTAA AAAGGCCAAA GATAAAAGGT 240
TTCTTTTTTT TCCCTTTTTT GTCTATGAAG TTGCTGTTTA TTTTTTTTGGG CCTGTTTGAT 300
GTATGTGTGA AACANTTGTN GTCCAACATT AANCAGGANT TTTATTTTNC NGAGTNGTNC 360
TANCAAA 367

配列番号:104 配列の長さ:366 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00117

配列:

GATCTTAGTA ACTATGNATG AAGATGGTGC TTGGCCTGTN CTTCTTGATG AATTTGTTGA 60
GTGGCAAAAA GTCCGTCAGA CATCATAGCA AGAACTATGT GAAGAAAATG CAAACCTTTC 120
AATTCCCACG TGTATACAAG CTAATGTGAT GAGGGGGAAA AAAATCCAAC GGGTGCATTT 180
TCATTCATAT GAAAGACTTC TCATAGTACT TTTTTTTCCN TTTTTTTAAAA GGAGGTTTTT 240
CTTGTTACAT GTGATGGGCA TTGAGCCACA CCNNTTCTTA GACTGAATAT NGAAGTTTTT 300
GTTTTGAGTT ATGTTTATAA CATTTATTC AGAACANTAA TGATTCAGAT TTGTGACAAA 360
GGCAAA 366

配列番号:105 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00118

配列:

GATCCCCGAA ATTGGTGGGC TTGACCTCCT GGCAAATTGC TGCGTCTTTC CACTTGCTGT 60
TCAGGACCAC TAAATGCTGA AATNTGGATG CATACCGAAA TAAAAGNAAT TCATTGTGTA 120
AA 122

配列番号:106 配列の長さ:364 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00119

配列:

GATCTTCAAT ATGAAGACAT GAGCTTTTCT CGCAGGAAAT TTTCTTTTC ACAGAACTGG 60
TGTCAGGAAT CACTGAAGGG CTAACCGTGA TAGTCCTTGC AAGTAAGTCA AGGTTTTATC 120
CTGATTGGAA ATAGAAGACA TTTCCGGTTG AGAGAACAGA TTCGTTGGAA GCTTAACTTT 180
TGTTGCCTCT TAACGCCACC AAATTTTAGG GTAATTTGAT TATGAAAGAG TGAATTTTC 240
TGGACAGAAA AGGGAGAGCT ACCAAATTGT TTTTTCTTT TTAAAAAGGAA GTTTAATGTC 300
CGTTGTATCA CAAATCAGTG TTAAAAACACC AGAACTTTAG CCAAAATAAA TGTCTTACAT 360
TACN 364

配列番号:107 配列の長さ:358 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00120

配列:

GATCAGCAGG GAGTTTATTT GAGGACATCA GTCACCTTTG GGGTTGCCAT GTACAATNAG 60 ATTTATAATC ATNATACTCT TCGGTGGTAG TTTCAAAAAGA CACTACTAAT ACGCAGGAAG 120 CGTTCCAGCT ATTTAATGCT GGCAACTACT GTTTAATGGT CAGTTAAATC TGTGATAATG 180 GTTGGAAGTG GGTGGGGTTA TGAAATTGTA GATGTTTTTA GAAAAACTTG TGAATGAAAA 240
TGAATCCAAG TGTTTCATGT GAAGATGTTG AGCCATTGCT ATCATGCATT CCTGTCTCAT 300
GGCAGAAAAT TTTGAAGATT AAAAAATAAA ATAATCAAAA TGTTTCCTCT TTNCTAAA 358

配列番号:108 配列の長さ:430 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00121

配列:

GATCTGTCTC TGGGGTCCCN CATACAGAGA AATGCATCTT GCTGAACAAG TGACCAATAA 60
TCTTAAAGAA CTTGCACAGC AAGTAACTCC AGGTGATATC GTAAGCACGT ATGGAGTTCG 120
AAAAGCAATG GGGATTTCCA TTCCTTCCCC CGTCATGGAA AACAACTTTN TGGATTTGAC 180
AGANGNNNCT GAAGAACCTA AAAAGACGGA TGTTGCTGAG TGTGGACCTG GTGGAAGTTG 240
AGGCTGCCTG GTATTTGATT ATATATTATG TACATACTTT TTCATTCTTA ACTTAGAAAT 300
GCTTTTCAGA AGATATTAAA TATTTGTAAA TTGTNTTTT AATTAAACTT TGGAACAGCG 360
AATTTGGNTG TCCAGAGGT TGGGCCTTGT ATTAGGGAAA TAAAAGCTTG GACCTGGGCC 420
CTCGTGGAAA

配列番号:109 配列の長さ:357 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00122

配列

GATCACTNGA TATTTTAGTC ATTCTGCTTC TCATCTAAAT ATTTCCATAT NCTGTATTAG 60
GAGAAAATNA CCCTCCCAGC ACCAGCCCCC CTCTCAANCC CCCAACCCAA AACCAAGCAT 120
TTTGGAATGA GTCTCCTTTA GTTTCAGAGT GTGGATTGTA TAACCCATAT ACTCTTCGAT 180
GTACTTGTTT GGTTTGGTAT TAATTNGACT GTGCATGNCA GCGGCAATCT TTTCTTTGGT 240
CAAAGTTTTC TGTTTATTTT GCTTGTCATA TTCGATGTAC TTTAAGGGTG TCTTTTATGA 300
AGGTTTGCTA TTCTTGGCAN TTAAGNTTTT TTAGGNCTTT TTAAANGNGN ANNNAAA 357

配列番号:110 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トボロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00123

配列:

GATCAAGGGA CGGCTGAACA GACTTCCCGC TGCTGGTGTG GGTGACATGG TGATGGCCAC 60
AGTCAAGAAA GGCAAACCAG AGCTCAGAAA AAAGGTACAT CCAGCAGTGG TCATTCGACA 120
ACGAAAGTCA TACCGTAGAA AAGATGGCGT GTTTCTTTAT TTTGAAGATA ATGCAGGAGT 180
CATAGTGAAC AATAAAGGCG AGATGAAAGG TTCTGCCATT ACAGGNCCAG TAGCAAAGGA 240
ATATTTGTAA AAANTAAAAA AAAGCTAAAC CCATTAAAAA GTATTTGTTT TGCAAA 356

配列番号:111 配列の長さ:375 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00124

配列:

GATCCTACCT ATCAAGCACT AAAAAGTTGA ACCATTATAC TTTATATCTG TAATGATACT 60
GATTATGAAA TGTCCCCTCA AACTCATTGC AGCAGATAAC TTTTTTGAGT CATTGACTTC 120
ATTTTATATT TAAAAAAATTA TGGAATATCA TCTGTCATTA TATTCTANTT AANGTTGTGC 180
ATAATGCTTT GGAANAATGG GTCTTTTATA GGAAAAAACC TGGGATAACT GATTTCTATG 240
GCTTTCAAAG CTNAAATATN TAATATACTA AACCANCTCT AATATTGCTT CTTGTGTTTT 300
ACTGTCAGNT TAANTTACAG CTTTTATGGG TGGTTAACTT TTCGTNCATT TTCAAAAAAAN 360
CCNGGGGNNN NNNNN 8 375

配列番号:112 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00125

配列:

GATCTCTGTT TTGTTGTA AAATTCATTT GTATACTTTT GTTTTNATCT AGGACTTCAT 60
GTTTTTTNAA AGCACTGGCA GCCAGGAACA AAAATCAGGA GTGTGGTAGT GGATTAGTGA 120
AAGTCTCCTC AGGAAATCTG AAGTCTGTAT ATTGATTGAN ACTATCTAAN CTCATACCTG 180
TATGANTTAA GCTGTAAGGC CTGTAGCTCT GGTTGTATAC TTTTCCTTTT CAAATTATAG 240
ATTTGAGAAA AAGGACATAT GAGTTTTNC ATTTATTAAT GNAACTNCCT TTGAAA 356

配列番号:113 配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00127

配列:

GATCACATTA TNATAAATAA ATGAAAAAAT GATTTAATCT GTAATAACT GGTTTATTGT 60
GCAGTGACTG TAATATACTA GAGTTATAAT AAATTGTTTA CTCTGCCTCA CCAAACACAT 120
GCTAGGATAT AACCCCCAAA ATAAGTATTT AACTTTTGCAT TAGGTATAAA GGAGACTGGG 180
TGCTATAATN AGATTATTTT GAGGCAGACA GAGAGCTGTT ATCCTAACTG ATTTAGTATG 240
ATAGGGGACA TGTTCTGTGT ATAGCGAATA AATAACTTTT ATAGTATCAC N 351

配列番号:114 配列の長さ:352 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00128 配列: GATCTTGAAC CTGGTGCTCC ATCCATGGNA GCNNAAAGCC TTTGCATCCC CTTCAAACCA 60 CTCTGTGAAC TGCAGCCTGG AGCCAAATNT GTCTGTGGCA AGAACCCTGC CAAGTACTAC 120 ACCTTATTTG GTCGCAGCTA CTGNGGGATG NACGAAAGCC CCCTCTTCAA CTCCTCTCAC 180 TTTTTAAAGC ATTGATATTA GTATCTTCTC AGATACAGAC CGTTTTATGA TTTTTTAAAA 240 AGTAAAAGTT CTAAAATGAA GTCACACAGG ACAATTATTC TTATGCCTAA GTTAACAGTG 300 GATAAAAGAC TTTTCTGTAA ACAACTCCAG TAATAAATAT CATGNACTNA AA 配列番号:115 配列の長さ:348 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00129 配列: GATCAAGTCG TGCTCCTGGC AGGCGCCCC CTGGAGGATG AGGCCACTCT GGGCCAGTGC 60 GNGGTGGAGG CCCTGACTAC CCTGGAAGTA GCAGGCCGCA TGCTTGGAGG TAAAGTCCAT 120 GGTTCCCTGG CCCGTGCTGG AAAAGTGAGA GGTCAGNNTN NTNAGGTGGC CAAACAGGAG 180 AAGAAGAAGA AGAAGACAGG TCGGGCTAAG CGGCGGATGC AGTACAACCG GCGNTTTGTC 240 AACGTTGTGC CCACCTTTGG CAAGAAGAAG GGCCCCAATG CCAACTCTTA AGTCTTTTGT 300 AATTCTGGGC TTTCTTCTAA TAAAAAAGCC ACTTNAGTTC AAGTCAAA 配列番号:116 配列の長さ:344 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00130 配列: GATCTCCCAC AATTAATTTA TCTTTTGACA AAGGGGATAA AGAGTTTCAG TTTAGCTCCT 60 TTTGATTGTA TATNATTTTT TCCTTTTTNA TTGTGAAAAG AGGTAGGTTT TATTTGTGGA 120 GAGAGAGTTG AAGATTAGGG AACCAGTGAT TTTAATTATG CTACTTTTCC TTCTAAGAGA 180 TAAATTGATA TATCATTCAG TGTCATGAAA AACATGAATG TNGTACAATT TTCTNCCTCA 240 AAAAACTTTT TAAATGTAAG TATCCTTATT TNNTTTTTAA AAGAGCACAA TGTAGGTGTA 300 TTTGGGTATT TCCAAGAAAA GANTAAANCC ATTAATGCAG TAAA 配列番号:117 配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00131 配列: GATCTGGGCT CCAAGCCAGG AAAGGTGAAC AGAAACCACA AGTNTCCAGC CCTCGGTGCT 60 GGAGTGGACG TTAATTGTNA GCCACCAGAC TGTCCCGGCA CCTACAGAGA ATGTTTCACA 120 GTTCTGGCAT TTAAATCCTT TGATAGTGGA TTGTGCTGCT GTTAGCCTTA GTTTCAGTGC 180 TTTACAAGTC TCGCTTATNA TCTCATTGGT ATTTAGGTAT ACAAAACAGT TGATTATTCA 240

CCACGCCAAT ATCTGGGTCT CTGTAŢCTCA TGTAGAACAT AAGAAAATGG GAACTAATAG 300

351

## GGAAATTTAT TTATAGCATG AAAATAAACC TGGTGGCTGG AGTCTGCTAA A

配列番号:118 配列の長さ:343 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00132

配列:

GATCCTAAGG CAATAAAAGA ATAAGGAGAT TTGGAAAACC ATTGTCTGTA ATCTCTGAAG 60 AAAAGTGGAC ATTAGGGGAG TCAGTTGAAA AGCAAAGCTA TCACCATTTT CTAAAGAGGA 120 AAAAGGTGAA CCTCACAAAC TATAGACCAA AAAAATAGGA CATCGAGAGA AAGAATATGA 180 AGCTAGCATA GGTTCACAAA GAATGAGTCA AATCAAACAA CATGCATTTT TTATTTATAA 240 AGCATGACTT GTTCATTGTC AATTCATGTT AGCTTAATCA TTAGGCATTA ATGCCATCAC 300 343. TGCAATGCAT ATGTCAGCAA TAAATAATCA AGGCCCGGCT TCN

配列番号:119 配列の長さ:345 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00133

配列:

GATCTTCCCA CAACACCACA GGACTGCAGG GTGCACAACT CCCCTGCCAA GGAAAACCAT 60 GCAGTCCTCC CCTCCCTGGT CTCCTGCTTC AGCTCTGTAC AACGAGGGCA AAGATGCTAA 120 ATCTTGCTTT GCATTCAGTA AAGTGTCAAG TGATTAAGTG TGTATTTGTA CCCTAGATGA 180 TATGAACCAG CAGTCTTGTT TTGGCATCAT CCTCATCATG TTGTATTCCA GCTTCTTAAG 240 TGGAAGGAAA AGAGTGCTGA GAAATGGCTC TGTATAATCT ATGGCTATCC GAATTCTCTG 300 AAAAANTANT AAAAGTCCCC TCTNTTATAT GAGCCTGTAC AGAAA

配列番号:120 配列の長さ:358 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00134

配列:

GATCCCCCCT CTCGAGGGCG ATGAGGATGC GTCTCGCATG GAAGAAGTCG ATTAGGTTAG 60 GAGTTCATAG TTGGAAAACT TGTGCCCTTG TATAGTGTCC CCATGGGCTC CCACTGCAGC 120 CTCGAGTGCC CCTGTCCCAC CTGGCTCCCC CTGCTGGTGT CTAGTGTTTT TTNCCCTCTC 180 CTGTCCTTGT GTTGAAGGCA GTAAACTAAG GGTGTCAAGC CCCATTCCCT CTCTACTCTT 240 GACAGCAGGA TTGGNTGTTG TGTATTGTGG TTTATTTGAA TTNCCTTCAT TTTGTTCTGA 300 AATTAAAAGT ATGCAANAAT AAAAGAATTA TGCCCNTTTT TNATACAANA NNAANAAA

配列番号:121 配列の長さ:350 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00135 配列: GATCTTCATG CCCTGGGTTC TGCCCGNACG GACCCNCATC TCTGTGACTT CCTGGAGACT 60 CACTTCCTAG ATGAGGAAGT GAAGCTTNTC AAGAAGATGG GTGACCACCT GACCAACCTC 120 CACAGGCTGG GTGGCCCGGA GCTGGGCTGG GCGAGTATCT CTTCGAAAGG CTCACTCTCA 180 AGCACGACTA AGAGCCTTCT GAGCCCANCG ACTTCTGAAG GGCCCNTTGC AAAGTAATAG 240 GGCTTCTGNC TAAGGCTCTG CCTNCAGNCA ATAGGNANGC TTTTTTAACN ATCCTAACAN 300 350 GGNTTGGGAC CAAATGGNAA TAAAGNTTTG TNGATGCAGG AGATATGAAA 配列番号:122 配列の長さ:338 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00136 配列: GATCTGAGCT GAATTTGAAG ACTATTAATA AGTTATGTTT GGAAGTTTTA ACTTCAATGA 60 AGTAATTATT TGCTGTGAAA GAAACAAACA TTGAATTACT AAACAAAGAT GGTGCAATAT 120 CTTTGTTTTT TTTTTATGAG GCTCCTGAGA ATCAACCCAA CTGAAGCATT TCAATTCACT 180

TGAATGAGAA ACGTGTTTAG TATCAAAAGA GCCCAAGAAG ACACTGGTGT GAAAGGTACA 240 NTCTCAGAGG TTGGTCAATT ACCGTGGCAC ANTTTCTGGT CACTTTGTAC AATGTAGATT 300

配列番号:123 配列の長さ:337 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

TGAAGTACAG TGGTGAAAAC ATTAAATGTG ACATTTGN

クローン名:HUMGS00137

配列:

GATCAAAAAA CATGAGGNAG AAGAAGCCAA AGCTGAGCGT GAGAAGAAGA NNAAAAGAAC 60
AGAAAGAAAA GGATAAATAG AATCAGAGAT TTTATTACTC ATTTGGGGCA CCATTTCAGT 120
GTAAAAGCAG TCCTACTCTT CCACACTAGG AAGGCTTTAC TTTTTTNAAC TGGTGCAGTG 180
GGAAAATAGG ACATTACATA CTGAATTGGG TCCTTGTCAT TTCTGTCCAA TTGAATACTT 240
TATTGTAACG ATGATGGTTA CCCTTCATGG ACGTCTTAAT CTTCCACACA CATCCCCTTT 300
TTTTGGAATA AAATTTGGAA AATGGAAATN AAGGAAA 337

配列番号:124 配列の長さ:336 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00138

配列:

GATCACCATT TGAGATACGC GGCTTAACGC ACATGTGAGT GTAGCTTGCT ACATGAAAAT 60 GCTAGGCTCT AGGGCATGTA AAACATGAAT ACAGAATACT AGATTGTTCT AAGTAATGTC 120 ATTTCGGTTT GTGANTTTGA TTTTTCCCTT CATTTCATGT CATATTGNAA ATGCAAACAA 180 ACTGCTCTCA AGAACACCCA GAAGCTATCT GTGTTACCAG ATGTGTTGTG NACACTCTAC 240 TNTTTTCAT AGGTGCTACC TGGNAATATA TGTCCATTGT AGTGGTGGNG NGGGNCTNGA 300 CTCTNTCAGG CTCTTNTCTN GCCAGNTGNC TNCNGN 336

配列番号:125 配列の長さ:338 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00139

配列:

GATCTGGGCT GCAGGAGCTG GGGCCACCCA CAGCCCCCT ACCGACCTGG TGTGGAAGGC 60
ACAGAACACC TGGGGCTGCG GGAACAGCCT GCGTACGGCT CTCATCAACT CCACTGGGGA 120
AGAAGTGGCC ATGCGCAAGT TGGTGCGCTC AGTGACTGTG GTTGAGGACG ACGAGGATGA 180
GGATGGAGAT GACCTGCTCC ATCACCACCA CGTGAGTGTA AGCCGCCGTT GAGGCCGAGC 240
CTGCACTGGG GCCACCNAGC CAGGCCTGGG GGNAGCNTTT CCCNAGNNTN CNNGTGCCAA 300
AANTTTTTTN ATTAAAAGAT TGTTTTGGGA ACTTTAAA

配列番号:126 配列の長さ:347 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00140

配列:

GATCAAGCAG ATTCCACGAA TCCTNCGGAC CAGGTTTAAA TANGGCAGGA AAGTTCCCTT 60
CCCTGCTCAC ACACAACGAA AACATGGTGG CCAAAGTGGA TGAGGTGAAG TCCACAATCA 120
AGTTCCAAAT NAAGAAGGTG TTATGTCTGG CTGTAGCTGT TGGTCACGTG AAGATGNCAG 180
ACGATGAGCT TGTGTATAAC ATTCACCTGG CTGTCAACTT CTTGGTGTCA TTGCTCAAGG 240
AAANCTGGCA GANTGTCCGG GCCTTATATA TCANNGNGCA CCATGGGCAA NGCCCCAGCG 300
GCTTATATTT AAGGCACATT TTNNATAAAT TCTATTNACC CGGTAAA 347

配列番号:127 配列の長さ:335 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00141

配列:

GATCAGTTGT AATCAGAATA CAACTGNGTC TTGTAGTTGT AATATGTTCT ATCTTAACCA 60
CCACTTTCGT ACCAGGAACC TGCTCAGGTT TGTTCTCTAG AAGCTCCCAA CATAGATAGT 120
CTACATTTCA GACTACTAAG TTATTAACAA ACCCTTTGGG CCCATGTTCA CTTTAGGGTT 180
GAGCATAGTG TGAGGAGATG TAAATTAAAT TATAATCCTA TATGTGTGTG TAATAAATAT 240
TAAAGTGTAT AAATTAAACA GCAGATTCTA AGTATCCAAC AAGAGTCAAA TAAATGATAC 300
AAAGTCACCA AATAAATAAT ATTTAATCTC ATCTN 335

配列番号:128 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00142

配列:

GATCTAGTTA AAGTTATTCA ACAGGAGTCT TACACATATA AAGACCCAAT TACAGAATTT 60
GTTGAATGTT TATATGTTAA CTTTGACTTT GATGGGGCTC AGAAAAAGCT GAGGGAATGT 120
GAATCAGTGC TTGTGAATGA CTTCTTCTTG GTGGCTTGTC TTGAGGNNNN CATTGAAAAT 180
GCCCGTCTCT TCATATTTGA GACTTCTGT CGCATCCACC AGTGTATCAG CATTAACATG 240
TTGGCAGATA AATTGAACAT GACTCCAGAA GAAGCTGAAA GGTGGATTGT AAATTTGATT 300
AGAAATGCAA GACTGGATGC CAAGATTGAT TCTAAATTNA GGTCATGTG TTATGN 356

配列番号:129 配列の長さ:333 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00143

配列:

GATCAAAGNA CTCTGACTGC AGAACTGCCG CTCTCAGTGG ACAGGGCATC TNTNACCCTG 60
AGACCTGTGG CAGACACGTC TTGTTTCAT TTNATTTTTG TTAAGAGTGC AGTATTGCAG 120
AGTCTAGAGG AATTTTNNTT TCCTTGATTA ACATGCTTTT CCTGGTTGTN ACATCCAGGG 180
CATGGCAGTG GCCTCAGCCT TAAACTTTTG TNCCTACTCC CACCCTCAGC GAACTGGGCA 240
GCACGGGGAG GGTTTGGCTA CCCNTGCCCA TCCNTGAGCC AGGTACCACC ATTGTAAGGA 300
AACACTTNCA GAANTTCAGC TGGTTCCTCC AAA 333

配列番号:130 配列の長さ:332 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00144

配列:

配列番号:131 配列の長さ:332 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00145

配列:

GATCTGTGAC CTTACCCCCA AACCTGTNCT CTCTGAAACA TGTGCTGTGT CCACTCAGGG 60 TTAAATGGAT TAAGGGCGGT GCAAGATGTG CTTTGTTAAA CAGATGCTTG AAGGCAGCAT 120 GCTCCTTAAG AGTCATCACC ACTCCCTAAT CTCAAGTATC CAGGGAGACA AACACTGCGG 180 AAGGCCGCAG GGTCCTCTGC CTAGGAAAAC CAGAGACCTT TGTTCACTTG TTTCTTTGTT 240 CACTTGTTTA TCTGCTGACC TTCCCTCCAC TATTGTCCTA TGACCCTGCC AAATCCCCNT 300 NTGATGAAAA ACACCCAAGN ATANTCANTA AA 配列番号:132 配列の長さ:333 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00146 配列: GATCGAGGTT GTTTGCAACG ACCGTCTGGG GAAGAAGGTC CGCNTTAAAT GCAACACGGA 60 TGATACCATC GGGGACCTTA AGAAGCTGAT TGCAGCCCAA ACTGGTACCC GTTGGAACAA 120 GATTGTCCTG AAGAAGTGGT ACACGATTTT NAAGGACCAC GTGTCTCTGG GGGACTATGA 180 AATCCACGAT GGGATGAACC TGGAGCTTTA TTATCAATAG ATGAGAATCC TCATCTTNCT 240 GCCCCGCTNT CCNNCTNCCA TCCTCATCCC CCACANTNGG GATAGATGCT TNGTTTGTAA 300-333 AAACTCANCN NAATAAAGAC TTAGATGTTG AAA 配列番号:133 配列の長さ:330 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00147 GATCAGGTCT GTAAATGTGT ACTAAAAAAA TNAGAGTTTA TTTATAAACA AAATAGTTTA 60 TTTAAAGAGA AGGTCTCTTC CTTATTGATA TCATGGTATG CATTAATTCC ATTTGTTACT 120 ATTGTGCACA AAAGCCCTGT TCACAGGGGA ATGGTGTAAA CATTTATACT GTTTTGTTCA 180 CTGTATTTAG TAGACATAAC TGTTGAATAG TTACTGAATC ATGATGTAAA GAATATGTGA 240 CCATCTTCAG GTATGGGATT TCTGAACGTT TCAAATTTCA ATCAATGAGC ACTGTCAACA 300 330 CCCACAGGNG AGAATAAAAT TACCTGTGCN

配列番号:134 配列の長さ:326 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00148

配列:

GATCGAACCA CTGCACTCCA GCCTNGGTGA CAGAGAGAG CACTGCCTTN GAAAAAAAAA 60 GAATCTCACT CACTATCTAG AGAGGATTGT CAGANTATTC ACGATTCAGN TCTTGAAACT 120 TTGATTATGC AAAAGAGGTA TATATAAATA TTTCATTATG ATTCAGGTTT TAGGCTTTGC 180 AGCTTCTATA AGGTGTTCTC AGGTGGCCCT TGTACNNCTN AAAGCATCCT TTAGGAAATN 240 CTTTAAGGGN GGCTTTNTAT AAGGAATAGG NGGNTGTTGA ATTTTTACAG GGGGGTTTGG 300 326 GTCATTNAGN CCCCGATTNT GTANGN

配列番号:135 配列の長さ:325 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00149

配列:

GATCATGANC TCTGAAAAAA AGAGAAACCT TATCTTTNCT TTGTGGTTCC TTTAAACACA 60 CTCACACACA CTTGGTCAGA GATGCTGTGC TTCTTGGAAG CAAGGNCTCA AAGGCAAGGT 120 GCACGCAGAG GGACGTTTGA GTCTGGGATG AAGCATGTNC GTATTATTTA TATGATGGAA 180 TTTCACGTTT TTATGTNAAG CNTGACAACA CCAGGCAGGT ATGAGAGGAA AGCAAGGCCC 240 GTCCATNGCT GTCCGTACNC TTACGGNTTG CTTGTNGGAG NCATTTNGGT ATTGTTTGTT 300 325 GTAANANCCA AAANGGGCTT TGGNN

配列番号:136 配列の長さ:326 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00150

GATCNACGCT GTGCCTTGGC AGGGCACAAT GACCTTGTCG AAATCCACCT GTCAGGACGC 60 CTAGGGGTCT GTACCGGGCT GGCCTGTGCC TATNACCTCT NATGCACACC TCCCACCCCC 120 TGTATTCCCA CCCCTGGACT GGTGGCCCCT GCCTTGGGGA AGGTCTCCCC ATGTGCCTGC 180 ACCAGGAGAC AGACAGAGAA GGCAGCAGGC GGCCTTTGTT GCTCAGCAAG GGGCTCTGCC 240 CTCCCTCCTT CCTTCTTGCT TCTNATAGCC CCGGTGTGCG GTGCATACAC CCNCACCTCC 300 326 TGCAATAAAA TAGTAGCATC GGCAAA

配列番号:137 配列の長さ:324 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00151

GATCAAGNNG CCCTGGAGGC GGTGGGCGGC ACCGTGGTTC TGGAGTAGCC TCCAGCTCGG 60 AGGACTTGTN TNCAGGGGTC CTGGGCCCCG GNCAAGGTCC CGCCCTCCCG TGGTCACTGG 120 CTCCGCCCCA GCACCAGGCG CCCAGTGGAG CCGTTTGGAA GAATTGCCTG CNGCACGAGC 180 GGGGCCGGAC AGGCGCACAG ACCTACTGTN GCGGGAGGAA GGGGCGGCTG CTGCCTGGTG 240 ACGGCACCCG GANGCCCACC AGGACGCGCC ACCGGTNAAT GTNNCTCTNG TGGCTGCTGA 300 GAAAAATACA CTGTGCAAGT CAAA

配列番号:138 配列の長さ:323 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00152

配列:

GATCTCAGCT TTTGGTTTCC CATGATACCA TCTCTAGGGG TAGCAGCTGG CTATAATAAC 60 TAATGTCTGG ATTATCCTAA CTCTTCTGTT TGTNCTTTCA GGTATTTAAC AATGTTGTGA 120 CTAATTGGCT TCCATTATTT CCCTAGAGTA GGTTCTGTTA TNACCCTGGA ATATGTTTGT 180 AATAGAGTGG GCTATTACAA TCATCTAGGA TAAAGATAAT CGTGGCTTGG AATAAGGGTG 240 GTAGCAATGG AAGTGATGAG AAGTCATTAG ATGCAGAATA TATTTTATAG ATGGANTGTG 300 323 ATAAANTAAA AAATAAACTG GGN

配列番号:139 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00153

配列:

GATCCATTCT CGGAATTCAC AGAATTTTNA TAACATCTNA CTCTCAGGGG GCATGAAGTG 60 CATAATCTTC CCTAGATTAC AAAAAAQATA TAGATGACGG GTTTGCCTAT NAAACTTCAG 120 TACTACAAGA AACATAAAAT ATTTAAATAT ATGANATTTA AATATATTA AAATTATTAA 180 AGTAATATAA ACATTTTTNA GTGACTGTGT TATGTTTTTC TGGTTATTTT GTTTTCTACT 2400 AGTATATTT TCTGTAAAAA TTGTAAAACT ATATCAGCAA TTTCTAATGC CAANAANGTA 300 322 AAACCTNGTG TGTATAAATG CN

配列番号:140 配列の長さ:323 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00154

配列:

GATCAGAGGC ACAAGTNCAG AGGCTGTGGT CATGCGGAAC ACTCTGTTAT TTAAGATGGC 60 GCATGAAATG TAAAACATCT GATAAAACTT ACAGCCCCCT ACACCAAGAG TGTATCTGTG 180 AAAGAGCTCC TACACTTTGA AAACTTAAGA NTCCCTTNTC ATGAAGTTTG CCTGTNCTAG 240 AATTGTAAGA TTGTTAATTT CCNTCAATCT CTAGTGACAA CACTTAATTT CTTTNCTAAT 300 323 ANAAAAAGCC TNGTNGGTGN AAA

配列番号:141 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クコーン名: HUMGS00155

配列:

GATCAAGTTT AAATGACTGT GCTGCCCCTT TCACATCAAA GAACTACTGA CAACGAAGGC 60 CGCGCCTGCC TTTCCCATCT GTCTATCTAT CTGGCTGGCA GGGAAGGAAA GAACTTGCAT 120 GTTGGTGAAG GAAGAAGTGG GGTGGAAGAA GTGGNGTGGG ACGACAGTGA AATCTAGAGT 180 AAANCCAAGC TGGCCCAAGG TGTCCTGCAG GCTGTAATGC AGNTTAATCA GAGTGCCATT 240 TTTTTTTTG GGTTCAAANG NTTTTTAATT TNTTNGGAAT NGNNCCANTT TTTTNAATTT 300 328 NGCAANTAAA AANGTTTAAA ANCTTAAA

配列番号:142

配列の長さ:369 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00156

配列

GATCTCTGGC AGTGGAGGAA GTCTCTTTAA GAAAATAGTT TAAACAATTT GTTAAAAAAT 60
TTNCCGTCTT ATTTCATTTC TGTAACAGTT GATATCTGGC TGTCCTTTTT ATAATGCAGA 120
GTGAGAACTT TCCCTACCGT GTTTGATAAA TGTNGTCCAG GTTCTATTGC CAAGAATGTG 180
TTGTCCAAAA TGCCTGTTTA GTTTTAAAG ATGGAACTCC ACCCTTTGCT TGGTTTTAAG 240
TATGTATGGA ATGTTATGAT AGGACATAGT AGTAGCGGTG GTCAGACATG GAAATGGTGG 300
GGAGACAAAA TTATACATGT GAAATAAACC TCAGTATNTT AATAAAGTAG CACGGNTTCT 360
ATTTGNAAA

配列番号:143 配列の長さ:324 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00157

配列:

GATCATGAAG GAACACATAG CACCAAGAGA GGCCATGCTA AATCTCGCCC TGTCAGANNN 60
NTCCACACTT CTCCTTTGGG GAAGNCTTCC CTGTCCCCCT AGACTAAGTT AAATATTTCT 120
GCACAGTGTT CCCATGGCCC CTTGCATTTC CTTCTTAACT CTCTGTTACA CGTCATTGAA 180
ACTACACTTT TTTGGTCTGT TTTTGTGCTA GACTGTAAGT TCCTTGGGGA CAGGGCCTTT 240
GTCTGTCTCA TCTCTGTATT CCCAAATGNC TAACAGTACA GAGCCATGAC TCAATAAATA 300
CATGTTAAAA TGGGATGAAT GAAA 324

配列番号:144 配列の長さ:316 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00158

配列:

GATCATTGAA CGAGACAGAA AGCGACCATC CTGGTTCACC CAGAATTGAC ACCAAAGATG 60
TTAAAAAGGAT AACTTCACAG TAAATCATTT CTCCTGAAAT AGAGGAAGAT TCTTTACGTT 120
GTTGTNCTTG TTTTTAAATC ATCAGTATAG TTTAACACAT TCTTTCTAAG CAGTTTTGTG 180
TGGGATAATT TGAAGAATAT ATTATGAGTA ANCTCCGAAA ATTTTGTTTA TCCAAAGGCT 240
CANTGGATTA TGTTTCTATT ATNTACAAGG TTTTAAGTAA ACATANNNTT TCCNGNNCNG 300
AGNTTANAGN NATTN 316

配列番号:145 配列の長さ:323 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00159

GATCTTCATT TTATTGCATT AGTTCATGTA GATGGGCATC TCTATGAATT AGATGGGCGG 60
AAGCATTTCC AATNAACCAT GGTGAAACTA GTGATGAACC TTTATNAGAG GATGCCATAG 120
AAGTTTGCAA GAAGTTTATG GAGCGCGACC CTGATGAACT AAGATTTAAT GCGATTGCTC 180
TTTCTGCAGC ATAGCTTGTC AATAATGGAA ACACCAAAAA CTGTATTATT TGCAACTAAA 240
TTTTCTCTCGC CATACACTAA CTCAAAAATT TTGATATTTT CATTAACTTG ATGATTAAAC 300
TTTATGTGAG TTAANCTTTG AAA 323

配列番号:146 配列の長さ:319 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クロテン名:HUMGS00160

配列:

GATCTTACTG CTTGTNACTT GAATCCCGTG ATTGTNATAC ATCTCTGGTA TAAGCAACAT 60
TTGATTTTTG AAGTGTGTAG ACCATCTCTT CATATTTCA AGATGTAATT TTACATTNCT 120
GCATTTTTAA AACAGTTTGG CCATAATCCT AGATGCACGC TTCTAATTCA TGTACCTGCA 180
CATGTGACCT TTGTGAACAG NAATTTGCAT GNATAATTNG TGTTTACTTG TAACTNTCTG 240
GTTATATACT GCTTATATCT GTGGATTCAA GTTACTGAAG TGGANTNCCA ATAGAAAGNA 300
ANCCCTAGGC CATGTTAAA 319

配列番号:147 配列の長さ:316 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00161

配列:

GATCTCTGAT TACCAGCCTG ACATCAACAA ATCCCCTCAG TTACAACGTA TAGGTTAAAC 60
AAAGCTTTTA AAAGCTCATG TGGTATGACC TCAAGGTTGC TAACCTGGTC ACTCATGGTA 120
ATNAGAAACT CTGATTGGCA GCTTTGTATT TCTTGACTAA AAACCTAAAT AAACTGATTA 180
GGTTTTAGGC GTTCTTTCAA AGAGGTTCTT GAGAAGATTG AGAACTATCC TATTTGGTGC 240
TTAGTGAAAA GATTTTGAAT TACTGTACGT ACCAGTTGTT GCCATTTCTT TATTAAATTC 300
AGAAGTTTTT TTGCCN 316

配列番号:148 配列の長さ:319 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00162

配列:

GATCTTGGAC AGCNTGGGTA TCGAGGCGGA CGACGACCGG CTCAACAAGG TTATCAGTGA 60
GCTGAATGGA AAAAACATTG AAGACGTCAT TGCCCAGGGT ATTGGCAAGC TTGCCAGTGT 120
ACCTGCTGGT GGGGCTGTAG CCGTCTCTNC TGCCCCAGGC TCTGCAGCCC CTGCTGCTGG 180
TTCTGCCCCT GCTGCAGCAG AGGAGAAGAA AGATGAGAAG AAGTAGGAGT CTNAAGAGTC 240
AGNTGNTGNC ATGGGATTTG GCCTTTTTTG GTTAAATTCC TGNTNCNCTG CAAATAAAGG 300
CTTTTTTTAC AGANGTAAA 319

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

配列番号:149 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00163

配列:

GATCAATGCC CTCATTAAAG CAGCCGGTGT AAATATTGAG CCTTTTTGGC CTGGCTTGTT 60
TGCANAGGCC CTGGNCAACG TCAACATTGG GAGCCTCATC TGCAATGTAG GGGCCGGTGG 120
ACCTGCTCCA GCAGCTGGTG CTGCACCAGC AGGAGGTCCT GCCCCCTCCA CTGCTGCTGC 180
TCCAGCTGAG GAGAAGAAAG TGGAAGCAAA GAAAGAAGAA TCCGAGGAGT CTGATGATGA 240
CATGGGCTTT GGNCTGTTTG ACTAAAACCT CTTTTATAAC ATNGTNCANT AAAAAGGCTG 300
GAGCTTTAAT AAA 313

配列番号:150 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00164

配列:

GATCCAGAAT CCACGGGGTC TGGAGCATAA GGTTTATCTC AAGTNTCAAT TGANCTGCCT 60
CCTCTTGTNA GGCAGGGACA ACTGGGAGGA TGAGCCCCAA GAGCCTCAAG AACCCAACAA 120
GGTGCCCCTA GAAGACACAG AGACAGATGA NCTTTGGGCA TCCTTGGAGG CAGCTGCCAA 180
GCGGANAGCT CTCGGGTTTG GAGCAGCCCC AAGGAGCTCT CCAAACGAGA CGGAGAAAGA 240
AGAAGCGGCC TGGGTCCACC AGCCCCTGAC GCCCCTGTNN CCACTTTGTA AATAAACTTG 300
CTGAACACCC AAA 313

配列番号:151 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00165

配列:

GATCATCAAC AAAGAAAGTC TGAGAAATTG TCCCGGAATA AAGGGGCCTA AGGAGACATA 60
ACATCTAAAT GTAATGTAGT ATCCTGGATG GACTCCTGCA ACAGAAAAAG AACTTTAAGT 120
AAAAATTAAG GGAATATTAA TAAAGTATGC ATTTTTGGTTA ATAATGTATC AATATTGGTT 180
TATTAGTTGT GACAAATGTA CCAGAGGAAT GTAAAATGTC AACAATAAAG GAATTGGATG 240
TGGGGTCCAT GAGATGCTGT ACTATTTTTG CACTTTTCTT AAATCTAAAC TCTTATAAAT 300
TTAANCATAA AGN 313

配列番号:152 配列の長さ:317 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00166 置列:
GATCTGGCCA TCTACGAGCC AAAGACTTTN AAATCTTTGG CTGCCTTGGC CAGTAGGAGG 60
CGACACGAAG GATTTNCTGC TGCCTTGGGG GATGGGAAGN AACCTGAAGG CATTTTTNCC 120
AGAGTGGTGC AGTACCACTN AGGACTGTTG CTGTATTGAT TAGGAAAAGA GACAGAGTAA 180
TTTNCAGTTT GTTTGATTTA TACTTTTGTT TATCTACAAC CCAATAACAG ACATGAGGGA 240
TGGCCCTGTC TCTCTGGGAC AGAGCCTCAA AGATGATGTC CATGTTTTGT GTGAATGAAA 300
CTCAAAACACT CTTCAAA

配列番号:153 配列の長さ:310 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00167

配列:

GATCCCCTGC CCCCTGTCCC CTGCCTCTTT TCCCAATTCC CTTCCTTATG CTGGACTTTT 60

AAAGCTTAAA AAAAATCCGA TTGAATATAA ATGCCTAATT TCATTCTTTG TGAAATGGTT 120

GCTTCCTCCT GATTCCCTAA TTGTGCTGTG TTCGTGTCTT GCACTGGAAT TCAACATTCC 180

CTTCTCCTTT TGTACTGTGT TGTGCTTGCT GTCTCTCCCG GACANCCTTA AAGACTGTCT 240

TTTTAGCAAA AAATTTCAGT AAAGTGTTTT CTGTAATCTT TTTTTAAAAG GTGAGAACTA 300

ATTATTGTCN 310

配列番号:154 配列の長さ:309 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00168

配列:

GATCACCACG GTTTTCAGCC ATGCTCAGAC AGTGGTTCTT TGTGTAGGTT GTTCAACAGT 60
GTTGTGCCAG CCTACAGGAG GAAAGGCCAG ACTCACAGAA GGGTGTTCAT TTAGAAGAAA 120
GCAACACTAA TGATTCAAAC AGCTTCCTGA ATTTTAATTT TGTGTTGTCT CACAGAAAGC 180
CTTATCATAA ATTCCATAAT TCTAATTAAT TTACCAAGAT AATGTAATTA CATTTGGTTT 240
TGTAAGGTAT ACAGCAGTAA TCTCCTATTT TGGTGTCAGT TTTTCAATAA AGTTTTGATT 300
ATGGGCAAA 309

配列番号:155 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00169

配列:

GATCACATAC AGGGGAAAAG CCCTATGNAA TGTAACACAT GCAGGAAAAC CTTCTCTCAA 60 AAGTCAAATC TCATTGTACA TCAGAGAACA CACATAGGAG AAAANCCTTA TGANTGATTT 120 GGATATTAGA AATTNCCAGC CACAAGTCAG CCTCCATAAT GCNTCAGAGT CTTCACACTG 180 TGGAGANGGG CCTGTTGACA TCCTGATTGT TCANTAACTA TCCACAACCT CGCCTTATGT 240 TACTCCANNG TAACAGTAGG GGTTAANCCC ATAGNCTACA ACACCTNTNG GNTGGCTTTT 300 NTTAGGN 307

配列番号:156 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00170

配列:

GATCCACCAA CTTTGGCCTC CCAAAGTGTT CAGATTACAG GTGTGAGCTG CTACCATGCC 60
TAGCCCCAGC TTCTACTGCT TGANGGCTCT CTTTGGCATC TCCACACATC ATCCTTAGCA 120
GCCCAGACTG CATTTCTGTA GCAGCCTCTT CCCTGGTCTC TTCTTTCAGT CTCTCTGCCT 180
CTAATCCAGT GGCTTTAAGA ATTTTTTGGC TGTGACTTCC AGTAAGAAAT ACAATTTACA 240
TTGTGACCTA GTAAATATGT GTGTAAGATT TATTAACTGA AATAAAAATG TTATGATTTA 300
ATTTTTN 307

配列番号:157 配列の長さ:306 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00171

配列:

GATCTGTCCC TGTGGTGGTG TCTAAGAATC GGACACCTTG GTTTTTGTGT TAGATTGAGC 60
TGGGCAGCTG CAATCAGCTA CTTAATATGC AAATTAGGCA CGTCCCATCT GTGGGTCCTT 120
GTTGGTGGCT AATGAAGTGA GGGGAGGGAG GGATGTCACC CCAAAAGTAG GCCCTCCCAT 180
TGGCTTTGGC CAGGCCAGAC ACTTCACATC GTTTACATGG TTCTGTGTAA TTTTAAAGTT 240
TATGTGTATA AAGCGACGGT TTTCTGTGAA CTGTATATTT TGTAAATAAA TATATTGCTA 300
CTTTGN 306

配列番号:158 配列の長さ:310 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00172

配列:

GATCTTCAGA TAAATTCTGC CATTTTNATT TCACTTCCTG AAAGTNAGGG TCGGCTTGTN 60
AAAAGTTGTT AAACAACATG CTAAATGTGA AATGTCAACC CTCACTCTAA ACTTTCCCTG 120
TTCAGAGCAT CAGATGAAGA CTTCATTGGG TTTTATAGTG GCTTTCTGAT TTTNGGTAGT 180
CCATTGAAGA AGGGAGTTTG AAAGTTGTTG TATACTGTTA ACGATTGTCT GCCCATGTCC 240
TGCCTGAAAT ACCATGATTG TNTATGGAAA GTATCTTTAA TAAAGCTGGA TACAGTTTGG 300
CTTGGAGAAA 310

配列番号:159 配列の長さ:306 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00173

配列:

GATCTACTTT GGAAAAACAA AGGATATCGT CAATGGGCTG AGGTCTGTNC AGACTTTTGC 60
AGACAAATCA AAACAAGAAG CTCTGAAGAA TGACCTGGTG GAGGCTTTGA AGAGAAAGCA 120
GCAATGCTAA ACCTCTGTTT CATGCTAACC AGACACGCCG TGCACTCGTT AGATTCCTTT 180
CTTAGAAAAC TCGTTTTCTG CTCCCTTCCC TCGTCCCTTC CCTCCCCGAC AGGTCACATA 240
ACAGCTGCAT CATTGACCGC ACAGCGCCAT CTCTCCCTGA GAATAAAGCC GATAGCCACC 300
NTCAAA 306

配列番号:160 配列の長さ:329 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00174

配列

GATCTATTGG ACTTTTTTT GCAGGAAGTG CATTCTCTGG TCCTTCCCTA TTTTCTGTTC 60
TGGATGTCAG TGCAGTGCAC TGCTTACTGT TTTATCCACT TGGCCACAGA CTTTTTCTAA 120
CAGCTGCGTA TTATTTCTAT ATACTAATTG CATTGGCAGC ATTGTGTCTT TNACCTNGTA 180
TACTAGCTTG ANATAGTGCT GTCTCTGATT TCTAGGCTAG TTACTTGAGA TATGAATTTN 240
CCATAGAATA TGCACTGATA CAACATTACC ATTCTTCTAT GGAAAGAGAA ACTTTTGATG 300
ATGAAACAAT AAAGNTTTTA AATATCAAA 329

配列番号:161 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00175

配列:

GATCTGAATA AAGCAAATCT GCATAAATGG TAACCAGTAG CTCTACTTTN ATTTTNATG 60
TTGCTTAACT GTTTTATTTG AAGGAAACCT GTGTGATTTA AAAAGTTATA GCTTTTGCAA 120
CTTTATTACT GGTTATATAC ATTTGGCCAT TATNATGTGC AAGCAATTGG AAAAAAAGTC 180
AAGTAAAATGC TTGTTTTTGT AGTAGTTTGT TCTTGTTAAA AATGTTTATA TGATAATGTC 240
TGTAAACAGC ATCACTTTGA TTACAATAGA TGTAGTGTTG TAATAAACTG TTTAATGGGG 300
AAA 303

配列番号:162 配列の長さ:298 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00176

配列:

GATCTCTCTA GCTTTGTCAT AGTTATGTGA TTTTCCTTTG TAGCTACTTT TGCAGGATAA 60
TAATTTTATA GAAAAGGAAC AGTTGCATTT AGCTTCTTTC CCTTAGTGAC TCTTGAAGTA 120
CTTAACATAC ACGTTAACTG CAGAGTAAAT TGCTCTGTTC CCAGTAGTTA TAAAGTCCTT 180
GGACTGTTTT GAAAAGTTTC CTAGGATGTC ATGTCTGCTT GTCAAAAGAA ATAATCCCTG 240

TAATATTTAG CTGTAAACTG AATATAAAGC TTAATAAAAN CAACCTTGCA TGATTAAA 298

配列番号:163 配列の長さ:309 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00177

配列:

GATCTCCTTC ATCCCTCTCC AGAAGAGGAG AAGAGGAAAC ACAAGAAGAA ACGCCTGGTG 60
CAGAGCCCCA ATTCCTACTT CATGGATGTN AAATGCCCAG GATGCTATAA AATCACCACG 120
GTCTTTAGCC ATGCACAAAC GGTAGTTTTG TGTGTTGGCT GCTCCACTGT CCTCTGCCAG 180
CCTACAGGAG GAAAAGCAAG GCTTACAGAA GGATGTTCCT TCAGGAGGGA AGCAGCACCT 240
AAAAGGCACT CTGAGGTCAA GGATGAGGTG GGGAANCCAT CTCAATTAAC CACCATTTTT 300
TGGGTTAAA 309

配列番号:164 配列の長さ:295 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00178

配列:

GATCTCGGTA AAAATCTACC ATTCCCTACA TATTTTCCTG ATGGAGATGA AGAGGAACTG 60
CCAGAAGATT TGTATGATGA AAACGTGTGT CAGCCCGGTG CGCCTTCTAT TACATTTGCC 120
TAACATCTTT GGACGTGGCA GAACCTTACA TATTCTGTGA GCTTCGATGA GCCAGAGTGA 180
TATCATAACC ACCAGAAATC ATACTCTCCT TTCTTAGTCA CAACAAAATC ACACATGTCA 240
TCTTTGTCAA GGGCATAAAT ATATCATTCA TACCCCCATT AAATTTTGTT AGAAA 295

配列番号:165 配列の長さ:289 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00179

配列:

GATCCCCACC CCATGTGTTT TAAAAAGGCA GTAGCCTTTG CAGGGACCTG TCTGTCCCAA 60
CTGTTTGAAC AGTGTGCTCC TCAGATTCTG TGTTCAGAAG NCCCCTGNTG CATTGAGACT 120
TGAAACCTTT GGATAGGGGA AAAAATTATA TATATATATA TNNNTTTGTT CTGTTTGCAT 180
TTCTTAATTT GTGCTTGGAA TGTGTTGATG TGCACAGCTA ATGATTCAAT GCGAGACAAG 240
ATTGGCGTCT GTGTTGTGA GGTTTCAAAT AAAGAGCACT CTTCATAAA 289

配列番号:166 配列の長さ:300 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00180

GATCTGTAAA ATGTGATTTT TTACTTCCAC TTATAATACT TGTGATTGGG GAGGTTTGTG 60 GAAATTCAAT TATGATGAAA AACCTATCTT TTTTGTAATG TTGGCATACT TGGGGAATTT 120 AGTGGCAAAT ACATTCCCCA GCAGGCCTTT TGTTGGTTGC ACTAACTGCA AGGTTGCTGG 180 GAAGTAGAGT CCATTTGGTT GATGAGCTTT GACTGCGGTT TTGGAACCTT ACCTCTCCTC 240 CTTAGCCCAA TATGCTGTCT TGGGTCCTAT TCAAATAAAG TTATTTCTCC TGGTCTCAAA 300

配列番号:167 配列の長さ:292 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00181

配列:

GATCAAAAAA CCATCTCCAC ATTTAAAAGA GATGTAAGGT GTATTCATAG GGATGGTGGC 60 TCAACAAATC AAGCAAACTG GAATCAAGGG GAGGGGGAAG GGAATNAAAT GGAAAGGGAG 120 GCTGATTCCC TTCCCCTGAC TTACCACTAA TTTACTAGGC TACCTACTTT NATGAGTAAC 180 CTCTCACAGC TACCCAGCAC ATGCCACAAT CCTATGCTCT TGCCTTCTTT NATCTGCACT 240 GTGTGAAGGG ACTCTTTTAA ATAAATNAGC AAGTGTCCTA AGCTATGTCA AA

配列番号:168 配列の長さ:292 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00182

配列:

GATCTTGGCT GTATTTAATG GCATAGGCTG ACTTTTGCAG ATGGAGGAAN TTCTTGATTA 60 ATGTTGAAAA AAAACCCTTG ATTATACTCT GTTGGACAAA CCGAGTGCAA TGAATGATGC 120 TTTTNTGAAA ATGAAATATA ACAAGTGGGT GAATGTGGTT ATGGCCGAAA AGGATATGCA 180 GTATGCTTAA TGGTAGCAAC TGAAAGAAGA CATCCTGAGC AGTGCCAGCT TTCTTCTGTT 240 GATGCCGTTC CCTGAACATA GGAAAATAGA AACTTGCTTA TCAAAACTTA AA

配列番号:169 配列の長さ:333 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00183

配列:

GATCCACATG AACGCACGCC TGAGATTTGG CCACTCACCT ATGTTTTGGG TGGATTGCCT 60 AGGAAAGCAA GTCATATGGC CATTGATAGT TCTCATGTAA TTAGTTTTGC TCACCACTAG 120 TACAGATGAC CCGTTTACAC GTGGCTTCCC TCGGAAGCCT CCTCAACAGT AGCTGGTGTG 180 AAAGACTAAA TCAGTAGAGT TGGAAAAGCT TTATAACCGG TGTGTCATAT GCTTGCTATT 240 TAAAGCTGTG TGTTGGTTTT GTTTTTCTGC CACATTCACT AGTTTTTTAA TAAATATTTT 300 333 CCAAAANTGG AAAAAAANAA NNCCCNCNNC CCN

配列番号:170 配列の長さ:401 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00184

配列:

GATCTGGANG GGACACGTCA TGCCTTGGGC CTAGAATACC CTGATGNGAA AAGAGAAGAN 60 AAAGGGAGGC CATATCTACA ACACAGCCTC TCGGCACTGC TGCTCCTTAT TTTAACTTTG 120 THITGGATTG TOOTGTATTT ATCACAGITT CIGITGAACA GCTTTTCAAG TATTTGGGGA 180 GTTTATCTTG CCATCCTCCC CTTCTGGTTC TCTGCACCCA CCTGTCCCAC TGCAGTTCCT 240 TCCGTGCTCT GTGACTTTAA GAGAAGAAGG GGGGAGGGGT CCCGGATTTT ATGTTTGTTT 300 GNTNTTTCTC CTTAGCAGTA GGACTTGATA TTTTCAATTT TGGAAGAACT AAAAGATGAA 360 TAAACTGGGT TTTTTTTGTT GTTTGNTTTT GNAAATTCAA A

配列番号:171 配列の長さ:305 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00185

配列:

GATCGAGCTC GCCTATNAGC AAGTGGCAAA CCCCCTCAAA TAAGCCCCTC CTGGGACTCC 60 CTCAACCCCC TCCATTTCT CCACAAAGGC CCTGGTGGTT TCCACATTGC TACCCAATGG 120 ACACACTCCA AAATGGCCAG TGGGCAGGGA ATCCTGGAGC ACTTGTTCCG GGATGGTGTG 180 GTGGAAGAGG GGATGAGGGA AAGAAATGGG GGGCCTGGGT CAGATTTTTA TTGTGGGGTG 240 GGATGAGTAG GACAACATAT TTCAGTAATA AAATACAGAA TAAAAATCAA GTGTTTTTAC 300 305 **GCAAA** 

配列番号:172 配列の長さ:289 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00186

配列:

\*#

GATCTGAGGC AAGCTGGACA GGAGAGGTGG ATATTTNTTG ATGGAAGAAT TCAAGTTTAT 60 AATCAATTCC CACTTAGCAC CTACTGTGTG CTAGGAACTT GAATGTGTAT GTTTGACAAG 120 TCCTGCTTGG CCTGATGGGT GGGAGANGGA ACCTGAGCCT GGCTGAGATG GCTAGGCGGA 180 GGGCTTTGAA GTCCAAGCAG CTGAACTGGC TGGGTGGGTT TCTACCTTTG AAACTGCAAG 240 ACTINITIE GAGCICITAA TIACAATATO TGATATITIT ACAGTOTGN

配列番号:173 配列の長さ:286 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00187

配列:

GATCCCTACC CTTNCCGTTG GTCTCTNTCG CTGACTCGAG GCACCTAACA TCCATTCACA 60 CCCAACACAG GCCAGCGACT TCTGGGGCTC AGCCACAGAC ATGGTTTGTN ACTNTTGAGC 120 TTCTGTTCCT AGAGAATCCT AGAGGCTTGA TTGGCCCAGG CTGCTGTNTG TNCTGGAGGC 180
AAAGAATCCC TACCTCCTAG GGGTGAAAGG AAATNAAAAT GGAAAGTTCT TGTAGCGCAA 240
GGCCTGACAT GGGTAGCTGC TCAATAAATG CTAGTNTGTT ATTTCN 286

配列番号:174 配列の長さ:290 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00188

配列:

GATCGGGTTC TAAAGGAAAG GGTGGAGAGA TTCAACCAGT TAGCGTGAAA GTTGGAGATA 60
AAGTTCTTCT CCCAGAATAT GGAGGCACCA AAGTAGTTCT AGATGACAAG NATTATTTCC 120
TATTTAGAGA TGGTGACATT CTTGGAAAGT ACGTAGACTG AAATAAGTCA CTATTGAAAT 180
GGCATCAACA TGATGCTGCC CATTCCACTG AAGTTCTGAA ATCTTTCGTC ATGTAAATAA 240
TTTCCATATT TCNCTTTNAT AATAAACTAA TGATAACTAA TGNCATCAAA 290

配列番号:175 配列の長さ:284 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00189

配列:

GATCAAGGCG CGGACGTATC TACGACCACA TCAACGAGGG GAAGCTGTGG AAACACATCA 60
NGCACAANTA TGACAACAAG TAGTTCCTTG GNGGCCCTAT CCAGGCCAGA AGGCCANNGC 120
CACCCAGCAG CTGTTTGCCA GAGCTGGAGC TCAGTTGAAG ATGATGCTCA AGGTACTCTT 180
CATGGCCACC ATTCGTGTTG GAAGAACGNT TTACTNCNNA CAGCTCTTTA CCTTCTGTGT 240
GTTTNAGNTG TTAGNAGATN TCAGGAATAA TGTGATTGCC TTGN 284

配列番号:176 配列の長さ:282 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00190

配列:

GATCAGAACA TGAAATGCCC TCCTAAATGT CAGCTGTTGT CACACAGTAG CTCCAACACT 60
TTGAGCATTT TTAAGGGAGT GGCCTCATTT CACTAGAGAC AAATCTTTAA GAATAGTTCT 120
AAAATTGGGC TTGTGATTTC CATTTCTGAT GTCTCCAGAT TGGCACCCCT TTCTAGTTCA 180
ATGCCTCACG AGATTTTGCC AGGGGCATCC AAGGCAAACA ATCCCAATCT TTCTATATAA 240
ANTGTATTCA AGCAAACATC AAATAANTTT CTGGGATATT TN 282

配列番号:177 配列の長さ:278 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00191

e e	
配列: GATCAGAGTT TGAAATGAAA TGTTTGTCAG GGTGTTGGAA AAATTTTGGT GAGTTCTGCA 60	)
GATCAGAGTT TGAAATGAAA 1011101CAG GGTTTAGAA ATGGCAGAAG TGGAAGATGA 120 CATTTCCCCT GGTTCAGGCT GGGCATGGAC CAGCCTTCAG ATGGCAGAAG TGGAAGATGA 120	)
GCCTACTTGT GAGCGATGTG ACTITAAGGA AATGAAGACT GGGGAAGAAT AATTAGTGTT 180	)
TATAAGACAT TTAAGAGCC CTTTTTCATA TACTGACTCA CTGATGAATC AGCATTNGCA 240	)
TATAAGACAT TTAAGAGGCC CTTTTGATA TAGTAGGCA TATAAGACAT TTAAGACATAAGACAT TTAAGA	3
TINIAIGUAA NAAIAIAAA CCAAAGAGA AATTAGA	
配列番号:178	
配列の長さ:281	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00192	
配列:	0
TAMPAAAAAA APPOPPOPAA AAATATATATATAA AAATATATAAA AAATATATAAAA AAATATATATAAAAAA	٠.
AACAATTGAG GATAATNATG TGAAAGGTTT TAATGATGAT GTTCTACTTC ANATAGTTCA 12	in
CTTTCTACTG AATAGACCAA AAGAAGAAAA ATCACAGCTG TTGGAAAACT GAAAAAGCAT 18	ıo
ATTINATIGA GAACTGTGGG AATATTTAAA TTITACTGAA GGACCAATAA TGATGAGATT 24	11
TGTAACTGTC AACTATTAAA TACATTGATT TTTGAGACAA A 28	-
配列番号:179	
配列の長さ:278	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00193	
和利	~~
CATCACCCC AGGAAGGGCA CAGGGGCTGA GCACIACAGA AGICACATAG GITOTOMAG	60
TATGCCAGGG GCAGAAACAG TACCGGCTCT CTGTCACTCA CCTTGAGAGT AGAGCAGACC 1	20
CTGTTCTGCT CTGGGCTGTG AAGGGGTGGA GCAGGCAGTG GCCAGCTTTG CCCTTCCTGC 1	.6U 340
TGTCTCTGTT TCTAGCTCCA TGGTTGGCCT GGTGGGGGTG GAGTTCCCTC CCAAACACCA 2	240 278
GACCACAG TCCTCCAAAA ATAAACATTT TATATAGN	110
配列番号:180	
配列の長さ:278	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00194	
क्रा हो।	
CATCTACATT AATATCAAGT CTTGACTCCC TACTTCCCGT CATTCCTCAC AGGACAGAAG	60
CASACTOCOT COTCOTTATO TTTGACAGAA GGCATTAGGT TGACAACTTG TCATGATIII	120
CACCETARCE CACCATGATT GTGTTCTCTG CCTCTGGTTG ACCTCNACAA AAACCA11GU	100
AACTGTGACT TINAAAGGTG CTCTTGCTAA GCTTATATGT GCCTGTTAAT GAAAGTGCCT	<b>4</b> 0
GAAAGACCTT CCTTAATAAA GAAGGTTCTA AGCTGAAA	278
<del></del>	

配列番号:181 配列の長さ:277

配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS00195
配列:
GATCTCTCCC CCGTGAAGGA GTTGAGCACA IIAGCAACAA IGIACAIIAA IIIIGGHIII
TCATTTCAT GTTTTATTTT GTAAATATTA TCTGATGTTT GGAGCTTGAG TATACAGACT 120
GTAAATATAG TTCTTGTATT TGTACTAATT CTGATTCTTT TGCTNNCNNG CCTTAGATGT 180
GCAATGCAGA CACTATCTAA CTGTGTGTGG TAACCTTGCG TCACGGAGCT GTTAGTGAAC 240
GAGGTAAAAA TAATAAAGGT ACAGCCAGTG CATCAAA 277
配列番号:182
配列の長さ:282
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS00196
配列:
GATCAAAACN GATTTACGGT GGGGGAGGAA TNTGAGCTGG AGACAATNAC AGGGGAGAAA 60
GTCAAGACAG TGGTTCAGTT GGAAGGTGAC AATAAACTGG TGACAACTTT CAAAAACATC 120
AAGTCTGTGA CCGAACTCAA CGGCGACATA ATCACCAATA CCATGACATT NGGTGACATT 180
GTCTTCAAGA GAATCAGCAA GAGAATTTAA ACAAGTCTGC ATTTCATATT ATTTTAGTGT 240
GTAAAAATTA AATGTAATTA AAAGTGANCT TTNGTTTTTA AA 282
配列番号:183
配列の長さ:277
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS00197
配列:
GATCCAGATG ACCUTGGING LIGGGGIAIA ICICCICGAG GAGGIGGIA GAGGIGGIA
CAAGATATTT CTGAGACATT TAATCATGCC AATGGNCTCA CGTTGGTGTC TAGAGCTCAC 120
CAGCTAGTGA TGGAGGCATA TAACTGGTGN CNNGGCCCGG AATGTAGTAA CGATTTTCAG 180
TGCTCAAACT ATTGTTATCG TTGTGGTAAC CAAGCTGCAA TCATNGANCT TTTGCGATAC 240
TCTAAAATAC TCTNTCTTGC AGTTTCACCN AGNNNNN 277
配列番号:184
配列の長さ:277
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGSO0198
配列:
GATCTGAGAT TTCCGTGTTT GGCTGAACCT GGGAGACCAG CTGGGCCTCC AAGTAGGATA 60
ACCCCTCACT GAGCACCACA TTCTCTAGCT TCTTGTTGAG GCTGGAACTG TTTCTTTAAA 120

277

ATCCCTTAAT TTTCCCATCT CAAAATTATA TCTGTACCTG GGTCATCCAG CTCCTTCTTG 180 GGTGTGGGGA AATGAGTTTT CTTTGATAGT TTCTGCCTCA CTCATCCCTC CTGTACCCTG 240

GCCAGAACAT CTCACTGATA CTCGAATTCT TTTGGCN

配列番号:185 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00199

配列:

GATCGGTTTT TGTTTCCTGC TTACCATATG ATTGTAAATT GTTTTATGTA TTAATCAGTT 60
AATGCTAATT AATTTTTGCT GATGTCATAT GTTAAAGAGC TATAAATTCC AACAACCAAC 120
TGGTGTGTAA AAATAATTTA AAATTTCCTT TACTGAAAGG TATTTCCCAT TTTTGTGGGG 180
AAAAGAGCCA AATTTATTAC TTTGTGTTGG GGTTTTTAAA ATATTAAGAA ATGTCTAAGT 240
TATTGTTTGC AAACATAAAT ATGATTTAA ATTCTCN 277

配列番号:186 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00200

配列:

GATCCTGACA CTGACATGAA GGCAAGCCTT GATTTCGTAT GAACGTTGCT GAAGTGGTAA 60
TTGAGGAAAA CAGTTCCCCA GATTGTTAAG AGTTCACTGA AGATATTGAC ACAATTNNA 120
AAAATCAGTA AAGGAATGTA TATAATATTG CNCTCGTGTT TTACAGTAAG ATTTGTTGCT 180
CTCAGACTGT GTAAAACAAA ATTNATNGNT GTTTTCTGCA TNTTAAAAAA TCTTATTGTA 240
CCANCTGGTA ANCTATTAAN TGCCTATAAN NCTAAA 276

配列番号:187 配列の長さ:275 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00201

配列:

GATCAAGGAN GAAAGANTGA CTTCAAATAT GCCTTGTTAG TGTAAATGTG ACTTNTNGAA 60 CTGTATGAGT ATTTTAAGAT TATTNGAGTA AAGTAAGTTT TAAAAAGCAG TCCCTAATCA 120 TCAAAAAGTAA AAAACTCTTG ATGTAGTCAT ATAACCACAC TAAGAACTCT TCCAGGTGAC 180 TTCAAAAACAT AGGACAGTAC ATCTCTAGTA GANTNTGCCC TGAGAATGAA AAGAATGTAA 240 CAGTGTTAGT ATTTGAATA AACATGTTAT TACTN 275

配列番号:188 配列の長さ:273 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00202

配列:

GATCACTTTT TTTAGAGTGA AGAAAGAACA ANCTTGTTTT TTGTGTTTTT TAAAGGAATA 60 TAAAATAATG AAGGATGTAT AATTGATGCC AAATAAGCTT GTNCTTTAGT CACACCGACG 120 WO 95/14772 PCT/JP94/01916

TCTTATTTTT CCCTTTAGGC CAGTTCTGTT TTTAAGGTGT ACATGGNCAA TGTTACAGTG 180 TAAGAAACTC CATATCCATA TGTNCCCATT CGCATTTTGT ATTGGTTCAT GTATACCATT 240 273 TTTNCAAAAN ANANGGAANA ANNGGNAGTN CTN

配列番号:189 配列の長さ:271 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00203

GATCTGAAAA GCTCACTTTA AACTCATACT ACATTCGTNA CGAGTATTTN ACGTTAACAT 60 AATTGAAÁAG TACAAGGTCC AAGCTGGCTT TCAAATNATG TCTAAACAGA AATGGGACAA 120 ATAGACTTGA AAATAGAAGG GATTTATTCC ACCCCTGCAA GGGTAAGAGT CAGGTGAGAG 180 TCCCTTGGTG AGTCATTTGT ACATCAGTGT CATTTCTTCT TAACCTCTGA AGAAAGATGG 240 271 GCATCAGAAA TAAAGACAAA GCACTATCAA A

配列番号:190 配列の長さ:270 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00204

配列:

GATCTGCCAC GAGGGCAGCA GCCAAGAGGA CTTGCTCTCT CCATGTGAAT GTACAGGGAC 60 CTTGGGGACA ATTCATCGGA GCTGCCTGGA GCACTGGCTG TCATCCTCAA ACACCAGCTA 120 CTGTGAACTC TGCCACTTCA GGTTTGCAGT CGAGCGAAAA CCCAGGCCGT TAGTGGAGTG 180 CCTGGGAAAC CTTGGCCCCC AGATTGGGAG GGGNCTTTTT TTTGGNGANA TGGTNNNTTT 240 270 TGGGTTNTAA ATCNCCNGGG NNCCATNTNN

配列番号:191 配列の長さ:166 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00205

配列:

GATCTCTGAG CTGCCCAGCA TAGTCCAAGA CCTAGCCAAT GGCAACATCA CATGGGCTGA 60 TGTGGAGGCC AGGTATCCTC TGTTTGAAGG GCAAGAGACT GGTAAAAAAG AGACAATCGA 120 166 GGAATGAGGA CAATTTTGAC AACTTTTGAC CACTTGCGCT AATAAA

配列番号:192 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00206

GATCTACATG AGAAGTATAG TGGCTCTACC CCCTGAAAGA GGGTGGATGC AGCTGCTTGT 60

GTTTCTTGGG GTGACTGTCA TTGGTAATAC GGACACAGTG ACCCATCCTC CATCCTATTT 120
ATAGTGGAAG GGCCTTCAAT TGTATCAGTA CTTTNTTTTA AGCTCTGGCA CATTGACCTC 180
TATGTGTTAC CAGTCATTAA TGAGCTGCTG CAGAGGTGAC TATTTGTTTT ACTTTCTTGG 240
ATGTTAACAT TACACTACTC ACTACTCAAT CTCAAA 276

配列番号:193 配列の長さ:273 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00207

配列:

GATCTGACAT TTGACATGAA CACAAAGTTG CTAGATGCTC TTGTTGACTT CCAGCAGATG 60
GGATGGGGGA AACACAGCAG TTCTTGGTAA AGTCCTTTGT AATAATAGTT TGATTTTTT 120
ATTTCGAGAG AATCTTTCAT TTTCCTATGT ATGCTTTTTN CCTTTTTTGC CCAGTTTCCT 180
TATCACTTGC TGTAGATGGC TTATNTNGCA TTCATGCAGA CTATGTTGCA AGTCTGTTTC 240
ATCTAGTAAA CTGAAAATNA TTGCTTAATC AAA 273

配列番号:194 配列の長さ:267 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00209

配列:

GATCCCAGAG AGGGAAGAGA ACCAGGGGCC CTTTTCTCTT TNAGAATTN CTTTTAATCA 60
GCCCACCTTT TGACTCCCCG CCCGCCCCAA TCCATTATNT TTTTCTGCCT TCCGGGTCCC 120
ATCCTTAGAG CTCGAGTCGT TCCTTCCCCT CCTGGATTCC GGGTAGCAGA GGCAGCGCCG 180
CAGGAGGCGG GTGCCCGTTT GTCCCAGGNC TGGGCGTGGT GGAGNNAGGG GTGCTGGAAC 240
AATAAACGGC ACNNNCAAA TGTCAAA 2667

配列番号:195 配列の長さ:384 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00210

配列:

GATCCAAAAC ACTACTCAGC TCTCTTGCAC TGAGGAAATT TTTCCCCCTA CATTGACTCC 60
TGGCCTACAT CAGCCAAACT TAACCTTGGT GGGGTTTGGA TTTGATAGCC AATTAGTTCT 120
GTGCTGGTTG CAAAGAATTG ATATTTAGAT GGTTTTTAAT ACTCAGCAGA TTGTCTTCCT 180
TTATATTGTG TCTTTTTAT GTNGCATGTN GCTTTTGTTA TCAGCCTGAT TTTTTGCTCA 240
GTATATGATA GTNCTGCTGA TGTTTTGTTT ATTGGGCAGA CATATCTTCA TAAGAGTTT 300
TTGGAAAACT CATCAAATTC GATGAATACA TTTTCTTCAT AACCCATTTG GAATTATTCC 360
TAATAAAATG ATAAAATACG TAAA

配列番号:196 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00211

配列:

GATCTAAAAA AATTCAGAAG AAATATGATG AAAGGAAAAA GAATGCCAAA ATCAGCAGTC 60TCCTGGAGGA GCAGTTCCAG CAGGGCAAGC TTCTTGCGTG CATCGCTTCA AGGCCGGGAC 120AGTGTGGCCG AGCAGATGGC TATGTGCTAG AGGGCAAAGA GTTGGAGTTC TATCTTAGGA 180AAATCAAGGC CCGCAAAGGC AAATAAATCC TTGTTTTGTC TTCACCCATG TAATAAAGGT 240GTTTATTGTT TTGTTCCCAC ATTTATGTTG CCTGAAA 2777

配列番号:197 配列の長さ:271 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00212

配列:

GATCGGCGGC GCGCAGNAAC CGCTCCTACA GCAAGCTGCT GTGCGGCCTG CTGGCCGAGG 60
CGCCTGCGCA TCAGCCCGGA CAGGGTCTAC ATCAACTATT ACGACATGAA CGCGGCCAAT 120
GTGGGCTGGA ACAACTCCAC CTTCGCCTAA GAGCCGCAGG ACCCACGCTG TCTGCGCTGG 180
CTCCACCCGG GAACCCGCCG CACGCTGTT TCTAGGCCCG NCCACCCCAA CCTTCTGGTG 240
GGGAGAAATA AACGGTTTAG AGACTAGGAA A 271

配列番号:198 配列の長さ:264 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00213

配列:

GATCCTGTAG TGTTCCTGGA GAAGCTAGAG CCTGATTGTA GGCTACTACT CATCAATTAA 60 CTTCTACAGT GGAGACTACT TCTGGGACTG GAATATAAAA AAGAATCAAA GGTTCTGATT 120 TTNAGTTGCA ATAAAGGGAA AGACCATGCT CATAGCAGTG CCAACATCTG AAGTGTGGAG 180 CCTTACCCAT TTCATCACCT ACAACGGAAG TAGTTAACTG GAAGAGATTA CCAAGAGAAT 240 AAAAAGAGAC TCATTCAGTG GAAA

配列番号:199 配列の長さ:257 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00215

配列:

GATCTGCCTT AAAGAAAAGA AAATTTTAGA AAGAAATATT GTTGCTCAGT GTTGTTAATA 60
TAGCTCAAGA ATTGAGTTTA TATTTGCAGT ATGCTATAAA TGATACCCCC CTACCACACC 120
CACACACACA GTTTTTGTCT AATGAAAATG TTGCTGTGAT TATTTATAAT TGGTAGTATT 180
TCTTCCAGAA GAAGCTAAAA TAAGACTGGC ACTTACCCTG AAGTGCATTA ATAAAACCAC 240
ACTTTAAAAT TAANAAA

配列番号:200 配列の長さ:374 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00216

配列:

GATCAACCTG AGCNTGGAGA ATGCCTGGGG CATTTAACGC TGCGTCATTG ACATCTGCAT 60
GAAGCTGGAG GAGGGCAAAT ACCTCATCCT CAAGGACCCC AACAAGCAGG TCATCCGTNT 120
CTACAGCCTC CCTGATGGCA CCTTCAGCTC TGATGAAGAT GAGGAGGAAG AGGAGGAGGA 180
AGAAGNGGAA GAAGATGNGG ANGAAACTTA AACCAGTGAT GTGGAGCTGG AGTTTNTCCT 240
TCCACCGAGA CTACGNGGGC CTTTNATGCT TAGTGGAATG TNTGTCTAAC TTTGCTCTCT 300
TGACATTTTA GCAGTTGAAA TTAAATTATA TANTCTGTTT TNNGTCTTTT NAAATAAANA 360
AAANNANATT NTGN 374

配列番号:201 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00217

配列:

GATCTGAACT ATTTGCTTTC TCTTCAAGAT AAGTTGTATT TTACCATGGA AAAATACAGT 60
ATCTAACATT ACCATTCACG TTAAATGAAG TTTCCTCATA ACATTTATCT TTAGTTTTAT 120
GAAGTCATCG TGACCAATGT TACAGTAATT TCTGTTAGCT GATTGTGGTA AACAATGTTT 180
AATGNGAAAA GAAATTAAAA CTTTCTTCAT CTGTTGTAGA ATATTTCTCT TCTTTAAAAT 240
GGCTTCTATT CATAAA 256

配列番号:202 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00218

配列:

GATCCCCACT GGAGCAGCCT CTGCAAAAGG GAGCCCATGT AGTGGCCAGG GGCTGTCCAA 60
ACTCCAGCTT CTTCCCCTGG GAAAAAACCC AAAGAACCAA AAACAAACCA CCCCAAGGAT 120
AATAATAGCT ACACTGCTAG CTTCTCAAGT TCTTGTGAAA AACAATTTAC ATAATGACAC 180
AGTAGATGT GAACACCTAG CCAGTGCCTG GGCAGGTCCC TATTATCATA AATGAACATA 240
AAGTGCTCTA AAAACN 256

配列番号:203 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00219

GATCCAAATC AGGAAAAGAC GGCGCCACTA CAATGGAGAA GCATATNAGG ATGATGAACA 60
TCATCCCAGA GGTGGTGTTC AGTGTCAGAC CTCTTAATGG GCCAGTGAAT AACACTCACT 120
GCTGGCATTT AATGTGCAGT AGTGAATGAG TGAAGGACTG TAATCATAAT ATGCTCACTA 180
CTTGCTCTTG TTTTTGTTTT AATAAACTAT AGTAGTGTTA TAANNNGTTA AATGAAGAAT 240
AAACGCAAAT ATAANAGCTC TGAAA 265

配列番号:204 配列の長さ:253 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00220

配列:

GATCTAAAGA GACACTTAGA GACTCTTGGG GACCTCAGAT TTCCACCNCT CCACAGCATT 60
CTGCCTACAC AGTTCCCCTC ATTTTNCCTA GTTACTCGGA AGAGCGCTGG ACTTGAAATC 120
AAAATAATTG CGTTATGTCT TTGGTTATGT CGCTTCATCA TAGCACTTTC TAAAACTATT 180
TGACAAACAT GTATTGCATA CCTACNGCAT TCCAGTTCTN GTACANGTAA TTAAATGCTC 240
GACTAACGNN AAA 253

配列番号:205 配列の長さ:253 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00221

配列:

GATCTGGAAT TGGACATTC TCTGTCAGAG CACAGAGGAG GCTCATATCA CCTCTTCCCT 60
CTCCTACTTG GCCCAGCTGC TTGGAGGACC GACCCCATGG CTGAGAATAT NACGGCAAGA 120
GGAACAGAGN TTGCTCCAAG TGGGAAAGGG TCCCAAGCAG TCCAGAGAAG ATGTCTGTGT 180
GGCTTTCCCT CCCTGCCTCC CCCAGCTCCC ACACTGGCCT TTGTAAATAA ATGGCGTGGT 240
CTTTGTTGTG AAA

配列番号:206 配列の長さ:253 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00222

配列:

GATCTGCCGT CTGTCACCTC TCTCCAAGTT GAGACAGGGG CCTGGATTTC AGCCCTTCCT 60
GCCGAGAAAT CTTNTAAATT TCAACCTACC TTTAAAAATA AAGTCTCCCT ACTTAAAATC 120
CAGTAGATAT CATGGCACTA ATGCTAACAC CCCTTTCCCC AAATTAATAA AACAAAAATA 180
AAAAAAAAGAA AAAANTGCAG GCATGCAAGC TTGGCGTANT CATGGNNTNA GCTGTTTCCC 240
NGTCACGGCG TGN 253

配列番号:207 配列の長さ:251 配列の型:核酸

TTAAAACN

トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00223	
配列: GATCGAGACA CGTGATGGGA AGCTGGTGTC TGAGTCCATN ACGTCCTNCC AAGTGAACAG 60	
CTGCGGCAGC CCTCCCAGCC TACCCCTCCT GCGCTGACCC AGAGCCTGGG AAGGAGGCCG 120	
CTATGAGGGT AGCACTGGGA ACAGGAGACC CACCTNAGNC TCAGCCTNGC CTCAGTNTAC 180	
TGGGGAGTTT ACTACCTGGG GCCCANTTGA CATGCTCCAG CTACANACAN TTANTTGCTT 240	
TTTTNTTGGN N 251	
配列番号:208	
配列の長さ:243	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00224	
配列: GATCGATTCT TGTATATTNA TTTTATCTCT TTCTGTATCT ATAGGTAAAT CTCAAGGGTA 60	į
AAATGTTAGG TGTTGACATT GAGAACCCTG AAACCCCATT CCCTGCTCAG AGGAACAGTG 120	}
TGAAAAAAAA TCTCTTGAGA GATTTAGAAT ATCTTTTCTT TTGCTCATCT TAGACCACAG 180	)
ACTGACTTTG AAATTATGTT AAGTGAAATA TCAATGAAAA TAAAGTTTAC TATAAATAAT 240	)
AAA 243	
配列番号: 209	
配列の長さ:249	
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状	*
トホロシー: 直顕仏 クローン名: HUMGS00225	
配列:	
GATCACANTT AATGATTCAG TATAATGTTT GAGGCCAGAC AAGATATATA TTGTGCCTCT 60	_
TACAGCCTTT GGNNCNNTTG TTTCCATTTT TTAAATATCT TCTATATCCA TATAGTATTC 12	0
AAATNATTAA TGCTCATGTA CCAAGGTTTT GCTATAAAAG TTTTGNCTGT ATGAATAATG 18	0
TGGCTTTAGT AAATAATCAT TTTTCAACTG TAAACTTATT CTGAAATAAA GTAAAATTCT 24	0
AATTGTTTN 24	9
च्याच्याच्या	
配列番号:210	
配列の長さ:248 配列の型:核酸	
4.2.0至・後段 トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS00226	
配列:	
GATCATAGAA ATATATGTAA AGTATTCAAT TTTCAATCAT TTTCAAATNA CTGTTATAAA 6	0
TTGTTTTTGC TGAGTTGTAA TACTTTTNAG ATACAATGTA TTCCTTGTAC TGAAAGAATG 12	20 20
AAAAAGGACT TTTTCAGCAT TTGAGGTAAG TNCTTTAACG TTTCATTAAA ANCATTTTTT 18	30

248

ACAAATATTT TGTACATGCA CTTGCAGTAT TGAGGTTAAT CATTTTAATA AATNCGGAAA 240

配列番号:211 配列の長さ:247 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00227

配列:

GATCTCAGCN TTGCAAACAC ANTINCTACA TAGATAGTAC TAGGTATNNT TTAGATATGT 60
AAAGAAAGAA ATCACACCAT TAATAATGGT AAGATTGGTT TATGTGATTT TAGTGGTATT 120
TTTGGCACCC TTATATATGT TTTCCAAACT TTCAGCAGTG ATATTATTTC CATAACTTAA 180
AAAGTGAGTT TGAAAAAAGAA AATCTCCAGC AAGCATCTCA TTTAAATAAA GGTTTGTCAT 240
CTTTAAA 247

配列番号:212 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00228

配列:

GATCAAAACA AACAATCCAG ATGTATAAGT ACTAGGCAGA AGCCAATTTT AAAATTTCCT 60
TGAATAATCC ATGAAAGGAA TAATTCAAAT ACAGATAAAC AGAGTTGGCA GTATATTATA 120
GTGATAATTT TGTATTTTCA CAAAAAAAAA NGTTAAACTC TTCTTTTCTT TTTATTATAA 180
TGNCCAGCTT TNGGTATTTC ATTGTTACCA NGTTCTATTT TTNGANTAAA ATTGTTCTCC 240
TTCTAAANGT TTTAAA 256

配列番号:213 配列の長さ:244 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00230

配列:

GATCGGCAAG CCCCACACTG TCCCTTGCAA GCCAAGGCCA CCTTTNATGC CATTTCTAAG 60
ACCTACAGCT ACCTGACCCC CGACCTCTGG AAGGAGACTG TATTCACCAA GTNTCCCTAT 120
CAGGAGTTCA CTGACCACCT NGTCAAGACC CACACCAGAG TCTCCGTGCA GCGGACTCAG 180
GCTCCAGCTG TGGCTACAAC ATAGGGTTTT TATACAAGAA AAATAAAGTG AATTAAGCGT 240
GAAA 244

配列番号:214 配列の長さ:243 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00231

配列:

GATCAGATTG GGTCCTGCTC CTCTCAACCT TGAAGTCCCC ACGTATGAGT TCACCAGTGA 60 CGATATGGTG ATTGTTGGTT AAGAGACTTG GACTCAAGTC ATAGGCTTCT TTCAGTCTTT 120 ATGTCACCTC AGGAGACTTA TTTGAGAGGA AGCCTTCTGT ACTTGAAGTT GATTTGAAAT 180 ATGTAAGANT TGATGATGTA TTGGCAAACA TTAATGTGAA GTAAATNGAA TTNAATGTNG 240 243 AAA 配列番号:215 配列の長さ:243 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00232 配列: GATCGCCAGT GGAAGAAGAT TAGTGCAATC ATTGAGAAGA GGAAGAAGAT GGAAGCTGAT 60 GGGGTTGAAG TCAAAAGACC AAAATACTAA TCACTAGTTA CAACCAGAGA TGCTCCACAA 120 GGATATGCTC CCCACGGTTT TCTTTCTACA ATTTCCAAAG GTTGCAAGAT GTTTTTTTGT 180 GGATGAATAT AAAATTTTAT TGTGTAATTA CTTGGTTCCA TTAAAATTGG TTAACTTGCT 240 AAA 配列番号:216 配列の長さ:243 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00233 配列: GATCGTAGAT GTTAACCAAA TCTACAAAAT CCACTACTCC CCCGTTATCA ACGGGATACG 60 TTCCAAGACC CCCAGTGGAT GCCTGAAACT GGCTAATGCT GAACCCTACA TATACTATGT 120 TTTTNCTGTA CATATATATG ATAAAGTTTA AATNATAAAT NAGGTACAGT AACAACAATA 180 ACAGTAAAAC AACAGTTATA ACAATATACT GTAATAAAAG TCATGTGAAT GTGGTGTTTC 240 243 TCN 配列番号:217 配列の長さ:242 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00234

配列:

GATCTTCTCC AGATTGGCAG AAAGTTGATA TAGGTGGACT TTTTTACAGG TCAGTTGAGG 60
CAAAAAACTA TGGGTTTTTT CAGGTGAACC TCCCCCATTT AAATACTCAG AAGATAAGGT 120
CTGAATGTAT GTATTATTAG AGTCCTAAAG TATTTTATAA GTACTGGTTT CACCACGCTT 180
TGTGGGAGAG AAATCATTCA AATCATTTT TTTGTCCGTA CAATAAAGTT TACTAAAAAC 240
CN 242

配列番号:218 配列の長さ:238 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00235

GATCTTCGTG ATACTGTACA TAGCTGTTTG AAATGCCAGA ATGACTTCTG ACATNCCAAG 60
TTTTTCACAA AATATATTTN ATCTGTGATT AGCCATTTGA CTAATAATAC TGGCTAACAG 120
ATGTTGAAAA AAATTGTCTG TTTTCTCATT AATTTTGGTC TAAAACATGT TTGCACTTGT 180
NTTTGACTTG TGTTTTATTA ACATTGATTG GCATATTAAA AGTCACTCNG AGCTTAAA 238

配列番号:219 配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00236

配列:

GATCCAAANN ATGACTTCAG AAAAAACTTG AAAGTAACAG CAGTGCCTAC ACTACTTAAG 60
TATGGAACAC CTCAAAAACT GGTAGAATCT GAGTGTCTTC AGGCCAACCT GGTGGAAATN 120
TTGTTCTCTG AAGATTAAGA TNGGTAGGAT GGCAATCATG TCTTGATGTC CTGATTTGTT 180
CTAGTATCAA TAAACTGTAT ACTTGCTTTG AATTCATGTT AGCAATAAAT GATGTTAAA 239

配列番号:220 配列の長さ:250 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00237

配列:

GATCAGAGGT GAAGGGACAG AGAGAGGAGA GGAGGAAGAT TGAGCTGGGG GCAACAGCCA 60
AGCTCACCTG GGCAGGTCTC TGCCACCTCC TTGCTCTGTG AGCTGTCAGT CTAGGTTATT 120
CTCTTTTTTT GTGGCTATTT TTAATTGCTT TGGATTTGTT AAATGTTTTC TGTCTTCTGT 180
TAAGTGTGTT TTCTCTGGAG ATAGAATGTA AACCATATTA AAAGGAAAAA GTTTCAGACA 240
AGCAATTAAA 250

配列番号:221 配列の長さ:237 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00238

配列:

GATCAGCTTT GCTCCTGAAA TTGCATCCGA AGAAGAAAGA AAGGGGATGG TGGCTGCGTG 60 GTCCCAGAGG CTGCAGACCA TCTGGAAGGA AGAGCCCATC CCCTGCACAG CCCACTGGCA 120 CTTCGGGCAA TAACTCTGTG GCACGTGGGC ATCACGTAAG CAGCACACTA CGAGGCCCAG 180 GCGCAGGCAA AGAGAAGATG GTGCTGTCAT GAAATAAAAT TACAACATAG CTACAAA 237

配列番号:222 配列の長さ:243 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00239

GATCAGTGTA GAACTGGTCA TAGAGGAAGA GCTAGAAATC CAGTAGCATG ATTTTTAAAT 60
AACCTGTCCT TGTTTTTGAT GTTAAACAGT AAATGCCAGT AGTGACCAAG AACACAGTGA 120
TTATATACAC TATACTGGAG GGATTTCATT TTTAAATTCAT CTTTATGANG ATTTAGAACT 180
CATTCCTTGT GTTTAAAGGG AATGTTTAAT TGAGAAATAA ACATTTGTGT ACAAAATGCT 240
AAA 243

配列番号:223 配列の長さ:232 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00240

配列:

GATCTAATAA CAGGTTGACA TAAGAAATAT TTGTCTCAAA AATCAATGTA TTTAATAGTT 60
GACAGTTACA AATCTCATCA TTGAAAGATT TAATTTTAGT TACCTTTTGT TGATTANNN 120
NNNATTGCAT TTGTATATTG CTAACTGATA AGACAAATTG AGTTATTGAG CTATTAANTG 180
CACATTTTAA TATAANTGCA GAAATCCCAA ATAAAATGCT AACATACTGA AA 232

配列番号:224 配列の長さ:237 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00241

配列:

GATCACCGTG ACATCCGAGG TGCCTTTCTC CAAAAAGGTAT TTGAAATATC TCACCAAAAA 60 ATATTTGAAG AAGAATAATC TACGTGACTG GTTGCGCGTA GTTGCTAACA GCAAAGAGAG 120 TTACGAATTA CGTTACTTCC AGATTAACCA GGACGAAGAA GAGGAGGAAG ACGAGGATTA 180 AATTTCATTT ATCTGGAAAA TTTTGTATGA GTTCTTGAAT AAAACTTGGG AACCAAA 237

配列番号: 225 配列の長さ: 236 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00242

配列:

GATCTTCACT TAANCTAAGT CTGTGAATTA CTTTTATATT ATTTTGAAAN ACTCCTTGCA 60
GTATATTGGC ATGATACAGT AAAAGCANTT TCCACAGATT GTTATCACCT TCTTTAAAAG 120
AAGTCAAAAT TTAAAAAAATA CAATAGCACG TTGTTGGTGT CATATTCAAT AACATTTCCA 180
ATGCTACATA TAATTTTATA GACATAATAA AGAAGGTATT GAAAAAAACTA AATAAA 236

配列番号:226 配列の長さ:227 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00243

GATCGCCACC TACCGCCGCC TGCTGGAAGA TGGCGAGGAC TTTAATCTTG GTGATGCCTT 60
GGACAGCAGC AACTCCATGC AAACCATCCA AAAGACCACC ACCCGCCGGA TAGTGGATGG 120
CAAAGTGGTG TCTGAGACCA ATGACACCAA AGTTCTGAGG CATTAAGCCA GCAGAAGCAG 180
GGTACCCTTT GGGGAGCAGG AGGCCAATAA AAAGTTCAGA GTTCAAA 227

配列番号:227 配列の長さ:205 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00244

配列:

配列番号:228 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00245

配列:

GATCTGCCCA AAGAGGTGTT GGCTGAGCTT NAGGCCCTGG AGAGACGTGT GCACAAAATG 60
TNACCTGAGG CCCTAGTCTA GCAAGAGGAC ATAGCACCCT CATCTGGGAA TAGGGAAGGC 120
ACCTTGCAGA AAATATGAGC AATTTGATAT TAACTAACAT CTTCAATGTG CCATAGACCT 180
TCCCACAAAG ACTGTCCAAT AATAAGAGAT GCTTATCTAT TTTAAA 226

配列番号:229 配列の長さ:228 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00246

配列:

GATCAGCCCC AGATTTGACG TGCAACTCAA AGACCTGGAA AAATGGCAGA ATAATCTGCT 60
TCCATCCCGC CAGTTTGGTT TCATTGTACT GACAACCTCA GCTGGCATCA TGGACCATGA 120
AGAAGCAAGA CGAAAACACA CAGGAGGGAA AATCCTGGGA TTCTTTTCT AGGGATGTAA 180
TACATATATT TNCAAATAAA ATGCCTCATG GACTCTGGTG CTTCCAAA 228

配列番号:230 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00247

配列:

GATCTGCGAC CATTTCTGTA CAACACAAGC TGGCCTTGGC AGTTTCGGTG CATAGAAAAT 60

CAGGTGCTAC AGCTCGAGAG GGCAGAGCCA CAGTCCCTGG ACGCGTGGA CTGAGGCCGG 120
TTCCTTCCTG GAGGCCTCCT GTCCTCGGGG ACCCCAGCAC CTCATCATCA GCATTGCTGG 180
AGCCAAGGGT AGGAGCCCTA CACTAGGAGC CCAGGATGGG ACGGNGNATN AGCCGAGAGG 240
NAGGGAACTT TTNAGTNAAA TTCCTCAAAA AGAGGNTTAG AATAAANCCT TNGGCTTAAA 300
AAGAGAAA 308

配列番号:231 配列の長さ:230 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00248

配列:

GATCCAAAGA CAGACCACAG ACTGGGAAAA GTTGGAAGAT GAACACTTGA GGACTTCAGC 60
TTCTCACCTA CTTAGTACAG TTGGGAACCA TACACTTCTG GCATGTTTGG AAATCAAAAT 120
GTCACATTCT CGGGGGAGGA AGCCCAGAAA ATTGGGTATG TTCTAGAGAT TTACCACCAT 180
TGCTTATTGC TTTTNCTCTT TAATAAAGTT TAGGAAAGTA GAATTTTAAA 230

配列番号:232 配列の長さ:228 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00249

配列:

GATCTAAAGA TTTCTCTATC CAATGAATCT AACAAAGTCA ATGGAAATTG AACTCTAGAA 60
TTGTCTCTAG AAAACATAGC TTCTTACTGA ACTTGAACAT TTTTACAACA TTCACTGGTT 120
TTTGTTTTGT TAGCTAATAA TCTATAATAG TTGAGTATCT CTGGGAATGG GGAGGGAAAT 180
TATATGTAAT AGAGCTTAAA AATAAAGTGT CAATTTCCAA GGNCTAAA 228

配列番号:233 配列の長さ:221 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00250

配列:

GATCAATAAG CATGTCAGAC TGATTAATGT CTACTGTGAA AATTTGGTAG TAAATTTNCA 60
TTTGATATTA GATATAAATA TCTGAATATA AATAATTTNA ATATACTAGT CATGATGTG 120
GTTGTATTTN AAAAATTATC TGCAACCTTA ATTCAGCTGA AGTNCTTTAT ATTTCAAAAG 180
AATGAATAAC ATTGATAATA AAATCGCTAC TTTAAGGGAA A 221

配列番号:234 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00251

GATCTCTATG AATGTCAGAG CCCTAACTTT CAGGCTTTGC ATTTTGTATA TGGGAAGAAA 60
TATGACAATC CTAGGTAATT AAACCATAGA CCCAAAGCCC TTACGTTTGA TGCAATTTAT 120
TTTTAAAATA GGCCTTGTTT TTCAGCTTCA TCTGCAGTTC TATGTGAAGA TTGATAAATC 180
AGTTTTTACT TGTTTTATTA ATAAAACGTA ATTNGGAAA 219

配列番号:235 配列の長さ:287 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00252

配列:

配列番号:236 配列の長さ:222 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00253

配列:

GATCAGAATT GGCAGCACAA AGAAAACGCC CTCTCCTGAC TTGTATTGTG GCAGTCTGAA 60
CGNCCCCAGA AAATTGTGCC AAAGAGTTTA GAAAAATAAA TATACAATAA AAGTAAACAC 120
ATACACACAA AACAGCAAAC TTCAGGTAAC TATTTTGGAT TGCAAACAGG ATAAATTAAA 180
TGTTCAAACA ATCTGATAAA ATAACCATTT GGGNCTTGNA AA 222

配列番号:237 配列の長さ:221 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00254

配列:

GATCATCTTT CCTNTTCCAG AGAAGTGGGC TGGATGTCTC CATCTCTGTC TCAACTTTAC 60
GTGTACTGAG CTGCAACNTC TTACTTCCCT ACTGAAAATA AGAATCTGAA TATAAATTTG 120
TTTTCTCAAA TATTTGCTAT GAGAGGTTGA TGGATTAATT AAATAAGTCA ATTCCTGGAA 180
GTTGAGAGAG CAAATAANGT CCTGAGAACC TTCCAGACAA A 221

配列番号:238 配列の長さ:217 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00255

GATCAGACGT TTTACAAATN CATGAAGCGA ATTGCTGCTT GTAAGGAGCA GATTTTAAGG 60
TATTCCTGGA GTGGAGAGCC ACTCTTTTA ACCTGCCCTA CATCAGANGT CACCGAGCTC 120
CCAGCCTGCA GCCAGTNTGG AGGCCAAAGG ATATTNNATT TTCANCTTAT GCCAGCNCTG 180
GTCAGCATGC TCAANAGTGC TANTTTAGGT CTTNCTN 217

配列番号:239 配列の長さ:217 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00256

配列:

GATCTCTCTG AGTCCTGGCA ACATCCAGCA AAACTACTGC TTATTCTCCA AAGAATATTG 60 GGAGCTCTCA ATCCTCGGTG ATATGGGAAA GAGAACTGAG TATTTGCCCT ATGACTGAGC 120 TTTCTATAGG AATTTTATTA AAGAATGTTT AATTTNGTTG TCCTNCTNAA TGTTCTCAGT 180 CAAATAAATG AGTGAGCTGG TTTCGGCTGC TCTTGGN 217

配列番号:240 配列の長さ:216 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00257

配列:

GATCCCATGG ACATTTGGGG AAAGGGCTCC TTGGGCTGCT GGTGAACTTC TGTGGCCACC 60
ACCTCCTGCT CCTGACCTCC CTGGGAGGTG CTATCAGTCT GTCCTGGCCT TTCAGTTTTA 120
TAAGTNGNTT CCAGCCCCAG TGTCCTGACT TCTNCTGCAN AATAGGAGGG AGGCCTCCTT 180
TTNGGANGGN NGTACTTTGG GNGATAGTGN GGCCTN 216

配列番号:241 配列の長さ:220 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00258

配列:

GATCTTTTAA GTTTCCTTCC CTACCCAGTC CCCATTTTCT GGTAAGGTTT CTAGGAGGTC 60
TGTTAGGTGT ACATCCTGCA GCTTATTGGC TTAAAATGTA CTCTCCTTTT ATNTGGTCTC 120
TTTGGGGCCG ATTNGGNGAA AGCGAAATCA NTAGTGCAAC TGTTTTGATA CTGAATATTG 180
ACAAGTGTCT NTTTNAAATA AAGACCCANT CCCTTCCAAA 220

配列番号:242 配列の長さ:223 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00259

配列:

GATCACTAAT CAATAATCTG ATATTTAACA AAATATGGAC AGGCCACTTA TGCTCAGTTT 60

TACCTTAGTT ATTCCTTGGT ATCCACAGGC CCAAGTCCCT TTAAATAAAA TACCCTCATA 120
TTTCCATATA ATCTACATAC ATTCTCCCAT ATACTTTAAA TCATCTCTAG ATTACTNATA 180
ATGTCTAATN CAAAATAAAT GCTATGTAAA TGTAATTATT AAA 223

配列番号:243 配列の長さ:216 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00260

配列:

GATCAACTTA ATTCCTTTTC TTTATCTTCC NTCCCTCACT TCCCTTTTCT CCCACCCTCT 60
TTTCCAAGCT GTTTCGCTTT GCAATATATT ACTGNNTAAT NAGTTGCAGG ATAATGCAGT 120
CATAACTTGT TTTCTCCNAA GTATTTGAGT TCAAAACGCC NGTATCTAAA GAAATACGGT 180
TGGGGTCATT AATAAAGAAA ATCTTTCTAT CTTAAA 216

配列番号:244 配列の長さ:212 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00261

配列:

GATCTCAGAA CAATCAGATG CAAAGCTGAA AGAGATTGTA ACAAATTTCT NTGGCTGGAT 60
TTGAAGCTTA AACTCCTGTG GATTCACATC ANATACCAGT TCAGTTTTGT CATTGTTCTA 120
GTAAATTAGT TCCATTTGTA AAAGGGTTAC TCTCATACTC CTTATGTACA GAAATCACAT 180
GAAAAATAAA GGTTCCATAA TGCATAGTTA AA 212

配列番号:245 配列の長さ:221 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00262

配列:

GATCCATCTG CCTTTGTGGC TGCTGCCCCT GTGGCTGCTG CCACCAACAG CTGCTCCTGC 60
TGCTGCTGCA GCCCAGCTAA GGTTGAAGCC AAGAAAGAGT CGGAGGAGTC GGACGAGGAT 120
ATGGGATTTG GTCTCTTTGA CTAATCACCA AAAAGCAACC AACTTAGCCA GTTTTATTTG 180
CAAAACAAGG AAATAAAGGC TTACTTCTTT AAAAAGTCAA A 221

配列番号:246 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00263

配列:

201

AGGGGGAAGT TATTAAAGAG GCTGCAAAGT CCAGCCACCC TGAAGATACT CCCCAGTGCT 180 CCCCCCCCG TAAAGAACCA GTTACCCCAG GAAA 214 配列番号:247 配列の長さ:208 配列の型:核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名:HUMGS00264 配列: GATCCTCAAC TATTGGAAAT NATGGACTGG TGGCCCTGGT ACAGAACCAT GACTGGCTGC 60 TGAATTCTGA AAACCAGGAC TTGGTTCAAC ATTTAAATTT GATAGTTGCC CTGATTCCCA 120 TTTTGGGTTT GTGAAAAGTG TATGTATTTA AATTTGCTGT AAAACATAAT CACTAATAAT 180 208 ATGCAATAAA TATTTCCTTG AAGGGAA'A 配列番号:248 配列の長さ:208 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00265 配列: GATCTGTGGG AGGAATGGCA AGAGAAGCAA CCGGACCCTG AGAGAAGAGT GTTAAGGAAC 60 CTGCGCATGT GGTTAGCTTG ACCTTTCTGT TGGGCATGAC ATGGGGTTTT GCATTCTTTG 120 CCTGGGGACC NTTAAATATC CCCTTCATGT ACCTCTTCTC CATCTTCCAN TTCATTACAA 180 208 GGTAAGATAA ATTGTACATG AATAGTCN 配列番号:249 配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00266 配列: GATCAAATAT CACTAAATAC TTTAAATTGT TTTACTTAAG AGTCTAATCT GGGAAGTTTT 60 CAAATCATAC TATTAATGTG TAATCTAAGC TCTTCAGATG TATCCATGAA TAATCCTGGA 120

配列番号:250 配列の長さ:211 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

TTTATATAAT AAAGTTTCAA A

クローン名: HUMGS00267

配列:

GATCACCTTG GTGTTCCTTG TTTGGAAGAT TATTTCCTCT GAATTTCTGG GCTTGGTCTT 60 CCAGTTGGCA TTTGCCTGAA GTTGTATTGA AACAATTTAN TGAAAATATT AAATATTTGG 120 TTTCAAAAGG CAGATTTATC TTCTCCCAAC ATTCTGTTAT TTCTGATACT TTTGAAAAAC 180

ACAATATTGC TTGTATTCCT GTCATAGAAC AGGTTTTGTA ATCTTTAAAA GAAATGAAAA 180

•	
TAATAAAAAT TAATAAAAGA CATGAACTAA A	211
配列番号: 251 配列の長さ: 208 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00268 配列:	
GATCCAAGAA AACGCCTCAC TGCCTTAACC TTAACTGTTC TTCCTGGCGC TAAAAAGAGC TGTATTTTTT AAAGTGCTGG GGCAAACAAA GNANCCCCAA AAGAGTTGAT GTGTGTTTTA AAAGNAAAAA CCCAATGAGG AACAATTGGA GATTTTTATG CAGAAACTAA ATAAATCCTTA ATAAATAAAT CTCTATTTTG GAATCAAA	120
配列番号: 252 配列の長さ: 205 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00269	•
配列: GATCTTCTAA AAAAGGAACA GAAAATGGTG TGAATGGAAC ATTAACTNCA AATGTAGCAG ACTCTCCCCG GAATAAAAAA GAGAAATCTT CATAATGAAT TATAANCTAA TTGATTAATG TCCCCAAAGA AATCTGCTTT CTACTATATC TTTCAGCATT AGAGATTTTC CTGTTCTNGA AAATNCAGTC TGTGCTCTTT GATTN	120
配列番号: 253 配列の長さ: 212 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00270 配列:	
GATCTAGGCA AAGAAGAATA CAAATNAAAC CCCNTTCTTT CTCGTTTCCN GTCCAACAAC TCTGTAGAGC TCTCTGCACC CGTTACCCCT TTCCACCTTT TGTATTTAAT TTTAAAGTCA NGTGTACNTG CAAGGAATGC TGGATGCAAG ATAGATACTA TATTAAACTG TACTGTTATT TAAGATGTAA TAAAGCAGTT TGACATGAGA AA	A 120
配列番号: 254 配列の長さ: 209 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状	

配列:
GATCTAAGAT GATTATTTTG TAAAAGACTT TCTAGTGTAC AAGACACCAT TGTGTCCAAC 60
TGTATATAGC TGCCAATTAG TTTTCTTTGT TTTTACTTTG TCCTTTGCTA TCTGTGTAT 120
GACTCAATGT GGATTTGTTT ATACACATTT TATTTGTATC ATTTCATGTT AAACCTCAAA 180
TAAATGCTTC CTTATGTGAA AAAAACAAA 209

クローン名: HUMGS00271

配列番号:255 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00272

配列:

GATCTGCCAG CAGTGTTCTT GCAATATGAG GAAGACAGTT ACAGCCACAT TATGGCTCTC 60
ATTGAACAGT ACGCAGCACC CCTGCCCCCA GCCGTCTTTC TGGGGCTTGC GCGCAAAATC 120
TACAAGCGGA GAAAGTGACC TAGAGATTGC AAGGGCGGGG AGAGGAGGCT CTCAATAAAT 180
AATCGTGTAA CCTTAAA 197

配列番号:256 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00273

配列:

GATCTATCAC CTGTAATCAT AACTGGCTTC TGCTTGTAAT CCACACAACA CCAGGACTTA 60 AGACAAATGG GACTNATGTC ATCTTGAGCT CTTCATTTAT NTTAACTGTA ATTTATTTGG 120 AGTGGAGGCA TTGTTTTNAA GAAAAACATG TCATGTAGGT TGTCTAAAAA TAAAATGCAT 180 TTAAACTCAT TTGAAA 196

配列番号:257 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00274

配列:

GATCTCACCA GGAGAAATGA ATATGTGAGG TGATGGATGT AACTAGCTTG ATTGTGGTAA 60
TCAATTTCGC AATGTGTACA TATATCAAAA CATCACATTG TACAAAATAC ATACAGTTTT 120
TGTCAATTTA AAGATATCAG AATTCTAGAA TATGATAAAG TTGTGTTTTC AAGCAAGTAA 180
AGATAGNTTA CTTAAA 196

配列番号:258 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00275

配列:

GATCAGATTT TNCATTTTN AATGTTCCGT GTTTTCTTAA GTAGCATGTA TGACATTTAT 60
AATNTTAAAA AATNTTTTAA AATATGTGTA TGATACATAT TTTCNATTGT CTTAGGGCAG 120
GCTTTTGAAA ATNTCAGCCT GTAGCCAAAT GCAAGATTTT CTCCATCCTT TAATAAAAAG 180
CACACTGAGA AATCCTN 197

配列番号:259 配列の長さ:199 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00276 配列:

GATCTCTGTC TTGAGTTTCT CCTTCCCCAT CAGCTGAAGC ACTCTTCAGA GACTACGTCC 60 ACAGACACTG ATGCTGAGGC CTCCCTGGAG GAAGGAGGGT TAGGGGTGCC TATCCTCAAG 120 TATTGGAAGA GCAGAATTGA GGGAGAGACC TTTCTTCCTT GTTGAGGGTG AAAAATAAAT 180 ANGAATTACA TGTCCTAAA

配列番号:260 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00277

配列:

GATCAAGAAG GCTGGAACGG AACTGGTTAA CTTCTTGAGC TATTTCGTGG AACTTGGAAC 60 ACAGCCTGCC ACCCAGTGAA GTGTCCAGAC CATTGTCTTC CAACCCCAGC TGGCCTCTAG 120 AACACCCACT GGCCAGTCCT AGAGCTCCTG TCCCTACCCA CTCTTTGCTA CAATAAATGC 180 TGAATGAATC CNNNAAA

配列番号:261 配列の長さ:195 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00278

GATCTGAGTC AGTCGGAATT TGTGAAACAG GGTAGCAAAC AAGATATTTT ACTTCCATGT 60 ATACAATAAT TTTTTTAAAN NNTGCAATTT GCGTTGCAGC AATCAGTGTT AAATCATTTG 120 CATAAGATTT AACAGCATTT TTTATAATGA ATGTAAACAT TTTAACTTAA TGGTACTTAA 180 195 AATAATTTAA AAGGN

配列番号:262 配列の長さ:193 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00279

配列:

GATCTAGTGT AATGGAAGAC CTTTGAGAAC CTGGGTGTAT TAACTTTGTG TATATAGTGT. 60 AAATATCCCC ACTGTACTGT TAGAGGCCAA CAATTCTAGT ATGGCTTGTT GGCAAAGAGT 120 GCTACACCGT TTCAATGAAA CAATGTATGT TTGTTTTAAC TGAACTAAAA TAAATACATG 180 193 CTTAATCCTG AAA

配列番号:263

配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00280

配列:

GATCCCTGGG ACCAACCGCA TCCTCAGCTT CTTCCCCGAG AAATGCTGGA GCAGGCTGTT 60 CAGACCGACG TTGCCATCAA AACACATACA CCCAGAAAGA AACAACAGAA ACCAAAACTC 120 ACAAGGCGCA TGATTACTTG TTTTATATTT CATGTTGGGT TTTCCCTCCC ACTATTAAAC 180 AGTCTGTTTC CGTAAA 196

配列番号:264 配列の長さ:192 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00281

配列:

GATCTGTTAA AAAAGAAATC TGTTTCAACA GATGACCGTG TACAATACCG TGTGGTGAAA 60 ATGAATTCAG ACTTATTAAA TGATGAACTT GTTAAATCTN CTCAGTGTCT ATTTATCAGC 120 ACAATACACA CAGGAGANCT GTTGATGGCA TATTGAATAG ATTTNCCTGA ATAANTTGCT 180 CTGGAAACCA AA 192

配列番号:265 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00282

配列:

GATCCTCGTC TTACAGCGAA TGGTTTCAAG ATAAAATTGA TACCAGGAGT TTCAATTACT 60
GAAAATTACT TGGAAATAGA AGGAATGGCT AATTGTNTCC CATTCTATGG AGTAGCAGAT 120
TTAAAAGAAA TNCTTAATGC TATATTAANC AGAAATGCAA AGGNNGTTTA TGANTGTNGA 180
CCTCGCANN 189

配列番号:266 配列の長さ:188 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00283

配列

GATCTTTTGT ACTTTAGGAC ATTAAATTGT ACAACTTTTG TATATATAAA AGCTTAGGAA 60 CTTTCTGTTT AGCAGGAAGG CAACACATTC CTACACTTTT AATGTATATG TTTGTTATAA 120 TGTCCATGTA AACATGCCCT ATGTTTGTGC CTTTTAATTA GTTTGTCTCA ATAAACAAAA 180 TGTAGAGN 188

配列番号:267 配列の長さ:206 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00284

配列:

配列番号:268 配列の長さ:190 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00285

配列:

GATCAGAAAA AGAAAGAAGC CAAAGAGAAA GGTACCTGGG TTCAACTAAA GCGCCANCGT 60
GCTCCACCCA GAGAAGCACA CTTTGTGAGA ACCAATGGGA AGGAGCCTGA GCTGCTGGAA 120
CCTATTCCCT ATGAATTCAT GGCATAATAG GTGTTAAAAA AAAAANTAAA GGGCCCTCTG 180
GGGCTACAAA 190

配列番号:269 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00286

配列:

GATCAAGATA TTAAAATNTC GGATTTATCT TTCCCCATAT CCAAGTACCA ATNCTGTTGT 60
AAACAACGTG TATAGTGCCT AAAATTGTAT GAAAATCCTT TTAACCATTT TAACCTAGAT 120
GTTTAACAAA TCTAATCTCT TATTCTAATA AATATACTAT GAAATAAAAA AAANNGNTTG 180
AAAGCTAAA 189

配列番号:270 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00287

配列:

GATCTTGTGT ATTGAGCTTA TTGTTGAAAG GGATTTTTGA AGGACAGAAC AATTACTGCA 60
TGATGAATCT TCCTNTCTCT GCCTTCTGAG CACCGNCTTT AATTTCCATA TCTTCAAGTC 120
TTGAAGAAGT TGATGTTAAT TGAAGAATTC ACTTGTCTGG TTGAAATAAA GCCTGTTTCT 180
GTTGTGAAA

配列番号:271 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00288

配列:

GATCTGATTT GCTAGTTCTT CCTTGTGAGA GTTATAAACT GAGAGTGACG TCACTTCAGC 60
CAGAACATAT TCTCCATACT CTGCATATAA TTTGTGGCTG CAGAATATTG TAATTTGTTG 120
CACACTATGT AACAAAACAA CTGAAGATAT GTTTAATAAA TATTGTACTT ATTGGAAGTA 180
ATATCN 186

配列番号:272 配列の長さ:185 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00289

配列:

GATCTAAAAT GTCAGCATCA TGCAAAGTGC ACGATATATA GTGAATTTNG CTCTAAAAGA 60 GCATGAACAA GTCTTTCTAA TGTTTTGTAC AGTGCCTGGC ACTCTGTGGG TGCTCAATAA 120 ATGGATAGGA GTTTTCATTT GAAGGATATT TGAATTTTTA AAATAAAGTG TTTTATTCCC 180 NTAAA 185

配列番号:273 配列の長さ:184 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00290

配列:

GATCTGGTCA CTGTGGTTCC TGCATGAAGA CAGTGGCTGG CGGTGCCTGG ACGTACAATA 60 CCACTTCCGC TGTCACGGTA AAGTCCGCCA TCAGAAGACT GAAGGAGTTG AAAGACCAGT 120 AGACGCTCCT CTACTCTTG AGACATCACT GGCCTATAAT AAATGGGTTA ATTTATGTAA 180 CAAA 184

配列番号:274 配列の長さ:185 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00291

配列:

GATCTGATTT GCTAGTTCTT CCTTGTAGAG TTATAAATGG AAANATTACA CTATCTGATT 60
AATAGTTTCT TNATACTCTG CATATAATTT NTGGCTGCAG AATATTGTAA TTTGTTGCAC 120
ACTATGTAAC AAAACAACTG AAGATATGTT TAATNNATAT TGTACTTATT GGAAGTAATA 180
TCAAA 185

配列番号:275 配列の長さ:188 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00292

配列:

GATCAAAGAC ATCCTCATCC AGTATGACCG GACCCTGCTG GTAGCTGACC CTCGTCGCTG 60
CGAGTCCAAA AAGTTTGGAG GCCCTGGTGC CCGCGCTCGC TACCAGAAAT CCTACCGATA 120
AGCCCATCGT GACTCAAAAC TCACTTGTAT AATAAACAGT TTTTGAGGGA TTTTAAAGTT 180
TCAAGAAA 188

配列番号:276 配列の長さ:182 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クロマン名:HUMGS00293

配列:

GATCGGGNTA CTACAAAGTT CTGGGAAAGG GAAAGCTCCC AAAGCAGCCT NGTCATCGTG 60
AAGGCCAAAT NCTTCAGCAG AAGAGCTGAG GAGAAGATTA AGAGTGTTGG GGGGCCTGT 120
NTCCTGGTGG CTTGAAGCCA CATGGAGGGN GTTTCATTAA ATGCTAACTA CTTTTNCCTA 180
AA 182

配列番号:277 配列の長さ:195 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00294

配列:

GATCCAGCCA GAGGATGCCA CGCCAGCCCA GCGCTACCAG GCTGCCCAAG GGGGGCGGGC 60 CTGGGAAGAG CCCTACACGG GGCAGCACCT AGGATGGGGC AGAGACTTGT TGCATCTTG 120 TCCCCAGCAA AGGCTACATG TTACCTCCTT CAATTGATAA TAAACCTTTC TGAGATGCAG 180 AGGGTCCAGG TCAAA 195

配列番号:278 配列の長さ:327 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00295

配列:

GATCCCATTA ACTCGATGCT GAGTATCTAC ATGGATACAT TAAATATATT TATGCGAGTT 60
GCAACTATGC TGGCAACTGG AGGCAACAGA AAGAAATNAA GTGACTCAGC TTCTGGCTTC 120
TCTGCTACAT CAAATATCTT GTTTAATGGG GCAGATATGC ATTAAATAGT TTGTACAAGC 180
AGCTTTCGTT GAAGTTTAGA AGATAAGAAA CATGTCATCA TATTTAAATG TTCCGGTAAT 240
GTGATGCCTC AGNTCTGCCT TTTTTTCTGG AGAATAAATG CAGTAATCCT CTCCCAAAAA 300
AAAAAAAAAAN NNNTNNTNN NNNTNNN 327

配列番号:279 配列の長さ:183 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00296

配列:

GATCCAAATC CTCATCTTAC TTTCCCGACC TTAAGGATGT AGCTGCTGCT TGTCCTGTTC 60
AAGTTGCTGG AGCAGGGGTC ATGTGAGGCC AGGCCTGTAG CTCCTACCTG GGGCCTATTT 120
CTACTTTCAT TTTGTATTTC TGGTCTGTGA AAATGATTTA ATAAAGGGAA CTGACTTTGG 180
AAA 183

配列番号:280 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00297

配列:

GATCAAAGTG GCTGCAGCAG AGTTAGCTGT CTAGCGCCTA GCAAGGTGCC TTTGTACCTC 60 AGGTGTTTTA GGTGTGAGAT GTTTCAGTGA ACCAAAGTTC TGATACCTTG TTTACATGTT 120 TGTTTTTATG GCATTTCTAT CTATTGTGGC TTTACCAAAA AATAAAATGT CCCTACCAGN 180

配列番号:281 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00298

配列:

GATCACATGA TTTTTGTTCT CAGTTCTATT AATGTTCTTG GATTCTGTTC AATGTTCTGT 60 TCACATTGCA GAAAAAGCAT TTGACAAAAT AATTTCAGTA GCTGCTGAAA AAGCATTTGA 120 TAAAATTCAG CATACCTTTA TGATACAAAA AACCTTCAAT AAACTGGGTA TATATGNACN 180

配列番号:282 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00299

配列:

GATCTTGAAT TATTTATAAA CTGGAAAGTG GTTTGATTAT TGTGAGTCAA AACTCTAAGT 60 GGTTAAAAAAT TAGTATGAAT TTTTTAGCTT CTTAATGAAT ATGGATTTAA AACTCTCCAG 120 TTCTTATTTT ATGAAATGAC TTGCCTTTCT GGTAATACAA TGCTGATTTT TTAGTAAA 178

配列番号:283 配列の長さ:182 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00300

配列:

GATCCCAAAT ATGAAGTCAT CGAAAAACCC CAGGCCTGAA GAAATAAAGT AAAAATNAAT 60

CTGGTAATTT GTCACGGATT AGTTGTACAA CTAGTTAGAA GTTTCAGAAT AAACATGCAT 120 TTCATAACTG TCAAATGTTC TTTTAATTCT GAGTCCAAAT AAATTATTTG GTGATGTTGA 180 AA 182

配列番号:284 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00301

配列:

GATCTCTGAG TGAGAGGGAA ANAGGTCAGA TTTATACAAC TGAGCGCCAG AGGGGAAAAT 60 GCACCTTGTT GGAGTGAGAA ATGTTCTGAA ACTGAATTAC TTCTTGTACA GCTGAGATAG 120 CTTCTTCTGA ACTATTATTA AATAAGTGAA TACAAAGGCC CTATGATGGG AAATCCAGN 179

配列番号:285 配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00302

配列:

GATCACCTGT TTGAAACCAT CTCCCAAGCC ATGCTGAATG CTGTGGACCG GGATGCAGTN 60
TCAGGCATGG GAGTCATTGT CCACATCATC GAGAAGGACA AAATCACCAC CAGGACACTG 120
AAGGCCCGAA TGGACTAACC CTGTTCCCAG AGNCCACTTT TTTTCTNTT TTTGANATAA 180
AATAGCCTGT CTTTCAANAA A 201

配列番号:286 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00303

配列:

GATCGGAGAT GCTTTGTAAT CTACTGTCCA GCTGGAAACA GCTCATGTTA CGCGGAAAAA 60 ACTACAAGTA ATGTTCAAAT CTATTTTGGG TCATTTTAT GTACCTTTGG GTTCAGGCAT 120 TATTTGGGGG GTTTTGTTTC CAAAGGAACT AAATAAAGTC ATATTGCTTA TAGAAA 176

配列番号:287 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00304

配列:

GATCTTTGCT GGGAAACAGC TGTGAAGATG GACGCACCCT GTCTGACTAC AACATCCAGA 60
AAGAGTCCAC TCTGCACTTG GTCCTGCGCT TGAGGGGGGG TGTCTAAGTT TCCCCTTTTA 120
AGGTTTCAAC AAATTTCATT GCACTTTCCT TTCAATAAAG TTGTTGCATT CCCAAA 176

配列番号:288 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00305

配列:

GATCCGCAAG ACCAAGTACC GCCCCGACCT GCGCATGGCA GCCATCCGCA GGCCAGCNTC 60
ATCCTGCGCA NCAGAAGCCT GTAATNGTGA AGAGGAAGCG GACCCGACCC ACCAAGAGCT 120
CCTGAGCCCC CTGCCCCCAG AGCAATAAAG TCAGCTGGCT TTCTNACCTG AAGAAA 176

配列番号:289 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00306

配列:

GATCTCAAAA CACAGTGAGA GGTCTGAAGG CTGGCTTCTG AAGAATCCCT GATGTCTTAT 60
TGGAACAACC ACTGAGCTAC GGAGAGCTCT GCTGTGATGG GCTAGGCACT TTATATCTGT 120
GTGAATACAG ATTTATAAAA CAGGTTAATA AACTTATCCA AGGTCACATT TCAAA 175

配列番号:290 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS00307

配列:

GATCTGAATT CTTTATGTAT ATTTGTAGCT ATATTTCATA CAAAGTGCTT TAAGTGTGGA 60
GAGTCAATTA AACACCTTTA CTCTTAGAAA TACGGATTCG GCAGCCTTCA GTGAATATTG 120
GTTTCTCTTT GGTATGTCAA TAAAAGTTTA TCCGTATGTC AGAAA 165

配列番号:291 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00308

配列:

GATCATTCCT TCTGTAGCTC AGGAGAGCAC CCCTCCACCC CATTTGCTCG CAGTATCCTA 60
GAATCTTTGT GCTCTGCTG CAGTTCCCTT TGGGTTCCAT GTTTTCCTTG TTCCCTNCCA 120
TGCCTAGCTG GNTTGCAGAG TTAAGTTTAT GATTATGAAA TAAAAAACTA ACTGACAATT 180
NTCAAA 186

配列番号:292 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00309

配列:

GATCTTGTAG AAAATTTTGA TGAGGCATCA AAGAATGAAG CTAACTAAAA GTTTGGTTTT 60
TGGAAGCTGG CATGGACTAG ATTTAACAAA TCAGCTATGT GGTTCCAAAG TTTTACAGAC 120
ATGGAGAACA TCACCTGTTA CTAGTTCAGT AATATAAATA TTTTGTATAT TAATN 175

配列番号:293 配列の長さ:406 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00310

配列:

GATCAGATTA CCAGGAACAT CAGGAGTGGA TTCCTGCCC AACCAAACCG CATTCGTGTG 60
GATTTTTTA TTCAACTTAA TTGGCTATTC CAAAGATTTT TTTTTTCCTA TTTTTGACGA 120TTGGNGCCCT TAAGATGCAC GATGGAATTG TGTTTTNCGT TTTTNGGTAA AAGGAGCAAA 180'
GCGNGGNCCT GGAGATAAAC GCTGGAGCAA TCTCCTTGGA AGGATTCAGC ACGAGTAGAT 240
GGTAAACATT TAAAGGGGAA AGGGGGGTTT GTTTAAAATA GTAAATCAGT AAGTCACTTC 300
TAAAATTTAAA GAAACCAAAA TTGGGAGTTG AAGAATAAGT AGGGTTTCCA ATTGGGCTAT 360
TGCCGNTTTN CTTTGNAAAA ATTAAACCAT TNTTTAAAAA CCTAAA 406

配列番号:294 配列の長さ:218 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00311

配列:

GATCCCATAG ACCAGAGCCC ACCTTTTNNA TAAACTTAGT AAAGTCTTNG AGACTAGAAG 60
CAAGATAGTT TGTGACACAT AAGCTTCCCA AAAACTNGAA TAGATTTNA CTGAATAGTG 120
GTCTATCTGA TGGTATATGT TTCTTAAAGG TCCAANTGTA ATAAAAAAAA TTGAAAAANA 180
GGTCTCAGTG TTTTNAATGC ACTNCATATT TGTNTGCN 218

配列番号:295 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:EUXGS00312

配列:

GATCCACCAA GCACGCCTAT NAATACAAAG TAAACTATNA TTTTNATTGT GAAATTTCA 60 TAGATGGAAA ATTGAATATN CTGTCCATTT CATTTTACAA TNATCTTACC ACTTATTTT 120 GTACCATGTA TTTCAATTGC CTGTTTAGTG AAAAATAAAA ATTAAAAAAA CCTAAA 176

配列番号:296 配列の長さ:172 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00313

配列:

GATCCCAGCA AGATAATGTC CTGTCTTCTA AGATGTGCAT CAAGCCTGGT ACATACTGAA 60
AACCCTATAA GGTCCTGGAT AATTTTTGTT TGATTATTCA TTGAAGAAAC ATTTATTTC 120
CAATTGTGTG AAGTTTTTGA CTGTTAATAA AAGAATCTGT CAACCATCTA AA 172

配列番号:297 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00314

配列 /:

GATCGGTGAC ATCGTCAAGA TGGGCGAGTG CCGGCCTCTG AGCAAGACAG TGCGCTTCAA 60 CGTGCTCAAG GTCACCAAGG CTGCCGGCAC CAAGAAGCAG TTCCAGAAGT TCTGAGGCTG 120 GACATCGGCC CGCTCCCCAC AATGAAATAA AGTTATTTTC TCATTCCCAG AAA 173

配列番号:298 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00315

配列:

GATCGTTTCC AGATGAGAAT TCACAAGCGA CTCATTGACT TGCACAGTCC TTCTGAGATN 60
TGTTAAGCAG ATTACTTCCA TCAGTATTGA GCCAGGAGTT GAGGTGGAAG TCACCATTGC 120
AGATGCTTAA GTCAACTATT TTAATAAATT GATGACCAGT TGTTAAA 167

配列番号:299 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00316

配列:

GATCTGGTGG TGGAAGTGGT GGATATGGTA GCAGAAGGTT CTAAAAACAG CAGAAAAGGG 60 TTGAATGAGA ACCCTACTTG CCTAAATNAG GAATGTCTTT CCTACCATCT AAAATACGAA 120 GGTTTCTGGC TGGGTAAGGT TTGTAGTTGA CAGTAAAACC TGATGACACC N 171

配列番号:300 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00317

配列:

GATCCGAGTG TGATTTGAAT TCTGTGATAT TTTCACACTG GTAAATGTTA CCTCTATTTT 60
ACTTACTGCT ATAAATAGGT TTATATTATT GATTCACTTA CTGACTTTGC ATTTTCGTTT 120
TTAAAAGGAT GTATAAATTT TTACCTGTTT AAATAAAATT TAATTTCAAA TGTAAA 176

配列番号:301 配列の長さ:169 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00320

配列

GATCTTTGTT TTGTGTTTAA CCATAATGGT TGTGTACTGA ACCACTTCAT ATTTGTAATA

TATAATATAT ATATATNNGN TNCCCTNAAG ACTCAGCCTC CTGGTTTACC CCCCGGCCT 120
GGGCATCTNA CCTCCCCCAC CCCAGTGTGA TTTAACATCC NGGNACTGN 169

配列番号:302 配列の長さ:174 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00322

配列:

GATCTAGCTC TGAATGTATG TTTCCTGACG TTTTACATTT CCACTTTCCT ATTCCATTCA 60
TTAAGCTAGC CAACAATCCA CCATCCTTTA AAGATTGTTC TCATAACTGA ACAAAAACCA 120
CATAATCTAA ATAGAGCAAA GCTACAAGAA ATAAATTTAT TTAAACGCAA GAAA 174

配列番号:303 配列の長さ:177 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00323

配列:

GATCCTAGCA TATGTTAAAA TTCAAATTAA TGTAAAACAG ATTAACAACA ACAAAGAAAC 60 TGTCTATTTG AGTGAAGTCA TGCTTTCTAT TATAATAACT TGGCTTCGGT TATCCATCAA 120 ATGCACACNN ATACTGTTAT CTGATTGTTT ATAATAAAGA ATACTGTACC TNNTAAA 177

配列番号:304 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:WWGSCC325

配列:

GATCAGATGG TTTTAGTATT GTGGCAGAAG CGAGAAAACT TTGTTTATTG AAAAAAAAAG 60 AAAAAGAAAG CAAGAAAAAA AGATACTATG GGGTCAAGTG TAACTCCATG GAAATGCCAC 120 GTCTGCTCTT CAGTGAAGAA GCTGGTTTAG AGTCTCACAG AAAACTN 167

配列番号:305 配列の長さ:170 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00327

配列:

GATCGCTCAC AATNTTTCCT CCAAGAACCG CAAAGCCATC GTGGAAAGAG CTGCCCAACT 60 GGCCATCANA GTCACCAACC CCAATNCCAG GCTGCGCAGT GAAGAAAATA AGTAGGCAGC 120 TCATGTGCAC ATTTTCTGTT TAAATAAATG TAAAAACTGC CATCTGGAAA 170

配列番号:306 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00328

配列 /:

GATCGGGAAT GGTCTGTGT TTATCAGCTG CGACTGGTTC ACTGCGNCTT AGACAAGCCT 60
CATGGGGACT GGGGATTCTG GCCAGTGTAA TTTCTGTCAA CCACGGACGT TTGCCTTCAT 120
GTGTAGAATT TACTGTTGTT ATGCAAATTA TATTTTCAAT TATAAATGAA A 171

配列番号:307 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00329

配列:

GATCAGACAG AATAATATTT NCTAGTTATT ATGTGTAAGA TGAGTTGCTA TTTTCCTAAT 60 GCTCATTCTG ATACAACTAT TTTCCGTGTC AAATATCTAC TGTGCCCAAA TGTACTCAAT 120 TTAAATCATT ACTCTGTAAA ATAAATAAGC AGATGATTCT TAAA 164

配列番号:308 配列の長さ:261 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00330

配列:

GATCCCCGCC CTGGGGTCTG GTCCTCGCCC ATCCTGCAGG GATTGCCCAC CGTCTTCCAG 60
ACACCCCACC TGAGGGGGGC ACCAGGTTTA GTGCTGCTGC TTTCACTGNT GCACCCGCGC 120
CCTCGGCCGG CCCCCCGAGC AGCCTTTGTA CTCTGCTTGC GGAGGGCTGG GAGACCCTCC 180
AGGACATTCC CACNNTCNCC CATGCTGCCA AGTTNNNNCT ATAGCTACAA ATAAAAAAAA 240
ACCTTGTTTT CAAGAAATAA A 261

配列番号:309 配列の長さ:163 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00331

配列:

GATCGAGTCA AGATGAGTTA GTGGAGCTGG GCTTGGCCAG GGAGTCTGGG GACAAGGAAG 60

CAGATTTTCC TGATTCTGGC TCTAGCTTCC CTGCCAAGAT TTTGGTTTTN ATTTTTTAT 120 TTGAACTTTA GTCGTGTAAT AAACTCACCA GTGGCAAACC AAA 配列番号:310 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00332 GATCATGCTG CTGTGATACT GAGTTTTCTA AACAGCATAA GGAAGACTTG CTCCCCTGTC 60 CTATGAAAGA GTATAGTTTT GGAGGGGAGA AGTGGGACAA AAAAGATGCA GTTTTCCTTT 120 GTATTGGGAA ATGTGAAAAT AAAATTNTCA ACTCTTTCAG TTAAA 配列番号:311 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00333 配列: GATCTCAGTT TCCTGGCTTT TCCTCCCTCA GCCCCTTCTC ACCCCTTTGC TGTCCTGTGT 60 AGTGATTTGG TGAGAAATCG TTGCTGCACC CTTCCCCCAG CACCATTTAT GAGTCTCAAG 120 TTTTATTATT GCAATAAAAG TGCTTTATGC CGGCTTTTCT CAAA 164 配列番号:312 配列の長さ:337 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00334 GATCATTGAA TGTGAGACCC TTCTAACATG ATTTGAGAAG CTGTACAAGT ATAGGCAGAG 60 TTATTTTCCT GTTTACATTT TTTTTTTGTT TTGGGGAAAA AATTGGTAGG TGTCTAATNA 120 CTGTTTACTT CATTGTTATA TTGCAGTAAA AGTTTTAAAN CANCCATTGC ATGTTNGCTT 180 TTGATGTATC CCTTTGNGAA ATTAGCACTT TTGGGGCCAN TGGNGAAATG CAGCATTCAC 240 TCTCCCTGTC TTTTCCCCTT CCCTCAGCAG AAACGTGTTT ATCAGCANGT CGTGAGTCAA 300 ACTGCTGCCT TTTAAAAANC CCACAAANTT GNTNNGN 337 配列番号:313 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00335 配列: GATCCGCCGT CACTGGGGTG GCAATGTCCT GGGTCCTAAG TCTGTGGCTC GTATCGCCAA 60

GCTCGAAAAG GCAAAGGCTA AAGAACTTGC CACTAAACTG GGTTAAATGT ACACTGTTGA 120

GTTTTCTGTA CATAAAAATA ATTGAAATAA TACAAATTTT CCTTCAGCCA GTGAAA

配列番号:314 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00336

配列

GATCACCTCT GAGACCCACC TTGCTCATAA ACAAAATGCC CATGTTGGTC CTCTGCCCTG 60 GACCTGTGAC ATTCTGGACT ATTNNTGTGT TTATTTGTGG CCGAGTGTAA CAACCATATA 120 ATAAATCACC TCTTCCGCTG TTTTAGCTGA AGNATTANGN CATCTTGTCT ATTAAA 176

配列番号:315 配列の長さ:258 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00337

配列:

GATCATATTT AATGAATTAT AGTATAATGC TTGCAGGCCC AGTACAAGCA TATATATNGT 60
GCCTCTTACA GCCTTTGGAA TACATTGTTT CCATTTTTTA AATATCTTCT ATATCCNNNT 120
AGTATTCAAA TTATTAATGC TCATGTACCA AGGTNTTGCT ATAAAAGTTT TGTCTGTATG 180
AATAATGTGG CTTTAGTAAA TAATCATTTN TCAACTGTAA ACTNATTCTG AAATAAAGTA 240
AAATNCTAAT TGTTTAAA 258

配列番号:316 配列の長さ:153 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00338

配列:

GATCTTGGAC ACTTACAGAT TGAGCTGTAT GAATTCAGCG GGTCTCACTC CAGAGGGTCA 60
GAACGTTTGC TTTAGTTTTT TCATCTGTTT TGTTCCTTGA GTCAGTGCTG TTGATGATGA 120
GTTGTCTTGA ATAAATNATG TGTTCTTTGC AAA 153

配列番号:317 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00339

配列:

GATCAAAGCT AGAAAATGNA GATTCCTTAG CCTGGATTTC CTTCTAACAT GTTATCAAAT 60 CTGGGTATCT TTCCAGGCTT CCCTGACTTG CTTTAGTTTT TAAGATTTGT GTTTTNCTNT 120 NTCCACAAGG AATAAATGAG AGGGAATCGA CTGTAAA 157

配列番号:318 配列の長さ:161 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00340

配列:

GATCTCCTTA TATAGCAGCC AAAATCAATG AAGCTAAAGA TTTACTAGAA GGTCAAGCTA 60
AAAAATGAAG TAAATGTATG ATGAATTTTA AGTTCGTATT AGTTTATGTA TATGAGTACT 120
AAGNNTTTTA TAATAAAATG CCTCAGAGCT ACAATTTTAA A 161

配列番号:319 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00341

配列:

GATCTGAAAA CATGTAGAGA AGATGAGTTG AGGACAGCTT TTCTAAGGCA ATGTNATGTC 60
TTTCCTTTCT NATTTCTNTT TCTCTGCGTT GTTAGTTTN AAGAGTGGAG GAGCTAGGGG 120
CTCCAGAAAG AATCTTACAC ATGTTTTGAA GACATTGATG TCATAGGGAG CGGGGAGCTG 180
CATTCCCTTC TGGGCTGTTA CTGCTAAATC TCAGTATGAA CAGACCAGGC GGAAAGCTTG 240
GTGGCCAAGC AGTCTGTGTG CTTCCCCGCT GATGGAGAAC GTTGCGTTGT TCACAATAGG 300
GCCTCATGGG TGN 313

配列番号:320 配列の長さ:161 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00342

配列:

GATCTTGTTC ACAAGTAATC TGTTGACAGT GCCAATAAAT NATAAAAAAA AAATTAACAT 60 GTCACAATGT AACGGATGAC CATATGCACA ATTCCATGAA TTAAATCTGT TTCCTGTGTT 120 AGTCAGTATT CTTAAATAAA ATTTATAATT GAAACATGAA A 161

配列番号:321 配列の長さ:163 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS09343

配列:

GATCTATTGA NAGCCCTCTC TCNCATTCTG TAATGAGTAC AGCAGAGACC TTCCTGCTTT 60
TAACTGGGGA CTCCAGATTT TCCCCAAACT TGCTTCTGTT GAGATTTTC CCTCACCTTG 120
CCTCTCAGGC ACAATAAATA TAGTTATACC ACTGCCCATC AAA 163

配列番号:322 配列の長さ:156 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00344

配列:

配列番号:323 配列の長さ:255 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00346

配列:

配列番号:324 配列の長さ:154 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00347

配列:

GATCTCTAGT ATAACACTCA GGCTACTGAG GTATTTTAGA GCAACAAGCT GGGTTACTTT 60
CAGAGCAACC AGCTTGACTG GAACTGAGAG TAAATTGGGA ATGTATGACC AATCTTAGAC 120
CCTGAAAAAAT GGCAGAAAAAT ACATGGAAAT TTGN 154

配列番号:325 配列の長さ:153 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00348

配列:

GATCTAGGGA AGACAACGTA GTCACCCTCG GTGCTTCCTC TGTCTCCTCT TTCTCCCTGG 60 CCTGTGGTTG TCCCCCAGCC TCTGCCACCC TCCACCTCCT CGGTCAGCCC CAGCCCCAGG 120 TTGATAAATC TATTGATTGA TTGTGATAGT AAA 153

配列番号:326 配列の長さ:154 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00349

配列:

GATCTCTAAT ATTTTTAAGC CCAAGCCCCT TGGACACTGC AGCTCTTTTC AGTTTTTGCT 60

TATACACAAT TCATTCTTTG ACAAAGATTA ATAAAGTTCT			GCCTGGGAAT	CAAGTTTGAA	120 154
配列番号:327 配列の長さ:158 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00350 配列:	0				
GATCAAATTC TAATGGAATT ATCTCTGTCC AGCACCTCTT GCCTATGGAA TAAATTATTT	GGTTAAATAA	TGTATGCTGT			60 120 158
配列番号:328 配列の長さ:155 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS0035 配列:	<i>;</i> 1				ý
GATCTTAAAG CAGAATGCCN TGATAAAGTA ACTGGTTTGA	TTTCTCGTTC	ATTGTACACT			60 120
TTTTAGTTGT CTAAATAAAA	TGCCTCTAAA	ACAAA			<b>15</b> 5
配列番号:329 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS0035 配列:	2				
GATCCAAGAG GAAGAATCCA					60
ACGGTTCCCT GTCTCTGAAA AAGACACAAT AAACTTCCTA				TAGTGTCTCA	120 165
配列番号:330 配列の長さ:149 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00355 配列:	3	·.			
GATCTACTTT GTTTGAGCAA TTTATTGGTT TTATGTTTAT NCTATATTTN CCTATTTNAT	TTTAATTTGT				60 120 149

配列番号:331 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00354

配列:

GATCAAAATG CTAAAACATG ATGATTAAGT GCACACCGTG TGCCATAGAA TGGCACATGT 60
CATTGCCCAC TTCTGTGTAG ACATGGTTCT GGTTTAACTA ATATTTGTCT GTGTGCTACT 120
AACAGATTAT AATAAATTGT CATCAGTGAA A 151

配列番号:332 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00355

配列:

GATCTTTGTT CTAGGCAGCT GGGAATAGAC ATGGTACTTA CCTTAGAGTT TTCCAATTTA 60
TCTCAATTTT ATATGGCTTG TGATTCATTT NCTTAATCCA AATATATAA ANCGTGTGTG 120
GTCTNATTCT NCCCCCCGCA ANANNAN 147

配列番号:333 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00356

配列:

GATCCTTACG GAAAAGGAAC AGATTGTNCC TAAACCAGAN GAGGAGGTTG CCCAGANGAA 60 AAAGATATCC CAGANGAAC TGAAGAAACA AAAACTTATG GCACGGGAGT AAATTCAGCA 120 TTAAAATAAA TGTAATTAAA AGGAAAAGAA A 151

配列番号:334 配列の長さ:204 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00357

配列:

GATCTTTGCA GTAATTTCTA GGAGCTGTTT ATGTTTGGAG GTAATTGGTC CTTTGTCCAT 60
ATATATGAGA TGTAAGTNTT ATTTTCCAGT TTATCTTTTT GCTTATTTTT TTTGACTTTT 120
TATTGTAAAA TAAAACATCA AACTGCACAG AACAGTTGAA TAGCTTAATG AATAACTACA 180
GTAAAAGCTA TGGTAACCAC TAAA 204

配列番号:335 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00358

配列:

GATCCAATTA ACATGTGGGG					60
CTGGTGCTTT GGAGGAATCT		NAGTAGAAGC	TCAGGCCTTT	AAAGGATTTC	120
ANCTCCTCCT CTCTGTAATT	NNTNCN				146
配列番号:336					
配列の長さ:146					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0035	9				
配列:					
GATCGCATCT NTTAAACAGG					60
ATTGGTGGTA TTTATGCTGT	*	CCTTTATCTG	TCTGTNATTC	TTAATGTTGA	120
ATAANCTTTG ANTTTTTTCC	TTTAAA			•	146
配列番号:337			•	,	. •
配列の長さ:147					•
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS0036	n .				
配列:	O				
GATCAGTGTT GAAGAAAGTG	CAAAAGGAAC	<b>ጥጥጥልጥልጥልጥ</b>	<b>ጥጥል ልሮ ልርጥር</b> ጥ	ልርርል ለ ለሚግርጥ	60
CTATTCCTGA TATAATTACT					
TGAAATAAAC CCAACTCTTC		Idollmudo	ANUMULITON	MATTACHUT	147
					•••
配列番号:338					
配列の長さ:147					
配列の型:核酸	•				
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0036	1				
配列:					
GATCTNGAAA ATNATCATTG					60
AAGCCTCTTA ATTTTATGCT		AGTAATGTAC	CCTTTTTTTC	TGAAACTGAA	120
TTAAATACTC ATTTNATCNN	NTGNAAA				147
配列番号:339					
配列の長さ:140					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS0036	2				
配列:					
GATCAGTTTT TTCACCTGGA	AGCATTTGTT	TCTACTTTGA	TATGACTGTT	TTTCGGACAG	60

TTTATTTGTT GAGAGTGTGA CCAAAAGTTA CATGTTTGCA CCTTTCTAGT TGAAAATAAA 120

配列番号:340

GTGTATATTT TTCCTATAAA

140

配列の長さ:144 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00363

配列:

GATCTGAACT TTTCATCTGC AGAGGCAAGA AAAATATTTA ACATTGTGAC TTGACTGTGG 60
AAGATGATGG TTGCATGTTT CTAGTTTGTA TATGTTTCCA TCTTTGTAAT AAGATGATTT 120
AATAAATCTC TTTAAATACT TAAA 144

配列番号:341 配列の長さ:291 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00364

配列:

GATCAAAAGC TTATTCATCT GTTTTNCTTT TTCGTTGGTG TAAAGCCAAC ACCCTGTCTA 60
AAAAACATAA ATTTCTTTAA TCATTTTGCC TCTTTTCTCT GTGCTTCAAT TAATAAAAAA 120
TGGAAAGAAT CTAATAGAGT GGTACAGCAC TGTTATTTTT CAAAGATGTG TTGCTATCCT 180
GAAAATTCTG TAGGTTCTGT GGAAGTTCCA GTGTTCTCC TTATTCCACT TCGGTAGAGG 240
ATTTCTAGTT TCTTGTGGGC TAATTAAATA AATCATTAAT ACTCTTCTAA A 291

配列番号:342 配列の長さ:139 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00365

配列:

GAACTTAAAC CTATGATTCA GTAACTTCTT ACCATATAAA AACGATAATT GCTTTATTTG 60 GAAAAGAATT TAGGAATACT AAGGACAATT ATTTTTATAG ACAAAGTAAA AAGACAGATA 120 TTTAAGAGGC ATAACCAAA

配列番号:343 配列の長さ:143 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00366

配列:

GATCCGTGGC AGGCCTGTGG GTGGGACACC ANNTGCGAAA CCCTCATCCA 60 GTTTTCTCTC CATCTCTTT CTTTGTACAA TCCCATTTCC TATTACCATT CTNTGCAATA 120 AACTCAAATC ACATGTCTGC AAA 143

配列番号:344 配列の長さ:139 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00367				
配列:				
GATCCAGTGA CATTGTGAGT GAA				
CTTTTCTGTA GGCTTACCAG AAA	AGTACAT NCAACAG	TTC TTTGAGGTTT	AACTAGAGCA	120
GCAAATAAAG CAAAAGTTN				139
配列番号:345				
配列の長さ:140				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00368				
配列:				
GATCAAGAAT CTTTTGTGAA ATT	ATAGAAA TTTACTA	IGT AAATGCTTGA	TGGAATTTTT	60
TCCTGCTAGT GTAGCTTCTG AAA	GGTGCTT TCTCCAT	ITA TTTAAAACTA	CCCATGCAAT	120
TAAAAGGTAC AATGCAGAAA				140
配列番号:346	•			
配列の長さ:142				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS00369				
配列:				
GATCCAGCTT GCCAGGGACT TAG	GTTTATC CTGTTTT	GTT TGCTACTGGT	TACAAATTCT	60
ATTTTCTGTA CAATTAGTCA GAC				120
AACAAAAGT AAGGTTTTTA AA				142
配列番号:347				
配列の長さ:156				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS00370				
配列:				
GATCTCCGTN AAACACATTT TTN	TTCTTAG TCTATCT	CTT GTACAAACGA	TGTGCTTTGA	60
AGATGTTAGT GTATAACAAT TGA	rgtttgt tttctnt:	TTG ATTTTAAACA	GAGAAAAAAT	120
AAAAGGGGGT AATAGCTCCT TTT	ITCTTCT TTCAAA			156
配列番号:348				
配列の長さ:135				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00372				
配列:				
GATCTACAAT NGGAGTTGTG AGT	NGCAATC TTACATGO	CT ACGNCTTTCG	TTTGATAGCC	60
AGTCATGGTN ACCACATGAG AAC	CATATGC TGAGATGO	CAA TAAAGTAAGA	GAATGTTTTC	120
TGACAAAAA ATCTN				135

配列番号:349	•			•
配列の長さ:133				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00373				
配列:		•		
GATCTTAAGC GTGTCTTGAG TTCCATGCAA	ATTCAATTCT	GTTGATAATG	TGTCCATAAT	60
CAAATCATCA TCTTGCAATG CAAGGGCTAC				
TTTCTTTTTC AAA				133
配列番号:350			•	•
配列の長さ:137				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状	•			
クローン名:HUMGS00374			· .	
配列:				
GATCTCGTTC CGCCGGTTCC CCTTGGCCGC	CAGTTCCGTT	CTCCTCACGG	GCCGAACGGA	60
ACAAGGGTC CAGCTTGCGG GGGACCCTCC	CCAGCCCATT	CCTGCTGTCA	AACAAACAAA	120
ACCTTGCAAA GCGCAAA				137
配列番号:351				
配列の長さ:132	•			
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00375				
配列:				
GATCAAGCGT GCTTTCCTTA TCCGAGGAGC	AGAAAATCGT	TGTGAAAGTG	TTGAAGGCAC	60
AAGCACAGAG TCAGAAAGCT AAATAAAAA	ATGAAACTTT	TTTGAGTAAT	AAAAATGAAA	120
AGACGCTGTA AA				132
配列番号:352				
配列の長さ:142				
配列の型:核酸			•	
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS00376				
配列:				
GATCAAGTTC CCGCTGCCCC ACCGGGTNCT				60
CAAGAGGCCC AACACCTTCT TCTAGGTGCA	GGGCCCTCTT	CCGNGTTTTG	CCCCAAATAA	120
ACTCANGAAC GNCCCGGTTA AA				142

配列番号:353 配列の長さ:142 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00377 配列: GATCAAGGAT ATTTGAAATC ACTACTGTGT TTTNCTGCGT ATCTGGGGCG GGGGCAGGTT 60 GGGGGGCACA AAGTTAACAT ATTCTTGGTT AACCATGGTT AAATATGCTA TTTTAATAAA 120 AATATTGAAA CTCACCAGTA AA 142 配列番号:354 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00378 配列: GATCTCTAAT GAAAAAGGGA TGTCTTTTTG TTTATAGTCA TGTGGCAAGA TGAGAGTAAA 60 ACCAGAGAGC AAACCTCTAT AAGTNTTGAG TATATGTATA CATTTGAAAT AAACCAGAAA 120 TTTGTTACCT TAAA 134 配列番号:355 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00379 配列: GATCAGCTCT GAGGTGCACT TCTTCACATA CTGTACATAC CTGTGACCAC TCTTGGGAGT 60 GCTGCAGTCT TTAATCATGC TGTTTAAACT GTTGTGGCAC AAGTTCTCTT GTCCAAATAA 120 AATTTATTAA TN 配列番号:356 配列の長さ:143 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00380 配列: GATCNGGGCT GGATTGACGG ATGTCACCCC CNATCCCCTC GTGACATGCA CGTCNGCAGG 60 AATGGGGGGT CTGCNGTGGT CGCCNGTCGT GTGAACAAGA TTCCGTCAAA ATATTTCTG 120 TTAATAAATT GCCTTCATGT AAA 143 配列番号:357 配列の長さ:136 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00381 配列:

136

GATCTAGAAG ATGATGTTCA AACTATGAAA CTGCTTGTGA ATTGTGAAAT GACTTTGTTC 60 TTTGCTTGTT TTTTTNAATT TCCTATAATG NACATACTAA CTTTTAAAAA ATAAAGGTTA 120

TTTTAAAAGC CTGAAA

配列番号:358 配列の長さ:133 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00382

配列:

GATCTTCTAT GTAACAGTTG AAATNTGGAA GTGACGTCAC TTACCTGTCT AACGTGGTGT 60 GGGNGAGAAT TTACAAGTCC TTTATTGNAA GAATAATTGT TGCAAAATAT ATTGCTTCTA 120 CTTTGCCTGG AAA 133

配列番号:359 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00383

配列:

GATCAAGAAT TTGGGTGGGA GAAAAGAAAG TGGGTTATCA AGGGTGATNN GAAATTTTCT 60 GCAGCATTAA AGCTGGCGCT TAATAAGAAT AAGTAATAAT AAAGAAATTT CTAACATTCC 120 ATGTCAGAAA 130

配列番号:360 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00384

配列:

GATCTGAAAC TAATAGTAGG AGTTTCCCCA GAAGTCATTT TCAGCCTTAA TTCTCATCAT 60 GTATAAATTA CCATAAATNA TGCATGTNTG TTTACTTTAG TGACGTTCCA CAGAATAAAA 120 GGAAACAAGT TTGCCATCTT GGTGTTGCAA TATGAAA 157

配列番号:361 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00385

配列:

GATCTGAAAA GGCGTCTNCA CTGCTTTATC TCATGATGCT TGCTTGTAAA ACTTGATTTN 60 AGTTTTTCAT NNCTCAAATA GGAATACTAC CTTTGAATTC AATAAAATTC ACTGCAGGAT 120 AGACCAGTTA AA 132

配列番号:362 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00386

配列:

GATCTGCCAG GNTGGGTGGT TCTACTGCTT TCTCAATTTC TAAGAACCTT TTTTTTTTCT 60
NAAAGAGTTC TGCTGAATTA TTTGACAATA TTTGNAAGTA CCATGTTTCC TNGNGGGGTA 120
TGCTCTGTNC TGGTTTCTGT TTTNAAATCA AATGCCTGTT TGGGAGGAGA TGAACGNATT 180
NAGTCTATTA GATTTGN 197

配列番号:363 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クロデン名:HUMGS00387

配列:

GATCACAGTG TCAGAGACGC GTCCTCTTC TTGGGGAAGT TGAGGAGTGC CCTTCAGAGC 60 CAGTAGCAGG CAGGGGTGGG TAGGCACCCT CCTTCCTGTT TTTATCTAAT AAAATGCTAA 120 CCTGCAAA 128

配列番号:364 配列の長さ:127 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00388

配列:

GATCCCAGGA GACACCAGGG CCAGAGTGAC CACAGCAGGG CAGGCATCAT CGTGTGTGTG 60
TGTGTGTGGA TGTGTGTGT TGGGTTTTNT AAAGAATTCT TGACCAATAA AAGCAAAAAC 120
TGTCAAA 127

配列番号:365 配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00389

配列:

GATCTACAAA TGGGAAGCTT GTGAGTGGCC CATCTTTGTT GGCCTACGAA CTTTGGTTTG 60 ATGCCAGTCA GGTGCCACAT GAGAACCTTT GCTGAGATGC AAATAAAGTA AGAGAATGTT 120 TTCCTGAAA 129

配列番号:366 配列の長さ:125 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00390

配列:

GATCAGCTAT TAAAATTTATA TAAAACATAG GCATGTTTGT ACTAATGAAA CGTACTGTCA 60 ACCTCTATCA CATTGTTAAA TTAACACTTT TGGTGGTAAC TCAATAAAAT TGAGAAAATT 120

**GGAAA** 125 配列番号:367 配列の長さ:246 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00391 配列: GATCTTTTTA ATTATATTT TGTTGTATTT GTTTCCTAGG AGCAAGTGTT CCTGCTGCCA 60 GTTCTTTCCT CTTTAGGCGT GGTTGAGAAA AAGCAGAAAC TTTACATAAA GCTGTATTTC 120 TTAATCATCT TTAATTTGAA ACTTAAGNAA ATGAATTTAT TCTGTNATAT TTATGTAACT 180 NATTFCCTGG NAGTNATATC TACTAGTNTT GNTTGATAAT AATAAAATTN GGCTATACCT 240 TGNAAA 246 配列番号:368 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00392 配列: GATCTAAAAT TTATTGTGGT GATGTTTGCA TAACAGTGCA AATATACTGA AAACCACTGA 60 ATTTTACACT TTAAATCAGT GGCTTCTGTG GTATGTTATC AATATTTCTC AATAAAACTT 120 CAAAAAATA AA 132 配列番号:369 配列の長さ:131 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00393 配列: GATCTGGTAT TAGGAAATTA CTTTCACAGT AAATATCAAA GAAAAAAGAT TAAGGGTCTC 60 TTTGCCATGC TTTTCATCAT ATGCACCAAA TGTAAATTTT GTACAATAAA ATTTTATTTC 120 CTAAGTAGAA A 131 配列番号:370 配列の長さ:123 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00394 配列: GATCTGAAAA AGAACACTGT GCGAGATTGT ATTCCTGCTT ATCCTTTCCA AGTTAGTAGG 60 CAGATTGGAA CTATAGAATT TATCCGTGAT AATAATAAAG TCCGCATAAC TTTTGTCCTG 120 AAA 123

配列番号:371

配列の長さ:123 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00395 配列: GATCTAAAGA GAAACTGTAG AGTCATTGTA AAGAAGCGAT	ATTGTTTTCC	TGACAGCAAA AAATATTTAA	. AGACTAATGT . TAAAGAATTA	GACAAAATGA TGGAAGCTGG	60 120 123
配列番号:372 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00396 配列: GATCACAACT GNAAGATAAC GTTTGGAAAA CTAACTCAGG	AAGAGATTTA	AGTTTTAAGG GTTTAAGCAG	GCATTTAATC AAATAAAGTT	AGGAGGAAAG TAATTTTNC	60 120
TTGN  配列番号:373  配列の長さ:122  配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO0397  配列: GATCTGTGTT AGAATGAGTG ( TGACCGAGTG ATTTTTGGCC / GN	CTTTCCCTTC AGTGGTTGGG	CTACTGATGT TTTAAAATTC	GATTGTGGAT TATTAAAATT	TAGGAATTCG TGTAGTTTGG	124 60 120 122
配列番号:374 配列の長さ:121 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00398 配列: GATCGCCGCC CTGCTGGCCA C AGTTTTCTCC CTCCTGAAGC G A	CCTGCGNTGG GAATAAAGGG	NGCTGGCNCT GCCGCNGCCG	CGTGGTCGTC GCCGCGGCGC	GACTCGGCAA	60
配列番号:375					

配列の長さ: 120 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00399

配列:

GATCAGGCCC GGTGCCTGCA GACCTGGTGC TCCCTCGGGC AGGGCTGGGT GCCGCACCGC 60 CTGCTGGCTT TTCTGGCAGC TCCTCTGTAT CAGAACCAAT AAAGTGCACT TGTTCTCGGN 120

配列番号:376 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00400

配列:

GATCAGGCAG TCCTTNAGGA TAGACAGATA TACACACCAC ACACACACAC CACATACACC 60 ACACACACAC GTCCCCATCC ACTNACCCAC ACACTACACA GNCTGNTNCC TTATAGCTN 119

配列番号:377 配列の長さ:225 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00401

配列:

GATCTNATTT GTAACCCACT GAGAGGACAG AGAGAAATAA GTGCCCTCTC CCACCCTCTN 60 CCTACTGGTC TCTCTATGCC TCTCTACAGT CTCGTCTCTT NTACCCTGGC CCCTCTCCCT 120 TGGGCTGTGA TGAAAAATTG CTGACTGTAG CTTTTGGGAG TTTAGCTCTG AGAACCGTAG 180 ATGGATTNCA GTTCTGGGAA AATAAAACCC GTTGATTACT NNAAA 225

配列番号:378 配列の長さ:125 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS00402

配列:

GATCTTAATA TATTTGAAAA AAACTTCATT CTCGTGAGTC ATTTAAATGT GTACAATGTA 60 CACACTGGTA CTTAGAGTTT CNGTTTGATT CTTTTTTAAT AAACTACTCT TTGATTTAAA 120 GCAAA 125

配列番号:379 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00403

配列:

GATCTCAGTT CTGCGTTTAT TGTAAGTTGA TAAAAACATC TGGAAGAAAA TAACTAAAAC 60
TGTTTGCATC TTTGTATGTA TTTATTACTT GATGTAATAA AGCTTATTTT CATTAACAAT 120
TTGTATTAAA ATNTGGGTTC CTTGAAA 147

配列番号:380 配列の長さ:116 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00404

配列:

GATCACCTTT TCAGAAATTT AGATGTGAAC ACCAAAAGAA GCATTTTCTC AACAAAAATT 60 AATAGCTGGT TCTATTTTT TTAAACCTAG AAAAAATAAA GTTGATTTTT TTCAAA 116

配列番号:381 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00405

配列:

GATCAATAGG GAGAGAAAAT CCACATTCTT GGGCTGAACG CGGGCCTCTG ACACTGCTTA 60 CACTGCACTC TGACCCTGTA GTACAGCAAT AACCGTCTAA TAAAGAGCCT ACCCCCAAA 119

配列番号:382 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00406

配列:

GATCTTTATT ATGGAAANCA TTTCAAGTTT ACTCCTTCTG TTTTAAGTTT TGTAGCAGTG 60
TACCCACGCT GGGTATTACN NCCNAAATAA TCTGTNAGTG AAAGTTGCCA TTATN 115

配列番号:383 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00407

配列:

GATCGANCTG CGCAANTGNG NAAGCTGCAG AGGACATCGC GTACCANCTC TCACGCTCTC 60
GGAACATCAC CTACCTGCCA GCGGGGCAGT CCGTGCTCCT CCAGCTGCCC CAGTN 115

配列番号:384 配列の長さ:113 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00408

配列:

GATCTCTCAA AAAACAAAGA ATTACATGAG TTAGTACATG AAAAAATTAT GGGAAACTAC 60 ATGAAATATA CTGTTACGTT CAATAAACAT TAGCTTCTGT ATATAATANT AAA 113

配列番号:385 配列の長さ:116

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00409

配列:

GATCTCTTCC CCCAACTTCC TAACACTTAT TAATTTATGA AACTGTTTTT CTCAGCGCAG 60
TTTTGTTTTG TGTGTCCATT GGATTACAAA CTTTATTAAA AAATATAAAA CACAAA 116

配列番号:386 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00410

配列:

GATCTCTCTC TTCTCGCGCG CGCACTCTCT CTTCAACACT CCCCTGCGTA CCCCGGTTCT 60
AGCAAACACC AATTGATTGA CTGAGAATCT GATAAAGCAA CAAAAGATTT GTCCCAAA 118

配列番号:387 配列の長さ:247 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00411

配列:

GATCTATAAA AAGTCAGCAA CTGATGTGTT TGAAAAGCAT CCTTGTCTNT ATATCCTAAT 60
GTTTGGATGT GTCTTNCTA AAGTCTCACA AAAATTAGTG GTAGCTCACA TGACCAAAAG 120
TGAACTATAT CTNCAAGACA CTGTCTNNGG GGGGCCAGGT CTTTTGTTTT TAGGNCCAGT 180
ACTTNNATAA TTTTNTAGAC GGATATGGTT GTCCTATGGA TGGCAATGGG TGNTTNCTCC 240
ATTTGNN 247

配列番号:388 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00412

配列:

GATCCTAGGA AGAGAGAACA GAGTGGCTCA CAAGCCCCAA CACAGTNAGC AGCAGATGAC 60
AGGCACNCTN AGACCACACT NTAGGCCACC CATGGGNCCA AAAGGGAACA GN 112

配列番号:389 配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00413

配列:

GATCACCACN TAAGTCAGAA AAATGTATTT TTAAATGTTT CTTGAAGTGC CTTTTGAACA 60 TTTTTAAACA GCGGATTTAA ATAATGCATA AANTAAATTG CCATGNTCAA A 111

配列番号:390 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

トルロシー: 直頭状 クローン名: HUMGS00414

配列:

GATCACCTTA GTTTGATTCT ATTTTTTAGC TTGCAAAAAG TGACTTATAT TCCAAAGAAA 60 TTAAAATGTT GAAATCCAAA TCCTAGAAAT AAAATGAGTT AACTTCAAA 109

配列番号:391 配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00415

配列:

GATCGTNACG CTCGCATCTA TAGATAACGG CTCTCCAGAC CTGAGCTTTC CGCGTCANAA 60 TGTAGGAATN GTTTTTCCTG CAGAGAATAA AAGGACCACG TGNAATACTT N 111

配列番号:392 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポコジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00416

配列:

GATCTTATTG AAGGACATCT TACAGCTTCC CAATGAGAGG CCAGGAAGTG TGAACATACT 60
GATAGAAAAA GACTATATTT TATCCCTCAT AAAATGTTTT AAATGTAAA 109

配列番号:393 配列の長さ:116 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00417

配列:

GATCACTGAG TGTACAGAAG AGAGAAATTC AAACAAAATA TTGCTGTTCT TCAGTTTTGT 60 TTGTGGAATT TAAAATNACT CAAATTTAAA ATAAATNACT GGACTGTGGA AATAAA 116

配列番号:394 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00418

配列:

GATCTCAAGA GTTCACCTGG CTNACAGAAA GAAGATGCCA GATGACACTT AAGACCTACT 60 TGTGATATTT AAATGATGCA ATAAAAGACC TATTGATTTG GACCTTCTTC TTAAA 115

配列番号:395
配列の長さ:114
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS00419
配列:

BL79 .

配列番号:396 配列の長さ:106 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00420

配列:

GATCTGAATC TNTGACTTAT TGATTATGGA ACCTGTCAAG TAGTTTTNAA CTCTCCCAGT 60 GAGGATAATT AAACATGCTC AGCCTGAGCC ACCTCTAAGT NTCAAA 106

配列番号:397 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00421

配列:

GATCGTTCTT CATGGGGGTA AGAAAAGCTG GTCTGGAGTT GCTGAATGTT GCATTAATTG 60
TGCTGTTTGC TTGTAGTTGA ATAAAAATAG AAACCTGAAT GAAGAAA 107

配列番号:398 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00422

配列:

GATCCCCTCA AAAGGCAGGA NTGCTGCCCT CTNCCATGGT GCCCGTNCCT CTTTGCTGTN 60 TATGTNAACC ACCCATGTAA GGGAATAAAC CTGGCACTAG GTCTTAAATA AA 112

配列番号:399 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00423

配列:

GATCANCTCT AAGGTGCAAC TNCCTCCACA TACTGTACAT ACCTGTNACC ACTCTTGGAA 60 GTCCTGCAGT CTTTAATCAT NCTGTTTAAN CTGTTGTGGC ACAAN 105 配列番号:400 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00424

配列:

GGCAAATGAC TTGAAGATGC CATTCATACA GCCACTTAAC CTAAAGGGAA AGCTTTGAAG 60
GGCAAATGAC AGAGGGTAAC ATAGGAGGTN GGATNCTNAA TNNN 104

配列番号:401 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00425

配列。

GATCTTTGAT ATATCATAGT CATTAAAAGA CNTTTTCGTA TTTGTATTGA TAATGTATTA 60
AAAGTNGTTT GTNCTTAATA AAAGACTTCT TTAANCATCT NAAA 104

配列番号:402 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00426

配列:

GATCCCCGGC CTCAGTCCCT ACTCTGCTTT GGGATAGTGT GAGCTTCATT TTGTACACGT 60 GTGACTTCGT CCAGTTACAA ACCCAATAAA CTCTGTAGAG TGGAACAAA 109

配列番号:403 配列の長さ:110 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00427

配列:

GATCACCTGC AGCTGGCCAC ACCACAGGCC CCCGNTGCCT GCAGCACTAC TCNGTNCCTN 60
AAACACCTGG CCTGCTAGGA GGCTCCAATA AAGCTAACCC GGACCAGAAA 110

配列番号:404 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00428

配列:

GATCCTCAGA ACTTCTCTGG GACAATTTCA GTTCTAATAA TGTCCTTAAA TTTTATTTCC 60 AGCTCCTGTT CCTTGGAAAA TNTCCATTGT ATGTGCATTT TTTAAATGAT GTCTGTACAT 120

AAAGGCAGTT CTGAAATAAA GAAAATTTTA AAATAAA. 157 配列番号:405 配列の長さ:103 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00429 配列: GATCAGCAAC ATTTGCTGAG CCTGTTTTTN AAGCTAATGT GTATTCTNAC TAATNTNCCT 60 ATCAAGAATG GATTTGTAAT ATATNCTGTC TATTTCTAAT GTN 103 配列番号:406 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00430 配列: GATCTGTAAG CACAGTCTTA TTTNCTTTTG TTGTCCAGAA TACTTATAAT TCTTGAGCCT 60 CCCAGAAATT GGAAGCTAAA TAAAGCAACT CAAGTTTCCT TTAAA 105 配列番号:407 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00431 配列: GATCAGCATC ATTGGAACAT GGGGACGAGT GACGGCAGGA GGACCACGAG GAAATACCCT 60 CAAAACTAAC TTGTTTACAA CAAAATAAAG TATTCACTAC CAAA 104 配列番号:408 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00433 GATCTATCAC TCTCGTNCTT GTAGCTCCCA GCCGAGGACG TCGGATGTAA TCGTCCTTNC 60 TGCTTTGCCA CCCCATTCCC GTCAATAAAG TGGTTTGAAC CCAAA 105 配列番号:409 配列の長さ:105

配列の型:核酸トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00434

配列:

GATCAAACCT TTCTGGCCTG TTATGATTCT NAACATTTGA CTTGAACCAC AAGTGAATCT 60

TTCTCCTGGT GACTCAAATA A	AAGTATAAT	TTTNACCTGO	GGAAA		109
配列番号:410					
配列の長さ:101					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS00435				•	
配列:	•				
GATCAACACA AAGCACAATG NA	ATTACNCGN	AATTCAGTAT	TTTCAAATT	ACATATTTAA	60
AGTCATGCAA GCTGTAACTT CO	CCNGTCAAA	ATTACTNGCT	N		101
配列番号:411					
配列の長さ:100					
配列の型:核酸	ŕ				
トポロジー:直鎖状					٠,
クローン名: HUMGS00436					
配列:					•
GATCATAAAG NNCTATCAAG GA	GTTCTATC	AAGGCATCCA	<b>ጥርጥር ለ</b> ርጥር ርጥ	• ሮሮሞል ምርርጥርር	co
TTACAACTTG AGATTTTTGA AA	TAAAAAAT	TTGTCATAAA	IUICAUIUUI	UCIAIUCIUU	60
in the state of th	I MINIMAN I	IIUICAIAAA			100
配列番号:412					
配列の長さ:103					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS00437					
配列:					
GATCAACAGG CTTATTAGAA GA	ATGAACTA	AGGTGTCTAC	<b>ΓΑΤΓΑ</b> ΤΤΑΤΝ	<b>ጥጥርጥል አርርጥ</b>	en.
GGTTGGTTAA TAAACAGTAC CT	GCTCTCAA	ATTGAAAAAG	ONIGHTIATA	THETANGET	103
		III I GIMBUMU	nan		103
配列番号:413					
配列の長さ:99					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00438					
配列:					
GATCTTGTGC TGTGTCAAAG TA	ACAGACTA	GAACCTTCTT	TCAAGTACCT	GAATTGAAAT	60
NAAACTCATT TTGAATAATA AA	AACTCTAG	AAACTCAAA	10.010111001	UMMIIUMMI	99
					33
配列番号:414					
配列の長さ:99					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00439					
配列:					
GATCTGTAAT AGCATATTGT AGA	ATGCACTT '	TGCAGCAGTT	GGAAAAGAAA	GTGTTGTGTG	60

ATTTGATTGA AATAAAACTA AATGTGTTGT CCTCCTAAA	99
配列番号:415	
配列の長さ:96	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS00440	
配列:	
GATCCCTGTG CCAGGAGCCA ACCTGGTCTT CCCGAGGGTC AGTGCCCCAG TGAAGACAGA	
AGCGAGAGAA TAAAGTTCCC TGTAGGTCCT CTGTCN	60 96
配列番号:416	00
配列の長さ:97	
配列の型:核酸	•
トポロジー:直鎖状	•
クローン名:HUMGS00441	,
配列:	
GATCCTCCCA TCCGTGTTGT GAGCACAGGC ATTTGTGTNT GGNCTGTCCT CCCTGTTGAT TGGTCTGGCA TTTCCGGTAT TAAAATGATA ANATAAA	60
TOTAL TITOCUTAL TANANIUMIA ANATAAA	97
配列番号:417	
配列の長さ:93	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00442	
配列:	
GATCCTGCAT ATCTCAAGGA CCCTAAAGTT TGTAACATCA GATATCGGGA ATAAATTCTA	60
TCACGTTACC ACTAATAAAC TTATTTTACA GTN	93
配列番号:418	
配列の長さ:97	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS00443	
配列:	
GATCTGTATT TTGCAAATAT TTTCTTCAAT ATGTGGCTTG TCTTTTGGTT CTCTTAACAA	
GGTCTCTTCC AGAGTATAAN CTGTAAATAT TAAGAAA	60
Old Hall Induna	97
配列番号:419	
配列の長さ:98	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00444	
配列:	
ATCTGGACA GAATCGCCGG ACAGGTGGCA GCTGCAACAA GAAGCATTAG AACAAACCAT	60
	~~

GCTGGGTTAA TAAATTGCCT CATTCGTAAT CCTGGAAA	98
配列番号:420	
配列の長さ:100	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS00445	
配列:	
GATCTATTCT GAGTATTTTT TAGAGAGTTA ATATTTATAT TTTTAGTAAT TTTCTGGTAG	00
AAGGAAATTG CACAATAAAA TNATTTGGTT TGGTTTGAAA	60 100
配列番号:421	
配列の長さ:93	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	:
クローン名:HUMGS00446	
配列:	
GATCGTTGGC ACCATAGCCT TATGGCCAAC AGGTGGTNTG TGGTGAAAGG GGCGTGGAGT	eΛ
TTCAATATCA ATAAACCACC TGATATCAAT AAA	60 93
配列番号:422	
配列の長さ:94	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00447	
配列:	
GATCTGTGTT TNCCCTGACG AATGGAATTT ATCCTCACAA ATTGGTGTTC TAAATGTNTT	60
AAGAACCTAA TTAAATAGCT GACTACAAAA CAAA	94
配列番号: 423	
配列の長さ:206	
配列の型:核酸 /	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00448	
配列:	
GATCCCAAAC CTTACGGCCA AGTTTCTTCT AGTATGATGG AAAGTTTCTT TTTTCTTTGC	60
1010AATAAA AUTGAACTGT GGGTTCTCTA TAAGTGGCAT TTTCGGCTTT CCCTCTTTTT .	00
TOTALAGGAA TOTOTGCCTA GTTTATTGTC CAGTTAACTT TAGTGACCTT TTAAAAGTTG 1	80
UCALITIAAA TAAAATAATTI TIITAAA	06
SCI Full of Fr.	

配列番号:424 配列の長さ:481 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00450

配列:
GATCTCACCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA CAGAGCGAGA CTCTGTCTCA ACAACAACAA 60
CAAAAAGTCC TGAACATGAT TGTGGAAGTG TGTTGCTCTT TCAAGTTCTA TCACTTTTTG 120
TTTGCAAAGT TCAAAGCTGT ATTGTTTGGT ACATATACAT GTAGGTTTGC CAAGTCTTTG 180
TGGTGAATTG ACTCTTCTGT CATTATGTGA TGTCATTTTT TTGCCTTTTA ATAGTCTTGT 240
CAATACTTTA CCTGATGTTC TCATAGTGAC TCCTGCATAT TTTGATTAAT GTTTGCATGG 300
TTAATATTC TICATTITAT TITAAAGCTT ACCIGIATCA TIACTTATGA AGTCAGTTTC 360
TTTGAACAGC ATATACTCAG GCCATGCTTT TTTTNATTCA TTCCTGCATA TGGCTCTCCT 420
TAAATTGGGA ATGGTGGAAA ATGGNTTTAC CATTAANAAT AAATTAATTG GTATITITAA 480
A 481
配列番号: 425
配列の長さ:87
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS00451
配列:
GATCTGGTCC ATGAGGCTGC CCAGAGAAAG CACTGCTTCT NTATGTCTCT TGTGGTATTG 60
GAACAATAAA CCCGTACAAC CTGCAAA 87
GAACAATAAA CCCGTACAAC CTGCAAA
TOTAL TILE AND
配列番号: 426
配列の長さ:93
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS00453
配列:
GATCATACTT GAAAGTGAAC TITAACATTG AAAAATCGTA CAGTONTTO INIGHT
AAATAAAATT TTCTCTTTGT CTGAACCTGC AAA
配列番号:427
配列の長さ:85
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS00454
配列:
GATGGGATGT GCTCTCACAC CATGTTTTTG TACAGAACTG ATGGTTGAAT CTTTGTTCTC 60
TTGAAATAAA CAGAAGAAAA TGAAA
配列番号:428
配列の長さ:87
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS00455
361 Kil
GATCTATTAA AGAAGTAATT GGCCTTTCTG AGCTGATTTT TCCATCTTTT GTAATTATCT 60
UNICIALIAN DUMBULINIA

TTATTAAAAA ATTGTACTTG GATTAAA	87
配列番号:429	
配列の長さ:91	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HTMGS00456	
配列:	
GATCTCATTC CATGGGAAAA AAAAAAATCC TGTCTTNTTC ANAAATTGAC AATGTAAATA	60
AATTNAAATA TGGTTCACTG TTACTCTTAA A	91
配列番号:430	
配列の長さ:84	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00457	
<b>耐力剂</b>	
GATCTGAGAA ACAGGTGTGA CAAGAGCATG AACCANAGGT GCACCTGGGG CAGTTCCCTA	60
ATAAAACTGG TTTGTACAGT CAAA	84
Allianioted	
配列番号: 431	
配列の長さ:83	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00458	
#G1 751 .	
GATCATGAGA GTGCCTGTCC CTTGTGAGCA CTATGAAAGT GTTAGCTGTT CTTTACCAGA	60
ATAAATGCAT TTCTATATCT TCN	83
Allegations 1102	
配列番号:432	
配列の長さ:84	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00459	
ला है।	
GATCACCGAC TGAAAATATT GTTTTACAAT AGTTCTGTGG GGCTGTTTTT TTGTTATNA	A 60
ACAAATAATT TAGATGGTGG TAAA	84
·	
配列番号:433	
配列の長さ:80	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00460	
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
GATCTTCATG GATTTNCATA CGATTGTAAA TGNAGCTATA TTAAAGTCTA TTAAAGGA	AG 60

	00
CCTTCTTGT TTGAGGGAGN	80
配列番号:434	
配列の長さ:86	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00461	
515d .	
GATCTATGCT TGTTTGTTTT TGTAATCCAT ATCATAGTTG CTTTCTTTAA TTGTTCCTTC	60
TGAATAAACA GTTTATTTAA GATAAA	86
Idinamidadi VIIIII	
配列番号:435	
配列の長さ:83	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	• •
クローン名: HUMGS00462	
<b>63</b> 50 .	
GATCCAGTCA CTGACTCTGT CTGGTGTTGA CAGAGGATTT ATTTAAGCTA TTATTTTAAT	60
AAAGNACTTT GTACATTTTT AAA	83
AAAdukelli dikoniiiii issa	
配列番号:436	
配列の長さ:85	
配列の型:核酸	
に対し至・後級 トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS00463	
配列: GATCTACATA CAAACAAATG CAACCAACTA TCCAAGTCGT TATACCAACG TAAAACCCCC	60
AATAAACCGT TGAACATGTG ACAAA	85
AATAAACCGI IGAACATGIG ACADA	
配列番号:437	
配列の長さ:86	
配列の型:核酸	
配列の至:核酸 トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00464	
配列: GATCTGCTTT TACTTTGTAA TTTGTAGTTC TCAAAAGACT TTTTTTTAAA AAAATAAAG	N 60
CCATACTTAC ACTTAGGCTT TATAAA	86
CCATACITAC ACTIAGGCTT TATAGA	
五句. 5. 5. 420	
配列番号:438	
配列の長さ:83	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状 トラーン名:MDGS00465	
クローン名: HUMGS00465	
配列: GATCATTCTG AGTGTGCGAG TGTGTGTGCA CATGTTACAA AGGCANCTGC CATGTTAA	TA 60
GATCATTCTG AGTGTGCGAG IGTGTGTGCA CATGTTACAA AGGCAACTGC	

AAATATTCAA TTTGAAATCC AAA	83
配列番号:439 配列の長さ:78 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00466 配列:	
GATCCAAACT GTCTTTTTT TGTATCTGTT ATTTAAAGCC CAGTGGATAT TTCAATNAAA AAAAAAATCT AAAGATGN	60 78
配列番号:440 配列の長さ:80 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00467 配列:	
GATCTGACCA CCTCTGCCCT GTCCACCAGG ATAAGTGACA CCTAGGACCC AGGAAATAAA TGCCGATGAT TTGTGTGAAA	60 80
配列番号:441 配列の長さ:73 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSOO468 配列: GATCTTACAG GGAGAGAGAT TGGGTGCAAT TTGCCTCTTT CTTTGAATAA AAAGCTCTT GCTCACCCTC AAA	T 60 73
配列番号:442 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00469	
配列: GATCAAAAGT CTACATAACT AATACTCACA GCTGAGCTAT GTAGTATGCT ATGATTAAA TTACTTATGT AACTTTTATT GTCTTTGGCA TTAACAGTGT TTCAAAAAAAT TTCCTGTG TACCCATCAG TGATTCATTC CCAAATCTNC TAGAAGCATA AGTGTCTCAA TATATTAAA CATATTGAAT AATCAAA	IW 150
配列番号:443 配列の長さ:75 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状	

クローン名:HUMGS00470

GATCCAGGCG CCACGCTGGC GGIICGIGAG IGICGAGGCA CCACIAMITA IMOTATOR	60 75
配列番号:444 配列の長さ:74 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00471	٠
GATCANATIG TAAGCTTTIC IGIIINAIII CIIIIAAGAA CCIIIGAATA	60 74
配列番号:445 配列の長さ:73 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00473 配列: GATCTCTTTG TAGCCATCCT GTTAAATTTG TAAACAATCT AATTAAATGG CATCAGCACT TTAACCAATG AAA	60 73
配列番号:446 配列の長さ:71 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00474 配列: GATCATGTCT GAATTATGTA TGAAAATTAT TCTATGTTTT TATAATAAAA ATAATATATC	60
AGACATCGAA A  配列番号: 447  配列の長さ: 69  配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クコーン名: HUMGSC0475  配列: GATCTCTACC CACCCCATGC CTCTCCCNAG TCTTGGATAC TAATAAAATG ATAAGCATTC	71
GATCTCTACC CACCCCATGC CTCTCCCNAG TOTTGGATAC TAGTAGGATCT TGGTTCTCN  配列番号: 448  配列の長さ: 68  配列の型: 核酸	69

-ン名:HUMGS00477

配列: GATCGTAATG TAAAATTCTT TTACCATGTA CAAGAATTAT TAAAATACAG GTACTTGACC ACATTCTN	60 68
配列番号:449 配列の長さ:72 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00478	
配列: GATCGGGCCC CGGGGGCCTG AGCCTGGGAC CCCACCCNGT GTTAATGAAA AATGAGTTTT GGCAGCGCCA AA	60 72
配列番号:450 配列の長さ:64 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00479	· :
配列: GATCCTTTTG TAATGACTTA CACTGGAAAT GCGAACATTT GCAGTAAAAA AATATATATA TAAA	60 64
配列番号:451 配列の長さ:66 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00480 配列: GATCATGCAT TTAGATTTAT ATTTTTNCCA NAAAATACAA GGTTATAATA AAACTAAGA CTACCN	N 60 66
配列番号:452 配列の長さ:70 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSOO481 配列: GATCTCTATT GTAATCTCTA TTGGAGATTA CAATGATTAA ATCAATAAAT AACTGAAA TGAANATAAA	CT 60 70
配列番号:453 配列の長さ:65 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状	

クローン名:HUNGS00482

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00487

GATCACTAAT TTTGCATCAG TAAAATGAAT IIIIITAAAA CCAATAAATG	60 65
配列番号:454 配列の長さ:63 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00483 配列: GATCACAGTT GCGTCATTGT GTATTAAATA CTTGGAATAA ATCAAGCAGG TCTCAACGCC AAA	60 63
配列番号:455 配列の長さ:68 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00484 配列: GATCATTAAT TGTAAAGCGC TTTGTAAAAT TCACATTTAC AAAATAATAA AGTCAGTTCA	60 68
配列番号:456 配列の長さ:63 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00485 配列: GATCTGTGTC TGAGTCATCT TTGTATCTTG CCTAGCACCT ATCAATAAAT ACTTCTTGAA	60 63
配列番号:457 配列の長さ:62 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:MUXGSOC486 配列: GATCATGGGA ATATGCAGAA TTTCCAATGT ATTTTTAAAT ACAAATAAAA TTGTAATTTA	60
配列番号:458 配列の長さ:62	

GATUTAACAU TAACIGIATI GITTIGITOA CATUARATAA AORIOTIOTA TAATOTIOTA	60 62
配列番号:459 配列の長さ:61 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00488 配列: GATCTCGGCT CACTGCAATC TCTGCCTCCC GGGTTTCAAG CTTGTCCAGG NNNATCTCAA A	60 61
配列番号:460 配列の長さ:61 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSOO489 配列: GATCAACCTG AGTTTTAAAA TACCTTTAAT AAATATNAGT NGAAAAAATG TCTACTTNAA	60
A 配列番号:461 配列の長さ:61 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00491 配列: GATCAAACAC CCCACCCTCA CAAAAATGGC CACGTTGCAA TAAAAATTGT GGCATATTAC	60 61
配列番号:462 配列の長さ:86 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: TJAGS00493 配列: GATCTTTATT TTCCCTTTGT ATTCATTTTA AGCATCTAAA TAAATTGCTG TATTGTGCTT AATGTAAATA TTTGCTTTAT TACAAA	60 86
配列番号:463 配列の長さ:66 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00494	

PATCTCTACT ACTGTTGATT TTGCCCTCGG AGGAAGIGA AIAAAGAAG MIGHTGHAAL	60 66
配列番号:464	
配列の長さ:70	
配列の型:核酸	
トポロジー: 直鎖状	
クローン名: HUMGS00495	
配列: GATCAAACTA GAACTCATAT GCCATACTAG ATATGGTTGT CAATAAACTT ATGACGTGAA	60
AAAAAÄGAAA	70
AAAAARUARA	
配列番号:465	
配列の長さ:57	•
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00496	
<b>刷</b> 列·	
GATCCAAAAA GTGCGCGATG CGAGTAGTCA AGTCGTACTC CGCCATCTTG CCAAAGN	57
配列番号:466	
配列の長さ:65 ,	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00497	
配列:	60
GATCTAAAGC TCTTTCGATT TTATACTGAT TAAATCAGTA CTGCAGTATT TGATTAACCA	65
AGAAA	•
配列番号: 467	
配列の長さ:55	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00498	
配列: GATCTAAGGC AAGAGTTTCA GATTTACTGT TGGAAATAGA CCCAACTCTT CATGN	55
GAICIAAGGC AAGAGIIICA GAIIIAGGG 1	
配列番号:468	
配列の長さ:56	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00500	
<b>和利</b> •	
GATCATAAAT ATTAATGGNG AAAACACTGT AGTAATAAAT TTCNATATGC CAGAAA	56

配列番号:469 配列の長さ:52 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00503

配列:

GATCTGTTCA GTGTCACTCT GTACCCTCAA CATATATCCC TTGTGCGATA AA

52

配列番号:470 配列の長さ:54 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00504

GATCCCCGGT NGGTTTTGTG CTCAAAATAA AAAGCCTCAG TGACCCATGA GAAA

54

51

配列番号: 471 配列の長さ:57 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00505

GATCATCCGG TTATAGAGCA TAATTTGCCA ATAAAGCTTT TGGAAGCGGG AAAGAAA 57

配列番号: 472 配列の長さ:60 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00506

GATCCAGTGT TGGNATTCTT TGGTGTAAAT AAACGTTTGG TTTTATTTAT NCAGGTTAAA 60

配列番号: 473 配列の長さ:51 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00507

配列:

GATCTCATTT ATTGCCACAG ATGCACAAAA TAAATAACCC AAAATCACAA A

配列番号:474 配列の長さ:80 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00510

GATCATATAT TTTGACAAAA TATATTTATA ACTACGTATT AAAAGAAAAA AATAAAATGA GTCATTATTT TAAAGGTAAA	60 80
配列番号:475	
配列の長さ:77	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00511	
配列:	60
GATCCAAAAC TTTAATGTTG CACNTGTATT CCAAATAAAG GGTAAAAACA GAACCAAAGT	77
TATAACTCCA ACACAAA	* '
配列番号:476	: *
配列の長さ:669	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00532	
配列:	••
GATCAAAAAG AAGGCTTAGA ATTCTGCAGT TAAGCTGAGG TTTAAACTAA AAANTGTTTC	60
CTTGGGTCAG TGGTTTTNAG GTCCAGTAGC TAGGCTTTTT TCTTTTGTCC TTCCTGTTGG	120
AATGAAAACA TTTCGATTTT CCTTCATCTG TGACTGGTGC CATAGACACA GGTTTATAGT	240
TTTAACTTAC AGTATTGTTT GAAATTTACC TGTTTTTNTT GTCAAACCTG AGCACTCCTC CTGCTGAAGT TTCTTATTTA ATTCCAGAGT ACTGTCCTCT ACTCTAAGGC ATTACTTTA	300
AGTGTATTAT GAAGGCAGTT TTCAAAGGAT ATGACCAGTT GGGGGTAATT CAAATTAAAA	360
AGGAAAAGAT TTGTTTGGGA AGTAACTGGG TGTCTCTAAG AGGGAATTTT TAGGATGTCC	420
AGGAAAGAT TIGITIGGA AGTAACIGG TGTOTOMA MOGATAATT CAGAGCTCCC	480
ANGACTAGGC CCTGGGCTAA CCAANCATTN GGGNGGCCAA AGGTTAGGGA ACCATTNGNT	540
ACCAAGCTTT TGNANCAGGG GGNTTTNTNC CATTTGGGTA ATAGGGCCCT TTTCANGCCT	600
TTANGGGTAN GCTTTTTTAN CCCNGAAACC NTTNNTNNNT TTGNAATTAA ACCGGAACCT	660
TTTGNCAAA	669
配列番号:477	
配列の長さ:651	
配列の型:核酸	
トポロシー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00533	
配列:	1 60
GATCAACCTG GAGCTCTACG CCTCCTACGT TTACCTGTCC ATGTCTTACT ACTTTNACCCCGATGATGTG GCTTTNAAGA ACTTTGCCAA ATACTTTCTT CACCAATCTC ATGAGGAGAG	3 120
GGAACATGCT GAGAAACTGA TGAAGCTGCA GAACCAACGA GGTGGCCGAA TCTTCCTTC	A 180
GGATATCAAG AAACCAGACT GTGATGACTG GGAGAGCGGG CTGAATGCAA TGGAGTGTG	240
ATTACATTIG GAAAAAATG TGAATCAGTC ACTACTGGAA CTGCACAAAC TGGCCACTG.	A 300
CAAAAATGAC CNCCATTTGT GTGACTTCAT TGAGACACAT TACCTGAATG AGCAGGTGA	A 360
CUMUMITATIO ONOGITATION -	

AGCCATCAAA GAATTGGGTG ACCACGTGAC CAACTTGCGC AAGATGGGAG CGCCCGANTC 420
TGGCTTNGGC GGAATATCTC TTTGACAAGC ACACCNTGGG AGACAGTGNT AATGGAAGCT 480
TAAGCCTTGG GGNTAATTTN CCCCCATANGC NGTTGGGTTG ACTTCNCTGG TCANCAGGGC 540
AGTTCANTGA ATGTTNGGGG TTNCCTTTAC CTTTNCNTTA GGTNGTCCNA AACAATCCNT 600
NAAAGTCTTT GNTTTGNACC NTTCCGNNAA TAANGGATTN GGGCCCNGAA A 651

配列番号:478 配列の長さ:617 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00534

配列:

GATCAAGAAA GTGGGGGGAA AAAAAACAAA CGTTAAAACC TCAATCCTCA GTAGGAAGGT 60
AGATTACATT AGGTGAAATT ATAGGTAATC TATGTATGTN CTAATGGGT TGGAAAGAAC 120
CTTACAGAGC ATATTACCTG ATAAACTGGA GTGGGTTTGG GAGAACAAAC TAATAGGATT 180
ATNGTNTCTC CTAGTTGGTA CCTGGGAGCA ATTGACATGC CCCCTTCAGA ACCTTAACTG 240
TTAGTAGCAG TGGCTGTAAC AACACAAACC AGTGACCAGA GATAACAGCT TTTNGGCCAA 300
GCTGGCCTGA CGGTATGGCT GCAGGANGTG ACTGAGCAGT AGCGGTACTC AGCCAGACCA 360
AGACGGAGAG GGGAGAGTCC ACAGCTTTCT GGAGCTAAGG CATTCTGGTG GTAGAAAAGT 420
GTGCCCNAAG CCTTCATNGG CGGGTTATAN GGTCTNAAGA TAAGTCTCCT CTTGTNTGGG 480
ATNCCATACT NTGCTAAATA ACCNNGGTAT TANCCGGGTT TTCCNTGTAA CNGCCTCTNG 540
GGAGGAANTG ACTNNGNAAG NTGGCACAGG TNTTTAAGCN TNAATGGAAA GGGNNAAATC 600
CTNCTCAAAN TAGAACN

配列番号:479 配列の長さ:569 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00535

**阿利** 

GATCTGTCAG CTGCTTAATT AATTGAAACT TCTCTGTCAT TGATGTTGCA TTTCCAAGGA 60
GATAATCTCC TTCTTGGTGC CTAATTTTCT AGATGATAAT AGGCTAGTTT TGATTTCTTG 120
CTCATTTTCA GAATAACTTT CCAGGAAGAG ATGGCATTTA GAACTTCAGC TTTGGTGCTC 180
AGGTATAAAG CCAATTAAGG TACAATTGTA CCATAAAGGG AACAATCTGT TTCTGATTGC 240
ACAGTTTCTA ATTTTTAAAA CTGNNGTGGT TTGCATTTCA TAAAAGGCAA AGTTTACAGA 300
NCCATAAACA TTCTCAATTT TCTTTATGCT AGACATATAA ATTTATTTTT CCAAACTGTA 360
ATAGGATTTG GGGTAAAAAG NTTGTCTCAG GTNCCTCTNC CCANTTTGCC AATGGGGNAA 420
AAAAAAAGGCT TAATTTTTTA CCATNNTACT TNAAATTTTC TAAAACCCNT GGTAACCCCC 480
CATTGGNACC CCNATTTTCC CANCTTTAAG GGTCTNGCAT NGGCNGGCTT TTTNAATTNN 540
CCCTGGGGGG GTTTTNCCTG GGAGGGCCN 569

配列番号:480 配列の長さ:556 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00536 配列: GATCCTGAGC NTGGTGCTGT GCTGTGGCAT CCGGAACAGC TCCGTGTACT GAGGCCCCGC 60 AGCTCTGGCC ACAGGGACCT CTGCAGTGCC CCCTAAGTGA CCCGGACACT TCCGAGGGGG 120 CCATCACCGC CTGTNTATAT AACGTTTCCG GTATTACTCT GCTACACGTA GCCTTTTTAC 180 TTTTGGGGTT TTGTTTTTGT TCTGAACTTT CCTGTTACCT TTTCAGGGCT GACGTCACAT 240 GTACGTCCCC TGTATGAGTG GAGACGGGCC TGGGTCTTGG GGACTNGAGG GCAAGGGGTC 300 CTTCTGCCCT GGGGTCCCAG GGTGCTCTGC CTGCTCAGCC AGGCCTNTCC TGGGAGCCAA 360 TNGNCCAAGA GACTCAGCTT GGNCAAANTT GGGGGGGGNTN TGTNCAACCA NGCCCGCNNN 420 TCCTNTTNGG GTTGAAAAGT TTAACCTTGT TTCCCTTTCT NGCCCCGGTT TTGGAGAACC 480 CGANTTTTTT GGGGNAATTT TTTGCTTTNA ATNAACTTNT NCCTTTTTTA AAAANGTGGG 540 556 TTTAAAACTN TNAATN 配列番号:481 配列の長さ:551 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00537 配列: GATCTACTGT CTTTGTTCAA AGGTCAAATA AAAACCTAGT CTCCTTTTAT TCTACTTTCT 60 ATTCTTAGCT AGAATGAAAC TCAGCATATA TACACTTCTG GACATAATAA TATTGAATAG 120 TAATTACCTT TACTAGATGA AAGAAATTTT CATTACAAAC TTAAATCATG TAAAACTCAA 180 CAACTCAGAT TCCTGGACCT GGTGTCCTGG NTGGGTCCAA GGTGATTTTA CAGAAGNAAA 240 AANCAACTNA AGCATTCTGG TGGCAACATA GAGATTGTAG GCTGCTTCTA AGGAAGTNAT 300 TAACAATTNG GAAATTCCNA AGTAGGATGA GAGTTAGTAA CTGGATACGA GTGAAGTTTA 360 TATCCAAGTT CAGNCTCAAA GGCATNATTA TGATTNGCTT CTTCCCATGT CTNCCATGGN 420 CCTGCTTCTC AAAGTTTTTC TNATCNATCA CACTGCTGCC TAACTGCTCT GAGNATGCAT 480 GNGGTNTTCA ATTCAGCGTN NTNTNAATCN GGNNTANCTN TGGATTGGGA TGGGGATACG 540 551 GACNTTAAGG N 配列番号:482 配列の長さ:520 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00538 配列: GATCTTAATT TTGAAATTGA CATGAAAGTG TCATATCAGT AATCTGTGAA CCACCAGTCC 60 TTGGTACCTA TCAGAGGGTC AAAAATCACG ATTAAATATA ACCAAAAAAC TTTATAGTGA 120

CTGATTCAAA TTTGAATACT GGTTTTAGCT AATGTAGTAG TAATGAACTG GTTTGGGGGT 180
AAGATTTCC TGGTATCTTA TTGCTGTAGA AATTTTCCTT TAACAGTTAC AGTGTTTCT 240
TCCAAATCCT TCACTTCTCT GTCCTGGCTT GTAAAGAAAA CATCTGAGGA CTGAGGGGTC 300
ATATTTGAAT TGCTCTNTAT AATACCATAG ACTACTCATT GCTTAGACTN TACTAAGCTA 360
GAAATCACAA GAGCATAAGC NACTCTNAAA ATTNATATNA TGNGAATGTA AAAGGTACCT 420
GNCTGCAAAT ATCTNGANCN TCACTTTGGC TCAAGTNTCN NGTTAACCTG TNNNNTAATA 480

CNGNNATGTG AATTNGGCCA CCAGGTCCAT GNTTGGCAAA

配列番号: 483 配列の長さ: 517 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00539

配列:

配列番号:484 配列の長さ:515 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00540

配列:

GATCTTCTGG CTCTACCACC ACAAGATATT ATCCTTGCAT CTNATGTGTT CTTTGAACCA 60
GAAGATTTTA AAGACATTT GGCTACAATA TATTTNTTAA TGCACAAGAA TCCCAAGGTC 120
CAATTGTGGT CTACTTATCA AGTTAGGAGT GCTGACTGGT CACTTGAAGC TTTACTCTAC 180
AAATGGGATA TGAAATGTGT CCACANNGNT CTTGAGTCTT TTGATGCAGA CAAAGAAGAT 240
ATAGCAGAAT CTACCNTTCC AGGAAGACAT ACAGTTGAAA TGCTGGTCAT TTCCTTTGCA 300
AAGNACAGTC TCTGAATNAT ACCNACAACC NGTNCTGGGA CAGTATCAAT ACTGATGAGC 360
AACCNGGCAC ACAAACTATG AGCAGACCAC TTCAGCTTGA GGAATGCAGT GGGTCTGAGG 420
ATGGTCAAGT CTGTTTGCCT TAGATTTTGN TGTCACTTGG CCACACTTGA AANCTNNTTT 480
GGAACAAAAN TTTAAATTCG GGTTTCCAAG GTAAA 515

配列番号:485 配列の長さ:510 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00541

配列:

GATCTGCAGC TCTCAGAGGA CGACTGAGGC AGCCCATCTG GGGGGCCTGT AGGGGCTGCC 60
GGGCTGGTGG CCAGTNTTTC CACCTCCTG GCAGTCAGGC CTAGAGGCTG GCGTCTGTGC 120
AGTTGGGGGA GGCAGTAGAC ACGGGACAGG CTTTATNATT TATTTTTNAG CATGAAAGAC 180
CAAACGTATC GAGAGCTGGG CTGGGCTGGG CTGGTGTGGC TGCTGAAGCC CCACAGCTGT 240
GGGCTGCTGA AGTCAGCTCC GCGGGGAGC TGCCCTGACG TCAGCAGACC GAGACCAGTC 300
CCAGTTCCAG GGGGAGGCCT GCAGGCNCTG GCCCTTCCAC CACCTNTGCC CTNCGTCTGC 360

NATAATGGNG CCCTNTGGN

AGANCTTGGT NCATCTGCAC CAGGCTCTGC TTNACTCNNN NANAGTNTTT GGAAATTTGT 420 TCTNNTCCTN TGAAAGTCAC ATTTGNTTNT AAAAATTTTG TGGNTTGAAT CGGAAACGGG 480 510 AAGNAATAAA GCGGTGGGNG GNAGGGCAAA 配列番号:486 配列の長さ:507 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00542 配列: GATCCTTACA TCTGCCCATT CTGTGGTTAG TCAATGGCTT GCAATAAATG TGCAAACTGC 60 ATCTATAGGA AACATTTTTG TGATTACGGA ATACTTTAGT TGATTGCTGA AAATATTGAA 120 AGGTCTTCAT TTTACAGTGA TGAGTACATA TGCATGTTTC GGGGACTTGG CCCTTCTGAT 180 GAGGGGCCCT CGGTACTCTG GATAACGAAG CTTGTGCAGA GTGGTAACCA TGCTTACACA 240 CTAAACTATA ATATAAAGGA AATGAAGCCA TGTTAATCTG AGAGCAGTGT CGCCATAGTT 300 GTGTTGTTTA CAATACTCTA TAAATGGGGT TCCTGTTGCC CTGTAATTAA CCTGCTGCCC 360 GTAGAGGCCT TTCCAGTTCC TTTTCTGTCC TTNCCCCTTT CTTAACACAA GCTCAAATTT 420 TCCTAACTNG GTTTTNNATT TGGAGGNCTT TTAAAANGGN CCATTTTCAA TACCATNAAA 480 507 ANTAACCAGG GCTTTATAAT ANTTAAA 配列番号:487 配列の長さ:155 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00543 配列: GATCCACTAC CGGAAGAAGA AACAGCTCAT NAGGCTACGG AAACAGGCCG AGAAGAACGT 60 NGAGAAGAAA ATTGACAAAT ACACAGAGGT CCTCAAGACC CACGGACTCC TGGTCTTAGC 120 CCAATAAAGA CTGTTAATTC CTCAAAAAAA NGAAA 155 配列番号:488 配列の長さ:499 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00544 配列: GATCTTAAAA ACTAACTTCT AAGATGATTT CATCTTCTCA TAGTATAGAG TTTACTTTGT 60 ACACGTTTGA AACCAACTAC TGTAGAAGAT GAGGAATCTA TTGTAATTTT TTGCTTTATT 120 TTCATCTGCC AGTGGACTTA TTTGAAATTT TCACTTTAGT CAAATNATTT TTNGTATTAG 180 TTTTTGATGC AGACATAAAA ATAGCAATCA TTTTAAATNG TCAAAATTTC CAGATTACTG 240 GTAAAAATTA TTTGAAAACA AACTTATGGG TAATAAAGGC TAGTCAGAAC CNTATACCAT 300 AAAGTGTAGT TACCATACAG ATTAATATGT AGCAAAANTG TATGCTTGAT ATTNCTCACC 360 NGTGNTAATG TTNCTGCNGT ATTCCAGCNG ACCAAACCAA TATTAAGNAT GCATCTGTAT 420 AAAATGGGNG CCTATNGGNT AATGGGAATN ATTNGGGTAA TNGGCCTNTA CCNGGNTGGT 480

499

配列番号:489 配列の長さ:516 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00545

配列:

GATCTACCCC GGACACGGGA GGCGCTACGC CAGGNCCGAC GGGAAGGTTT TCCAGTTTCT 60
TAATGCGAAA TGCGAGTCGG CTTTCCTTTC CAAGAGGAAT CCTCGGCAGA TAAACTGGAC 120
TGTCCTCTAC AGAAGGAAGC ACAAAAAGGG ACAGTCGGAA GAAATTCAAA AGAAAAGAAC 180
CCGCCGAGCA GTCAAATTCC AGAGGGCCAT TACTGGTGCA TCTTTTGCTG ATATAATGGC 240
CAAGAGGAAT CAGAAACCTG AAGTTAGAAA GGCTCAACGA GAACAAGCTA TCAGGGCTGC 300
TAAGGNAGCA AAANAGGGCT AAGCAAGCAT CTAAAAAGGNC TTGCAAATGG CTGCTTGCTA 360
AGGCACCTTC AAAGGGCAGC ACCTTAGGCN AAAAGGATTT GTNTAAGCCN TGTTGAAAAG 420
TTTCCAGCTT CCCCGTNTTT TGGTTGGGAA NNGGNTAAAC CTTGGCAGGG TTTTGNTTTT 480
TTTAATTAAN AGGTTTGGGG TTTTAANCTN TTTAAA

配列番号:490 配列の長さ:497 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00546

配列:

GATCAAGCTG ACAGACCCNN CTCTGCTCTG ACCTGAGGT CTCCACTCTG GTCAGCAAGT 60
ATCCAGACAT CAGGGATGAC CACATCGGTG CGCTNCTGGC TGTGCGTGGG GACGCCAGCC 120
GTGACATGAA GCAGACCATC ATGGAGACCC TGGAGCAGGG CCCAGCACAG GCCAGCCCCA 180
GCTACGTGCC CCTCTTCAAG GACATTGTGG TGCCCAGCTG AACGTGGCCA AGCTGCTCAA 240
GTAGCCTCCG CGGNCTGCCT GCTCGCCCTC CACAGCTNGG TCCTGCTTTA GAACGCGGGC 300
AGTNATTGTC TCTTGGCACA CGTGTCCTTT TAGTGACGGC TGTNTTTAGG TGCANTGTNA 360
TGACNGGGTG TGCGTCGAGT GANGTCNGAG GGCACGTGCG GAGGCNGTAN TTTGCTGTAA 420
AGGCTGTGGG TTCAGNGTTT NCNGACAGCG TTNNTTGGGT GTTGTTNTTC AGNGGTGAAG 480
TGTTNGGGAA AGNGNCN 497

配列番号:491 配列の長さ:494 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00547

配列:

GATCCAAGAA ACAATTCTG ATAATTGTGT GGTGATTTTN TCAAAAACAT CCTGTTCTTA 60 CTGTACAATG GCAAAAAAGC TTTTCCATGA CATGAATGTT AACTATAAAG TGGTGGAACT 120 GGACCTGCTT GAATATGGAA ACCAGTTCCA AGATGCTCTT TACAAAAATGA CTGGTGAAAG 180 ANCTGTTCCA AGANTATTTG TCAATGGTAC TTTTATTGGA GGTGCAACTG ACACTCATAG 240 GCTTCACAAA GAAGGAAAAT TGCTCCCACT AGTTCATCAG TGTTATTTAA NNNNAAGTAA 300 GAGGAAAGAA TTTCAGTGAT GTTTATACTA ATAAGTTTGC TAGTACAGTG TCAGTTATTT 360 AAAGTGGTAA TGCCCGNTAA TGTCTTTTAA ATGTTTTGAG GGATGTTTTA AAATACATGC 420
NATTGTCTTC ACGGAGGAGG GNTGTAAAAA TTANTGGGCC AATAAATTGC GGGTGGGAAN 480
CCNTNTTCTT NAAA 494

配列番号:492 配列の長さ:489 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00548

配列:

GATCTTGACG AGGCTGCGGT GTCTGCTGCT ATTCTCCGAG CTTCGCAATG CCGCCTAAGG 60
ACGACAAGAA GAAGAAGGAC GCTGGAAAGT CGGCCAAGAA AGACAAAGAC CCAGTGAACA 120
AATCCGGGGG CAAGGCCAAA AAGAAGAAGT GGTCCAAAGG CAAAGTTCGG GACAAGCTCA 180
ATAACTTAGT CTTGTTTGAC AANGNTACCT ATGATAAACT CTTTAAGGAA GTTNCCAACT 240
ATANACTTAT AACCNNAGCT GTGGTCTCTG AGAGACTGAA GATTCGAGGC TCCCTGGCCA 300
GGGCAGCCNT TCAGGAGCTC CTTANGTAAA GGNCTTATCA AACTGGTTTC AAAGCACTGA 360
GCTCANGTAA TTTACACCAG AANTACCANG GGTNGAGATG CTCCAGCTTG CTTGTGAAGA 420
TGCATGATTA GGTCCACCAG CTGTACATTT GGAAGAANTA NANCTTNTGT TAAATCAATG 480
GNGTNNAAA 489

配列番号:493 配列の長さ:487 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00549

配列:

GATCCTCTGN CACGGGATAA ATTINCAGGN GAAGAGTGAG GTTGTCATGG CCTCAGCTAT 60°
GCTTCCNGGC TCTCCCTCAA GAGTGCAACC TTGGCTAGGA AACTCACAGC TCTGGGAAAA 120°
AGAGGAGCAG ACAGGGTTCC CTGGGCCCAG TCTCAGCCCA GCCACTGATG CTGGATGACC 180°
TTGGCCTGAC CCTGGTCTGG TCTCANAATC ACTTTTCCCA TCTGTAAAAT TGAGATGAAT 240°
TTTNGTGTTG AAAGTNCTTC CNNGAGCAGA TGTCCTAGAA GGTTTTAGGA ATAGTGACAG 300°
AGTCAGGNCA CCCNAAGGGC CATGGGGAGC CAGCTGACCT GCTTNGCCGA AGGATTTCTG 360°
ACAGACTATC TTTGGGGATG TTTTCAAAGA AGGGATATAG GTTATTGACN TNNGGGCATT 420°
TAAAAGNAAAT TNTNTCTCGG GGATTAANTT TTTAGGANAA TNAAAGCTTT NGTGTCTANN 480°
GGCAAGN 487°

配列番号:494 配列の長さ:481 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00551

配列:

GATCCCCAGC TGCCACTGAA TCTGGCTGCC CTTCAGGCCC ACCTGGCCCA GGAGAACCGT 60 GTGGTGGCCT TCTTCAGCCT GGCTCTACTG CTTGCCCCAC TGGTGGAGAC GCTTATTCTA 120 CTGGACCGGC TGCTGTACCT TCAGGAACAG GGTTTCCATG CTGAGCTCCT GCCCATCTTC 180

AGTCCTGAAC TCTCTCCCAG AAACCTGGTT CTGGTGGCCA CCAAGATGCC CCTGGGTCAG 240 GCTCTTTNTG TTCTGGAGAC TGAAGACAGC TGATGCAGCC TGAGGAGACA TCTCAGACCC 300 CATCATCTGA AAGTGNCCAG AGAGCACAGT GGCAGAGTAC ATCTNATCCA GAGAAACAGC 360 ATCCTGCATC CTCCAGAGTC CTGGTTCCTT CAAGTTTCAT CNCTTTTNTC TCCTTTCCAT 420 GGGNTTATGT AAATACAATT GTAAAGTTTT AATTAAATTA AAAAATTGGG TTATCTGGAA 480

配列番号:495 配列の長さ:472 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00552

配列:

GATCTAAGCT CCAGGCACGC CTGAAGATGT GTTGCTACTC TNACATCCCG AGTTTCTGTC 60 CACACATTGC ATGCACAGCG CCCCACACAT TGGATACTGT TGTTCACGAT AATTTCTCCC 120 GTTTTCCAGA GCATTTAACA TAGCTTGGAG GCGTAAAATG GCTCTGTATT TTAATAACAC 180 AGAAACATTT GAGCATTGTA TTTCTCGCAT CCCTTCTCGT GAGCNCTTAG ACCTTTTNCT 240 ATTITAGTCG GATTTTGTTT TGGAATTTTG CTTTNGTATG AACACTCAGC AGAAAAGTAC 300 TTACTTCTNG CCAGTTATCT ATTAACCAAA ACCNTTGATT TGTAGTTTTA AAGNTTAACC 360 GNCAAAGTTC TNTNCATAAC TGCCTTGGCC AGTNNGGGGT NGTNCCGGTN CTGGTTAATN 420 GCCTGTGGCN TTTTNGGTGG TTTGTGNTTG GTNTTTACNT GNGCANTTAA GN

配列番号:496 配列の長さ:461 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00553

配列:

GATCAACCAA TTTTNCTAAA AGTTCAGTCG AAAGCTTTTA AGTATAGCTT CCTCCCTTGA 60 AAAAAAATGT AAACTATGAC TGCTGAGTGA TAAAACACTG TGGTGTGAAA GTNTCATCTT 120 CACTGCCAAT CAGGCAAAGA CCGGAAAGAT TTGCATTTTA TTATGTCTGT CTTATCATGC 180 AATGGAAATN ATGCTTTTNG TAAGTATGCA TCTTACCAAT GATGTAACGG TTTAATACCN 240 TTGAATGTTT TAATAACCAA GTNGCTGCTG AACTTATACT AAATCAGGGG CCAAAAAACT 300 NGCTCTNATC NNCTCAAATN GTATNCNATA TCCATTAATG TATCAGTTAT NCCAAAGCCT 360 TCAGGTGGAG GGGTTTACCA CCNTCCTAGG TCGTTCAACC AGGTTTTGTG AGGAATGCAT 420 TCAAAGTGGC TNTATAAAAG ANGATTTTCT TTAGCATGAA A 461

配列番号:497 配列の長さ:459 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00554

GATCCCAAAA TTCCACTTTT CAACACAGAT GTGGACAACC TAGAAGGGAA GACACCACCA 60 GTTTTTNCTT CTAAAGGCAA ATACAGGGCT CTGAAAATGG ATTTTCCTCT ACCCCCTTCT 120

ACTTACGNCA CCATGGCCAT TCGAGAAGTG CTAAAAATGG ATACCAGTAT CAAGAACCAG 180
ACGCAGCTGA ATACAACCTG GCTTCGCTGA GCAGTACCTT GTCCACAGAT TAGAAAACGT 240
ACACAAGTGT TTGCTTCCTG GCTCCCTGTG CATTTTTGTN TTAGTTCAGA CTCATATATG 300
GATTTCAAAT CTTTGTAATA AAAATTATTT GTATTTTAA GTNTTTATTA GCTTAAAGAA 360
ATAATTNGCA ATATTNGTAC ATGTACACAA AATNCNGGAG GTTCTTANTT TTAGCTCAGG 420
NTATAAAATNA GTCAAATNCN NNGGTNNNGG NTNNGNTGN 459

配列番号:498 配列の長さ:481 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00555

配列:

GATCCAGCAG AGAAGGATGA AAAGGGCATG CCTGTGACAG CTCGTGTGGT GTTTGTTTTT 60
GGTCCTGATA AGAAGCTGAA GCTGTCTATC CTCTACCCAG CTACCACTGG CAGGAACTTT 120
GATGAGATTC TCAGGGTAGT CATCTCTCTC CAGCTGACAG CAGAAAAAAG GGTTGCCACC 180
CCAGTTGATT GGAAGGATGG GGATAGTGTG ATGGTCCTTC CAACCATCCC TGAAGAAGAA 240
GCCAAAAAAC TTTTCCCGAA AGGAGTCTTC ACCAAAGAGC TCCCATCTGG CAAGAAATAC 300
CTCCGCTACA CACCCCAGCC TTAAGTCTCT TGGAGAAGCT GGTGCTGTNA GCCAGAGGAT 360
GTCAGCTGCC AATTGTGTTT TCCTGCAGCA ATTCCATAAA CACATCCTGG GTGTCATCAC 420
AGCCAAGTTT TTTANGGTTN CTATACCAAT GGGTTTATTT AAATGAAAAT GGGCACTTAA 480
A

配列番号:499 配列の長さ:453 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00556

配列:

GATCCAGATG CAGAGGCCAG GATGTGGGCC CAGCCCTGTG CCAGGAGGCT GGCTGGAATA 60
AAGGTACAGA TAGAGGCCTC ACCCCCTCTG GGACCACTGG CACTCAGGGT GTTTGCAGCC 120
TCAGAGCCCA CCTGCCCCCA GGGCCACAGC TGCATCTCCT GCCCTGCTGT CATTACAGGG 180
ATGGGCAGGC TGGCATGGGG GCACCCGCTG CCCTGCCTG GNTGTTGCTG TGTATTCCTG 240
CCGGCCAGGG GCACTGCCAG GACCACGCCT CCNTTTTNAT ATCCNGATTC TTAAGTTCTG 300
CTATTGTGGT ATTCTGGTGG AGAAAAAAGA CCGNGTGGCT GTTTTTGAAC TGCCTGGAAC 360
CTAAGACCCT GAATTCTTTT CCCCCCAAGG GAAAATCTAT ATGGAAACAT TTATTTAAAT 420
ACAGGATGAA GTAATTAAAA GNTTTAATTC AAA

配列番号:500 配列の長さ:446 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00557

配列:

GATCAAAGTT GGCAAGGTGC GGACTCGAGA CATGGGCGGC TACAGACCAC AACCGACTTC 60

ATCAAGTCTG TCATCGGTCA CCTGCAGACT AAAGGGAGCT AGAGCCCTTT ATTTCTCCA 120
ACCTTGCAAG GACCACACTN CCCATACCNT TCAGTGCAGT GTACCAGGGA AGAGCCTTGT 180
GCCTCTAAGC AGTGGACCAT GGTCACCTTG CTGGGTAGAG CCTAGGTTGT CCTTGGGCCG 240
GCTTCCTTAG GGGACAGACT NTTGGGTGGT GATGGGGATT GTAGGATGGA GCCAGGCACA 300
TGGATGATGA TGATTCTCCC NCACAGGTTC GAACCTCTGA CATGGGTGGC TATGCTACTN 360
GCNATGCTTA NTGAGGNTGT CATTGCTGCT TTNCCNAACC ATAGGCCTGT CATACNNTGT 420
AAGGNGTCAA TAAGGACATG ACCAAA 446

配列番号:501 配列の長さ:434 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00558

配列:

GATCCAATTC AGGTTAGGCT TGTTTGATTT TTTTTTCAG AAAATGTATT CCATAAAGTT 60
TGTACTTAGA CCAGACGGGT GTACTAAGAA TCATTCATGA GTAAATGTGT GTTGAATATC 120
TACCCTTGAC CTTTTTTTGA GAAATAGAGT AAACACAGTC CCTGTAGTCT GACAGCTAAT 180
GGGGAGAGAG GGTAGACTTT TCATCGAATT AAATTTCTAC ATGCACCTTT CCCCCAGAAA 240
TCTTACTCAT GGCTGGTCTC AAGTAAGTCT TTATTGAAAA ATATNGACAT ATCTNCTTCC 300
TCTTCCTTCT CCTCACTGTC TTCCTTTTAG TAGTTAGGCA GAGTTAATAG GTAAGAAAAA 360
TTATCTGCAT TTATGTGTAG TTTGTAATCT ACTAAAGGGG TTCTAGAATA AATGTNGNCA 420
TNTNGTAACN GAAA 434

配列番号:502 配列の長さ:430 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00560

配列:

GATCAAACAG GTTCAAAGTA AAACGTTAAA TTTCACATTT NTTTTAAAGA ACTCTTAAAG 60
TGTAACAGTT ACGCCATACT TCATAAGTGG TAAAGAAAGG TATAAAATTT GGAAACATTT 120
TGTTGGGCAT AGTAGTGATT GGGTGAAAAG GATAAATTAT ATCAAAATGA GAATGTNCTG 180
TAATTGGAAG TAGGGAGCTA AAGGATGTTT CTTTCAGTTT AGTAGAACTG GAACGTTTTA 240
CTATTAAACA TGGCTTTTAT AAATNCATGG TCCAATAATT TTATTCACTG TTAGTATTTA 300
ATTCACTGTC AGCTTATTAA TGTTTTCTGT ACCCATTAAT GAATTTTAAA TTACAAAAAA 360
TTGTCTAGCA GCTTCCAGTT TAANAAATGG AACCTAGGCC ATTAAAATTA AATTTGGTAA 420
ATTTTTTAAA

配列番号:503 配列の長さ:428 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00561

配列

GATCCTAAAT GTGTTGCTGA AATCAGGCAG CCCGAGCCTC TGGTCTCTCC AGAGAGCCCG 60

TNTTCACATT TGTNTATTCC TCAGCACTCA CCCGAAACTG AACAGATGGG GAGTGGTCTT 120
GATTGTCAAG ATAAAACTGG TGAAGAAAGC TAAATGCTGA GAAACTGAGC ATCTATTGTG 180
GTGTTTAAGC TTAGCTGGGT CCTTTCTAGT TTGTTTTTAC AGCTTACTAG GTGAAGTAGT 240
TTGCACTATT TTNGCAATAA ATTCATGGAA AACCTAACAG TTACTNGTNT NGTTTCTNAC 300
TGTGTGTATA TAANCTAATA CTAAANGTNT GGCATAGTGT TTNTGCACCT NCNTACATAA 360
CCNCTAACAT GCACAGAATG CTGGTAAATN TGATAAANTA TGANGTGANT GATGATNNGA 420
TANAGTGN 428

配列番号:504 配列の長さ:422 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00562

配列:

GATCCTCACC CTCCTGAGGC CCAGTGGGGA AGAATGAACA TGGCTTCATC CAGGTTAACT 60
NATGCTGCCA TTTGCCCAGC CTCTTCCATC CCAGCCCTGT CAGTNAGCCC AGGTCTGGTG 120
CAACTNCTGC AGGATGCCTG TAGTAGGGAA CTCTGGAAGT GTATTGGGCT GAGGTGGGAT 180
TTTCCCTCCC CACAGTGCAC TGAGCAATGG AGGGTGGTGA GGGAGCCATG CTGCTGAATT 240
CTGGTTGGCA TTTCCCCATT ATGTAAAATG GGGTGTTGGG TAGGGCAGAC TCTGCTTGGG 300
TTTGGTTGTA AGATAAACCT GGAGGAGAAG CACAGTTGTC CCATTGAATT ATTTGAGCAA 360
AAACTACTGT AAATAACTTT TTTGGGCTNT TGTCAAATAA AATTTTTTT TGTTTNTTTA 420
AA

配列番号:505 配列の長さ:417 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00564

配列:

GATCTGATTC AGAAGGGCGT CATCCAACAC AAAGAGAAAT GCAACCAATG AAGAATCAAG 60
CCACTGAGGC AGGGCAGAGG GACCTTTGAT AGGCTACGAT ACTATTTTCC TGTGCATCAC 120
ACTTAACTCA TCTAACTNNT TCCCCGGACA CCCTCCACCT CTAGTTGTTA CTAAGTAGCT 180
GCAGTAGGCA TTGCTGGGGA AGAAACAAAC ACACCAAAA CAGTACTGCT ACTTAGTTTC 240
TAAGGCTGCA CAGGGAAGGG AAAGACTGGG CTTTGGACAA TCTAGAGGTA ATTTATATCC 300
GCCCCCAGGT GGAGCAACAT GCGATTNTGG AGGCACGGGG GTAACTGAAA GTGAGTACAT 360
ATAGTNTTTC TGGTTTCTGG GGATAACCCA TCAATAAAAG CTGCTTCCTC TNGTAAA 417

配列番号:506 配列の長さ:421 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00565

配列:

GATCTTCTTT ATAATTCTAC TTTGAGTGCT GTCTCCATGT TTGATGTATC TNAGCAGGTT 60 GCTCCACAGG TAGCTCTAGG AGGGCTGGCA ACTTAGAGGT GGGGAGCAGA GAATTCTCTT 120

ATCCAACATC AACATCTTGG TCAGATTTGA ACTCTTCAAT CTCTTGCACT CAAAGCTTGT 180
TAAGATAGTT AAGCGTGCAT AAGTTAACTT CCAATTTACA TACTCTGCTT AGAATTTGGG 240
GGAAAATTTA GAAATATAAT TGACAGGATT ATTGGAAAATT TGTTATAATG AATGAAACAT 300
TTTGTCATAT AAGATTCNNT ATTTACTTCT TATACATTTG ATAAAGTAAG GCATGGTTGT 360
GGGTAAANCT GGGTTTATTT TTNGTTCCAC AAGTTAAATA AAATCCATAA AACCTTGGAA 420
A 421

配列番号:507 配列の長さ:413 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00567

配列:

GATCCCANAC TGGTCNTTGA ACAGÁCAGAA GGANGTAAAG GNTGGAAACT ACAGCCAGGT 60
GTGTACTGAA ATNAGGGCAG GATTAGAGGA AGGGTGGAGG GTCCTAACAG AATTGGGCAT 120
AGGAGGTCAG GGGATAAAAC ATCCCTTGCC CCCTCCTCTG AATCCAGGNC CTAGCCAATG 180
GNCTGGACAA CAAGCTCCGT GAAGACCTGG AGCGACTNAA GAAGATTCGG GCCCATAGAG 240
GGCTGCGTCA CTTCTGGGGG TGAGTGGGGG GTCTCATCTC CCTGCCTACC TCGACTCAGC 300
ATTCCTCCTA CTCGNTCTTC TTNTTTTCCC AACCTTTTTG TTTCTTGCTT GTNCATGACC 360
TNGTGACTTN TTCNTNTTTT TACCNTGCAN GCCTTTNGTN GTCCTAGGGN CAN 413

配列番号:508 配列の長さ:407 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00568

配列:

GATCTNAGGG TGAACCACTT CATTCTGCAG GGTTCTCCCT CCCACCTTAA AGAAGTTCCC 60
CTTATGTGGG TTGCCTGGTG AATGGCCTTC CTTCCCGCCA NAGGGCTTGT AAACAGACCG 120
GAGAGGACAG TGGATTGTTT ATACTCCAGT GTACATAGTG TAATGTAGCG TGTTTACATG 180
TGTAGCCTAT GTTGTGGTCC ATCAGCCCCT CACATTCCTA GGGGTTTNAG ATGCTGTAGG 240
TGGTATGTGA CACCAAAGCC ACCTCTGTNA TTTGTNGTGA TGTCTTTNCT TGGCAAAAGC 300
CTTGTGTATA TTTGTATATT ACACATTTGT ACAGAATTTN GGAAGATTTT CNAGTCTAGT 360
TGCCAAATCT GGCTCCTTTA CCAAAAGGAN ATTACCCCTTG NGGNAAA 407

配列番号:509 配列の長さ:402 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00569

配列:

GATCAAACAG TTTCTGGAGT GTGCCCAGAA CCAGGGTGAC ATCAAGCTCT GTGAGGGTTT 60 CAATGAGGTG CTGCANCAGT GCCGACTTGC AAACGGATTG GCCTAATGAA GAAGTTCAAC 120 CTGGAGAGAT GGAAAATCAG CTCTCATAAC TANGTTAATT TAGTATAAAA NTAGAATTGA 180 TAGTGAGGGT ATAAAGTGTA ACCATCAGTT AAACCTCTCC TGTCATTCCT GGCTTCCTTG 240 CTTCAGANTT GAAATGGAAG TGGGGGTGTC CCTACTCTGT AGAATCTGGG NCTGGGCAAA 300
TGTTTGTTTG GCCTCCTTAA ACTAGCTGTT ATGTTATGAT TTTTNTTCTT TGTGAGTTAA 360
TTAGGAATAA AGTCATTTTC TTTCCAAGGG TATGGTTCCA AA 402

配列番号:510 配列の長さ:396 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00571

配列:

GATCATGAGA AGGAATGGAA ACTAGGCCGG TGCATTTTAC GGTTCCCTGA GATTCTGCAA 60
AAGAŢTTAG ATGACTTATT TCTCCACACT CTCTGTGATT ATATATATGA GCTGGCAACT 120
GCTTTCACAG AGTTCTATGA TAGCTGCTAC TGTGTGGAGA AAGATAGACA GACTGGAAAA 180
ATATTGAAGG TGAACATGTG GCGTATNCTG CTATGTGAAG NAGTAGCTGC TGTCATGGCC 240
AAGGGGTTTG ATATCCTGGG AATAAAACCT GTCCAAAGNA TGTAATCCTT CATAGGTTTG 300
ACACTGTGTG TTTTACCCAA GTGGCCATTG GNACTGTTTG CTTTTTTACA ATCATGTGGG 360
CACAAGCNTA AGAAAGGAAA TTNGCAACCA GGGAAA 396

配列番号:511 配列の長さ:384 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00572

配列:

GATCCAATCA GATGCAGAGA ATGTGGATAC AGAATAATGT ACAAGAAAAG GACTAAAAGA 60
TTGGNCGTTT TTNATGCTCG ATGAATGCTG GGAATTCAGA GGAATGTNTT CACTTATACT 120
TGGATTTGCT CTCTTCCCAT TTCTGATTGT NGTATAGCTT TCGATTTNC TTACAGTAGT 180
TCCCCCTTAT CTNCGGGAGA TACATTCCAA GGCCCCCAGT GAACTCCTGA AACCTCAAAC 240
AGTACCAAAC CTTTATACAC TGTTTTTTCC ATATATATAT ACCTATGATA AAGTATAATG 300
TATANNTTAA GCATAGCAAG AGATAATAAT AATGTNATAG NCCATTGNTA CNANCTATAN 360
TAANNGGTTA TGTGANTGTG AAAA

配列番号:512 配列の長さ:383 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00573

配列:

GATCAGAGCA AAACATGCAG AGCCCTTAGC AGAAACCCAC TTTAATGCAT TTTCTTCATA 60
TCCCTAAAGT TCCTTAAAAA TATGTGACAA TGCATCAGGA AGAGGAGAAC TGAAGAGTAG 120
AAGTTCCCTT GCAGATTTTT TTATCAGTGA CATGTAATGA GCAATTCACA GATGAGCGCA 180
GGCAGAGCTC TGTGTGCCGT GTACATATGG ACCGTGCTAT GATGTGTCTC ACATTGGATG 240
ATATTCCACT TTGGGAATTT TAGTATTTGT ATATAGAAAA TGGGTTTAAT AACTCACCAT 300
GGTTTTNATT NGTCTTATAT TCGTTATTTC TTAAAACTCT NGTATGTGTT TTTATAATAA 360
ANAATAAAAG TAAGCCATGG AAA 383

配列番号:513 配列の長さ:381 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00574

配列:

配列番号:514 配列の長さ:381 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00575

配列:

GATCCCCCTG GAAGAGGGAC TCCAATGGGC ATGCCCCCTC CGGGAATGCG GCCTCCTCCC 60
CCTGGNATGC NAGGCNTTCT TTNACCCTTG GCCACAGAGT ATGGAAGTAG CTCCGCAGAG 120
GCGTGGGCTC GATTCCTCAG GGCCACGTTA CCACAGACCT GTTTGTTTCT NATGCTGTTG 180
TTCGTGGAGT CTCATGGGAT TGTNTGGTTT CCNTTACAGG GCCCNCTCCC CNGGGAATGC 240
GCCCACCAAG GCCNTAGACT CATCTTGGCC NTCCTCAGCT CCCTGCCTGT TTCCGGTAAG 300
GCTGTACATA GTNCTTTTAT CTNCTTGTGG CCTATGAAAC TGGTTTATAA TAAACTNTTA 360
AGAGAACATT ATAATTGCAA A 381

配列番号:515 配列の長さ:377 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00576

配列:

CGTCTTCTC CCTCAGAGCA GTGACAGCAG TAGTGCCCCA CGGACCCAGG ATGCAGGCAT 120
TGCCTCAGGG CCTGGGAACT GACCCAGCTG GTCCTGAAGG AGAAGCCAAA TGGCTGCACT 180
GGCCGATTCT GGTCTCCAGA GGACCTTGGT GTTTGCTCTC CCTTGACCCA CCCCAGTNAG 240
TGCCAAAGGG CAGCCCCAAC ATGTGCACCC CTGCATTTCC TGTCATGCCA CAGACTGGCC 300
CTTGAGGGCA GCCTGCTGT CTGGCCATGC TGGGCCAGCC NCACCTGGAG CTCAGTAAAA 360
ACTGCTGTTT GATTAAA 377

配列番号:516 配列の長さ:375

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00577

配列:

GATCACACCA GTTCAGAGAG CTACACTTTA TGGGTAACAG TTTCACCTGT NATACAGTTC 60
CCTAGAACAT TTTCCCAAAA GTAGTGAACT GCAAAGTGCT TAGGTTTGAC ATTTATTGTA 120
GCAGAACAGT AATATCACAG TATGGGACAA AGGTTTACAC TTTGCAGGGT ATTCTTTGGG 180
GGAATGTTAA ATACTGTAAT AAAAACATGT TCAATCATGG TAAAATGTTC AACTNGTTAA 240
ANTTACAAAT GGNCAAAAAA NATTTTTTTC CTNATATATN GCCTAANTAC CAAATGAAGN 300
GCTTAANCTT AAGNTTCAAT GTGAAANCGA GTAAATNTGT TCCTAAATTT GCAGNAATAA 360
NAGATANCCN GTANN 375

配列番号:517 配列の長さ:374 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00578

配列:

GATCCATGTA CTGTCATGTT TTTTTTCAGG AACAAGCACA TCATGATTGA TTTGGGGACT 60
GGCAACAACA ACAAGATTAA CTGGGCCATG GAGGACAAGC AGGAGATGGT GGACATCATC 120
GAGACGGTGT ACCGCGGGGC CCGCAAAGGC CGCGGCCTGG TGGTGTCCCC CAAGGACTAC 180
TCCACCAAGT ACCGCTACTG AGGCGCCTCA GTCTGCGCGG ATAAATGTCG TGGAGCCCTT 240
TTTGTATGGA AACGTTTTAA GCTATTTAAA GCCTTTGGAA AATACAGGAN GTNCAGGGCT 300
GGAGCACCTC TGAGATGGAA TTGATAACAT GGTCTTAACT CACCGAAATA AACAAGCACG 360
TNGTGAGNGG NAAA 374

配列番号:518 配列の長さ:374 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00579

配列:

GATCTCACCG TGGGTCCGAT TAGCCTTTNC TCTGCCTTGC TTGCTTGAGC TTCAGCGNAA 60
TTCGAAATGG CTGGCGGTAA GGCTGGAAAG GACTCCGGAA AGGCCAAGAC AAAGGCGGTT 120
TCCCGCTCGC AGAGAGCCGG CTTGCAGTTC CCAGTGGGCC GTATTCATCG ACACCTAAAA 180
TCTAGGACGA CCAGTCATGG ACGTGTGGGC GCGACTNCCG CTGTGTACAG CGCANCATCC 240
TGGAGTACCT NACCGCAGAG GTACTTNAAC TNGGCAGGNA AATTGCATCA AAANGACTTA 300
AAGGTNAAAN GGTTTTACCC CTNGGTNANT TGCAACTTTG GTTATTTNGN TGGGGGATGA 360
AGGNTTTGGG TTNN 374

配列番号:519 配列の長さ:372 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00580 配列: GATCAGAGAG ATTAGGATTG TATTTTGACA TAGGATTTGG AACCCATCTA AATGTTGAAG 60 TTCCCTGAGA CAGCTCTCCA GCTGCTNNGC CTGCGCCAGG GGCTANGCAG CCCCTAATGA 120 GAGGCTCTGC TCCCTTTCCC ACCTCGCCAA TGTTGTTGTT GCTGCCTTTT TGATTTGTAT 180 CCTCTGTTAT AGACATTTTT NAAAAACGAT TTCCTCTTTC ATTGTGCACA AGTGCTGAGA 240 GTCTNAGGCC CCATTTCTGC TGTGTATATA TATCCTGACT CGGGGCTTTT ATTCAGCAAA 300 CTGTTCATTC TTCTGTCAGA CAATGTCATA TTCAACTCTG TTCATATTAA ACCACTTGTN 360 AAGCANTNNA AA 372 配列番号:520 配列の長さ:371 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00581 GATCTGGTCG CTGCCCCAGG GGGACTGATG GGCAGNGTCG CCCCTGTGGC TGGACTGTNA 60 CCATCCCTGA TGGGGCCTGA CCGCGGGAGC TGAGGAAGCG CCGCTCCACC GTCTGCCCTC 120 CAAGGACCCG CATGGAGGCA GTGGGCTGGC AGCTTCCTGC TGCTCCGTGT NAGAGTCAAA 180 GCACAAATCC TCAGGACGGG CTCAAGGGCC AGGGCAGCCG AGGGAAGTNC AGGTGGGGAC 240 CACGTCTTCC TGAGGTTGGT GCCACTGCTT GGNACCGTTT GCAGTGGGGT GGCCTCCCCT 300 CTGTTTGCNT GGTGNAGNNA GCGTGGCGTG GGGACGTGAC TGAATAAAGC ACCATGGGTG 360 ATGTGTTGAA A 371 配列番号:521 配列の長さ:382 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00582 配列: GATCTNTGGG ACGTCAGCTG CTGAGAGGAG CAAGCGGTAG TACCACCCCT TAGTTGAGGG 60 AGTCAGCACA GTCCTTTCTG CAGCTTCTAA CCCAGGACCA TGAACTCAGG TGCCTAGAGA 120 AGCCAGGCAG CNNAAGGACA AGGAATGCTG GGGGCTGTGG GAACAGGAAT GCAGATACCC 180 TTTGAAGGAG CATTCCTGCT AAAAGAAGCT GAAAATGTAG ACCTATGTGA AGTGCTCTGA 240 TTTCTAAATA TTGTGAAGGT TAAGAAAAAC ATANATTTTN GGGTCTATGG GCTAGGATTN 300 AGNCCCACAG TTGGCCANTT TNTAGGNGGT NCCCAAATGG ANTGGTTAAA CCNNNGGTTT 360 NGNTTCCTAG CCTAGGGGTA AA 382 配列番号:522

配列番号:522 配列の長さ:382 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00583

配列:

GATCAAGAAC AATGCCTCCA CTGACTATNA CCTATCTGAC AAGAGCATCA ACCCTCTGGN 60
TGGCTTTNTC CACTATGGTG AAGTGACCAA TGACTTTNTC ATGCTGAAAG GCTGTGTGGT 120

GGGAACCAAG AAGCGGGTGC TCACCCTCCG CAAGTCCTTG CTGGTGCAGA CGAAGCGGCG 180
GGCTCTGGAG AAGATTGACC TTAAGTTCAT TGACACCACC TCCAAGTTTG GCCATGGCCG 240
NTTCCAGACC ATGGAGGAGA AGAAAGCATT CATGGGACCA CTGAAGAAAG ACCGAATTGC 300
ANAGNGAAGA AGGAGCTTAA TGCCAGGNAC AGATTTTGCA GTTGGTGGNN GTCTCAATTA 360
AGNGTTATTT NNCCACTGGA AA 382

配列番号:523 配列の長さ:367 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00584

配列:

GATCTCCAAG CNAACTCAGC CTCCANCCAA NCTCCCTGTG GGTCCTAGCC ACAAGCTCTC 60
CAACAATTAC TATTGCACTC GCAATGGCCG CCGGGAATCT NTGCCCCCTT CCATCATCAT 120
CNCGTCGCAG AAGTCGCTGG TGTCAGGCAA GCCAGCAGAG AGCTCTGCTG TAGCTGCCAC 180
TGAGAAGAAG NCGGTGACTC CAGCTCCTCC CATAAAGAGG TGGGAGCTGT CCTCGGACCA 240
GCCTTACCNG TNACACTGCA CCCTNACGGC ACCNGACTAC TTTGCCTGCT TGGATTTCCT 300
CCAGGGGAAT GTGACCTAAT TTATGNCAAA TACGTAGAGT CAGGTATCAC TTCTAGTTTA 360
CTNTAAA

配列番号:524 配列の長さ:365 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00585

配列:

GATCAAGAGG AAAGAGAACG TAACAACCAG AACCCCTGGA CATTTGAGCG AATAGCCACT 60
GCCAACATGC TGGGCATACG GAAAGTACTG AGCCCATATN ACTTGACCCA CAAGGGGAAA 120
TACTGGGGCA AGTTCTACAT GCCCAAACGT GTGTAGTGAG TGTAGGAGAT AACTGTATAT 180
AGGCTACTGA AAGAAGGATT CTGCATTTCT ATTCCCCTCA GCCTACCCAC TGAAGTCTTT 240
GGGTAGCTCT TAAGCCATAA CTAAGGAGCA GCATTTGAGT AGATTTCTGA AAAACAATGT 300
TATTTGTTGA TTTAAAAAGA AAACTGTATT NTTATTAAAT AAAATTTAAA CATCACTTCA 360
GGAAA 365

配列番号:525 配列の長さ:396 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00586

配列:

 TAAACTNTAA CACCNTTNAG AANTTTCTAA CTACTTNGNA ACTGNATGGT TTANCCCGGN 360 GNTAAAAGCN GTTTTTAAAA GTNTANGTTT TCCAAA 396

配列番号:526 配列の長さ:360 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00589

配列:

GATCCGCGGG CTTCCACTNC ACCATCGGAT GTTTGCCACT CAGACTGAGG GGGAGCTCAG 60
AGTGACCCAA ATTCTCAAAG AAAAGTTTCC ACGAGCTACA GCTATAAAAG TCACTGACAT 120
TTCAGGCACT AAAAGAAGAA ATCAAAGAGA TGCATGGATT GCGGATATTT ACCTCTGTCC 180
CCAAACGCTG ACCACGGCCT GGCTGCATAG ATGCTGCTGC TTAAGACCTT GGATGAACTT 240
CACTGACATC ATTCTTCCCT AAGCAĞTCAC CAAAAAAATTT ATATATNTNG CTCATATACA 300
NTNCCATATN ATANTTATAG AAGATGTATA ATCTATTTTA GATGTNANTN AAAGGGTAAA 360

配列番号:527 配列の長さ:267 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00590

配列

GATCGGGTTT GGCCCCAGC CCCGCTCACG CCAGTCCCTC TTCCTCTGCC GGGAGGGTGT 60
TTTCAACTCC AAACCCCAGA GAGGGGTTGT AGATTGGGTC CAGCTTTGCT TCAGTGTGTG 120
GAAATNTCTC GTGGGGTGGC ATCGGGGCTG CGGGGTGGGG ACCCCAAGGC TTTCTGGGGC 180
AGACCCTTGT CCTCTGGGAT GATGGGCACT GCTATCCACA GTCTCTGCCA GTTGGTTTTA 240
TTTNGAGGTT TNTGGGCTTT TTTTAAA 267

配列番号:528 配列の長さ:352 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00591

配列:

GATCAATCAC CTTCTGCTGC TTGGATGGGT GGATTTGGTG CTCAGCCTCC CCAAGGACAA 60
GCTCCTCCCC CTGTAATACC TCCTCCTAAC CAAGCCGGAT ATGGTATGGC AAGTTACCAA 120
ACACAGTGAG CCGGGACTCT AAAAAAAAAT TGTAATTCAT GATAGGCTTC GATTTCCTGT 180
GACACTCTGA AGACATGAAA GTAGACATCG GAAAATGNAA ATATTTATTT TAAAAATTGA 240
AATGTTTGGA ACCTTTAGCA CAGATTTGCT TTGGTGAAGG ACACGTGTCT TCTAGTTCTG 300
CCTTTTNAAA GTTTNTTGTT CATGNTGGAT NTTGAACATN GNTTTTTNTT TN 352

配列番号:529 配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00592

配列:

GATCAAGCCT TTCTTTCATT CCCTCTCTGA AAAGTATTCC AACGTGATAT TCCTTGAAGT 60
AGATGTGGAT GACTGTCAGG ATGTTGCTTC AGAGTGTGAA GTCAAATGCA TGCCAACATT 120
CCAGTTTTTT AAGAAGGGAC AAAAGGTGGG TGAATTTTCT GGAGCCAATA AGGAAAAGCT 180
TGAAGCCACC ATTAATGAAT TAGTCTAATC ATGTTTTCTG AAAACATAAC CAGCCATTGG 240
CTATTTAAAA CTTGTAATTT TTTTAATTTA CAAAAATATA AAATATGAAG NCATAAACCC 300
AGTTGCCATC TGCGTGACCA ATAAAACATT AATGCTAACC ACTTTTTTAA A 351

配列番号:530 配列の長さ:348 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00593

配列:

GATCCAGAAT ACCCTGACCT CGCCCCAGTT CCAGCAGGCC CTGGGCATGT NCAGCGCAGC 60
TTTGGCCTCG GGGCAGCTGG GCCCCCTCAT GTGCCAGTNC GGTCTGCCTG CAGAGGCTGT 120
GGAGGCCGCC AACANGGGCG ATGTGGAAGC GTTTGCCAAA GCCATGCAGA ACAACGCCAA 180
GCCCGAGCAG AAAGAGGGCG ACACGAAGGA CAAGAAGGAC GAAGAGGAGG ACATGAGCCT 240
GGACTGAGCC ACGCGCCGTC CTCCGAGGAA CTGGGCGNTT GCAGTGCGTT GCACACCTTN 300
ACCTTCNACN TACTGATTAT TAATAAAGTT TTTTCTTTTA CCTGCAAA 348

配列番号:531 配列の長さ:347 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00594

配列:

GATCCTGAAG AGATTGAAAA AGAAGAGCAG GCTGCTGCTG AGAAGGCAGT GACCAAGGAG 60
GAATTTCAGG GTGAATGGAC TGCTCCCGCT CCTGAGTTCA CTGCTACTCA GCCTGAGGTT 120
GCAGACTGGT CTGAAGGTGT ACAGGTGCCC TCTGTGCCTA TTCAGCAATT CCCTACTGAA 180
GACTGGAGCG CTCAGCCTGC CACGGAAGAC TGGTCTGCAG CTCCCACTNG CTCAGGCCAC 240
TGAATGGGTA GGAGCAACCA CTGACTGGTC TTAAGCTGTT CTTGCATAGG CTCTTAAGCA 300
GCATGGAAAA ATGGTTGATG GAAAATAAAC ATCAGTTTCT ATTTAAA 347

配列番号:532 配列の長さ:346 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00595

配列:

GATCCGGTNT TGGTGCCAAT GTCTCCAACT TCACTTTTGC TCCTAGCACG ATTATATTTC 60
ACCTGGGACA TGCTGCTATG CTGGGACTCA TGTATGTCTA CTGGACTCAG CTCAACATGT 120
TCCAGACCTT GAAGTACCTG GCCATCTTGG GCAGTGTGAC GTTTCTGGCT GGCAATCGGA 180
TGCTGGCCCA GCAGGCAGTC AAGAGAACAG CACATTAGTT CCAGAAGAAA GATGGAAATT 240

CTGAAAACTG AATGTCAAGA AAAGGAGTCA AGAACAATTC ACAGTATGAG AAGAAAAATG 300 GAAAAAAAAA CCTTTATTTA AAAANGAAAA AAGTCCAGNT TGTAAA 346

配列番号:533 配列の長さ:346 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00596

配列:

GATCTTGTAG CCTAGATAGG ATAGTNTGAC CTTCTAGCAT AGTCTTTTG GCAAATNATT 60
TGTGTTTTCA GTGTGTGGGG AAGCTGTCCT GGGGGCTGGG GCGACAGATA GCACATAGGC 120
TGTTTCTGGG GCTGCAGGGG CTTCCNTGAG CTGGATGTTG TGGGTNTTGC CGTGCTTCAG 180
GAAGTNTGGC GACCAGAAAG CGTAGACCCG GGGCCCAGGG TCTGCCCGCC CCTGCAGCNT 240
GGCCTCCCCG CACAGGCTGT GGCTTGCACT CCAGCCGNTC TAGTNTCTNA GGAATTTNCT 300
TGTNACTTGT ACTGTGTAAA TAAAGCTTCC TGGTTCAATA CCNAAA 346

配列番号:534 配列の長さ:345 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00597

配列:

GATCCTATGG CCATGACCCA GAAGTATGAG GNGCATGTNC GGGAGAGCAG GCTCAAGTAG 60
AGAAGGAGGA CTTCAGTGAC ATGGTGGCTG AGCACGCTGC CAAACAGAAG CAAAAAAAAC 120
GGAAAGCTCA GCCCCAGGAC AGCCGTGGGG GCAGCAAGAA ATATAAGGNG TTCAAGTTTT 180
AGGTCCCCTC ACACTAGCCC TTTTTTTGGC CCTACGTCTG GATGCCTGGG CTTCACACAA 240
GAACCACCTC TCCCGCAGTT CCCAAGGNCT TGTCATTTCA TGTTCTTATT TTAGACCTGT 300
TTTGTAAATA AAGCTGTTTC CCAAGGAAAG AGATGAATAT TTAAA 345

配列番号:535 配列の長さ:354 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00598

配列:

GATCGTGTTT ATGGTGAATC CAAGTTGGGA GGAAATGAAA TAGTATCTTT NTTGAAAGGA 60
ATATTGACTC TTTTTGCTAC TACATAAAAG AAAGATACTC ATTTATAGTT ACGTTCATTT 120
CAGGTTAAAC ATGAAAGAAG CCTGGTTACT GATTTGTATA AAATGTACTC TTAAAAGTATA 180
AAATATAAAGG TAAGGTAAAT TTCATGCATC TTTTTATGAA GACCACCTAT TTTATATTTC 240
AAATTAAATA ATTTTAAAGT TGCTGGCCTA ATGAGCAATG TTCTCAATTT TCGTTTTCAT 300
TTTGCTGTAT TGAGACCTAT AAATAAATGT ATATTNTTTT TTGCATAAAG TAAA 354

配列番号:536 配列の長さ:343 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00599

配列:

GATCCGTGAC AAGCGCACAG GCAAGACCAA GGGCTACGGC TTCGTCAGCT TCAAGGACCC 60
CAGCGACTAC GTGCGCGCCA TGCGTGAGAT GAATGGGAAG TATGTGGGCT CGCNCCCCAT 120
CAAGCTTCGC AAGANCATGT GGAAGGACCG GAATCTGGAC GTGGTCCGCA AGAAGCAGAA 180
GGAAAAGAAG AAGCTGGGCC TGAGATAGGG TCTGTGGCCA GGCACCCGCT CCCACCTGGC 240
CGGGCGCTGG CTCCTCCCTC AGTTCTCTTT GGGAAAACCC CCAGCTNGTC CACCCATCCN 300
NTGCCCCAAA ACCAGTTTCA GTAAATTTAC GTTCATTTCC AAA 343

配列番号:537 配列の長さ:341 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00600

配列:

GATCGAACGG ACTGTGAAAT CCGCTCTTTG TCGGAAGCTG AGCAAGCTGT GGCTTTTTC 60
CAACTCCGTG TGACGTTTCT AAGTGTAGTG TGGTAGGACC CCGGCGGGTG TGGCAGCAAC 120
TGCCCTGGAG CCCCAGCCCC TGCNTCCATC TGTGCTGTGC GCCCCACAGT AGACGTGCAG 180
ACGTCCCTGA NAGGTTCTTG AAGATGTTTA TTTATATTGT CCTTTTTTAC TGGAAGACGT 240
ACGCATACTC CATCGATGTT GTATTTGCAG TGGCTGAGGA ATTCTTGTAC GCAGTTTTCT 300
TTGGCTTTAC GAAGCCGATT AAAAGACCGT GTGAAATGAA A 341

配列番号:538 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00601

配列

GATCCTCGGG TGTTCTTCCC ATCAGATAAA ATAGTTCACT ACAGACAGAT GTTTTTATCT 60
ACTGAACTAC AAAGAGTAGA AGAGCTTTAT GATTCATTAT TACAAAGCTGT TGCCTTCTAT 120
GANTTAGCAG TGTTTGACTC TCAGCCTTAG AATTCTGAGG TTAACGTGCT AAAGTATAAT 180
TNTTAGCTCT AACGTAACAC CAACTGTTGT GAACATCCAT GTTATTGGAA AAGAACACAT 240
TTTCAGTGTA TTTTAGATGT TTAANTTCTG ACTTTTGGCT ATTAAATGGT TTACACAATA 300
AGCCAAGACC AAATCAATAA ACATTTTNTG AGAACGAAA 339

配列番号:539 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00602

配列:

GATCATCATC CGAGTGCAGA CCACGCCGGA CTACAGCCCC CAGGAAGCCT TTACCAACGC 60 CATCACCGAC CTCATCAGTG AGCTGTCCCT GCTGGAGGAG CGCTTTCGGG TGGCCATAAA 120 AGACAAGCAG GAAGGAATTG AGTAGGGGCC AGAGGGGGCT CTGCTCGGCC TGTGAGCCCC 180 GTTCCTACCT GTGCCTGACC CTCCGCTCCA GGTACCACAC CGAGGAGAGC GGCCGGTCCC 240
AGCCATGGCC CGCNTTGTGG CCACCNCTCA CCCTGACACC GACGTGTCCT GTACATAGAT 300
TAGGTTTTAT ATTCCTAATA AAGTATAGCG GAAGAGAAA 339

配列番号:540 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00603

配列:

GATCGTTATG AATATCAAAT GTCCATTTCT ATNGTAATGA ATTCAGTGGA ACCATCACAC 60
AAAAGCACAC AAAGACCTCC TCCTCCACAG GGGAGACAGA GGTGGGGAGG CTCTCTTGGC 120
TCACÁTAATC GTGTCTGTGT CACAAATAAT CATTAAATTA GCTATTTTCA GCTAACACAT 180
TTGTNGTTGC ACTTGAAAAA GAGTŤAGTGA GCCTGTCTTG GAGTTTAAGT AGTTTCAAAT 240
AAAAAAAAGGC TACAGTGCCT CACAAAGGAT GTTCCCAGCA AGTNGTTTAA ATTCCCAGCA 300
AGTTGTTAAA GTGTAAATAN AANTATATGA ANTTGTAAA 339

配列番号:541 配列の長さ:355 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00604

配列:

GATCCTGAAA TCTACTAGAG ACACCCCTAA GCCATGAATG AACTACATCC AAATACCTGA 60
NTTTTTGGAA TCTGTTTCAT GGATTTTNCA TCTTCTACCG TATGTNAAAT TGCAAGTNTT 120
TGAAGATTTA TAAGTACAAA TTTGGGAACA TACAAATCTT TTAGGTAGTA GAGTTTAACG 180
TGTATAAGCT AAAAGTGAAA GTAACTGAGT GTTCTCTTGT TTCTTTGCAT TAATGTAACT 240
GTGTGGTTTG CCTTTGTCCC CCTGGATAGA ACGTGCATTT AAAGAATATA TTGTACTTAC 300
TGTGACAGCA GATAATAAAC CAGTCTCTTG GAGGGCACAA CCCTTATTTG ACAAA 355

配列番号:542 配列の長さ:331 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00606

配列:

GATCTTTTT ANATAAANNT TATGTATTGT GGCATAATCC TTTTTTTGAG CTCTACAGAG 60
AACAGTCTTT TGGTAATAGT GGCAGGTATT TATTCCTTCT GAATATATAC CCCATTATAG 120
GAATAACTGT TACTTATTTA GGATTCCATC ATTGAAAATT TTNACCCAAG GCACAGCAGT 180
GAANTTTATA GTNCTCANTT TAGTTGNCAT TATTGACAGG CATTGGNATT ATTAGTCATT 240
GCTAAGCAAC TAAAACTTCA TCAGTTCAAN TAAGTTTTAN TTGTCANATG GCNGTATAAN 300
CACATGANCT TTCTAGGAAA TATTCCCTCN N 331

配列番号:543 配列の長さ:330

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00607

配列:

GATCGGTGTG CCCCGCTGCG AGGGGCCCC CATGGGGCTG NTGGCCCNTC CGCAGTCAGG 60
ACATCCCAAC CCCTGGNTGG GACTGAACCA CCCAGAGCGG AGGGCNTCCC TTTTNAGCCT 120
TGTNAGTCAC CTGGCAGGCC CCAGCTGGCC TGGCTGTCCG TGTCCCTCAG CCTGGNTGGT 180
GATTCCTTGC AGGCCAGAAA TNAAGAGTCC CTGTAGGTTT TGGTTTTGTT TGTTTTATTT 240
TGTTCTTTCA CCTTTTTCC TCATTAAAAA AAAAANGNCC CTGNGGAGTG TACTNATTNA 300
TTTTTTTGATN AAAGGGANGT AAAATGNAAA 330

配列番号:544 配列の長さ:329 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00608

配列

GATCCAGACT GTAAGATGTT GTTTTAGGGG CTAAAGGGGA GAAACTGAAA GTNTTTTACT 60
CTTTTTCTAA AGTGTTGGTC TTTCTAATGT AGCTATTTN NTTGTTGCAT CTTTTCTACT 120
TCAGTACACT TGGTGTACTG GGTTAATGGC TAGTACTGTA TTGNCNCTGT GAAAACATAT 180
TTNTGAAAAG AGTATGTAGT GGCTTCTTTT GAACTGTTAG ATGCTGAATA TCTGTCCACT 240
TTTCAACCCC AATTCTGTCC CAATCTTACC AGATGCTACT GGACTTGAAT GGTTAATAAA 300
ACTGCACAGT GCTGTTGGTG GCAGTNAAA 329

配列番号:545 配列の長さ:329 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00609

配列:

GATCACTAGA TTTATGGAGG AATTNGTCAC AAATNACTTN TAGAAAAATG CTGTCATATA 60
GTTCATTTCA TCATTTTCTG TTGCAGGAAG CCACTCCACC ACAGAATGCT AATATGCCAG 120
TGGTACCCAG TACCTCTTGT ATATAGGTTA TTGCAAATAT TGTNCTGAAA TGCTTAACTT 180
CAGAATTACA TTTTTTAAAG TAAATAATTG TTTTAAATCT ATTTTGTAAA GNTATAAAGT 240
ACAATAGAAT TTCTGGAGTA CAGATTAAAC TATTTGCACT AACACACGTG CCGTGCATGA 300
TTTAATAAAA TANCTNNACT CTCCNTAAA 329

配列番号:546 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00610

配列:

GATCACCGTG TGCTCAGGCC AGGTGTGAAT CCTGAGGTCC ATGGAGGTGC AGAGATGAGA 60 TTACTCCTAT TCACGTTGAA GTGATTTGCT TTGTTAACAA AAAATTGCAG CTATTGTCTA 120

GCTTTCATTT TTTTACTGAG AACTTTAAAT TAGTCCCCTA TTAGAATAGG GTTGCTACTC 180
ANCTNTTTTN AAAAACCGAA TTTCATCATT TATCTAAAGA GNAAATATGC AGANTAACTG 240
GTCTTGTTAA GAGTGCAATA TTATATNNN ANGTAAAACT AAAANTNAAT TTGGGGGGAT 300
TATTTATNCA GCATGANACC TANTNTGN 328

配列番号:547 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00611

配列:

GATCCCNGGG ACGTGAGACT TANNCTTCCA GCCAGTGTGA ATCATTGTAT TTTGTCTCAT 60
AATCACAGCA CNCCTGCATG ACACAACAAC GTGCAGCATT TTTTACATAA AAATATGGTA 120
GANTTAATTT ATGACATGGA AATGCCTTAC GTGGTATCAC ACTTAGTCTT GAAAAAAACA 180
CCNAGGTGAC GTTTAAAAATT TTTAGTACAT ATCCTCAAAT TGGAGCTAAG TTATACTTCT 240
TTTATAACCT TTTGGGCATC TGGTCGAGAG AAGACAAGAT TTTNTCTATT TACAGTGATG 300
CAATAAATAT GTTTGCCACC TTTGGAAA 328

配列番号:548 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00612

配列:

GATCTTGAAG AGACCGCTGG CAGCACCAGT ATTCCCAAGA GGAAGAAGTC TACACCCAAG 60
GAGGAAACAG TTAATNACCC TNAGGAGGCA GCCACAGAAG TGGCTCCAAG AAAANAAGGA 120
ATTNTCCAAA GAGGAGCCGG TCAGCAGTGG NCCTGAAAGA GGCGGCTGGC AAGANCAGCT 180
CCAAGAAGAA GAAAATGTTC CATAAAGCAT CCCAGGANGA TTAGAATCAA ATGGACANTC 240
TCTNGGAGGT GGGNATACCA TAGNCCAAGG TNCATTTCCC ACCNTGTGCC GTGTTCCCAA 300
TAAANACAAA TTCACAAGGA AA 322

配列番号:549 配列の長さ:318 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00614

配列:

GATCCACCTA GCCTCAGCCT CCCAAAGTGC CGCCGGGATT ACAGGCGTNA ACACCATGAC 60
TGGCCTTCAT TATCTCTNTT TTAAAAATGA AAAAGTTTAT AATTTACATT CAGTAAAATC 120
ACCCTTTTTA GTGTCTAGTC TGTGAATTTT GACAAATGCA TGGTTTTGTA ACCAATCGAT 180
AGGNCAGTTC TGCCACCCAG GACATTCCCN TCTGTTCCTC TGTTCCTCTC TTCTCCTGCC 240
CCCTAGCAAC CACTGGTGTT TTCTGTCCNT CTGGTTCATT TGACATTTAT TTTAAAATAA 300
AATATTTTAA AATCTAAA 318

配列番号:550

配列の長さ:318 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00615

配列:

GATCCTCACC GTGGAGGACC ATNATAATNA AGGTGGCATT GGTGAGGCTG TGTCCAGTGC 60
AGTAGTGGGC GAGCCTGGCA TCACTGTCAC CCACCTGGCA GTTAANCGGG TACCAAGAAG 120
TGGGAAGCCG GCTGAGCTGC TGAAGATGTT TGGTATCGAC AGGGATGCCA TTGCACAAGC 180
TGTGAGGGGC CTCATNACCA AGGCCTAGGG CGGGTATGAA GTGTGGGGCG GGGGTCTATA 240
CATTCCTGAG NTTCTGGGAA AGGTGCTCAA AGATGTACTG AGAGGAGGGG TAAATATATG 300
TTTTGNGNAN AATGCAAA 318

配列番号:551 配列の長さ:314 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00616

配列:

GATCCCCTCT CTGAAGAGAA AGGAGGAAAG AAAAGAAAAA AACAGAAACA GAAGCTCCTG 60
TTCAGCACCT CAGTCGTCCA CACCAAGTGA CACTACTGGN CCAGGCTACC TTCTCCATCT 120
GGTTTTTNTT TTTTNTTTTT TTTCCCCCAT GCTTTTGTTT GGNTGCTGTA ATTTTAAAGT 180
ATTTGAGTTT GANCAGATTA GCTCTGGGGG GAGGGGGTTT CCACAATGTG AGGGGGAACC 240
AAGAAAATTT TAAATACAGT GTATTTTCCA GCTTCCTGTC TTTACACCAA AATAAAGTAT 300
TGACACAAGA GAAA 314

配列番号:552 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00617

配列:

GATCCCTACT TGGNAGTTAA CCCTAACTAC TTGCTCGAAG ATTGAGATAG TGAAAGTAAC 60
TGACCAGAGC TGAGGAACTG TGGCACAGCA CCTCGTGGCC TGGAGCCNGG CTGGAGCTCT 120
GCTAGGGACA GAAGTNTTNC TGGAAGNNAT NCTTCCAGGA TTTNTTTTTC AGAAACAAGA 180
ATTGAGTTGA TGGTCCTATG TNTCACATTC ATCACAGGTT TCATACCAAC ACAGGCTTCA 240
GCACTTCCTT NGGTGTGTTC CTNTCCCAGT GAAGNTGGAA CCAAATAATG TGTAGTCTCT 300
ATANCCANTA CCN 313

配列番号:553 配列の長さ:310 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00618

配列:

GATCTTAGCT AGTTCATCAC TTCCTCAGGG AAACATTCCC TAATTTCTGT CACAGAGTAA 60

GACCCGTTGT TATACGTCTC ACCTGACCAT GTACCTCTAC TTAGCATTTA ACACGTGTAA 120 TNTTGTATGT ATTGGTTTGA TTAATGTCAG ANCCACTAGA TTGTAAACTC CATGAGGACC 180 GGAATTTNGT TTCTGTCATT GTCATTGTTC AACTTTGTAT TTTTNATGCC TCATACAGTG 240 CCTGGCACAT AGTAGGTGCT CAATTAACTT NATTGGAAAG AATAAAATGA ATGGATGAGG 300 TATCAAGAAA 310 配列の長さ:310 配列の型:核酸トポロジー:直鎖状

配列:

GATCTGGGGG CCACCACCCT GTGCCGGTGG CCTCTGGGCT GCCTCCCGTG GTGTNAGGGC 60
GGGGCTGGTG CTCATGGCAC TTCCTCCTTG CTCCCACCCC TGGCAGCAGG GAAGGGCTTT 120
GCCTGACAAC ACCCAGCTTT ATGTAAATAT TCTGCAGTTG TNACTTAGGA AGCCTGGGGA 180
GGGCAGGGGT GCCCCATGGC TCCCAGACTC TNTCTGTGCC GAGTGTATTA TAAAATCGTG 240
GGGNAGATGC CCGGCCTGGN ATGCTGTTTG GAGACGGAAT AAATGNTTTC TCATTCAGTC 300
TNCAGTCAAA 310

配列番号:555 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00620

クローン名:HUNGS00619

配列:

GATCCNGTGC TGAAAGAGAA ACCAAGAAAA AAGATGACAT TCCAGAAGAA GACAAAGGAA 60
ATGTAAAACA ATGTGAAATC AATTATGTAA AGAAATTCA GAGCTTCCAA GACCACAAAC 120
TTAAAATAAG TAAAGANGAC AGTAAAATTN TTAAAAAAGGC TCGGAAAGAT GGATTTTTGC 180
ATGAGACGCT TCTGGACAGG NGAGCCAAAT TGAAAGCCGA CAGATACTGC AAGTNACTGG 240
GATTTTTNTT TCTGCCTTAT CTTNCTGTNG TTTTTTCTGA NTAAAATATT CAGAGGAATG 300
CTTTTAAAA

配列番号:556 配列の長さ:300 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00621

配列:

GATCTTCCTG AAGTNTCTCC CCGTTTNGTG CAGCTGGCCA TACCCCAGGT GGACATNATG 60
AGTCAGGCTG ACTTAATTNC TCATGAGCAG ACCATCCCAG TGAATGCAAA GGGCATGGGC 120
TCCACAGCCT GGACCCTGGC ATGGAGTCCA GCNNCCTGCT CACCGGCCAG GAGGCCTGGG 180
GGCGGGTCAC TTACCCTTNT NAGCCTCANT TTCTNTTTCT GGAAGCGGAG ATGGTAATAG 240
CTTTNACATT NGAGGTGAAT GTNAGAATTA AACTTGGGCA CATGGAGGAA TACACCTAAA 300

配列番号:557

配列の長さ:299 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00622

配列:

配列番号:558 配列の長さ:301 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00623

配列:

GATCTGCTTC TCCAGTTTTT GAGGAGCCAG CCAGGGGTCC AGCACAGCCC TACCCCGCCC 60
CAGTATCATG CGATGGTCCC CCACACCGGT TCCCTGAACC CCTCTTGGAT TAAGGAAGAC 120
TGAAGACTAG CCCCTTTTTC TGGGGAATAA CTTTCCTCCT CCCTGTGTTA ACTGGGGCTG 180
TTGGGGACAG TGCGTGATTT CTCAGTGATT TCCTACAGTG TTGTTCCCTC CCTNAAGGCT 240
GGGAGGGTGN TAAACACCAA CCCAGGANTT CTCAATAANT TTTTNATTAC TAAACCTGAA 300
A 301

配列番号:559 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00624

配列:

GATCAGATTT TGCTAAATGG AAATAATATA ACAATGCTGG TTCCTGGAGG AGAAGGACCT 60
GAAGTGTGAA TGAGTTTCCT TGACTTACAC TAGATTTTGT TTTGGCTTAT AATGACAAGA 120
AAATGGAATT TTTTTTTCCC ACTTTCTAAT GTTTAAATCC CATAAAGCTA AGTTTCCCGT 180
TAAAGGGAAG TGCTTTGAAG ATGTGTACCC ATTTTTGTAA GTTAATCATG ATTATCCTGG 240
AAAAAAGAAGA AAAGAGCTTC TTCTTTGCAG ATGAAAATAA AGGTGTTTTT GGTTAAA 297

配列番号:560 配列の長さ:304 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00625

配列:

GATCTATTTG TAGATTAGGA TTAAAATGGA TTTAATCCAT TTTTAAGGCT GTGTGAATTT 60 TTCTAAACAA GAACCATTTG CAATATGGAT TTCTTAGAGA TTAAACCAAT TATAACTTAT 120 TAGCAGTCGC GAGCACATGT TCATATAGTC AATGTAAAAA TACACTAATG AGTATTTGGT 180

AAATCCCAGT AGGCTTTTAC CATTAGCATA ATTTTGTGTT GTACAATTAA GTTACAATTA 240 CATCTCTAAT TTTGGATAAT ATTCATTGGT TAACANTANA GTGACAAAAG CTCATGCCTT 300 CAAA 304

配列番号:561 配列の長さ:301 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00626

配列:

GATCTGGAAC TTTGCACATG TCACTACTGG GGAGGTGTTC CTGCTCTAGC TTCCACGATG 60
AGGCGCCCTC TTTACCTATC CTCTCAATCA CTACTCTTCT TGAAGCACTA TTATTTATTC 120
TTCCGCTGTC TGCCTGCAGC AGTACTACTG TCAACATAGT GTAAATGGTT CTCAAAAAGCT 180
TACCAGTGTG GACTTGGTGT TAGCCACGCT GTTTACTCAT ACAGTACGTG TCCTGTTTTT 240
AAAATATACA ATTATTCTTA AAAATAAATT AAAATCTGTA TACTTACATT TCAAAAAGAA 300
A 301

配列番号:562 配列の長さ:294 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00627

配列:

GATCTNAGGA GCTTTAGGGA GAAGACTTGG TGGGGCTGGA GCACACCTTG GGNCTCANTG 60
GTTTCTGTGT CCCNGTGGTG CCANTCCTTC TGGGCAGTGC AGGCGGCTGC CAGGCCCAGC 120
CCTGACTTCC ACTCTGGCTC AGCAACCTGG TTATTTATGT GGGGCCGTGC AGGCATGGGC 180
CCACTGCCTG TCCATCCTGT TTCTNTTATA AATTGAAACT CACCATTGCC CTATCCTTGT 240
GTCTCCACCC GCTTCCATGT GTTGAATAAT AAAAGGTGGG AAAGTGCTGT CAAA 294

配列番号:563 配列の長さ:296 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00628

配列:

GATCTGCCAT AAGAAAATCT AGTTCAACTC TAATTTTATG TAGTAAATAA ATTGGCAGGT 60
AATTGTTTTT ACAAAGAATC CACCTGACTT CCCCTAATGC ATTAAAAATA TTTTTATTTA 120
AATAACTTTA TTTATAACTT TTAGAAACAT GTAGTATTGT TTAAACATCA TTTGTTCTTC 180
AGTATTTTTC ATTTGGAAGT CCAATAGGGC AAATTGAATG AAGTATTATT ATCTGTCTCT 240
TGTAGTACAA TGTATCCAAC AGACACTCAA TAAACTTTTT GGTTGTTAAA CTGAAA 296

配列番号:564 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00629 配列: GATCGACTAC AGAGTACTIN TITCTTATGA TGATTGGTGT AGAAATGTGT GATTTGGGTG 60 GGCTTTTACA TCTTGCCTAC CATTGCATGA AACATTGGGG TTTCTTCAAA ATGTGTGTGT 120 CATACTTCTT TTGGGAGGGG GGTTGTTTTC TTCTGTTTAT TTTCTGAGAC TCCTACAGGA 180 GCCAAATTTG TAATTTAGAG ACACTNAANT TTGTTAATCC TGTCTGGGAC ACTTAAGTAA 240 CATCTAAAGC ATTATTGCTT TAGAATNING AAATAAAATT TTCCTGACCA AATTGTTTTG 300 TGGGAAA 307 配列番号:565 配列の長さ:296 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00630 配列: GATCTTGCTC CTTCAGACTC TGACCTGAGT GGAGACCTTT CCACCAGACA CAGCTCGGGC 60 CTGTGTAATT GTAGGAGAAG ACACTCAGCA GTGATTGCCA TGGCACAGAG CCGTGGTCAT 120 TGTTGCTGTT ACAAAGAAGA AAACCATCTG AGTTCTAACT CCTTGGTTGC TTAAAAGTAG 180 TTCCCAAGAG TCTGAGAAGC TATTTCTATT TTTAAGAGTC ATTTTTTGTA ATNTTTGTAA 240 NACAAAAGTA CCAATCTGTT TTGTAAATAA AANTCATCCT AAAATTCGAN GTTAAA 配列番号:566 配列の長さ:288 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00631 配列: GATCTTINGC TAGGTGGATG ACTAGINATA TICAAAGCCT TITCTCAAAG CCCTITCAGI 60 TACAACCACC CCACTATGGA ATCAGTATTT AGTTATACAT TTGTATAAGA NCCTGTATTT 120 TGAAAAACAC ATTCATGTAT ATTTATTCCT GGAATTATTT GCCTGTTAAA CAGTGTCTTT 180 CATGTTCTCT CCCCAGATTG TAAACTCTGT AAGAAGCTGC TNGTATCTGT ATCCCTTGTT 240 GAAACTCTGA AAACACTGAA TAACTAAANT CTTCTTCTCA TCCNTAAA 配列番号:567 配列の長さ:292 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00632 GATCTTGATA TTCTGTACAA GTTGATGTAA TACCCTGATG CGTTTTAGAG GACTTGGCAT 60

AAAATNAAAG NTTGGCAAAG GCCCTTGAGG GGCTTGGGGA TGAGAGTATG GAACTGTCTG 120
CATTGGACCC TAAACTGGAC TAGANGAGGC ATCTTCAAGG TTCATACGTT GTCCAGCTGT 180
AAGTTCATTT GAGTAGCAGA GCTAACAAAT ATTTGAGGTC AAAACCCTAC CATGTTAAAA 240

CAAACAAAA CTTATCATGT TAATAAAAGT ATTCATTTGC TTGANANANA AA

配列番号:568 配列の長さ:291 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00633

配列:

GATCCTGACA AGAAGAAAAT NAAGCTCAAA GTCAAAAAAT CTCGTGAAAA ACGGAGTTTG 60
GCCTCTCATC TCAGTGGATA TATCCCTNCC AAAAGGAAAC AAGGGCAAGG CTTATCTTTG 120
TGTCAAAACG GAGAGTCACC CAACTGTGTG GAAGACAAGA TGCTCTCGAC AGTTGCAGTA 180
CTTACCCTTG GCTAAGAACT GCACTGCTTT GTTTAAAGGN CTGCAGACCA AGGAGCGAGC 240
TTTCTCTCAG AGCATGCTTT TCTTTATTAA AATTACTGAT GCAGANAAAA A 291

配列番号:569 配列の長さ:285 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00634

配列:

GATCANGCTG GCTGCAAAGA AGGGACTGGA CCCATACAAT GTACTGGCCC CAAAGGGAGC 60
TTCAGGCACC AGGGAAGACC CTAATTTAGT CCCCTCCATC TCCAACAAGA GAATAGTAGG 120
CTGCATCTNT NAAGAGGACA ATACCAGCGT CGTCTGGTTT TGGCTGCACA AAGGCGANGC 180
CCAGCNNTGC CCCCGCTNGT GGAGCCCATT ACAAGCTNGT NCCCCAGCAN CCTGGCACAN 240
TGAGGNACCT GCACTAAATT ACTNAAAATG TGCTGTAAAG NTTTN 285

配列番号:570 配列の長さ:285 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00635

配列:

GATCACCCTT GTAATGTGTT ACGGGTCCAT TTTTCCTGGA ATCGTTTAAT CTAAAGCAGT 60
TTCCCCTGTT TTGGAGATTT TNTAGTTAAT TTTAATTTTG GCTATTGTTT GGAAAAGATG 120
AGCTGTCTGT GTAGATATGA AGTATAGTTT TTNCCATAAA ACAGATGTTT ATTTTGTATT 180
AAAAAATACC ACTGTACTTG TTTTACACCA TTTGTATACA TGTGGTGATA TTAATGCTAA 240
ACTGTAAAAT TCAGGAATTA AAATGTGACC CTGTAATTCC ATAAA 285

配列番号:571 配列の長さ:287 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00636

配列:

GATCTAACCA TTTTCATACT CTTAACTGAT TGAAACAGAT TCAAAGAAGT ATCGAGTGCT 60 ATGCATTGAA ACTTGTTTTT AAATGTTAGA TGGCACTATG TATATTAATG TAAANCAATG 120 TTAATTTACT CAAGTTTTCA GTTTGTACCG CCTGGTATGT CTGTGTAAGA NGCCAATTTT 180

NGTGTATTGT NACAGTTTCA GGTNATTNAT ATTCGATGTT TTGTAAANCT CAAATANCGA 240 CTATACTNAT GGGNCCAAAT AAATGGGCAT CTGCATTCTN GGTTAAA 287

配列番号:572 配列の長さ:282 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00637

配列:

GATCTNTGGT GGCAATGNCT GACCAGTAGA CTGGTGGCTC ACTTCTNCCC ACCTGCCGGC 60
AACACCAGTG CCAGGAAAAG GCCAAAAGAA TGTNTGTTTC TAACAAATCC ACAAATAGCC 120
CCGAGATTCA CCGTCCTAGA GCTTAGGNCT GTTTTCCACC CCTCCTGACC CGTATAGTGT 180
GCCACAGGAC CTGGGTCGGT CTAGAACTCT CTCAGGATGC CTTTTCTACC CNATCCCTCA 240
CAGCCTCTTN CTGCTAAAAT AGATGTTTCA TTTTTNTGGA AA 282

配列番号:573 配列の長さ:279 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00638

配列:

GATCTACTGG CGAGCGATGA AAATGTTGCA GGGAGAGTCA GCAGAGGCAT TTGTAGCTAA 60
ACATGCTATG CATCAGACTG GCCATTTATG AAGATGAAGA ATACAGTCAG CTTTGTGAAA 120
TAGTATTGCA AGCAAGCCCC GTGGGCAAAT TTGTATTGAG TCCATCTGTA ATTTGCTCAG 180
TGATGGCAGA CAAGATGGCT GTCTGGTTTT GAGACACACT TTAATTTAT GTTAACTTGT 240
TAAAATCTTTT TAAAAATTAA AAAATTTTA TGATTGAAA 279

配列番号:574 配列の長さ:279 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00639

配列:

GATCATTGCA TTTTCCTGTA TTTTCTAAAA TGGCTCCAAT TTTGTNTTTT AAGCTTCAGC 60
TTAAGAGGAA GTTTATGTTC TAATTCTTGA CTGAGAATAC AGTATTGAGA TTCTNTGTTT 120
TACAGATAAC AACTGGTTTT TATTACTCAT TAAGTTCATT TGCATCCCGT AGCCCTCTGT 180
AAATGTTTCC CCTAGTTGTA TGTACGTAAA TGCACGCTTA TCCAGTNTAT ATTAGACATT 240
TTTGTGCTAA AATAATATAA GTGGGATTTT TGTAGCAAA 279

配列番号:575 配列の長さ:280 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00640

配列:

GATCTTTGCA AGGGCAAAAC TACAAGTAAC GAGTTTTATA TAATTAATTT AAATTTNTNA 60
CAGGTTTTCA TGTTCAGGAT AAACCATACT TCCACCTTGG GTGAGAACAC TTGCAACAGT 120
TTATTAATGA GGTGACTTTC ACCTTAGGAC AACTGTTGCA TGCCAAGTTT TTTGTGTGTG 180
TGAAACACTN TCAAAACTGA TTTAAAAAGAT GTAAATTTAA AATTGGTTGT ATCTAATATG 240
CCCCAGGTTC GGTAAATAAA CAATTCTTTT TAAAAACAAA 280

配列番号:576 配列の長さ:300 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00641

配列:

GATCTGCCTG TCCCTTTTC CCCTGGGGTT TGACACACAG GCTCCTCTCA GCATGAGGTG 60
GAGCAGTGAC CAGGTGGAGC AGTGACCAGG ACGCCTCTGG CCCAGTGCTG CCCAGCCTCC 120
CCGNCCGCTC CCAGGCGCCC CATGTCCTCA CAGGCCAGGA CGCCATGNCA GGATGGAGGA 180
GACTTGGTGG ATTTTTGTTT CTTGCCTGAC CTCAGTTTCA TGAAAGAAAG TGGAAGCTAC 240
AGAATTATTT TCTAAAATAA AGGCTGAATT GTCTGAAAAA TAAAATATAT TTGTATTAAA 300

配列番号:577 配列の長さ:278 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00642

配列

GATCTGGGAC GTGGTTCGGC GGANAGTCCC CAGCCCGGCC CCCTGCCTGG GACCACCAGG 60
CCCCCAGGAG AAGCCGCCTG AGCCACAACC TTGCGGCATG CAAATNAGAT GGCCGCTCCA 120
GGCCTGGAAT GTTCCGTGGC TGGGCCCCAC GGGAAGCCTG ATGTTCAGGG TTGGGGTGGG 180
ACGGGCAGCG GTGGGGCACA CCCATTCCAC ATGCAAAGGG CAGAAGCAAA CCCAGTAAAA 240
TGTTAACTGA CTTCCAGCCT CACCCGTGGG CGGTCAAA 278

配列番号:578 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00643

配列:

GATCAGGGCC CACTGATGAT GGTGAAGAAG AGATGGAAGA AGACACAGTC ACAAACGGGT 60
CCTGAGCAGT GAGGCAGATG TATAATAATA GGCCCTCTTG GAACAAGTNT TGCTTTTNGA 120
ACATGGTATA ATAGCCTTGT TTGTNTTAGC AAAGTGGAAT CTATCAGCAT TGTTGAAATG 180
CTTAAGGCTG CTGCTGATAA TTTNNTAATA TAAGTTTTGA AATCNAAATG TCAATTTNCT 240
ACAAATNATA AAAATAAACT CCACTCACNA TGCTAAA 277

配列番号:579 配列の長さ:277 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00644

配列:

GATCCGAGTC GTCCGGAAAT CCATTTGCCC GTNTTCTCAC AGTTATTAAC CAGACTCAGA 60
AAGAAAACCT CAGGAAATTC TACAAGGGCA AGAAGTACAA GCCCCTGGAC CTGCGGCCTA 120
AGAAGACACG TGCCATGCGC CGCCGGCTCA ACAAGCACGA GGAGAACCTG AAGACCAAGA 180
AGCAGCAGCG GAAGGAGCGG CTGTACCCGC TGCGGAAGTA CGCGGTCAAG GCCTGAGGGG 240
CGCATTGTCA ATAAAGCACA GCTGGCTGAG ACTGAAA 277

配列番号:580 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00645

配列:

GATCAGGACC CACCTNCAGT NCTTCTGAAA GTGTGACAGT GTCCAGCCGG TTCTGCAGCA 60
CTAGGGGAGG GGGCAGATGG TGGTTGCATG GGCTTCCTGG GTCTCCACTC TCCGTCTGGC 120
CTAAAGGTGA TGTATTTGGT GTTTGGCCCT GCAGTCCCCA CTCTTGAGGC TTAAGGCGCA 180
TGTGGCACAN CACTNCTTCC AGCAGTAGTC GCTTTACTGT TACCNGTTTA GGCCTAGAAG 240
TTTTCCNNCA TCTGTAAATG TGATTTAAAA TNTAAA 276

配列番号:581 配列の長さ:275 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00646

配列:

GATCTACTTA CTCAAGTCTN ATGAATNCTG NGCCTTTCAT CACATTCCTA GCCCACTCTC 60
ATCATTACTG CAGAAGGGTG TTGTGATGAC CAGTNTTATA CTGTGTTTTG ATATGTCTAG 120
CAATAACTTA AAGAAAAAAA AACCTGGGAA ATCTTCAACA TGNNNTNGGA ACATATATGT 180
ATGTATTAAT GNATATACAT GGCTTAACTT ATACGGTTAT GGCAGCNCCT GTATACAGTT 240
TGAACTCATG NACCTGAAAA ANAATTCTTA ANTTN 275

配列番号:582 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00647

配列:

GATCGCCATC ATGAACGACA CCGTAACTAT CCGCACTAGA AAGTTCATGA CCAACCGACT 60
ACTTCAGAGG AAACAAATGG TCATTGATGT CCTTCACCCC GGGAAGGCGA CAGTGCCTAA 120
GACAGAAATT CGGGAAAAAC TAGCCAAAAT GTACAAGACC ACACCGGATG TCATCTTTGT 180
ATTTGGNTTC AGAACTCATT TTGGTGGTGG CAAGACAACT GGCTTTGGCA TGATTTATGA 240
TTCCCTGGNT TATGCAAAGA AAANTGGAAC CCNAACATAG NCTTGCAAGT CATGGCCTGT 300
ATGNGGN 307

配列番号:583 配列の長さ:272 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00648

配列:

GATCTGAATT TTTTCCTCCT TTTGGTTTTA TTTTGTTGGT TTATTTTGTG TTTTCTTTC 60
TCCTTTTTGG GGGGTATTCA GAGTGGGCTG GGCCCCTGGG CGAGACACAG CTACCTCTGT 120
TGGCATCTTT TTAATACCAG GAACCCAGCG GCTCTAGCCA CTGAGCGGCT AAATGAAATA 180
AAGTGGAAAA AAAAAAANGG GAAAAACCCA AAGGNTTAAA AACCCACNGG AATTTNTTG 240
TNGAAANTNG AAAATAAAGG TTTCCNNGTA AA 272

配列番号:584 配列の長さ:279 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00649

配列:

GATCTATACC AATTAAACAT TTTCATAGTT CTGCCTATTG TCCTTCCCTG AGGCTCCATT 60
GCTGCTTGGT GGCCATTCTC TGCCTTTTTA CAGTCACCTG AACAATGACC CATCATCTCT 120
TGCTTGCTTG AAATCTTGCT GAAATGTTCT CATTTCCTGT TTGCTGTATG GGCTCGGGTG 180
GGATGTTTGT TGGCTCTGTT GTGTTTATTC ACCAATTTGT ACATTATTTG TTGTCCTTTA 240
CTACTGTAAA CAGTAAATAT AGTTTGGTAT TCTGTCAAA 279

配列番号:585 配列の長さ:273 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00650

配列:

GATCCCAGAC TGGTTCTTGA ACAGACAGAA GGATGTAAAG NATGGAAAAT ACAGCCAGGT 60
CCTAGCCAAT GGTCTGGACA ACAAGCTCCG TGAAGACCTG GAGCGACTGA AGAAGATTCG 120
GGCCCATAGA GGGCTGCGTC ACTTCTGGGG CCTTCGTGTC CGAGGCCAGC ACACCAAGAC 180
CACTGGCCGC CGTGGCCGNA CCGTGGGTGT GTCCAGNAAG AAATAAGTCT GTAGGCCTTT 240
GTCTGTTAAT AAATAGTTTT ATATACCTNN AAA 273

配列番号:586 配列の長さ:275 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00651

配列:

GATCTNCCAC GTCTCCATCT CAGTACACAA TCATTTAATA TTNCCCTGTC TTACCCCTAT 60
TCAAGCAACT AGAGGCCAGA AAATGGGCAA ATTATCACTA ACAGGTCTTT GACTCAGGTT 120

CCAGTAGTTC ATTCTAATGC CTAGATTCTT TTGTGGTTGT NGCTGGCCCA ATGAGTCCCT 180
AGTCACATCC CCTGCCAGAG GGAGTTCTTC TTTTGTGAGA GACACTGTAA ACGACACANG 240
AGAACAAGNN TAAAACAATA ACTGTGTGTG TTAAA 275

配列番号:587 配列の長さ:269 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00652

配列:

GATCTTATGG ATAAAACTCA GAAAGTGAAG GTGAAGAAAG AAACGGTGAA CTCCCCAGCT 60
ATTTATAAAT TTCAGAGTCG TCGAAAACGT TGACGTGTTA TAGATAAGCC TTGTCATTNT 120
GTATCAAAAA TCTGTTGTCG TTTTCŢAGTA ACTTCAAATT CCATTACTCC AAATGGCATG 180
GTTTTCCGGT TTGTAACCAT AACTAAATTG TCAGTCTGAC ATTTAATGTC TTTCTATGGA 240
CAACATTAAA TCNCCCTCCC TTCTGTAAA 269

配列番号:588 配列の長さ:272 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00653

配列:

GATCAAGTGG CTTTCCCTGG GACCTGCCCA GCTTTGAGAA TCTCTNCTCA TCCACCCTCT 60
GGCACCCAGC CTCTNAGGGA AGGAGGGATG GGGCATAGTG GGAGACCCAG CCAAGAGCTG 120
AGGGTAAGGG CAGGTAGGCG TGAGGCTGTG GACATTTTCG GAATGTTTTG GTTTTNTTTT 180
TTTTAAACCG GGCAATATTG TGTTCAGTTC AAGCTGTGAA GNAAAATATA TATCANTGTT 240
NNCCAATANA ATACAGTGAC TANCTGAACA AA 272

配列番号:589 配列の長さ:268 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00654

配列:

GATCGTCAAA TCTTTTNCAA ATTTAATNTA TATGTGTATA TAAGGNAGTA TTCAGTGAAT 60
ACTTGAGANA TGTACAAATC CTTCATCCAT ACCTGTGCAT GAGCTGTATT CTTCACAGCA 120
ACAGAGCTCA GTTAAATGCA ACTGCAAGTA GGTTACTGTA AGATGTTTAA GATAAAAGTT 180
CTTCCAGTCA GTTTTTCTCT TAAGTGCCTG TTTGAGTTTA CTGAAACAGT TTACTTTTGT 240
NCAATAAAGT TTGTATGTTG CATTTAAA 268

配列番号:590 配列の長さ:267 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00656

配列: GATCAAAAAT AAAATGTTAT TTTTAAAGTT TCTNTTTGAG ATTTTNCTTA AGTTTTGGTA 60 GATATTCTTA AGTTTTAGTG ACCTCAGTTT GGGAATTAAG TAAGCTAAAC ATTGTGTCCT 120 TATTATNAGT TATATAAAAC TATGCTTTAG ACTTTGTNAG AAACTTCTGC CCCACCTTGA 180 CTGACTGCTT TNCCATTTNT GGTTGTACAA AATGAATTCA CACTTTAATG CTATGGCCAC 240 CTTTAAATAA AGTACAGCGT GACTAAA 配列番号:591 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クロマン名:HUMGS00657 配列: GATCTAGATT CTACATGTTA CCATTGGTTT ATTCTTGTGC TTTCTGTATT TAAAACTTTG 60 GCTGTACTAA GCAAATGCAA GGTTATAATT TAGCTAATAG TAGTTTACAG ACAATTCTGA 120 TGATTATGAT TTCATTTGGT TTAACTAAGC TGTACTAGTT CATTTCATAA GGAAATGATA 180 CTGTAGACAA ATGTAAATAA AGCCTGTGAG TCAAGCATCA AGTGGTGTTT GTTAGAAATA 240 ANCTAGAGAT TTTTAANCTC TGAAA 265 配列番号:592 配列の長さ:264 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00658 配列: GATCTGGGGC CAGCTCACCG CTCACGTCCC CGTCATCGAC AACTCCACCC TNTACATCAG 60 TAGAGCATGC ACCATTTTGA ACGTGACATT TNCGGTAAAG TAAACTATGC TGATTTCTCA 120 GACTTTAAAG ATGCTCTNNT TCTGTGTGTN AAATAGGACC CAAAGTGTCT CGATTGCTGA 180 AGTGATGAAC AAGTGGGAAA GCAGATTTGA GACTATTTCC TTATCTGAAT ATTTAAATGA 240 AATACAGCAT CTTTAAAANG CAAA 配列番号:593 配列の長さ:262 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クコーン名: HUMGS00659 配列: GATCTTTTAA AAAGATGATG CAGTTCTGTA TTTATTGTGC TGTGTCTGGT CCTAAGTGGA 60 GCCAATTAAN CAGGTTTCAT ATGTATTTTN CCAGTGTTGA ATCTCACACA CTGTACTTTG 120 AAAATTTCCT TCCATCCTGA ATAACGAATA GAAGAGGCCA TATATATTGC CTCCTTATCC 180 TTGAGATTTC ACTACCTTTA TGTTAAAAGT TGTGTATAAT TGTTAAAATC TGTGAAAGAA 240

配列番号:594 配列の長さ:260

TAAAAGTGG ATTTAAATTA AA

262

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00661

配列:

GATCCATCCA AAAACAAGGA CTGCAGCCTA AATTCCAAAT ACCAGAGACT GAAATTTCA 60
GCCTTGCTAA GGGAACATCT CGATGTTTGA ACCTTTGTTG TGTTTTGTAC AGGGCATTCT 120
CTGTACTAGT TTGTCGTGGT TATAAAACAA TTAGCAGAAT AGCCTACATT TGTATTTATT 180
TTCTATTCCA TACTTCTGCC CACGTTGTTT TCTCTCAAAA TCCATTCCTT TAAAAAATAA 240
ATCTGATGCA GATGTGTAAA 260

配列番号:595 配列の長さ:259 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00662

配列:

GATCCCTTTA TGAAACCTTG TGAATAGATG AATGTNTGGA GATGGCGACT AGTGGACAAC 60
AGAACAATAT TGGAATGGTG GTAATACGAG GAAATAGTAT CATCATGTTA GAAGCCTTGG 120
AACGAGTATA AATAATGGCT GTTCAGCAGA GAAACCCATG TCCTCTCTC ATAGGGCCTG 180
NTTTACTATG ATGTAAAAAT TAGGTCATGT ACATTTTCAT ATTAGANTTT TTGTTAAATA 240
NNCTTTTGTA ATAGTCAAA 259

配列番号:596 配列の長さ:257 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00663

配列:

GATCNNGGCT AAGCCAGCCA GCCCNCCCGC GCCAGGNAAA ACAGGGCTGC AGGTGTCCTG 60
TCTCCCAGCC TCATCTGGCC GGCCTCCCCA AACATTTGCC TGTCCATCAG CTCTTCCTCC 120
TTTCGAGTCA TGTGGAAAGG GACAGGNCCA AGTGGCCTTG GTGTTTAAAT CTTGCCCTAA 180
ATTGTAACTC ACATGATTAT TTAAAGTCAC TAGANATAAG TAAGCACAGC AATAAAGNTT 240
TAATGGAATA AAAGAAA 257

配列番号:597 配列の長さ:252 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00664

配列

GATCCCAGAA TTCAACCTGT ATTTATAAAT GTATAATGTA TTTAGCTACT TTTTGGTTTA 60
AATGAACTTG TTGGGTTAGC TTGGTAAATG TTATAATTTT NACTATTTTC TACAAAGAAA 120
ATATTTTCTA ATTTAAGTTG GAGCTATCTG TGCAGCAGTT TCTCTACAGT TGTGCATAAA 180
TGTTTTTNCT ATAAAATGAG CTAATGTATA ANATACTGCT GTATACCATA ATAANGATAG 240
TAATACTTGA AA 252

配列番号:598 配列の長さ:250 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00665

配列:

GATCATTAGT TGAATCGGTA TCATCTTCAC CAAATAAAGA AAGTAATGAA GAAGAGCAAG 60
TGTGGCACTT CCTTGGCAAG TGATTGAAAC ATCTGAAATT CTGCTGTCAA GATTCCCATC 120
TCTAAGGACT CCAAGTGCTA GAGACAAGGG GGTCTATGAG CATTTACTGA CTTCCTGTTA 180
AAACTTCATT TTTTCAAACT TTTTGAGCTA TGCAATATAT AANTAAACAG TAAGAATTTT 240
AAATTACAAA 250

配列番号:599 配列の長さ:250 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00666

配列:

GATCCTTCTT CCTTTCACTG GTCGTGCCTC CCANNAGGTG CAGAGATTCT TAGAAGAGGA 60
GGTGTATCCC CTGTTAAAAC CATATGAAAG CGTGATGAAG GTGAAAGCAG AATTATGTCT 120
GTAGAGTTGG AAGAGAATTA AACGAAAATC ATTGTTAATT GCTGAGGCAT GAAAATTGTG 180
TTACTATAAT GCCTTATTTT ACCTCGAGAA TTGTTACCTT AAATTAGTAC AGCACTTTCT 240
TCTTCCCAAA 250

配列番号:600 配列の長さ:247 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00667

配列:

GATCCTTCAG TTACATACAA TTTGTTTAAT GAAATGTCAT GGCTCTGTTC ATATTTNNT 60
NTTGTNCTTC CAATTGGTAT ATACAACTTT CAGAGCCTCT TGTATTTGGA AGGCTGGAAG 120
GGCCCAGACT TTGGAATAGT GTCTTGGTTT CACTGTTTTN GTTTTGATTT TTTTTTTGTT 180
TNGATTTTTT TAAAACTAAA GCTATATAAA GCTTGNGGAT TAANCAGANT AAATTCCTAA 240
ATTTAAA

配列番号:601 配列の長さ:246 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00668

配列:

GATCCAGGGT GTGTGTGAGT TGAGGGTGGG TGGAGGGGTT TGCAGTGTGG GAATGTGGCC 60 CTGCAGTTGA CCTGAGCTGC TTCACATGGT TGTCCATTCT GGGGCTTAAA GAACTGGGAC 120 CAGACCAAGT AGAGGCCTTG GTGCTGNTTG GGGTGGGGCC TGCAGANTCT TAGTTACTGA 180
TTTCATTTC AATAAATGTA GGTTTGTTAC ATGAGTTTCC CAATTAAAAA AAAAATGACT 240
TCTAAA 246

配列番号:602 配列の長さ:284 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00669

配列:

GATCAGAATT TCACCAGGGA GTAAAATTAC CTGAAAAACGT AAGANGTTTT AAACAGCTTT 60
TCACACAAAT TAGATGCAAC TGTTCCCATG TCTGAGTACT TATTTAAAAG AAAGGTAAAG 120
ATTGGCCTGT TAGAAAAAGC ATAATGTGAG CTTTGGATTA CTGGATTTT TTTTTTTTNA 180
AACACACCTG GNGNGGNCAT TTGAAAACAC TNTTCTTACC CTCGANCCCT GATGTGGTNC 240
CATTATGTAA ATATTTCAAA TNTTAAAAAT GTATATATTT GAAA

配列番号:603 配列の長さ:249 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00670

配列:

GATCGAGGTG GAGAAGCCCT TTGCCATCGC CAAGNAGTAG GGCACAGGGA CATCTTTCTT 60
TNAGTGACCG TCTGTGCAGG CCCTGTAGTC CGCCACAGGG CTCTGAGCTG CACTNGCCCC 120
GGTGCTGGCA TCTGGTGGAG CGGACCCACT CCCCTCACAT TCCACAGGCC CATGGACTCA 180
CTTTTGTAAC AAACTCCTAC CAACACTGAC CAATAAAAAA AAATGTGGGT TTTTTTTTT 240
TTAAATAAA

配列番号:604 配列の長さ:244 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00671

配列:

GATCGGAATG GTGGAGAACT TCAACCAGGC ACTCAAGGAA ATTGGGGATG TGGAGAACTG 60
GGCTCGGAGC ATCGAGCTGG ACATGCGCAC CATTGCCACT GCACTGGAAT ATGTCTACAA 120
AGGGCAGCTG CAGTCTGCCC CTTCCTAGCC CCTGTTCCCT CCCCCAACCC TATCCCTCCT 180
ACCTCACCCG CAGGGGAAAG GAGGNAGGCT GACAAGCTTG AATAAAACAC AAGCCTCCGT 240
TAAA 244

配列番号:605 配列の長さ:244 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00672

配列:				
GATCCCCTTT CCGTAAAAGC GTGTAACAAG				60
TTGTGAGACC CGAGGGGCGG CGGCGCGGTT				
AACAGCAATT CCAGGCTCAG TATTGTGACC				
GTTGCCTTAC CCGATGGCTT GTGACGCGGA	GAGAACCGAT	TAAAACCGII	IGAGAAGCIC	240 244
CAAA		•		2 <del>44</del>
配列番号:606				
配列の長さ:242				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00673				
配列:			i	
GATCTTTCCC ATNTCTACCT AAGTCAGCTT				<b>6</b> 0
AATAAGAAAA TAACAAAGCC CTTATTCTCT				
TCCAGTTCCT CTTTGGTGTA CAGACTTCTT			•	
TCATAAGTCG TCACTAATAC ACAGTTTTGT	ACATGTAACA	TTAAAGGCAT	AAATGACTCA	
AA				242
ETCLST P . ADT				
配列番号:607 配列の長さ:245				•
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS00674				
配列:				
GATCCGGGTG GATGCACAGC CCGTCAAGGT	CTATGCTGAC	GNCTCCCTGG	TCTTCCCCCT	60
GCTTGTGGCT GAAACCTTTG CCCAGAAGAT	GGATGCCTTC	ATGCATGAGA	AGAACGAGGA	120
CTGAGCGGCT GCGGTCCCAG GAAGGTCTTA	CCCCCTCTNC	TATTTATNAA	TTTGCAGACC	180
CAGCCCNTCC CCTACTTTTT GGTCAGCTAC	GNCTCTAGAA	TAACNCCCGG	TATCTGAAGT	240
CCAAA				245
和利亚岛。600				
配列番号:608 配列の長さ:245				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クコーン名: HUMGSC0575				
配列:				
GATCTCTACC ATTTAATTAA GAAAGCAGTT	GCTGTTCGAA	AGCATCTTGA	GAGGAACAGA	60
AAGGATAAGG ATGCTAAATT CCGTCTGATT				
CGATATTATA AGACCAAGCG AGTCCTCCCT				
መርመርርርርመርር መርርር ነጥ ነ ነ ነ መመርጥርጥርጥር				

配列番号:609 配列の長さ:241

ACAAA

· 245

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00676

配列:

GATCTAAAAT GTCACATTCA GATTTNAGG AAGAAAATCT TCATTACAGT GGAGCACAAA 60
TNTTCCATAC AAGACATCAT TGAGGNAGCA TGCTGTCCCC TTCTAACCTG AAACACATTC 120
TTTCCCATCC NGGTTGGGCT TCTNTACCNC CTTATTAATT TATGAACCNG AAGTTGCTTG 180
AAGTGTTTTG GGCTTAATAA ATGGGGTGAA AGTATAGGTA GCAGTAACAC CTACATGNAA 240
241

配列番号:610 配列の長さ:240 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00677

配列:

GATCTTCTGA GGTCAGGAGT TTGAGACCAG CCTGACCAAC ATGGAGAAAC CCAGTCTCTA 60 CTGAAAATAC AAAATTAGCC GGGCATGGTG GTGCACGCNT GTAGTCCCAG CTACTTGGGA 120 GGCTGAGGCA GGAGAATCGC TTGAACCCAG GAGGCGGAGG TTGCGGTGAC CCTCCAGCTT 180 GGGCAACATG TTATGANTGA AACTCCATCT CAAAAAAATAA AAAAAAAAAA GGGNNGCAAA 240

配列番号:611 配列の長さ:240 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00678

配列:

GATCTGTGAA GGCTTCCCTG ACCNNTGCCC AGGAAGAGTT CACTGGTCGC TCTGTTGTGC 60 CCCACAGCAC TTTGTTATAC CTCTGCCACA CACTTCACGC AGCGCGTTGT AACTCATGTG 120 TTTACATGTC TGTCCCNCCA GACTGTNAGC TCCTTGAGGG CAGGGACTGT ACATTCTCCA 180 GCTCTGTGTC CCCAGGGCCT GGCACATTGT AGACGCTTAA TAAATTTCTG TTAAATGAAA 240

配列番号:612 配列の長さ:242 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00679

配列:

GATCAGCTCC TTGACCTCTG AGGGGCAGGN GTGCTTCCTG GTGTGTGTAT TAGAATCCCT 60
TCCTGCCTTG TTTCATGGCA GTGAAATGCC TCTTGGTCCT GTCCAAGTGT ATCTTCACT 120
GATTTCTGNA TCATGNTCTA GTTGCTTGAC CCTGCCANAT GGGTCCAGTG TTCATCTGAG 180
CATAACTGTA CTAAATCCTT TTTCCATATC AGTATAATAA AGGAGTGATG TGCAATAGCA 240
AA 242

配列番号:613

配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00680

配列:

GATCGCAACA ATNAGCCATC CACATNCGTT TTTCAGGGTC ACACCCAAGT AATTGAAAAG 60
ACACTCCTCC ACTTATCCCC TCCNTAATAT GGCTCTNCGC ATGCTGAGTA CTGGACCTCG 120
GACCAGAGCC ATGTAAGAAA AGGCCTGTCN CCTGGAAGCC AAAGGACTCT GCATTGAGGG 180
TGGGGGGTAAT TTTTTCTTGG NGGGCCCAGT TAGTGGGCTT NCGNANTGTN TGTATGNGN 239

配列番号:614 配列の長さ:238 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00681

配列:

GATCCAAATA AACAGACCCC GTCTGGCAAG AAATGCATTG CAGCCAAAAA AATTAAACAG 60
TCGGTGGGAA ACAAAAGCAT GTCCTTTCCA ACTGGAAAGT CAGACAGAGG CTTCAGGTAC 120
AACTGGCCAC AGAGATAGTC CTGGAAGACA CGTGGCGCCT GTGGACCGGA AGCACCAAAT 180
GCTGGTGCTG CTTTTGTACA TACATATTTT TAAACCATTA AAATTCTTCC TGAAGAAA 238

配列番号:615 配列の長さ:254 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00682

配列:

GATCCATAGT CAGAAAAGTT ACTGCAGCTT AAACAGGAAA CCCTTCTTGT TCAGGACTGT 60
CATAGCCACA GTTTGCAAAA AGTGCAGCTA TTGATTAATG CAATGTAGTG TCAATTAGAT 120
GTACATTCCT GAGGTCTTTT ATCTGTTGTA GCTTTGTCTT TTTCTTTTC TTTTCATTAC 180
ATCAGGTATA TTGCCCTGTA AATTGTGGTA GTGGTACCAG GAATAAAAAA TTAAGGAATT 240
TTTAACTTTT CAAA 254

配列番号:616 配列の長さ:247 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00683

配列:

GATCAAAGAA AGAAGGCATA CGCNGATTTC TACAGAAACT ATGATGTCAT GAAAGATTTT 60
NAGGAGATGA GGAAGGCTGG TATCTTTCAG AGTGTAAAGT AATCTTGGAA TATAAAGAAT 120
TNCTTCAGGT TGAATTACCT AGAAGTTTGT CACTGACTTG TGTTCCTGAA CTATGACACA 180
TGAATATGTG GGCTAAGAAN TAGTTCCTCT TGATAAATAA CCANTTAACA AATNCTTTNG 240
ACAGAAA 247

配列番号:617 配列の長さ:235 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00684

配列:

GATCTCCACC TGAGCCAAAG AAACCTGAGG AAAATCCAGC TTCTAAGTTC AGTTCTGCAA 60 GCAAGTATGC TGCTCTCTC GTTGATGGTG AAGATGAAAA TGAGGGAGAA GATTATGCCG 120 AATAGACCTC TACATCCTGT GCTTTTNTCC TAGTTTCTCT CCACCCTGGA ACATTCGAGA 180 GCAAATCAAA ACCTCTATCC AGACAAGACA AAATAAAACT CAACATCTCC TGAAA 235

配列番号:618 配列の長さ:238 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00685

配列:

GATCTGTTCC TTGGCAGTGG ACTCAGAAAG CCAACATGTG GCTCCTCCCA GCCCATAACC 60
AGTATTTTC CTGCTTCTAA ATACAAATNG GTTGGTTTTA ACTTCANATT GANCTTACTG 120
TAGCCTCAAA TGATTTCCCC CCTCCGCCTC CAGGAAGAAA GAATGTNACT GCCTTAATAA 180
AAAATGAAAA GAGAATGATG CTCAAAATCT TTCCAAAATAA AATGTTCCCT ATATTAAA 238

配列番号:619 配列の長さ:234 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00686

配列:

GATCCGCCCT CGAATGGACA CATTACCAGT GAAGGGGCAT TINTNGTCAA TGTAGGTGCC 60 CTCAATAGCC TCCTTGGGTG TNTTGAAGCC CAGACCGATG TTCTTGTAGT ACCGCGGGAG 120 CTTCTCCTTG CCAGTTTCTC CCAGCAGGAC CCTCTTCTNG TTTTGAAAGA TGGTCGGCTG 180 CTTTTGGTAG GCACGCTCAG TCTGAATGTC CGCCATCTTC CCGGCCGGCT GAAA 234

配列番号:620 配列の長さ:251 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00687

配列:

GATCCCCAAG CCTGGCAAGG GAATTINTTC AACTCCCTGC CCCCCAGCCC TCCTTATCAA 60
AGGACACCAT TTTGGCAAGC TCTATCACCA AGGAGCCAAA CATCCTACAA GACACAGTGA 120
CCATACTAAT TATACCCCCT GCAAAGCCCA GCTTGAAACC TTCACTTAGG AACGTAATCG 180
TGTCCCCTAT CCTACTTCCC CTTCCTAATT CCACAGCTGC TCAATAAAGT ACAAGAGCTT 240
AACAGTNNAA A 251

配列番号:621 配列の長さ:241 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00689 配列: GATCCATCAT CCGNCAATGT TAAAAGGCCC CGTGCGCGAG GGCGACGTGC TCACCCTTTT 60 GGAGTCAGAG CGAGAAGCCC GGAGGTTGCG CTGAGCTTGG CTGCTCGCTG GGTCTTGGAT 120 GTCGGGTTCG ACCACTTGGC CGAGGGGAAT GGTCTGTCAC AGTCTGCTCC TTTTTTTTGT 180 CCGCCACACG TAACTGAGAT GCTCCTTTAA ATAAAGCGTT TGTGTTTCAA GTTAACTCAA 240 配列番号:622 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00690 配列: GATCCTCCTG CCTNGGCCTC CAAAAGTGCT GGGATTACAT GCATACCTGA NCTACTGAGC 60 ACTITNATCT TGAATGAGTG TTGGATTTTG TCAAATGCTT TTCCTGTACC TATTAATACA 120 ATCATGATTT TNNCCTCTTT AGTATGTTGA TATGATGGGT TACATTAATT GATNNTCAAA 180 TGTTGAATCA GTCTNGCATA CCTGGAATAA ATCCCACTTG GTCATAATAA A 配列番号:623 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00691 配列: GATCTATGAA ATCTGTGTAG GTTTTAAATA TTTTAAAAAT TATAATACAA ATCATCAGTG 60 CTTTTAGTAC TTCAGTGTTT AAAGAAATAC CATGAAATTT ATAGGTAGAT AACCAGNTTG 120 TCNCTTTTTG TTTAAACCAA GCAGTTGANA TGGCTATAAA GACTGACTCT AAACCAAGAT 180 TCTGCAAATN NTGATTGGNA TTGCACAATA AACATTGCTT GNTGTTTTAA A 231 配列番号:624

配列番号:624 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00692

配列:

GATCCCATTT AGGAANCGGC ATTCACTTCA GAAGGTACTT TTTAACTGCT CAGTTTTTGA 60 CTATTTTAAA TAGTTTGCTG AAAACTCCTG ATAACACTTG CTACATATCA TGTTTTAATT 120 GCTTGTACAG TTAACCTTTA ATTTTATTTA GTAAAGTGTA TCAAAGTAGG ACTTTTTTGA 180 ATTGTAAATA GGTGGTTTTA TTAAATAAAA GTCAATGTAA AAATTGTTAA A 231 配列番号:625 配列の長さ:230 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00693

配列:

GATCCGGAGG GAAATGTGTT AGAGGGTCTG GAAAATTCAG TGCTTTTGAG TTACTTGTTT 60
TTATTAAAAA TTTCCTCACA AAAGAGAGTC CTCAAGTTGT GGCTGTTCTT GGGAAAGGGG 120
TCACCGTGTC TGACAAAGTG TAACTTTAAA AAGCACGTTG ATTTTTTACA AATGTAAGTG 180
TGCTTGGGAA TTCCTTAAAT TTTGTGCAAT AAACTATTTT TTGGAAGAAA 230

配列番号:626 配列の長さ:202 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00694

配列:

GATCCAATCA TATTTNCTGT AGGGTGGAGG AGGTTTCAGA CCATCCCGCT CTGTTATATC 60
GAAGACCACA ATGGAAGACA AAGGCTTCTA AAGTATACCC CACAGCACGT GCATCGCGGA 120
NAGCCTNCTT GGGATAAAAT ATGTTTACAA TAACTTGCCT ATTGCTGAGA TTAAACCTTA 180
CAGGCTGCGT TATTTTAGCA AA 202

配列番号:627 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00695

配列:

GATCCATTGT ATCAGTACCT CACAATCAGA GTTGGCAAAT GATGGATGAG TGATTCAAGC 60
AGTGCACCCG GTGGAAGCTG AAATCCATCT GTGAATGGAA CTGAAGTGAA CGTGAATATG 120
CTGACTATAT CCTGGAAGCA TTTTTATACC ATCTTGAAAT TTCAACANAC TGGCTTTTGC 180
CAGTTAATCC AGCTGTCTTT CAAGAATAAA AGTTGGGGTT TTCAAA 226

配列番号:628 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00696

配列:

GATCACCTGA GGTCAGGAGT TCGANACCAG CCTGGCCAAC AGGGTGAACC CCGTCTCTAC 60
TAAAAAGTACA AAAATTAGCT GGGCGTGGTG GCGGACGCTG TAATCTCAGC TACTTGGNAG 120
GCTGAAGCAG GAGAGGTGCT GGAACCTGGN AGGCGGAGGT TGAAGTNAGC CGAGATTGCC 180
CTATTGCACT CCAGCTCGGG CGNCAACTGC AAGACTCCAT CTCAAA 226

配列番号:629

配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00697

配列:

GATCTGTTAA TTTCCTATCT AATAAATGCC TTNAATTGTN CTCATAATNA AGAATAAGTA 60
GGTATCCCTC CATGCCCTTC TGTAATAAAT ATCTGGAAAA AACATTAAAC AATAGGCANA 120
TATATGTNAT GTGCATTTCT AGAAATACAT AACACATATA TATGTCTGTA TCTTATATTC 180
AATTGCAAGT ATATAATAAA TAAACCTGCT TCCAAACAAC AATAAA 226

配列番号:630 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00698

配列:

GATCAGAGTA ATTCTTTTGT ACATTGAAAT NAGGGGCTTG GTTTAAAAAA AGACCTTTCC 60
CTCTCCCTGC CCCTAGAACA ACCAGTATTA GAAGGTGCCA CCATTGGTGC TGCCTTCTNT 120
TCCCACAGCC TGTAACTCAG TGTTTTGTAC TTCACTGAAT TGTGATGGNT AGAAACTTCG 180
TGGGTAGNNN NTGGGAATCA TCCNGTTAAA CAANACGGGN TTTAAA 226

配列番号:631 配列の長さ:222 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00699

配列:

GATCCTTGGT GTACTGAGCA GTTTCTTTGG GGCTTTTTCT TTCTGGGAAG CGGGAGGGAA 60
AGGAGCAAGG TGTCATCCTG CTCTTCATTT GTATTTTGGT CCCAAAATGT AAATACAATT 120
TNTTATGTTA CTTTTTTGTG GTAACTACCG AGATGAATAT TTTAATTAGA TAAGTTATAT 180
GAAAAGGAAA ATTCCATGTC TAAATAAAAA ACAAACTCCA AA 222

配列番号:632 配列の長さ:222 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00700

配列:

GATCTTCTGG ACAAACTTCT GCGATACGAC CATCAACAGA GACTGACTGC CAAANAGGCC 60
ATGGAGCACC CATACTTCTA CCCTGTGGTG AAGGAGCAGT CCCAGCCTTG TGCAGACAAT 120
GCTGTGCTTT CCAGTGGTCT CACGGCAGCA CGATGAAGAC TGGAAAGCGA CGGGTAATGC 180
GGCATTGATG CTTNCCAATA AAACCAACCA ACCAAACACA AA 222

配列番号:633 配列の長さ:221

配列番号:637 配列の長さ:215 配列の型:核酸

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00701 GATCCACCCA GTTCTTTAGG CAACCACTGA TAGCATTTTC TTAAGTATTC TTCCAGATAT 60 CGTCTATGCA TATGTAAAAG TATCTGNCTT TCTCCNTTTA AAAACACAAT TGGNAATATA 120 TCATACTNGC TGGTTTGCAC CINGCTTTTT TTGCTTAATA TATCTAGTTT ATAATGNCCN 180 AATGNGCAAA TTTTNGCATC NGCCCTAAAT ATCTACTGGN N 配列番号:634 配列の長さ:220 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00702 配列: GATCACTCGT TTAAGTCCTT AGTTGTATGT NATCTCTTCT CTAGCAGGAA TTGGCAAACT 60 TTTTTGTAAA GGGGTAGAAA GTGAAGATTT TAAGGCTTTG CAGGCCATAT ATCCTCTNCT 120 GCAAATNCTC AGCCCTGCTG TTGTAATGTA AAANCTNCCA CAGACACTAC ATGAACACGA 180 ATGAGTGTGG CTGGTGTTCC AATAAAACTT TATTTACAAA 220 配列番号:635 配列の長さ:220 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00703 配列: GATCATCAAA CCAGTCCACA AGCACAGGGA GATGCGTGGG CTGACATCTG CAGGCCGAAA 60 GAGCCGTGGC CTTGGAAAGG GCCACAAGTT CCACCACACT ATTGGTGGCT CTCGCCGGGC 120 AGCTTGGAGA AGGCGCAATA CTCTCCAGCT CCACCGTTAC CGCTAATATA NGTAAAGTTT 180 NGTAAAATTC ATACTTAATA AACAATTTAG GACAGTCAAA 配列番号:636 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00704 配列: GATCCACATC TCAAAGAAGT GGGGCTTCAC CAAGTTCAAT GCTGATGAAT TTGAAGACAT 60 GGTGGCTGAA AAGCGGCTCA TCCCAGATGG CTGTGGGGTC AAGTACATCC CCAGTCGTGG 120 CCCTCTGGAC AAGTGGCGGG CCCTGCACTC ATGAGGGCTT CCAATGTGCT GCCCCCCTCT 180 219 TAATACTCAC CAATAAATTC TACTTCCTGT CCACCTAAA

トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00705

配列:

GATCCTCTCT CGACTNGCCA TACATTTCTT TCACAGCATT TACATAGTCC ATGATAGTTT 60 ACTTGTGGGA TTATTTGGTT AATCTTTGCC TTTAACACCA GGGTTCCTTG GGTGAAGGAG 120 CTTCTTTATC TNGGTAACAG CATTATTTCA AGCATAACTN GTAATATAGT NATATTACAT 180 ATATANCATA TATATATATN NCANANCANA TATAN

配列番号:638 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポゴジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00706

配列:

GATCTGGTTT CTTAGCAAAT TTCCCAGTAG GATGTCATGT AAGTNCCTTC CCCCTCTTAG 60 AGATTGAAGG CTGTAAGAGT CCAGATGGTG GAGCCAGGCT GTCTGGGTTC AAATGCCATC 120 TTTGACACTT GCAAGCTAAA TNACATTACT CAAATTAATC GTTCTGCACT TCAGCTTCCN 180 214 TGTCTATCAA ATAAAAAGAA TAGTACCNGC CAAA

配列番号:639 配列の長さ:215 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00707

配列:

GATCATTGTA GATGANCTGA AGCAAGANGT TATCAGTACC AGCAGCAAGG CAGAACCACC 60 CCAGTGCACC TCCCTGGCCT GGNCTGCTGA TGGCCAGACT CTGTTTGCTG GCTACACGGA 120 CAACCTGGTG CGAGTGTGGC AGGTGACCAT TGGCACACGC TAGACGTTTA TGGCAGNGCT 180 215 TTACATGTGG GGGAATAACN TGGCTTTTCT GTAAA

配列番号:640 配列の長さ:220 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00708

配列:

GATCAAACCA AGGCCCAGGC TGCAGCCCCA GCTTCAGTTC CAGCTCAGGC TCCCAAACGT 60 ACCCAGGCCC CTACAAAGGC TTCAGAGTAG ATATCTCTGC CAACATGAGG ACAGAAGGAC 120 TGGTGCGACC CCCCACCCCC GCCCCTGGGC TACCATCTGC ATGGGGCTGG GGTCCTCCTG 180 220 TGCTATTTGT ACAAATAAAC CTGAGGCAGG ATTTGTTAAA

配列番号:641 配列の長さ:210 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00710

配列:

GATCGAGAAC CACATCCTCA AGCTCTTCGA GAGCAACCTG GTGCCCGCTA AACCCTGAGT 60
GAAGGCCGCC TGCCGGGGAC TCAGACACTC AGGGAACAAA ATGGTCAGCC AGAGCTGGGG 120
AAACCCAGAA CTGACTTCAA AGGCAGCTTC TGGACAGGTG GTGGGAGGGG ACCCTTCCCA 180
AGAGGAACCA ATAAACCTTC TGTGCAGAAA 210

配列番号:642 配列の長さ:208 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00711

配列:

GATCTGGTTT TATTCCTGTA ATTCAGCCAC CTGATTTTGT GAGGGGGGGG AATAATATGT 60 GGTTTTTGTA CAAACATGTT TCTCAGTGTG TTGTNATTTT GGAAAAAATG AGGGGAGGGA 120 GTTTGGCAAG AATGGAGAAA ATGAATGAAG AAGGCCTAAT CTCTCTCTTT TTCAGTNAAT 180 AAATGGAACA CCATTTCTGG ATTCTAAA 208

配列番号:643 配列の長さ:206 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00712

配列:

GATCTGTACA TTGTAAAACA CCATTCAAGT GTCAGAATCA TTATTTTCCA CCACTTATCA 60
TGGTGCTTGA CAAGTCTTCC CAATAAATAC TGAATGAACA AATGAATGC AGAAACATTA 120
AAATGAACAC TATGGGGAAA GGGGAAGAGA GGCAGAATCA GAAATTATCC NGAATAAATA 180
TTTATNCCAT TTGTCATCCN NCNAAA 206

配列番号:644 配列の長さ:244 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00713

配列:

GATCTATGTG GTGAAAATGC ACAGGAGCTT GGTAGACTGC GGGGGAAAGA GAGAGCTCCT 60
TTCGCCATGT TTTACCAGTN TGCTGTTATA ACCTCTTAGG TTGTATCCTT TAATTTCCAG 120
CCTTTTAGGT TAGTTTCTGT AACAGAACAA GTGAGTCTGG GATGAAGTCC TCAAAGTACT 180
TCAAATGGTA ATTTTTTGT TTTTGTAATA GCTNAACAAA TAAACCNAGG GTTTCTATAT 240
TAAA 244

配列番号:645 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00714

配列:

GATCTATGAA TGANAGGAGG GCAGACCACA TTGCTTTTNA CATCCATTC CCCTCCTCC 60
CATGGGCAGA GGACCAGGCT GTAGGAAATC TAGTTATTTA CAGGAACTTC ATCATAATTT 120
GGAGGGAAGC TCTTGGAGCT GTGAGTTCTC CCTGTACAGT GTTACCATCC CCGACCATCT 180
GATTAAAATG CTTCCTCCCA GCATAGGATT CATTGAGTTG GTTACTTCAA A 231

配列番号:646 配列の長さ:200 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00715

配列:

GATCTACATC TTTTTCTAAA GAAAAGTGGA GCTTGCCTCC AGTTCAATTC ACAAGAGCAT 60
TTTCCCTCCC ATGCCCACCT TTTCTTGTGG CTGTCGCTAG GAAGGATGCA GAGGCTGTGT 120
GGTTTACCAA ATGCCTTAAC TTAGCAGTGA ATGACAACTG TCAAACACAT GTTGAGGGGA 180
AATTTTTACT GATTCACAAA 200

配列番号:647 配列の長さ:200 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00716

配列:

GATCTGCCGC AAGTGCTATG CTCGCCTTCA CCCTCGTGCT GTCAACTGCC GCAAGAAGNA 60 GTGTGGTCAC ACCAACAACC TGCGTCCCAA GAAGNNGGTC AAATAAGGTT GTTCTTTCCT 120 TGAAGGGCAG CCTCCTGCCC AGGCCCCGTG GCCCTGGAGC NTCAATAAAG TGTCCCTTTN 180 ATTGACTGGG GNNGNANAAA 200

配列番号:648 配列の長さ:199 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00717

配列:

GATCCAGAAG GGGTTTGGTC TGGGACTTCC TTGCTCTCCC TCTTCTCAAG TGCCTTAATA 60
GTAGGGTAAG TTGTTAAGAG TGGGGNAGAG CAGGCTGGCA GCTCTCCAGT CAGGAGGCAT 120
AGTTTTTACT GAACAATCAA AGCACTTGGA CTCTTGCTCT TTCTACTCTG AACTAATAAA 180
TCTGTTGCCA AGCTGGAAA 199

配列番号:649 配列の長さ:206 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 グローン名:HUMGS00718

配列: GATCTTTTGT CCTCACTGCT TTCTAATGGG GAGGGCTGAG GGTTCCCTGT CCCCACAGCA 60 GGTATGTTGG GNTCTGCCCC AGCCCCACAC TTGCTCTGAA AACCAAGTGN NAGAGCCCCT 120 TCCCCTTGTT TTTATTTTAC TGTTATAATA ATTATTAACT TCCTTGTAAT AGAAATAAAG 180 TTTGTACTTG GAGTTCAGCT CAGAAA 206  配売番号: \$50 配列の長さ: 201 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGSO0719 配列: GATCTCGTTT TCTTGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60 GATCCTCGTT TCTTGGTTT TGGTGATGTT GGAGGACT TCGTCCTGGT CAGTTTTAA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGGGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 180 AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201  配列番号: 651 配列の長さ: 198 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGSO0720 配列: GATCTGTTAT CTACCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 TMP 音号: 652 配列の長さ: 197 配列の屋: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGSO0721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAAATATT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAAA 1197  配列番号: 653 配列の長さ: 197	
GGTATGTTGG GNTCTGCCCC AGCCCCACAC TTGCTCTGAA AACCAAGTGN NAGAGCCCCT TTCTCCCCTTGTT TTTATTTAC TGTTATATA ATTATAACT TCCTTGTAAT AGAAATAAAG 180 TTTGTACTTG GAGTTCAGCT CAGAAA 206 配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状クローン名:HUMGS00719 配列: GATCCTGTT TCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60 TCCCTTTTTG CTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT TCGTCCTGGT CAGTTTTAA 120 ATAATMATTT AGCACTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 180 AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201 配列番号:651 配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状クローン名:HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTGC CCTAAAAGAC CTCTTAAA	配列:
TCCCCTTGTT TTTATTTAC TGTTATAATA ATTATTAACT TCCTTGTAAT AGAAATAAAU 180 TTTGTACTTG GAGTTCAGCT CAGAAA 206  配列番号: \$50 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00719 配列: GATCCTCGTT TCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60 TCCCTTTTTG CTTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT TCGTCCTGGT CAGTTTTTAA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 180 AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201  配列番号: 651 配列の長さ: 198 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTGC 180 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTGC 180 TMM番号: 652 配列の長さ: 197 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAAA ATTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 4TTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 4TTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 4TTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	GATCTTTTGT CCTCACTGCT TTCTAATGGG GAGGGCTGAG GGTTCCCTGT CCCCACACCA CO
配列番号:651 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00719 配列: GATCCTCGTT TTCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60 TTCCTTTTTG CTTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACT TCGTCCTGGT CAGTTTTAA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 180 AAAGAAGGAAG CCACGGTCAA A 201 配列番号:651 配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198 配列の最き:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA	GGTATGTTGG GNTCTGCCCC AGCCCCACAC TTGCTCTGAA AACCAAGTGN NAGAGCCCC 120
配売番号: 550 配列の長さ: 201 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00719 配列: GATCCTCGTT TCCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60 TTCCTTTTTG CTTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT TCGTCCTGGT CAGTTTTTAA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 180 AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201 配列番号: 651 配列の長さ: 198 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198 配列の最き: 197 配列の長さ: 197 配列の見さ: 197 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTATATACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 4TTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA	
配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00719 配列: GATCCTCGTT TTCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60 TTCCTTTTTG CTTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACT TCGTCCTGGT CAGTTTTAA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAG 180 AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201  配列番号: 651 配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198  配列番号: 652 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACCATAT TGATATTTA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA	TTTGTACTTG GAGTTCAGCT CAGAAA
配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00719 配列: GATCCTCGTT TTCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60 TTCCTTTTTG CTTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT TCGTCCTGGT CAGTTTTAA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 180 AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201 配列番号: 651 配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198  配列番号: 652 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00719 配列: GATCCTGTT TTCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60 TTCCTTTTTG CTTCTGGTTT TGGTGATGTT GGAGGACCT TCGTCCTGGT CAGTTTTTAA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 180 AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201 配列番号:651 配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198 配列番号:652 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAA*TGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	
トボロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00719 配列: GATCCTCGTT TTCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCGA 60 TTCCTTTTTG CTTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT TCGTCCTGGT CAGTTTTTAA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNG CCCAATAAAG 180 AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201 配列番号:651 配列の長さ:198 配列の型:核酸 トボロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 TCCTAAAAGAC CTCTTAAA 198 配列番号:652 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トボロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACCATATT CAAGCTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	
配列: GATCCTCGTT TTCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60 TTCCTTTTTG CTTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT TCGTCCTGGT CAGTTTTAAA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 180 ATAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201  配列番号: 651 配列の長さ: 198 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198  配列番号: 652 配列の長さ: 197 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197  配列番号: 653	
配列: GATCCTCGTT TTCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60 TTCCTTTTTG CTTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT TCGTCCTGGT CAGTTTTAAA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 180 AAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201  配列番号: 651 配列の長さ: 198 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198  配列番号: 652 配列の長さ: 197 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 1171  配列番号: 653	
GATCCTCGTT TTCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA CTCTCTTTTTA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT TCGTCCTGGT CAGTTTTAA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 1880 AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201  配列番号: 651  配列の長さ: 198  配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSOO720  配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACCTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 TCTAAAAGAC CTCTTAAA 198  配列番号: 652  配列の長さ: 197  配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSOO721  配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	
TTCCTTTTTG CTTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT TCGTCCTGGT CAGTTTTTAA 120 ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 180 AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201  配列番号:651  配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO0720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACCTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198  配列番号:652  配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO0721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACCATATTC 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	CATCUTCETT TTCTNGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60
ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNING CCCAATAAAG 1880 AAAGAGGAAG CCACGGTCAA A 201  配列番号:651 配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198  配列番号:652 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197  配列番号:653	TTCCTTTTTC CTTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT TCGTCCTGGT CAGTTTTTAA 120
配列番号:651 配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198  配列番号:652 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197  配列番号:653	ATAATNATTT AGCAGTGTAA CTTTTAAACC TGCGTGACAT CTACANNNNG CCCAATAAAG 180
配列番号:651 配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198  配列番号:652 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197  配列番号:653	
配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198  配列番号:652 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	
配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198  配列番号:652 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	配列番号:651
トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00720 配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198 配列番号: 652 配列の長さ: 197 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 1997	
配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198  配列番号: 652 配列の長さ: 197 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197  配列番号: 653	配列の型:核酸
配列: GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198 配列番号: 652 配列の長さ: 197 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197 配列番号: 653	
GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60 GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 198 配列番号: 652 配列の長さ: 197 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 197 配列番号: 653	クローン名:HUMGS00720
GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA ATTGAGAAAA AATTACAGTA 120 TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 198 配列番号: 652 配列の長さ: 197 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGSO0721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 197 配列番号: 653	配列:
TTATTCCTCA AAATAACATC AATCTATTTT NGTAAACCTG TTCATACTAT TAAATTTTGC 180 198 CCTAAAAGAC CTCTTAAA 198 配列番号: 652 配列の長さ: 197 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTCATC TCTCCCTTTT TTATALCAGG 1110AA1110 00
配列番号:652 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TUTAAACTGA ATTGAGATACTAT TAAATTTTGC 180
配列番号:652 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO0721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA	
配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO0721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	CCTAAAAGAC CTCTTAAA
配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO0721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	配列来是·652
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	<del></del>
トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	<del></del>
クローン名: HUMGS00721 配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	
配列: GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	
GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA 60 CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197	<b>起</b>
CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTGT 120 CTAAAACAGG TGAGAAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTTAA 180 AATGCGTAAT TAAGAAA 197 配列番号:653	CATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTTATATA CATGTATACA BU
AATGCGTAAT TAAGAAA  配列番号:653	GASSAMATT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA AAACTATTAC AAGCTGTTGT 120
AATGCGTAAT TAAGAAA  配列番号:653	CTAAAACAGG TGAGAAAAA ATTTATAACT GTAAAANCAA ATGCACATAT TGATATTAA 180
	町和来号・653
BL71V/JXCC + XV +	
配列の型:核酸	

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00722

配列:

配列:

GATCTGGACT GTCCTGGCAT CGAACTCTCC CTCTGTGTGT AATTGGAGGA GACCACAAGC 60 TGTTGTTTTG GGTGACTGAA GTATAAAGTG TTTNCTGTAC CTTAGATTCA CAAACTTTGT 120 ATTTINAGTA CATATTINNA AGAATTICTA TAGTACATAT NINNAAGAAT TITNATATCA 180 197 AATATACCGT ATACTNN 配列番号:654 配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00723 配列: GATCACCGCC GCGAGTAAAA AAGGCTCCAG CCCAGAAGGT TCCTGCCCAG AAAGCCACAG 60 GCCAGAAAGC AGCGCCTGCT CCAAAAGCTC AGAAGGGTCA AAAAGCTCCA GCCCAGGNNN 120 GCACCTGCTC CAAAGGCATC TGGCAAGAAA GCATAAGTGG CAATCATAAA AAGTAATAAA 180 201 GGTTCTTTTT GACCTGTTAA A 配列番号:655 配列の長さ:199 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00725 配列: GATCTGCAGT TTAAGTTGCC ATGCTGCTAG GAAATTGTCC TTTTNCTTTC TAGCTGTTAA 60 CCTACTTCCT GGAAAAAGTA GTAGCTCTCT GTAGCATTAT GGAGTTTCAG TGGAACCAAA 120 TNTTTGCCAT TAAAAACTGG CATTATACTG AACTATACAT TGAGAAATCA ATCAAAATAA 180 AANTTTTNAC TTTCACAAA 配列番号:656 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00726 GATCTGGTTT CTAGCAAATT CCCAGTAGGA TGTCATGTAA GTCCTTCCCC CTCTTAGAGA 60 TTGAAGNTGT AAGAGCCAGA TGGTGGAGCA GGCTGTCTGG GTTCAAATGC ATCTTTGCAC 120 TTNAAGCTAA ATGACATACT CAAATTAATC GTCTGACTCA GTTCCTTGCT ATCAAATAAA 180 196 AAGATAGACC TGCAAA 配列番号:657 配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00727

GATCTGCCTG CCTCAGCCTC TCAAAGTGTT GAGATTACAG GCGTGAGCAN CCGCTCCCTG 60

CCCAACACAT ATACCATCTG AAAATGTTAG AATTCTGAGT TGTGATTTTA TTGACTTGTT 120
GCTTGCTTTT CCTNAGGCTT TGTAACTTGT AATATGTTAA AGTGTACTAT CCTAATAAAC 180
TGAATACTTT GGTATCTTAA A 201

配列番号:658 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00728

配列:

GATCCTCCAT TGGAGTGGCC CAAATCTTTC CATCTAGGGC AAGTCCTGAA AGGCCCAAGG 60 CCCCCTCCCC AGTCTGGCCT TGGCCNCCAG CCTGGAGAAG GGCTAACATC AGCTCATTGT 120 CAAGGCCACC CCCACCCCAG AACAGAACCG TGTCTCTGAT AAAGGCTNTT GAAGTGAATA 180 AAGTTTTAAA ANCTAAA 197

配列番号:659 配列の長さ:195 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00729

配列:

GATCGTNTTT GTTTTGTTTT TAAAGAAAGG TGAGATTGGC TTGGTTCTTC ATGAGCACAT 60
TTNATATAGC TCTTTTCCTG TTTTNCCTTG CTCATTTCGT TTTGGGGAAG AAATCTGTAC 120
TGTATTGGGA TTGTAAAGAA CATCTCTGCA CTCAGACAGT TTACAGAAAT AAATGTTTTT 180
TTTGTTTNNC AGAAA 195

配列番号:660 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00730

配列:

GATCTCAAAC TCCAGGCTCA GAACTGTGAA GACTGTTTCC AGCCTGGCTG TGAGCCAAGA 60 CCTGGTTCCT GGTGGACCCT GAGGACAAAG TGTGATAAAA CCTCTGGCTC AGACTTGCTC 120 TACTGAAGGC TTCTTGGTTA TAAGATGCAT AAAGTCACTG GGGCTAGCTA AACAATAAAG 180 AGTTTATTGT GAGAAA 196

配列番号:661 配列の長さ:194 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00731

配列:

GATCTAATGT ACTGTAACTT TATCAGTGAA AGGTAAAATC TCAAATAACA AGTACAAACA 60 TTGAACAATT ACCTATAAAG ATTTNTAAAA GTAAAATTTT TCCAATAGAT TTCATTCTTG 120

TCATTTTGTA AGACGACCCT GCAGTCCACC NGTTTGTAAC TTTTTTAATA AAATAGACAT 180 CTGTATTACT GAAA 194
配列番号:662 配列の長さ:246 配列の型:核酸 トポコジー:宣鎖状 クローン名:HUNGS00732 配列: GATCAAGAAA ATAAGGACAA CGTGAAGTTT AAAGTTCGAT GCAGCAGATA CCTTTACACC 60 CTGGTCATCA CTGACAAAGA GAAGGCAGAG AAACTGAAGC AGTCCCTGCC CCCCGGTTTG 120 GCAGTGAAGG AACTNAATAA ACCAGACACA CACAGAACAG GCGATTATTT ATTTGTTTTT 180 AATTTATTTT GTCATATTTT TGTAAAAACGG CAGAAATGCA ATAAAACCTA TATTTCAACA 246 GTGAAA
配列番号:663 配列の長さ:192 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00733 配列: GATCATATTT TATACATGTG TAATAGATAA AAATAAACCA GATTGCAAAT CCTTTTTTAA 60 AATCCTAAAC CATGTACCAA GTTTTTGGTC CAAATTATGT AGGATAAGTT AAACTTAAAT 120 TGCATTCTAT TAACCAATAT GAGTGTATTT CTGTAAGCAT AGTTATGTTG AAATAAAGTT 180 192
配列番号:664 配列の長さ:191 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO0734 配列: GATCTTCACA CTAATGATGA GTGTGTGGCT ACATACAAAG GAGTTCCCTT TGAGGTGAAA 60 GGGAAGGGAG TATGTAAGGG CTCAAACCAT GAGCAACAAG TGGAATCAAA TAAAATGCTT 120 CCACNACCAA AAGACATTAG AGAAAACCTT AAAAGTAATA AAGNGAAATA TATTTNTCAC 180 TTATACCTAA A
配列番号:665 配列の長さ:188 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00735

GATCTGAATC TNCCGGGGCC CCAGCCCACT CCACCCTGCC AGCAGCTTCC AGCCAGTCCC 60 CACAGCCTCA TCAGCTCTCT TCACCGTTTT TTGATACTAT CTTCCCCCAC CCCCAGCTAC 120

CCATAGGGGC TGCAGAGTTA TAAGCCCCAA ACAGGTCATG CTCCAATAAA AATGATTCTA 180 188 **CCTACAAA** 配列番号:666 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00736 配列: GATCTNAAAC CCAAGGGTCT GAGGCCAGGG CCGACTGCCG TAAGATGGGT GCTGAGAAGT 60 GAGTCAGGGC AGGGCAGCTG GTATCGAGGT GCCCCATGGN AGTAAGGGGA CGNCTTCCGG 120 GCGGATGCAG GGCTGGGGTC ATCTGTATCT AAAGCCCCTC GGAATAAAGC GCGTTGACCG 180 186 **NCGAAA** 配列番号:667 配列の長さ:184 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00737 配列: GATCTGTAAA TAATCATTGC CAGTNTGACT TTTGTTCAAC AAAAGGATTG TACTGTATTA 60 AGAACCGATG AAAAAAATTN TCCTGTAACA TTTTTTTAAG AAAACTTTGT TTGTTTAAAG 120 AAAAAGTATT GTATAANTNA TAATTTTAAT TTAAATAAAC CTAAAATGCT TTGTGCTAAG 180 184 GAAA 配列番号:668 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00738 配列: GATCCCAGAA AAGTTCTAAT TTTCATTAGC AATTAATAAA GCTATACATG CAGAAATGAA 60 TACAACAGAA CACTGCTCTT TTTGATTTTA TTTGTACTTT TTGGCCTGGG ATATGGGTTT 120 TAAATGGACA TTGTCTGTAC CAGCTTCATT AAAATAAACA ATATTTGTAA AAATCATAAA 180 配列番号:669 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00739 配列:

GATCTATCCA AGGTTTTGAC ATGTATCGAG AGTTTATTCC TTTTTATTGC TGAATAGTAT 60
TAATATTCTA TAGTATGGAT GTAACATAGT GTGTTTAAAC ATTCGCCTGT TGAAGGACAC 120
TTGGGTTGTT TCCAGTTTCA GGTTCTTACA AATAAAGCTA CTCTGTGTGT TCATGTAAA 179

配列番号:670 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00740

配列:

GATCAAATGC CAGTGTCATT TTGTACTTAA GTTCCAAAGT AGGAACATTN TATACTTTTT 60 NCTGTATTGT AATAGGTAGT TTTGTATGAA ATCTTTTCTC CTCTCCCGTT GTACCGCATT 120 CTTTCCAGCA TTGTGCTTTT TCCCTGGNCT TATTTGAAAA TTTTACTGTT TTATACAAA 179

配列番号:671 配列の長さ:177 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00741

配列:

GATCCAAGAA ACCAGGGCCA TGACCAGGTC CACTGTGGAG CAGCCATCTA TCTACCTGAC 60
TCCTGAGCCA GGCTGCCGTG GTGTCATTTC TGTCATCCGT GCTCTGTTTC CTATTGGAGT 120
TTCTTCTCCA CATTATNTTT GTTCCTGGGG AATAAAAACT ACCATTGGAC CTAGAAA 177

配列番号:672 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00742

配列:

GATCTGCAAG TCCCGGAGAG CAACAGCACA GCTCTGCCTG ACGCTCTCAT TAAAATCTAT 60
GCAGCCAAGC TCGGCACTTT GTAGCAGCCG GCCTTGCGAA GCCTCCTCAG CTCGGGGGGC 120
CGGGGACCCA GTGAGCCGAG AGCCCTCTGG NCTCCACTTA TGCATATGCA CCAAA 175

配列番号:673 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00743

配列:

GATCCGGAGA ATAGGGCNNN AATATGTGCC GCCAGTGTTT CCGTCAGTAC GCGAAGGATA 60 TCGGTTTCAT TAAGTTGGAC TAAATGCTCT TCCTTCAGAG GATTATCCGG GGCATCTACT 120 CAATGAAAAA CCATGATAAT TCTTTGTATA TAAAATAAAC ATTTGAAAAA ACCCTTCAAA 180

配列番号:674 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:RUMGS00745

配列: GATCTATTCA GATGGTTCTG ATGAAGTGAA ACGNGCCATG AACAAATCCT TTATCNNNGT 60 CGGGTGGTAC AGTTTTGAGT ACCAACTGGT CTGATGTAGG TAAAAGGAAA GTTGAAATCA 120 ATCCTCCTGA TGATATGGNN NGGAAAAAGT ACTAAATAAA TTAATTTGCT CTCAAA 配列番号:675 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00746 配列: GATCAAAACC AGTTTGATTT GGGAATCTTC CCCTTTCCAA ATGAAATAGA GATGCAGTAC 60 TTAACTTTCC TTGGTGTTTG TAGATATTGC CTTGTGTATT CCACTTAAAA CCGTAATCTA 120 GTTTGTAAAA GAGATGGTGA CGCATGTAAA TAAAGCATCA GTGACACTCT AAA 配列番号:676 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00747 配列: GATCCTAGCA TCCCTTTTCA CATGGTTTCT CCATGTATAT AACAGAATCA AGAAACAAAT 60 TTNAATTAAA CAATCTGTAA CAGAATCAAG AAACAAATAC ATTTTAATTA AACAATCTAT 120 ATGGAACAAA CATTCCCAAA TNCTAAGAAT AANTNTTCNT NTAAGTTTTC AAA 173 配列番号:677 配列の長さ:182 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00748 配列: GATCCAAATA ATTTATTAAA TGACTGGTCT CAGAAACTGA ACTCATTAAT GTCTCTGGTT 60 AACAAAACTA CGCATCTCAT AGCCAAAGAG GAGATGATAC ATAATCTACA ATAAGGGTCT 120 TAGTGCTTTA GAAAAAGTT AAAATTGGAA GTCATTAAAA AAAGACTGTT ATAATGGTGA 180 182 AA 配列番号:678 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00749

447

173

GATCTTATGA GAAGAGGAAG GAGAGANGTC TCTNCCTATG CTCACACACA AAGGAAAGTC 60 CACATGAGGA CACAAGGAGA AGCCAAGAGN GCCCTTACCA GGANTTAAAC CTGCTAATCC 120

CTATTTTAAT TAGAACAGTG AGAAANTAAA TATCTGTATT TAAGCCTCAC AAA

配列:

配列番号:679 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00750

配列:

GATCCAGAGA AAGCCAAAGC TCTTAGTAAA CACTTGCCAT CGTCAGTNTN ATGTCTCTAA 60 AAGTAGATGT TGAGGCTCTT NAAAATNCTC CTGGTGCTAC ATACATTCGG AAGAAGGGTG 120 GAAAAGTTAC TGGAGATAGT CAACCAAAGG AACAAGGACA GGNAGATTTG AAA

配列番号:680 配列の長さ:172 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00751

配列:

GATCCAATCC ATTCAGCAGT CCATTGAAAG GCTCTTAGTC TAAACCTGTG GCCTCTGCCA 60 CGTNGCTCCC TGCCAGCTTC CCCCCTGAGG TTGTGTATCA TATTATCTGT GTTAGCATGT 120 AGTATTTCA GCTACTCTCT ATTGTTATAA AATGTAGTAC TAAATCTGGA AA

配列番号:681 配列の長さ:170 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00752

配列:

GATCAAATTT AAACTTCATT TTGGGGGGTA TTTTGGTACT GTAATGGGGT CATCAAATNA 60 TTAATCTGAA AANAGCAACC CAGAATGTAA AAAAGAAAAA ATTGGGGGGA AAAAGACCAG 120 GTCTACAGTG ATAGAGCAAA GCATCAAAGA ATCTTTAAGG GAGGTTTAAA 170

配列番号:682 配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00753

配列:

GATCGGAACA GCTCCTTACT CTGAGGAAGT TGATTCTTAT TTGATGGTGG TATTGTGACC 60 ACTGAATTCA CTCCAGTCAA CAGATTCAGA ATGAGAATGG ACGTTTGGTT TTTTTTTGTT 120 TTTGTTTTTG TTTTTCCTT TATAAGGTTG TCTGTTTTTT TTTTTNAAAA AATNGCANCA 180 GTNCATGGCC CCCATCATTA ANANGNGAGG ANTNCANCAG AAAATAAAAT ATNCACTCN 239

配列番号:683 配列の長さ:170 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00754

配列:

GATCCAGACA GCCATCAGGG AAAGCTTGTN TTTAACCGAA CTGTCACACT GAAGGAAGAC 60 CCAGGAAAGG TGTGAGCTGG AAGCACTGAA CCTACCTCAT CCTCCTGGAG GGTGTGGCTA 120 CCCTCGCCAC CCCAAATTCC ATGTCAATAA AGAACAGCTA AATTCTCAAA

配列番号:684 配列の長さ:168 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クロ→ン名:HUMGS00755

配列:

GATCTTTCCA TTGGAAATAA CTGGAAGTGA AGAGGTTTTG TTGCTTGTAC AGTGTCAGAT 60 GAGGAACACC ACTATCTTAA TTTTGTGATA CACTGCATTT GCTGGTGCTA TTTTNATACA 120 GTGAAGCAAC AGCTTTGCAG CAAAATAATA AAATACTTCT ANGTTAAA

配列番号:685 配列の長さ:169 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00757

配列:

GATCCATCGT NATGTCTTAT TTAAGGGGAA CGTGTGGNCT ATTTAGGCTT TATGGCCCTG 60 AAGTAGGAAC CAGATGTCGG ATACAGTTCA CTTTAGCTAC CCCCAAGTNT TATGGGCCCG 120 169 GAGCGAGGAG AGTAGCACTC TTGTNCGGGA TATTGATTTC ACGGAGAAA

配列番号:686 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00758

配列:

GATCTGCTAC TAAACAGAGT TCAAAAACTT TCCAGAGTAA TTAATATGTA AAGCCANGTA 60 ACTAACAAAN GATTTGCTTT AGAGATAATT ATTTGGAATT TTTATAGCTN ACTTCACAAT 120 GTGCCCAGGT CAGCTGTATA AAATAAATAC TGCATTNING TITCTITCAA A

配列番号:687 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00759

配列:

GATCCTGACA CTAAGGAAAT GCTGAAGCTT TTGGACTTCG GCAGTCTGTC CAACCTTCAG 60 GTCACTCAGC CTACAGTTGG GATGAATTTC AAAACGCCTC GGGGACCTGT TTGAATTTTT 120 NCTGTAGTGC TGTATTATTT TCAATAAATC TGGGACAACA GCAGAAA 167

配列番号:688 配列の長さ:166 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00760

配列:

GATCAGCGAT GAAGAGGAAG AAGATGATGA TTGAAGTATG AAATATGAAA ACATTTAATA 60 TATTTNATTG TACAGTTATA AATATGTAAA CATGAGTTAT TTTGATTGAA ATGAATCGAT 120 TTGCTTTTGT GTAATTTAA TTGTAATAAA ACANTTTAAA AGCAAA 166

配列番号:689 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00761

配列:

GATCTATTTG GTCTTCTCA TGTCCCCCAC TGGTCTGTAC CCCAGGGAGC GGGTGCTTGT 60
ACTGTGTGAA TCCAGTGTTC ACATTCACAC TTAATGACTT CCTTGGCACC AATCATGTAT 120
TTCACCGTTT GCACTTNTTG TATTTCAATA AAAATGTTGA TGCAAAACTG CTAAA 175

配列番号:690 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00762

配列:

GATCGACTCT ATCATCCAAC GCTCCGAGGA CAGCCCATGT CCCCACCCCN GNGACCCGGA 60 CCCGGCCAGC AGGACCCACT GAGANGGGCT GCCCGGGNCT NCTCAGCTGC CCACACCCAC 120 ACTGTCCAGC ATCTGGCACA ATAAACATNC TCTGTTTTGT AGAAA 165

配列番号:691 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名:HUMGS00763

配列

GATCAAGAAA TAAACATAAA CATCTCAGAA TGCTCCTTCA TTACCAGAGT CACTACCTGA 60
TTATGTCTTA ATGGGTTACA TAATGACAGA GGGTATCTCA TATATGTNCT TTTCCAAACA 120
TAAAATAACT TTTTGTTTTG TTTGATTGAA AAAAAATTTA GAAA 164

配列番号:692 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00764

配列:

GATCCAGATT CTCACTTAAT GGGGTTTATA TGGACTTTCT TCTCATAAAT GGCCTGCCGT 60 CTCCCTTCCT TTGAAGAGGA TATGGGGATT CTGCTCTCTT TTCTTATTTA CATGTAAATA 120 ATACATTGTT CTAAGTCTTT TNCATTAAAA ATTTAAAACT TTTCCCATAA A 171

配列番号:693 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00765

·配列:

GATCGACTCT ATCATCCAAC GCTCCGAGGA CAACCCNTGT CCCCACCCC GGGACCCGGA 60 CCCGGCCAGC AGGACCCACT GAGAAGGGCT GCCCGGNTCA CCTCAGGGGG NCACANTTTA 120 CACTCTCCAG CATCTGGCAC AATAAACATN CTCTGTTTTG TAAA 164

配列番号:694 配列の長さ:168 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00766

配列:

GATCTAATGG TCTAAAAACT GGAGTTTCCG GACACAAGCT CTCCCTTTNC CTGCAACCAT 60 CCATGCAAGA TGTNACTTGC TCCTCTNTGC TTTCTGCCAT GATTGTAAGG CCTCCCCAGC 120 TACATGGAAC TNTAACTCCA TTAAACCTCT TTNTTTTGTA AATTGAAA 168

配列番号:695 配列の長さ:160 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00768

配列:

GATCCGCCCA CCTCAGCCTC CTAAAGTGCT GGGATTACAG CTGTGAGCCA CCCTGCCCGG 60 CCACTTTTGT ATGATTTCTA ATGTATTTGT AATTTACCTA ACAAATTGCC TAATCTGCTA 120 TGTTAATGTA TTTATGAATT AAAATAAATA CGACTGCAAA 160

配列番号:696 配列の長さ:161 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00769

配列:

GATCCGTAGC GGCATGTTCT GGCTGCGCTT CTAGGCGGGA AGCCTATGTA AGCAAGAGGG 60 CAGGGCCGGG GTTTGTGGTC CCCCCCCAC CACAAACACA GCACTTCGGC TCCTCTAACC 120

TGTGCCACAG GTGACCACCA ATAAAATCCT CTGCTGAGAA A

161

配列番号:697 配列の長さ:159 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00770

配列:

GATCTCCCTG CCCCACCCC AGTTCCCCAA CCCACTCCCT TCCAACAACA ACCAGCTCCA 60
ACTGACTCTG GTCTTGGGAG GTGAGGCTTC CCAACCACGG AAGACTACTT TAAATGAAAA 120
AANGAAATTG AATAATAAAA TCAGGAGTCA AAATTCAAA 159

配列番号:698 配列の長さ:159 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00771

配列:

GATCTTTNN TTTTTTTAA GTCTCACAAG ACATGGGGCA TCTCCACAAA TTTAAGTTCC 60
TGTCCATTTG GAAATTTGTT TCTATGTGTA CAGTTTGTCA GAGAAAAACA AAGTTTTTGT 120
ATGANTACAG AATGTGATTT ACGCAAGATT TGACAGAAA 159

配列番号:699 配列の長さ:161 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00772

配列:

GATCTACCTA TCTTCAGGAT GGAACCTTGG GGAAAAATAA AATTGAGGGG AAGTAAAAAG 60
TATGTAACAC TTCCAGTTGT GAGCCAAGAT TGTAACCAGA GAGCAGCCAG GAGCTTCCTG 120
TCAGTAACCA TNTTTTCAAT AAATACTCTT TCATGTACAA A 161

配列番号:700 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00773

配列:

GATCCTCTCA CCTCAGATTT CCAAAGTGTT GGATTATAGG TGTAAGCCAC TGAGCCCAGT 60
TTGAATGCTT TTTTATATAT TTTTTGGCCA TTTGTATGTC ATCTTTGGAG AAATGTCTAT 120
NCAAATCCNT TGCTCATTAA AATNATTTNC TGATAAA 157

配列番号:701 配列の長さ:160 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00774

配列:

GATCTGGCCG TNAGCCGCGA NCCGCTGNGA ACTCCACTCG GGGAACTCCT TTCCAAGCTG 60
ACCTCAGTTT TCTCACAAGA ACCCAGTTAG CTGATGTTTT ATTGTAATTG TCTTAATTTG 120
CTAAGAACAA GTAATAAGTA AATTTTTAAA AAGCCTTAAA 160

配列番号:702 配列の長さ:161 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00775

配列:

GATCAAATTG TGCAGTACTT TGTGCATTCT GGATTTTAAA AGTTTTTNAT TATGCATTAT 60 ATCAAATCTA CCACTGTATG AGTGGAAATT AAGACTTTAT GTAGTTTTNA TATGTTGTAA 120 TATTNCTCCA AATAANTCTC TCCTATAANC CACCAGGGAA A 161

配列番号:703 配列の長さ:154 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00777

配列:

GATCAGAGCT TATACTTAAT TAAGGTTTTA TACACACCAG TTCCCCAGTA AATNCAAATT 60
TAACAAGAAA ATCAGACATG TCATATGTNC AAAATGCTCA TGGCAAACAA TCATTTTGCA 120
TTCCTGCAAA TAAAATTGTT TTATACTGTA GAAA

配列番号:704 配列の長さ:153 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00778

配列:

GATCTGTTTG TTCCCTGAGC TTTTTAAATA CCCTGTGAAA ATTTTNTTTC CTCCCTTGGT 60 CATCATGCAT CTAATTGTGG GGAAATGTTT GTCAAACCAA CCTGCAAAGC AGCATGGTGT 120 AGTTSAGAAG AATAAACAGA GAAGACTGGG AAA 153

配列番号:705 配列の長さ:152 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00779

配列:

GATCTTTGGA CAGAAGCAGC TCTTTCCCGA ACACTTGTGG CGTCTGGNAC GGCCCCACCC 60 NTCCCCCCAC ACTCCCTCCC ACGGGGCTCC GGGAGACAGG CCGGCCCTGC ACCTNACCCC 120

PCT/JP94/01916

147

•	
ACCGTGACCT CAATAAACGT TGAAACTNCA AA	152
配列番号:706	
配列の長さ:152	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00780	
配列:	
GATCTATCCT TTACTTGAAA GCTTTTGAAA AGTGGAAAGG TCATTTTGTT GCATTTCCC	C 60
ATTTCTTGTT TTTAAAAGAC CAACAAATCT CAAGCCCTAT AAATGGCTTG TATTGAACT	T 120
TTACATTTGA ATTAAAGATG TTAAACATGA AA	152
ė .	
配列番号:707	
配列の長さ:151	•
配列の型:核酸	•
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00781	
配列:	AA 60
GATCTAGTAT GCTCCTGGTC TAATGCATTT ACATTGTTTA GGTAACTGGT TCCTAATAA AAGAATTATA AAATACCCTC AAATTAACAA TTCAATNGCA TATAATAGCC TAACTCAGT	
AGANTATTAA AACTTACTAT TATNCTTCAA A	151
AGANTATIAA AACITACIAT TAINCITCAA A	101
配列番号:708	
配列の長さ:152	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00782	
配列:	
GATCTANTCT GTGCTACCTG ATTAACTCAC AGCAGGCTTA CTGANTGGCT TCATTTCA	
TTTAGTTGAT TTCTCCACCA AATNCATGTC ATGTATTCTC AATAGGCTGT ATTCCCAG	
GNCAATAAAT GGAACACCCG TANAANCNCA AA	152
新知 早 . 700	
配列番号:709 配列の長さ:147	
配列の投合:147	
に列の至:核酸 トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00783	
配列:	
GATCCCCAGG GTTTCTTTGT CTTATTTATG GAGAAAAACC GGTCACTTTG TCCAGCGC	AC 60

配列番号:710 配列の長さ:146 配列の型:核酸

GATTATATTA AAATAATAAT GTACAAA

TGTGAGGCCC CCACTCAGGC CAGCCCTGGC CCCCCCTTGG TACTTGGAAC CGAAGTTACA 120

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00784

配列:

GATCTTATAA AAGGAAATTC TAGCAGTTTT AGAAATAGGT GGGAAAAACT CAAATATTCC 60 TCCTATCTGC ACCAAAAAGT TTATTTGTGG TATATAAAAT GAATATTGTT TTATAATAAC 120 TTGTTAATAA AGTACTTTCT AATAAA 146

配列番号:711 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00785

配列:

GATCAATGAA GTGAGAAATT GTTGAGAAGG ATACAGTTTG TTTTTAGATG TCCTTTGTCC 60
AATGTGAACA TTTATTCATA TTGTTTTGAT TACCCTCGTG TTACTACAAG ATGGCAATAA 120
ATACTATGGG ATTGTTTGTA TTAAA 145

配列番号:712 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00786

配列:

配列番号:713 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00787

配列:

GATCTAGAAG CAGAGGAATC CCAGCGCCTT TTAAAAAGTTG TTATGTGGTT TTCTTTTAAA 60 AAGCTCCTGT TTTTGGAAAG TAGAATTTAT GGGTACAACG TATGTTCATT ATTTGTACAT 120 AAAATAAAAC CATTTAATAA GTAAA 145

配列番号:714 配列の長さ:154 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00788

配列:

GATCTATGCC TAACAGAGCC CCAGTACAAC TATTTTNCAG AATGGCTGTT ACCCTAGAAT 60 TACTATAGCA CATATTGAGA TATAGTTGTA CTCCCTAGTA GATAGGAACT GACCCCAACA 120

154

ATAAACTTTG ATAATAAAGA AAAAAAANCG NAAA
---------------------------------------

配列番号:715 配列の長さ:144 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00789

配列:

GATCAACCTT AAAGGAAACT GCTATCCGAA CTTGGCTATC TCACAGCAGA GCCAGTTTGA 60 CGAATGGGTA AAACCTAAGG ACATGCTGGG TCCAAAGTGA TTTACATAAA TNTATAATGA 120 AAATAAACAT GTATAANATT TAAA 144

配列番号:716 配列の長さ:149 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00790

ş,

配列:

GATCCGTGAT GCCACTTACC TGTGTGTTTG GTAACAACAA ACCAACATCA TGGAGGTCCC 60
TGGATTGAAA AAGGAGCCTC TCCCACTCCT CCTACCACCA AAGTGGTTAG GACNCTATAT 120
AANTAAAAAC AAGGCTTTTG GAAAATAAA 149

配列番号:717 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00791

配列:

GATCTGGCTG AACCAGTTCC ACAAGGTTAC TGTATACATA GCCTGAGTTT AAAAGGCTGT 60 GCCCACTTCA AGAATGTCAT TGTTAGACTT TGAAATTTCT AACTGCCTAC CTGCATAAAG 120 AAAATAAAAT CGTTTTAAAT CAAGAAA 147

配列番号:718 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポコジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00792

配列:

GATCTGGGGC AGCCACCTTG CTACCATGAA GGAAAGGCCA AGACAATCAT CCACAGCTAT 60
TCCCTCCAGC ATCTGGTTCT GTACAAAAAT TAAATGCTTA TTTNTTTAAG TCAAA 115

配列番号:719 配列の長さ:142 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状

クローン名:HUMGS00793

配列:

GATCGCCACT GTAAAGGTCC TAGAGTTGCC TGTTTGTCTC TGGAGATGGA ATTAAACCAA 60 ATAAAGAGCT TCCACTGGAG GCTTGTATTG ACCTTGTAAC TATATGTTAA TCTCNTGTTA 120 AAATAAAATA TAGCTTGTGA AA 142

配列番号:720 配列の長さ:142 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00794

配列:

GATCTGTGCC TACNTTTAC CACCCTCTTG ATTGGAGCTT TTGTNATGCA GCTACCATNN 60
TTCAAAAAAA TTAAAAATTA AAAAAAAAA ATCTGCCACT TATCCAAGTC CACTAGAGGC 120
CACTGTCTTC AAAGNTTNTN TN 142

配列番号:721 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00795

配列:

GATCCAGGTG ACTCTGAACA TCATTAGAAG CATGCCAGAA CAGACTGGTG AAAAGTAAAC 60 CTTTTCACCT ACAAAATTTC ACCTGCAAAC CTTAAACCTG CAAAATTTC CTTTAATAAA 120 ATTTGCTTGT TTTAANAACA NNNGAAA 147

配列番号:722 配列の長さ:140 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00796

配列:

GATCCAGAGC CTCCCGGCCC TTCTCCGGTG TCCTGTACCA ACTCTTCTAT TTAAGAGAAC 60 CTCAGATGAT GTACCTGAGC CTCAGGGTTT TGTTTCAGAG GGATATAAAT NATTTAAAAA 120 TTAAATGAAA ACGTTGCAAA 140

配列番号:723 配列の長さ:150 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUNGS00797

配列:

GATCGGCCAC TACCTGGGCG AGTTCTCCAT CACCTACAAG CCCGTAAAGC ATGGCCGGCC 60 CGGCATCGGG GCCACCCACT CCTCCCGCTT CATCCCTCTC AAGTAATGGC TCAGCTAATA 120 AAGGCGCACA TGACTCCAAA AAAAAATAAA 150

配列番号:724 配列の長さ:140 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00798

配列:

GATCAGGGTA AGGCAGTCAG GCGGGTGTTC ACCACTGCCT TTCCTTCCTC TGAGCGTGAG 60
AACACTGAAC CCAGCCACTG CCCCTGGGTC CCTGTCCTGG AAATNGTCTA ATAAATCCTT 120
TNCCCTTCTT GAGCTACAAA 140

配列番号:725 配列の長さ:141 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00799

配列:

GATCCGAATC GAGGCCAACG AGGCCCGGGA TGAAGGCCCN GGAGTAGGCG AGCCAGACGA 60 CAAGGTTGAC CTCAGCTTCG GAGCCACCTC TGGATGAACT GCCCCCAGCC CACGNCCNAT 120 TAAAGACCCG GAAGCCTGAA A 141

配列番号:726 配列の長さ:136 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00800

配列:

GATCAGCTTT ACCTATGGTG CTTTGCCTTT AACTAGAGTG TGTGATGGTA GATTATTTCA 60
NATATGTATG TAAAACTNTT TCCTGAACAA TAAGATGTAT GACCCGGAGC AGAAATAAAT 120
NCTTTTCCTA ATTAAA 136

配列番号:727 配列の長さ:135 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00801

配列:

GATCATGTCA TTCAATTCCA GTCACCTCTT CTGCAATCAT GACCTCTTGA TGTCTCCATG 60 GTGACCTCCT TGGGGGTCAC TGACCCTGCT TGGTGGGGTC CCCCTTGTAA CAATAAAATC 120 TATTTAAACT TTAAA 135

配列番号:728 配列の長さ:135 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00802 配列: GATCTTAAAC ATTGTTTTGT AGTGTATATT ACTTGTCCAT TCCTTTAAGG GGAGCAGCCT 60 GCACTCTTTT GTAGATTACT TTTGGGGGGAT ATATTTNNAG AATNATGAAA CGGAATAAAA 120 TTGTAAAAAA CTAAA 配列番号:729 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00803 配列: GATCATGTTA CCATATCAAG CTGAAAATGT CACCACTATC TGGAGATTTC GACGTGTTTT 60 CCTCTCTGAA TCTGTTATGA ACACGTTGGT TGGCTGGNTT CAGTAGGGGG NTATTTNAGG 120 CCTTTCTTTT TAAA 配列番号:730 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00804 GATCTANGTT GCCTACCTTG AATTTTTTTT TAAATATATT TGATGACATA ATTTTTGTGT 60 AGTTTATTTA TCTTGTACAT ATGTATTTTG AAATCTTTTA AACCTGAAAA ATAAATAGTC 120 ATTTAATGTT GAAA 134 配列番号:731 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00805 配列: GATCTCACTA AAGGATTTCT ATTTGCTGTC AGTTAAAAAT AAAGCCCTAA ATACATTTTT 60 ATTCTTTCTA CTGAGGGCAT TGTCTGTTTT CTTTGTAAAT GCCGTACAAT AAACAAATTA 120 TTTAATAACC TAAA 134 配列番号:732 配列の長さ:137 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00806 配列:

459

GATCTTGGCA CTCTCCATGT TCTCTACAAG AAGCTGTGGT GATTGGCCCT GTGGTCTATC 60 AGGCGAAAAC CACAGATTCT CCTTCTAGTT AGTATAGCGG ACTTAATAAA AGAGGAAAAA 120

ACTCTTGCTT CAGTAAA

137

配列番号:733	
配列の長さ:134	
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00807	
記列:	
GATCCTCGAA CGGAAAGCCA AATCTCGCCA AGTAAGGAAA GGAAAAGGGC AAATACAAGG	60
AAGAAACCAT TGAGAAGATG CAGGAATAAA GTAATCTTAT ATACAAGCTT TGATTAAAAC	
TTGAAACAAA GAAA	134
1. Commission Commissi	
配列番号:734	
配列の長さ:132	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	•
クローン名:HUMGS00808	
配列:	
GATCAGTGGC TTTGAATGAA ATACAGATGC ATTATCCAGA ACTGAAGTTG CCCTACTTTT	60
AACTTTGAAC TTGGCTAGTT CAAAGATAGA CTCTTCTTTT GTAAAGTAAA	
AAAATGCTTA AA	132
SCHOOL OF COLUMN	
配列番号: 735	•
配列の長さ:132 配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00809	
配列:	
GATCHNAACC TTTTCAATAA AAGGCAAAAC AAACCAATHT CCNAACATAG CATTACAGCC	60
TTTAAAACCA TTCACTNCTC ATAGTGATTC ACAGAGGACA AGAGATTAAA GTGCTGGATT	120
TTAAATGTCA AA	132
配列番号:736	
配列の長さ:131	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUXGS00810	
配列: GATCANATGC AACCNCACAA CCTCGGCTGA GTCTTGAGAC TGAAAGATTA AGCCATAATG	60
TAAACTGCCT CAAATTGGAC TTTGGGCATA AAAGAACTTT TTTATGCTTA CCATCTNTTT	
TTTTTCTTAA N	131
IIIIICIIAA N	101

配列番号:737 配列の長さ:383 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00811

配列:

GATCATACAC CTGCTCACAG GCGAGAACCC TCTGCAGGTC CTGGTGAACG CCATCATCAA 60
CAGTGGTCCC CGGGAGGACT CCACACGCAT TGGGCGCGCC GGGACTGTGA GACGACAGGC 120
TGTGGATGTG TCCCCCCTGC GCCGTGTGAA CCAGGCACAN TGGCTGCTGT GCACAGGCGC 180
TCGTNAGGCT GCCTTCCGGA ACATTAAGAC CATTGCTGAG TGCCTGGCAG ATGAGCTCAT 240
CAATGCTGCC AAGGGCTCCT CGAACTCCTA TGCCATTAAG AAGAAGGACG AGCTGGAGCG 300
TGTGGCCAAG TCCAACCGCT GATTTTCCCA GCTGNTGCCC AATAAACCTN GTCTGCCCCT 360
TTTGGGGGAA GCCCCGAAGC AAA 383

配列番号:738 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00813

配列:

GATCCAGCTG CCAGAGGATG AGTGACCAGT TGCTAAGTGG GGCTCAAGAA GCACCGCCTT 60 CCCCACCCCC TGCCTGCCAT TCTAACCTCT TCTCAGAGCA CCTAATTAAA GGGGCTGAAA 120 GTCTGAAA 128

配列番号:739 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00814

配列:

GATCTGGATT ACNATGTAAA TTCACAGCAG TAAGATAATA TAAATTTTGT TGAATGTATT 60 AACATCATAT GGTCTGAAAA TGTGGGTTTT NATTTGGCAC ATTTAAATAA AATGTTTCTA 120 ACTAGAAA 128

配列番号:740 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00815

配列:

GATCAAGAAT GAAAAAGACA TCATATGAAN NGGGAGAAAC TATTTGCACA CCATCTATCT 60 CATGGTTTGG TTAATATTCA AACTATATNA GCAGAATGTG TAAGGATATC CTACAACTCA 120 ATAGCAAA 128

配列番号:741 配列の長さ:138 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00816

CCAAA

	•					
配列:		000 + 100000		. maa. aa. ma	amma i maama	60
				ATGCAGGATG		60
TTCTCAAAAA		COCCACCC	GCCATITIGI	ATAATAAAGC	ICCCIGIGIA	138
IICICAAAAA	MANICAMA					190
配列番号:7	42					
配列の長さ:	: 127	4				
配列の型:標	核酸					
トポロジー:	:直鎖状					
クローン名:	: HUMGS00817	7				
配列:						
-				TTCAGCCCTN		60
CTCCCCACTG	CTGCTGAGTC	TGTCTGATGT	TTTGGTTGTG	TGAATAAATA	TAATTCCCCT	
CTGGAAA						127
配列番号:7	49					,
配列の長さ:						
配列の型:核						
トポロジー:						
クローン名:		)				
配列:	. Hondsooold	)				
	CTCAAAAGAA	GGCAAGCTTC	CTCAGAGCTC	AGGAGCGGGC	TCCTCACACC	60
				ATAAACTTAT		
TAAA		4	dititization.		·	124
配列番号:7	44					
配列の長さ				•		
配列の型:						
トポロジー:			•			
クローン名:	: HUMGS00819	9				
配列:						
				CTGTTGACTA		60
	TATTTCATGA	TGATATATAA	ATNGCTTTTA	ATTATATNAA	ATNTTAATTN	
NCCN						124
配列番号:7	45					
配列の長さ						
配列の型:						
トポロジー:						
クローン名:	: HUMGS00820	)				
配列:						
GATCTCATTA	CCCTGTTTCC	GAATTCTGCC	GTGTGTATCC	CCAACCCTTG	ACCCAATGAC	60
ACCAAACACA	ርጥሮ <b>ጥጥጥጥ</b> እነ ል	<u>ሮሮ</u> ሞሮሮሮሞልሞሞ	ጥጥጥ <i>፤</i> ም ልጥልጥል	ምምረንጥረን <u>ል</u> ጥጥ ል ል	ል ር ር ጥጥጥ እ ል ል ል	190

125

配列番号:746 配列の長さ:123 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00821

配列:

GATCCGTGGC TTAAGACAGG AGATTATCTC TNTACTCCAG TGGCATCTCC TTAGCCAAGA 60
TGTGAAATTA AAATCATAGT TCGCCTCATT TAAAAATNCT AATAAAGCAC TCAAACTTTG 120
AAA 123

配列番号:747 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00822

配列:

GATCCAAATC TGGTTCAAAC ATTCAAAACT TCAAAGATAA TTCATCTTTC AGCTAATGCT 60
TGTGGTTCTG TTGTTCCCTT GAAAAAAAAT AAAAACAGTT GCCTTCNGGG AAAANTTNNA 120
AA 122

配列番号:748 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00823

配列:

GATCTTGTGT TTTAGGNTGG GCATTTTCAC TCTTCTGCCT TAAATCCCTA ACCCCATGGA 60 GCTGACATTC TAGTGCGGCT GAGGGGAGGG GAAACATTGT AAAATAAATC ATAAAAATTA 120 AA 122

配列番号:749 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00824

配列:

GATCTCTGGG CTGGGGACTG AATTCCTGAT GTCTGAGTCC TCAAGGTGAC TGGGGACTTG 60
GAACCCCTAG GACCTGAACA ANCAAGACTT TAAAATAAATT TTAAAATGCA AAAACTCGGA 120
AA 122

配列番号:750 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00825

配列: GATCHTAGAA GGGCTTCCCA ACCHNATTTG CAACATCCAA ATTGTCTTCA ATTNAAGGAA 60 GGCCTTATCA GTTCATAGAT GANCTTCATT GTAAAAATAA ATGTACTTTG CACCACTTCA 120 AA 配列番号:751 配列の長さ:273 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00826 配列: GATCCACTTC TGTNATTANG TAAATGGATG TNTCGTGATG CGTCTACAGT TATTTATTGT 60 TACATCCTTT TCCAGACACT GTAGATGCTA TAATAAAAAT AGCTGTTTGG TAACCATAGT 120 TTCACTTGTN CAAAGCTGTG TAATCGTGGG GGTACTATCT CAACTGCTTT CGTATTCATT 180 GTATTAAAAG AATCTGTTTA AACAACCTTT ATCTTCTCTN CGGGTTTAAG AAACGTTTAT 240 TGTAACAGTA ATTAAATGCT GCCTTAATTG AAA 273 配列番号:752 配列の長さ:144 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00827 配列: GATCAAAAAG AAACTTTGTT TTTCCGCAAT TGAAGGTTGT ATGTAAATCT GCTTTGTGGT 60 GACCTGATGT AAACAGTGTC TTCTTAAAAT CAAATGTAAA TCAATTACAG ATTAAAAAA 120 AAAGCCTGTA TTTAAAGAAC GAAA 配列番号:753 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00828 GATCAGAGGA AAAATCCAGT GTGACAGAGT GCAAGTNAGA AGACCTGGCT TTTNATCCCA 60 GCTTTGAAAC TTGGAACTTT TTGATTGACA AATTAATAAA CCTCTCTATG CCTCAGGCTC 120 132 CTCATCTGTA AA 配列番号:754 配列の長さ:117 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

配列:
GATCTAGGCT TGAGCTTGGT TGGGATTGCT NTTTTCTTCT TCTTCTTTAT AAACGATTCT 60
NTGTAACTNT TTGTATTGAC AGTTTCAAAC TTACAGTAAA ATTGCAACAC GAGTAAA 117

クローン名:HUMGS00829

配列番号:755 配列の長さ:117 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00830

配列:

GATCAGTACA TAGCATTTGG CTCNTGAACN NAATTNTAAA CTTTCAGGTA TTTTTGTACA 60 AATAAGGGAC TGATGTTCTG TTTCTTGTAA TTAGAAATAA ACATTAATAC AGTGAAA 117

配列番号:756 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00831

配列:

GATCTATCAT TACTGCAAAA ACCTGCTCTG TTGTGCTGGC TGGNAGGCCC TGTGGCTGCT 60
GGCTGAGGGT TCTGCTGTCC TGTGGCACCC CATTAAAGTG CAGTTCCCTC CGGGCCAAA 119

配列番号:757 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00832

配列:

GATCTGAAAT TAAATACTCA ACAGACTCCT CCTTTTTTAG CTGTATTTTT CAGGTACTGT 60
GTGGTGACCG CCCCACTGGT GTCTATTACA GGCCACTTTG GTAGTTGTGT ATCTGNTCAT 120
GTATGTGATT TGACAAACCA GTTTTTTAAA ATAAATGGCT TTTTAAA 167

配列番号:758 配列の長さ:379 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00833

配列:

GATCCAACTA GAAATGAATG GAAGATGATG GGAAATATGA CTTCACCAAG GAGCAATGCT 60
GGGATTGCAA CTGTAGGGAA CACCATTAT GCAGTGGGAG GATCGATGG CAATGAATT 120
CTGAATACGG TGGAAGTCTA TAACCTTGAG TCAAATGAAT GGAGCCCCTA TACAAAGATT 180
TTCCAGTTTT ANCAAATTTA AGACCCTCTC AAACTANCAG GCTTAGTGAT GTAATTATGG 240
TTAGCAGAGG TACACTTGTG AATAAAGNGG GTGGGTGGGT ATAGATGTTG CTANCAGCAC 300
CACAANGCTT TTCCATATTN GCNTCCTNTT AACCATGCNT GTCCATAAAC CCNGGGANGN 360
NNANTTGNGG GGTTNAANN 379

配列番号:759 配列の長さ:121 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00834

配列:

GATCTACTAC TNGGCCTTCA GTGCGAAGAG CCACATCCAG GCCTGAGGGC GGCACCCCAG 60 CCCTGCCCTT GCTTCCTTCA ATAAACATCA CAGGACCTGG GACTGCACAG GNCCTGGGAA 120 A 121

配列番号:760 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00835

配列:

GATCGAAGCA ATTGANGTAT CATGGATTGG ATTGTTACTG ATTTCAGTAA AGTATGTTTT 60
GCCAATTAGA TACATATATA CAAGATAAAG GAATAGGATG GTAATATATT TGTNTGAAAT 120
TAAAATTACTG TTTTNATTAA AAAATACTGC TTCATTGGGC TGATTTTGTA AAATGTAATG 180
AGTAAAATGA ATTACTGTAT TTNCCCTTTT ATGTCCACAG AATGAGAGTC ATATGTNGTN 240
ATATNCTAAA TNTNCATTAA ATATTCATGT CACCTTGAGT TGTCATGATA AGTATGTTTT 300
AAA 303

配列番号:761 配列の長さ:373 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00836

配列

GATCTACTAT GTNATGTCAG GGCCTGCGTG GCAACTCATG CAGCAATTCC AGAACCCTGA 60
CTTCCCACNC GAAGTAGAGG AACAGGATGC CAGCACCCTG CCTGTGTCTT GTGCCTGGAA 120
GAGTGGGATG AAACGCCACA GAGCAGCCTG TGCTTCGGCT AGTATTAATG TGTAGATAGC 180
ACTCTGGTAG CTGTTAACTG CAAGTTTAGC TTGAATTAAG GGATTTGGGG GGACCATGTA 240
ACTTAATTAC TGCTAGNNNN GGAATGTCTT TGTAAGAGTA GGGTCGCCAT GATGCAGCCA 300
TATGGAAGNC TAGGGTATGG GTCACACTTT ATCTGTGTTC CTATGGAAAC TNATTTNGNA 360
TATTTNGNTT TGN

配列番号:762 配列の長さ:406 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS00837

配列:

GATCTAGGGA GATGTGGAAG AAACTGTGAC TACTATAGAA ATTGATGAAG AAACATATGA 60
AGAGATATAT AAATCAACGN AACGGAATAT TCCAATGCTC TTTGTCCGGG GAGATGGCGT 120
TGTCCTGGTT GCCCCTCCAC TGAGAGTTGG CTGAAACAAA GAATTTGTCC TGTATGGAAA 180
NCGNNNNNNN GGTGTACAGT GGCCTCTCTA AAAGTACAAA ACATTCATAA GAGAAACCCG 240

CATACATTTT GATATTAAGA AATAATTCCG GGGATTCTTC CACTCCTGAA ATGAGTTGAT 300
TTGCAGATAA CTCACAACTT CTTAAGCTAA ATGGTATTTT CATTTTCTC AAGCTCTCCN 360
ATAANTATGG CCACCNNNGG NNANNGNGTG GGGAAAAAAA NAATTN 406

配列番号:763 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00839

配列:

GATCCCCACG CCACAGCCCT TTTGTCTCTG CAAACTGCCT TCTTCGGAAA GAAGAAGGTG 60 GGAGGNTGTN AATTGTTAGT TTCTGAGTTT TACCAAATAA AGTAGAATAT AAGACGNAAA 120

配列番号:764 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00840

配列:

GATCTTGATG GTGTTTCTTT CCCCAAAAAT TGACTTAGAT ATTAAAATTT GGTGCTTATA 60 AGAGAGAGTT AAAAAAAAA AGGATTGCTT CAATTAAAAT TACAAAAGAG NCAAA 115

配列番号:765 配列の長さ:113 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00841

配列:

GATCCAGTGA CAGCAGGTGT CATGGGTCAA GCATAAATCA TATATAGCAT TTTCAGGCAT 60 GTTCCTGGTA GTTCTTTTGA GTCTGACATT CTAATAAAAT AATTTGTAGG AAA 113

配列番号:766 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:59MGS00842

配列:

GATCTTTGTG AGGATTAGGA ATTAGGTTAA AAGAAATTAA GAACCATCTT CAAGCAAAAN 60 TTAAACTTTA TTTCTNCTTA ANCAATAAAT ACACCTGANT TAGTTTTCCA AA 112

配列番号:767 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00843

配列:						
GATCAAAGAC CO	CAAAGGAAT	GCAACANTTT	ATCTNTTATC	TACCTATNAC	CTGCGAGCTG	60
CCCACCACCC CO	CANGTTGTN	GCGCCTTTCC	AGACAGAACC	AGTGTACATC	TN .	112
配列番号:76						
配列の長さ:						
配列の型:核				•		
トポロジー:						
クローン名:	HUMGSOO844	:				
配列:						
GATCCAAAAC T						60
TTTAGCAAAT A'	TTTAAGACC	TAGTAAGTGC	TCAATAAATT	GTAGCTGTTA	TTGCTGTTGT	
NGTTTGTAAA		2.00			•	130
超利要是。70	n				÷	•
配列番号:76						
配列の長さ: 配列の型:核						
トポロジー: クローン名:		•				
•	10116300843	)				
配列: GATCGTGCCA C	ጥቦ የጥቦጥ የ	<u> </u>	CCCCACTNAC	ል ር ል ር ር ል <b>ጥር ጥር</b>	****	60
TATAATAATA T						111
INIMIAMIA I	nan i anaaa	INICITITI	UNAAAIAAII	IMAINING	N	111
配列番号:77	0					
配列の長さ:						
配列の型:核	酸					
トポロジー:	直鎖状					
クローン名:	HUMGSOO846	5				
配列:						
GATCNAGTAN T	GNAGGGGCT	GTTAGGAGCT	TCCTGCAAAT	CCCTGAGAGG	GCAGAAGATA	60
GCTTCTGTTA A	TTCATTATT	CTTCCAATAA	ATGTTGATTG	AGTACCTAAA		110
配列番号:77					•	
配列の長さ:		•				
配列の型:核						
トポコジー:		_				
クローン名:	HUMGSO0847	7				
配列:						
GATCACCGNC C					TTTTTTAACT	
GAGAAAGGAG A	TTTTTTGAA	AAGAGTACAA	TTAAAAGGAC	ATTGTCAAA		109
配列番号:77	9					
四分列西宁 : //	L					

468

配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS00848

配列:

GATCTTCTTC AATATGTGAA TTTGGGCTCA CAGAATCAAA GCCTATGCTT GGTTTAATGC 60
TTGCAATCTG AGCTCTTGAA CAAATAAAAT TAACTATTGT AGTGTGAAA 109

配列番号:773 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00849

配列:

GATCAACAAG GTTTGCCACT GCTTGTATTA CCAGGGACTG GTTACAACCA TTATTTCTNT 60
TCATTTGCTT GGCTTATCTC ATATTAAAGT GAGTTTGGAG TTCTCCAAA 109

配列番号:774 配列の長さ:110 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00850

配列:

GATCCAGTTC TAAACTTTGG GATATTTTT TTCAATTTTG AAGAGAAAAT GGTGAAGCCA 60
TANGAAAAGT TACCCGAGGG AAAATAAATA CAGTGATATT CTTACGCAAA 110

配列番号:775 配列の長さ:108 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00851

配列:

GATCTGTGTG CTCTTATCAC CAATCAGTTC AGACCTGGTT GATTTTGTAC TTTGGAACTG 60
TACCTTGGAT GGTTTTGTTT ATTAAAAGAG AAACCTGAAG TACTCAAA 108

配列番号:776 配列の長さ:108 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00852

配列:

GATCACCATC TTTAAATTTA CTTCAAAATA AAAGCATGTA AGTNACTGTT TTTCAAGAAG 60 AAATGTGTTT CATAAAAGGA TATTTATATC TCTNTNGCTT TGACTNNN 108

配列番号:777 配列の長さ:106 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00853

配列:

GATCCCCCTC GGAAGAGGGA CTCCAATGGG CATGTCCCCT CCGGAAATNC GGCCTCCTCC 60 CCCTGGAATG CNAGGNCCCC CTCCCCCGGN AATNCGCCCA CCAAGN 106

配列番号:778 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00854

配列:

GATCCÇATCA TGAATTCATT GGAATTTGTG TTGCATGTAA GGCAATCTTT TCCNTGTTGT 60
AAATCTTCCG TTTTTTAATG TACATAȚATT TTGAAAAATA TGAATAAACA TGAAATTTTA 120
AAAGCTGAAA 130.

配列番号:779 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00855

配列:

GATCATGGTG GGTCAGCTGT ACTGATTGTN ATCCTGACTT TGGCATTGGC AGCTCTTATA 60
TNCCGACGAA TATATCTGGC AAACNNATAC ATATNTAACT TTAN 104

配列番号:780 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00856

配列:

GATCTTTTTA CAGTATCCAT TTATTATGTA ATNCTTNTNA GAAAAGAATC TTATAGTACA 60
TNTTANTATA TGCAACCAAT TAAAATGTAT AAATTAGTGT AAGCAAA 107

配列番号:781 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00857

配列:

GATCAAAATG AAAGAAAATC ACAGAAATTA TCCTATGTGT ACTCCTCATC CCTCCTGCTG 60
TATATNTTCT NATTTTTTGC GTAATAAATN ATGTTAATTA CCAAATAAA 109

配列番号:782 配列の長さ:125 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00858

配列:

GATCTCCAAT GTTTTGGGGA TGCTTTGAGT CTCAAAAAAA ATTGATAATC AGAAAAGTAA 60 TTTTTGTTTG TTTGTTTAAT GTATCCCTGT TCTGTTTTTA ATTAAACTCC AAGTCTCATT 120 TTAAA 125

配列番号:783 配列の長さ:103 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00859

配列:

GATCGAGGTG ACAAATANTC AGTCCNTANG TCCCCACAAT GACCTCACCA NNATGGCTTT 60
GGGGAGCTCT TCACCCTAAA GATTCGGTCT GGTTTGCTAA TGN 103

配列番号:784 配列の長さ:102 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00860

配列:

GATCTGGAGG CAAGATGCCA GGCCCCACAG GTGTTCTCAG GGCAGTTCTT GGTGTCTGCT 60
TCTCAGATAC CAAGGACTGG AATTAAAACC TTTCCTGGGA AA 102

配列番号:785 配列の長さ:99 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00861

配列:

GATCACAGCC GAAGAGTGAA AGGTGCTGCA ATGAATGTTA GCTGTGGCCA CTGTGGATTT 60
TTCGCAAGAA CATTAATAAA CTAAAAACTT CATGTGAAA 99

配列番号:786 配列の長さ:94 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00862

配列:

GATCAAGTTA TTTTNAATTT GGTTTTCACA TTGGAAACAA GTCAGTCATT CAGATATGAT 60 TCAAATGTCT ATAAACCGAA CTGATGTAAG TAAA 94

配列番号:787 配列の長さ:102

配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00863				
配列:				•
GATCTCTTCT TCTCCCTGTG GCCCCT	GCGC TGTTGCCCCG	TCCCCGTCAC	CCCGCCGNN	60
ACTGAAATNT ATAATCTGAC TTCCTG	TACA GAAACCTGCA	AA	•	102
配列番号:788	,			
配列の長さ:93				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00864				
配列:			. •	
GATCTTGTTA GCAATGCTGT TTTTNC	TGTT AGTCGGGTTA	GAGTTGGCTC	TACGCGAGGT	60
TTGTTAATAA AAGTTTGTTA AAAGTT	TAAT AAA			93
配列番号:789				
配列の長さ:100				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00865				
配列: GATCTTCAAG TGAACATCTC TTGCCA	<b>ጥ</b> ቦልሮ <b>ር</b> ሞልቦርጥብርር		<b>ምምር ል በ</b> በርር ልርር ል	en
TGGGGGTCAT TAAAGGAAAC TGAACA			TICAGGGAGA	60 100
Tudoudion: Innaunne Tunnen	IIIUA ACCCITIAAA			100
配列番号:790				
配列の長さ:92				
配列の型:核酸		-		
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGS00866				
配列:				
GATCAGAATT TAAAATGTGT GATTCT	TTTT CTTTCTGTAA	GTATGTATTG	CTATGATAAA	60
TAAAAATGG CAGGACCATT NTTTTT	CATNA AA			92
新 5d 44 号 . 70 t				
配列番号:791				
配列の長さ:93				
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状				
アホロシー:直頭(A クローン名: HUMGS00867				
のローン名:NondSodoor 配列:	•			
GATCTCCAAC CAGGCCAGAG AAGATT	የርፕሮል ሮልይልልይይጥጥ	' ጥርልልሮ <b>ጥ</b> ሮሞላላ	<b>ርልልል</b> ፕለልልጥጥ	60
GGTTTGGTAA TAAATGGCTT CTGGTC		IUNNOICINA	nuvivvii	93
2211101101 HPWIGGOIL OIGGIC	MUI			JJ

配列番号:792 配列の長さ:114

配列の至:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00868	
配列:	
GATCTTGTAT CTTTGTATAA CGGATGTNAT TTGTACGAAG GGCAGTTCGT AAACAGCACT	60
TGTNCTTTTA ATAAAAGAAT GTTTTGCAAA AAAAAAAAA AAANCCCNAG GAAA	114
配列番号:793	
配列の長さ:90	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS00869	
配列:	
GATCTGTTTT GTACTTTTTA TACTGTTGGA TACTTATAAT CAAAACTTTT ACTAGGGTAT	60
TGAATAAATC TAGTCTTACT AGAAAATAAA	90
配列番号:794	
配列の長さ:88	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00870	
配列:	
GATCCATTTC ATAAAGTATG ATTTGCCCAA ACCTGTACCA TTTCCGTATT TCTCCTGTAG	60
AAGTAAGAAA TAAATTTCCT TAAATAAA	88
配列番号:795	
配列の長さ:89	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00871	
配列:	
GATCTGGCGC TTGGGGGTAA GTGGNATGAT TTGCTAATAT TGAGNATCTG TTGTATCAAA	60
CATAATAAAC TTTTTTTGA GATGTGAAA	89
配列番号:796	
配列の長さ:89	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00872	
配列:	
GATCAGGGTG TCTCCTTGTC CTTCTNAGAT GTGGAGAAGA GGCTGCTGGC TACCCTAAAA	60
NTTGAAATAA AAGATTTTTG CCTTTGAAA	89
配列番号:797	
配列の長さ:86	

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00873 配列:					
GATCCATTGA GCCCAGCAGT C GTAATAATAA AAATAAAAAA T		CAAAATAAGT	GAGAGACCCT	GTATCTGAAA	60 <b>8</b> 6
配列番号:798 配列の長さ:86 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00874 配列:	<i>5</i>				
GATCCTTTTT GATAATCTCA T CAGTGCTGTG TTATTTGTGC C		TTTAACCTTA	ATGAAATCCC	TAATAAAACT	60 86
配列番号:799 配列の長さ:87 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00875 配列:					
GATCGAACAT TTCACCTCTC A AAATAAATCA TCTATTAATC A		TGGCAATGAT	GACTATATGT	ATTCCTGCCT	60 87
配列番号:800 配列の長さ:86 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00876 配列:					
GATCTCCGAG TCAGGACGGT CTAAAGCTGTA TTCCAGTGCT T		CACGGGGTAA	CGGGTCTAAT	CGTGTAGGAA	60 86
配列番号:801 配列の長さ:84 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00877 配列:					
GATCCCCGCG ATACTTCAAC GCCCGTCTTTG GGTCTCTCTG C		TTCCAGGTGA	TGACTGGGCC	CCCAATAAAT	60 84

配列番号:802 配列の長さ:84

474

配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00878	
配列:	
GATCCCTCAA AACCTCACTA ACTGGAAGGA TGATTTTGTC TCAGTTTGTA CTCCT	AAATA 60
AAAAGTAAAC ATGACACCTC TAAA	84
配列番号:803	
配列の長さ:88	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00879	•
<b></b> 和利。	
GATCTGTGAA GAAATGAAAT AAAATGGTAT TTAGTAAGAA ATCTCTATTT TAAGA AGTAAAACCT GTTATAAACA CATGCAAA	
AGIARARCCI GIIAIRARCA CAIGCAAA	88
配列番号:804	
配列の長さ:82	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00880	
配列:	
GATCGTGCCA TTGTGATATG AATATGCCTT ATATGCTGAT ATGAATATGC CTTAA	AATAA 60
AGTGTTCCCC ACCCCTGCCA AA	82
配列番号:805	
配列の長さ:81	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00882	
配列:	
GATCTTAAGT CATACATTIN AATTGTNTAG AGGTTGTTCA ACTGAAGGAA TAAAT	GTCTA 60
TNAANCTAAA ACAAATGGAA A	81
EISUE B. OOC	
配列番号:806	
配列の長さ:78	
配列の型:核酸	•
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00883	
配列:	
GATCAAGTTT GTACATAACA CTAGTGGCAT TTCTTATCAA AAGGATTGGA TAATA	AAAAT 60
AAGTTTCTAC TGGGTAAA	78
配列来是,807	
配列番号:807	

配列の長さ:78

配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00884					
配列:					
GATCCCCCCA GCAAGGATAN CA'	TTCAAAGG	AGCTCACATT	TATGGAATGG	ATGAATCAAT	60
AAATTAATTC ACTTTAAA					78
配列番号:808					
配列の長さ:77					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クロテン名:HUMGS00885					
配列:	₽				
GATCCCATTT CTGATGGATG TG	TCACACCT	TTTCTGTCAA	AATAAAATGT	CTTGGAGGTT	60
ATGACTCCTT GGTGAAA		•			77
配列番号:809					
配列の長さ:77					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00886					
配列:			•		
GATCTGTGTT AATCTGAGTA AC	TTATTGCC	TAGCCTATAA	ATAAATTCCA	AAATATCCAA	60
TTCATTTCTT CTTGAAA					<b>7</b> 7
配列番号:810					
配列の長さ:75					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00887					
配列:					
GATCATCCTT CCTGGCAAAT AA	ATTCCCGT	TTCTATCCAA	AAGAGCAATA	AAAAGTTTTC	60
AGTGAAATGT GCAAA					<b>7</b> 5
配列番号:811					
配列の長さ:76				•	
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUNGS00889					
配列:					
GATCTGAAAG CCTGAGTGTG TG	TACGTGCG	CGCGTGCGTG	AAGGCCCTGC	CACGATTAAA	60
GACTGANACC GGCAAA				•	76
配列番号:812					

配列の長さ:129

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00890

配列:						
	ACAATATAGA TAACTGATTA					60 120 129
配列:	:74 核酸 :直鎖状 :HUMGS00891	·	ር ል ሮ ሮ ጥር ጥር ል ሮ	C ACCCCCCTTA	<b>A</b> TA <b>A A C A</b> TCT	en.
GTGGCCTCCT 配列番号: 配列の見が 配列の型・ マンシー ク配列:	814 : 82 核酸 : 直鎖状 : HUMGS00892	2				60 74
TCACATTTTT 配列番号: 配列の長さ 配列の型: トポロジー	:72 核酸	AA	AATAAAATTT	TGTACTNATA	TTATTAAAAA	60 82
CTACTTTTTA ・ 配列番号: 配列の長さ 配列の型: トポロジー	816 :72 核酸		ACTCAGACCT	TCAACTGTTT	TTNAATAAAT	60 72
配列: GATCCTACAC GTCTTTACCA 配列番号:		AGAGCACTGC	TACTTTTAA	AATACTTCTT	TCTCTTAAAA	60 72

配列番号:822

配列の長さ:71	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00896	
配列:	••
GATCAGATGT TAAGACTGAC ATTTCCAAGG TTGGCTACTA TGTAAAATTA AAATTACACA	60
AATTGTGCAA A	71
配列番号:818	
配列の長さ:71	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00897。	
配列:	
GATCTGAAGT AATTGTGCTG TATTTATGTT TATTCACCAG TCTTTGATTA AATAAAAAGG	60
AAAACCAGAA A	71
配列番号:819	
配列の長さ:84	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00898	
配列:	
GATCTAGCTC TCTGATTCCA TACATTCCAG ACTTCTCAGT GGATTTGTAA TAAACTATAA	60
ATAAAAATAG CTCTCATTTA TAAA	84
新聞· <b>见</b> 只 000	
配列番号:820	
配列の長さ:73	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS00900	
配列:	
GATCATGTCT TTTCCATGTG TACCTGTAAT ATTTTTCCAT CATATCTCAA AGTAAAGTCA	
TTAACATCAG AAA	73
配列番号:821	
配列の長さ:69	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS00903	
配列:	
GATCTGATTA TTTACTTTGT TTATTGTCTA TATGCCTTTT AAAAAAATAA ACTTGTTATG	60
CAAAATAAA	69

**WO** 95/14772

## PCT/JP94/01916

配列の長さ:69 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00904				
配列: GATCCAGTTG TAGCTGCCAT CAGATGCCGG TAGCTGAAA	AGACTCGCCC	NTCAATAAAA	AAATCTCTTC	60 69
配列番号:823 配列の長さ:72				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGS00905 #	-		•	•
配列:				
GATCACTGTA AATGGTAATC AGTTGGAATT	CTCCTAAATG	TCTTCCAGAC	ACTAGTAAAA	60
AACGACCTGA AA				72
配列番号:824				
配列の長さ:68				
配列の型:核酸			-	
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGS00906				
配列:				
GATCTTTCTA CCTGCCTTTC CATGTCATGA	GAGGAAGAAA	CAAGAATGAC	AAGTGTATGA	60
CTNCCAAA	•			68
配列番号:825				
配列の長さ:67				•
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00908				
配列: GATCACGTAC CTGTGCAGAA ACCGCCTCTG	<b>ጥር ር ር ጥር ር ል</b> ምጥ	ጥሮ ል ል ልጥል ል ል ል	CCCCACCCAC	60
CAGCAAA	IUUCIUCAII	IUAAAIAAAA	CCCGACCCAG	67
CNUCAAA				01
配列番号:826				
配列の長さ:342				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00910				-
配列:				
GATCATATTT TATGAACAGA AAGACTCAGG				
ACTTTTGCCC CTGACTGAȚA GCATTTCAGA	ATGTGTCTTT	TGAAGGGCTA	TGATACCATT	120
TATTAAATAG TGTTTTATTT TAAAAACAAA				
GGGCACTATA TTACAAATAT TACTNNGTTA	TTACACAAAA	AGTGATAAGA	GTAACATTTG	240

CTATACTGAT GNTTGTNT GCACTTAAGT TCACCNAA				TNAGTTCACT	300 342
配列番号:827 配列の長さ:72 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSOO	0911				
配列: GATCTAAGAA GTTGTGAA GCAGTGTGCA AA	ATG TTGTTAATCA	TTTAGCCGTŢ	GCAATAAATG	TAGAGGAAAT	60 72
デ 配列番号:828 配列の長さ:65	;				
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSOO 配列:	0912				•
GATCACCTGA GGCCATGA	AGT TTNAGACCAG	TCCTGGTAAC	ATAGCAAGAC	CTCCATCTCT	60 65
配列番号:829 配列の長さ:65 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSOO 配列:	0913				
GATCCTAGAC AGCGCCT	TAT CTATGATTGA	GTGTCCGTGT	AAATAAATTC	CTACTTAGAC	60 65
配列番号:830 配列の長さ:65 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGSO0 配列:	0914				
GATCTGGGAA CTTTTTNO	CTG TACAAATCTG	TTTAAAAAAA	AAAAAAGGNA	CCNCATTGAT	60 65
配列番号:831 配列の長さ:63 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00	0915	•	·		

配列:

GATCCAAATT AAAACCTGGT AGAATCT	CAAT ACATTGACTG	CAATTAAAAT	GTTTGCCTGG	60 <b>6</b> 3
配列番号:832 配列の長さ:68 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00917 配列:				
GATCCAGTTC TAAGTGTCAT CTTTTAT ACTTNAAA	INAT NAAGACAATA	AAATCTTGAG	TTTATGCTTC	60 68
# 配列番号:833 # # # # # # # # # # # # # # # # # #				· ·
GATCCACGGT TGTNACCATG TATTACC	CACA AATTTAACAA	TAAAAAATTG	TTTTAAGAGT	60 63
配列番号:834 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00919 配列:				
GATCTACTGT CATTTGNATG CAATTTG AATGCAGTGT GCTCATTCTC CCNAAA			TGTTAACAGG	60 109
配列番号:835 配列の長さ:62 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00920 配列:				
GATCCAATTA CACACATTCG TTCACAA	ACTC AACACAAATT	CCTATTAAAT	ATTAAAAGTA	60 <b>6</b> 2
配列番号:836 配列の長さ:61 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00922			·	

配列:

配列の長さ:52

GATCTTAAAC ATAGGAAAAC CA A	ATACGTGTT	CATGATAATA	AAATGCTTTC	TATGAAATAA	60 61
配列番号:837		•			
配列の長さ:56					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00924					
配列:					
GATCATACCA CTGCTCTCCA GC	CCTGGCTAT	CAGAGTGAGA	CTCTGTCTCA	CAGAAA	<b>5</b> 6
配列番号:838					
配列の長さ:56	j.	•			
配列の型:核酸			•		.•
トポロジー:直鎖状			•		
クローン名:HUNGS00925					
配列:					
GATCAGACAC TTAACCCTTA TA	AANTTAAAG	TCAATAAAGC	ACCTTTTTAA	AGGAAA	56
配列番号:839					
配列の長さ:57					
配列の型:核酸		•			
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00926					
配列:					
GATCAAAGTG AAACAATGTT TG	GGATGCAAC	GCAGAATAAA	AGAATATAAG	AAATAAA	57
配列番号:840		•			
配列の長さ:52					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00929					
配列:				•	
GATCTAATTA AAAGACCTTC TG	GCACAGCAA	AAGAAACTAA	CAACAGAGTA	AA ·	52
配列番号:841					
配列の長さ:52					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS00930				•	
配列:					
GATCCCGGCA GAAGCTATGA AA	AGGGAATAA	AGAGAAAAGA	AGTACCCAGA	AA	<b>5</b> 2
配列来号・849					

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00931 GATCTTTTAG TTTCAACTCA GCTTTTACAA TAAAANGGAT TTGTATTGCA AA 52 配列番号:843 配列の長さ:58 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS00932 GATCTCTTTT CAGAAGTGTC TATAGAACAA TAAAAATCTT TNACTTCTGA CCTTGAAA 58 配列番号:844 配列の長さ:53 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00934 配列: GATCCTAAAT CATGACTTAC CTGCTAATAA AAACTCATTG GAAAAGTGAG AAA 53 配列番号:845 配列の長さ:52 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00935 配列: GATCAAGCTG TAAAAAACN AAAAATTAA TAAAAATTTC GAGAAATANA AA 52 配列番号:846 配列の長さ:51 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00936 配列: GATCAGCATT GTGACTTGGA GATAATAAAA TTTAGACTAT AAACTTGGAA A 51 配列番号:847 配列の長さ:62 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

GATCTGAGGT AAACTTTGAA GTAAAATAAA AGCTGTGTTT GAGCATCATT TGTATTTCGA 60

クローン名: HUMGS00937

配列:

クローン名: HUMGS00973

配列:

AA				62
配列番号:848	•			
配列の長さ:59				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUNGS00938				
配列:		·		
GATCCTCCCT CCCCTAATTA AAGTCTCTTT	TTGCCCCTTT	GGGCTGNCAT	GAGGTCAAA	59
配列番号:849				
配列の長さ:71				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00955				•
配列:				
GATCAGAATT TTAAATNAAA GGTTTTTTCT	TTAAATNATT	TGTATTACTT	TATTAAAACT	60
CTGATATTAA A				71
配列番号:850				
配列の長さ:661				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS00972				
配列:				
GATCCGGTTC TGGGACAGCA GGGGGCCCCA				60
GGTCACCTCC CTGAGCCTCA GCCACGACCA				
CACACTCAAG GTCATCGACC TGCGTGTCAG				
CTTCAAGTGT GGTTCTGACT GGACCAAAGC				
GGCAGGCTCC TGTNATGGGG CCCTTTACAT				
CAGACTACAG GGACCCCATT GCGCTGCCGT				
CCACATGGTG AGCGTGGACC AGGGCAAGGA				
CTGCCTGCTT GGGNTGGAGN TTTTTNCCCG				
GGGTTTGGGG TTTGGGATTN GAGNTTNGNC				
AAGACCTTGN CTTTTTTTTT TAAAANTNAA	GTATTGGTTT	GGGGGNTTAA	GGTAATTTTT	600
TTTTNGAATT TTAANTTNAT NTCTAAATTT	TTTTCCAAAT	TTTGAAAAAT	TNTTTTTNAA	660
A				661
配列番号:851				
配列の長さ:641				
配列の型:核酸				
トポロジー・直鎖状				

484

GATCTTGGAT GTCTATTATA GGAGAAGTAT GTCCTGCCAA TGTACAAGAA GGCAGCATTG 60

TAGGATTAAC ATTCTTGTCT ACTGTATATT ATCTTGGAAG GCTCTTGTTA ATATGTTACA 120
CTTAATATTC TCCACAGTTA CCTTTAGAGA GAATTTATGA GAAGTTAGTT TCTGATGCAG 180
AGGTTTTTAG GCTGTGATTT CATCAAAAGT CCTAATAGCA TTCTACCTCA AAGGGACACT 240
TAGNATGCCT AAAATTTATT CACTTAGTTT TCCTTTTTA TTTGAAAAAA TACATGACAT 300
GTAATCTTTT TTTCTTGAAT TCTTTCTCAG ATTTTAAAGT ACTATATTAA AGAAAAAAAAT 360
TAATGTCTAA AGGCCTAGCA TTCCTTGCAG GACCCCTATA CTAACCATGG TAATGGGGGA 420
GAGGGGTGGG GCAGNTNNGT AGGGGNACCA GGTTCCAGGC CTCAAGCTTC CCAAAGCCAT 480
TTTTTNTAAA TGGGAAATCC NTNAANTTNT GGAACCCGCT TTGNTATNGG NGCCCCTTTT 540
TTTAAAATTC CNGGCCTTTT TTTNNTTGGT AATGGGGGTT NCTGTTTGNG GTTTTAACCT 600
NANCCTGGNC CGGGGGGGTT TAAAAGGAATG CTGNCTGCAA A 661

配列番号:852 配列の長さ:627 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00974

配列:

配列番号:853 配列の長さ:617 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00976

配列:

GATCAGANTG CCCCTCCACT CATGAGACTC TTCATTTGT CCACTTTGAC AGGAAAAGTG 60
GGAATGTATG CAGAGCTCTC AAAAGAAACA AAAAAGGCCA AAACGGTGCC TTCAGCCACA 120
TCCTCTGAAT TGGCCCTGAC TTGGACTAAA NCCNCTAATG CAAAATCCCT TGACAAAAGC 180
GCATAGGTTA TTTCAAACCA GCATTGTTTT TTATGTAACC TGTTTTACCG CATCTTCTCA 240
GCAGCTTCTG ACCACTGCTC AATTTTTCC TTTACAGCCA TTGTTCTGGT GGACAAATAA 300
CCTAGGTACT CCAAATCCTG GCAGGAAAAA TATACAGCAT TATGAAACAG CACTCAGTAA 360
TCCTAAAATG GATTTCCAA AGCTGGTTAC ACATGNCCTG CAAAGTCTTA TTTAAATTTA 420
AAAGGCCTTT CTCATTTACC AGGGGTTTAG GTCAACGNNG GCAAACCCCT GGGGGAATTT 480
AAATTGGGAA GGTTANTTNC CTTTNGTAAA TTCATAGGGN CCAAANGGCN GGGNAGTTAA 540
TTTTTCCATN GGGTTGGTGG CNCCCGGGNT TCATTGGTNT TNGGCCCCAN GGAATTTAAT 600

TTTTTTAAAN CCTTAAA 617

配列番号:854 配列の長さ:602 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00977

和利 ·

GATCCCGTGC GGCGCGCTGC CCGAGGGGAG CAAGGACAGC TTTGCAGTTC TCCTGGAGTT 60
CGCTGAGGAG CAGCTGCGAG CCGACCATGT CTTCATTTGC TTCCACAAGA ACCGCGAGGA 120
CAGAGCCGCC TTGCTCCGAA CCTTCAGCTT TTTGGGCTTT GAGATTGTNA GACCGGGGCA 180
TCCCCTTGTC CCCAAGAGAC CCGACGCTTG CTTCATGGCC TACACGTTCG AGAGAGAGTC 240
TTCGGGAGAG GAGGAGGAGT AGGGCCGCCT CGGGGCTGG CATCCGGCCC CTGGGGCCAC 300
CCCTTTTNAG CCGGGTGGGT AGGAACCGTA GACTCGCTCA TCTCGCCTGG NTTTGTCCGC 360
ATGTTGTAAT CGTGCAAATA AACGNTCACT TCCGAATTAA GCGGTNTATT TNTTGAANGT 420
TTAATAATTG TGTTTTNTGA ATACTGAAGT ATTTGGCTTT AAAATTCTTAA NTTAAAAATT 480
TAATNTTTTA CTTTTTAAT TGCTGGGTTT AAGATNGTTN AAGATTATCC TTGNAACTTT 540
NNGGGGGGANG TTNTTATTTT NGAGTCTTTT NGGAANAGNC TTNAGGCTTT TNNACTTNGA 600
AN

配列番号:855 配列の長さ:595 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00978

配列:

GATCCCAGGG CTCCCTGCCA TTTTAGTGTC TTGGTGTAGT GTAACCATTT AGTGGTTGGT 60
GGCAACAATT TTATGTACAG GTGTATATAC CTCTATATTA TATATCGACA TACATATATA 120
TTTTNGGGGG GGGGCGGACA GGAGATGGGT GCAACTCCCT CCCATCCTAC TCTCACAGAA 180
GGGCCTGGAT GCAAGGTTAC CCTTGAGCTG TGTGCCACAG TCTGGTGCCC AGTCTGGCAT 240
GCAGCTACCC AGGCCCACCC ATCACGTGTG ATTGACATGT AGGTACCCTG CCACGGCCTA 300
TGCCCACCTG CCCTGCTTCC TGGCTCCTTA TCAGTGCCAT GAGGGCAGAG GTGCTACCTG 360
GCCTTCCTGC CAGGAGCTTT NCACCCACTN ACATTCCGTC CCCGCGGCTT AACTGNAGCA 420
AGCGTGGNCC TAGGACAGNA GGAGCTTCGG GCCCNGTTTN ACCTTGCGGT GGGGCTNANG 480
GGTTGGCATT TCTTGCCTGG GGCCACTGGG TTNAAATTTT GGGNTGATNA TTGGGGNGAG 540
GGGTGGGGTA ACAAAACCAN TTTTGGNNAA GNTTGGGANG NTTTTGNCTT TTAAA 595

配列番号:856 配列の長さ:581 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00979

配列:

GATCTGGAAT TGCAGCCCAC ATAAACATAA AGGAGGATGT CCCTGGTCTG TTCCATCCCC 60 ACGGATGGTG TTGCTGCTGG GCAACAGTGT TGGCTTCTTT NAAGTACCCC CTTTCCTCCT 120

CACCCACCTC CAAACTGACT AGCACTCAGA GGGACTTATG ATAAAGGTTC AGCTCCAGGG 180
GTAGTACCTG AGTGTGCC ATGCCCCTTC AGACCAGCTG CTTCCATCAG AATTCCAGGG 240
TCACAGCCCC AACAGAAGCA GCAGTGCCTC TGTAGGAGGG GTGCTGGGCT CTGGNCTTCT 300
NATGCAGAGA GGTCCGGGAC AGGGTCAGTA TCGTGGGCAT GTNTATAGCT TCCCAAGTTC 360
TTTTACAAGT CCCNTGCTGG GACTCCCTGA NTTTACTTTT GGTNGGNTTC CTAGGTNCTA 420
ATTGGTTTTA CAAACTTACA NTTTTNTAGG AATTTGANTT ANGATTANCT TGNTTTAATT 480
TAAATTGTAGA NTTTNGGGGC CTTTTTGGGN CTCAAATTTT NCCATTACAA GGNNTTATTN 540
GGGAAANAAA GNNGTTTNAA TNAAAATCCT TGGCCAGGAA A 581

配列番号:857 配列の長さ:569 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00980

配列:

GATCTAAATC AGACAGGAGT TGGTCTACAT AGTAGTAATC CATTGTTGGA ATGGAACCCT 60
TGCTATAGTA GTGACAAAGT GAAAGGAAAT TTAGGAGGCA TAGGCCATTT CAGGCAGCAT 120
AAGTAATCTC CTGTCCTTTG GCAGAAGCTC CTTTAGATTG GGATAGATTC CAAATAAAGA 180
ATCTAGAAAT AGGAGAAGAT TTAAATTATGA GGCCTTGAAC ACGGATTATC CCCAAACCCT 240
TGTCATTTCC CCCAGTGAGC TCTGATTCT AGACTGCTTT GAAAATGCTG TATTCATTTN 300
GCTAACTTAG TATTTGGGGT ACCCTGCTCT TNTGGCTGTN CTTTTTTTGG AGCCCTTCTC 360
AGTCAAGTCT GCCGGATGTC TTTTTTTACC TACCCCTCAG TTTTCCTTAA AACGGGNACA 420
CAANCTCTAG NGNGGTGTTA NGANTAATNG TTACTNGGGT TANTGGGGTA NTTNNTGGGG 480
TNTNGGTTTG GGGCTAGGCA TTGTGGTAGG TTTTNAANAA TTAGNGGGTT GGNCCCCNTT 540
NGNTGGGGTG NTTTCANGGT NGAATNAAN 569

配列番号:858 配列の長さ:566 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HVMGS00981

配列:

GATCCCACCC NGGCCTCTCC TGGAACTCTG AACCTGCTGT GGAAGGAATT GGCCATGACC 60
TTCACCTCTG GAGAGTAGGG TCTATGGCGA GGGAAAAGGG NNTTCACCAT GATAACCTAG 120
TGCCTCCATA GAGGGGTTTG GAAAAATTCC AGTCCGATTT CTTTGTGTGT CAGCTGACTT 180
CCTTAGCTGA TTGTTCCCAC TTGCACCTCT CCACCTTTGG CACTAGAACT CCTGAGACAC 240
CACTTCTCAT GCTTCTCCCT CCCTACCAGC GGTCAAGGCT TTGGAGCCAC TCTTTTGTAA 300
CTCCAGATTA TTTAAAGAGA AAAGTACAAG ACAGAAATCT TCTAGCACTT TGTAAACACA 360
GTTGATTAAC CCTCTTGGGN GTATTTTTTG GGCTTTATAT AAAANCANGG TTTTTTAATT 420
NGTAAAGTNT AAGTGCCATT AGGAANATGC ACCAGGGCAT ATTTTTGGTT NAAGGTGGTT 480
NTTNCAATGG TTTNCAGGN TTNCATTTC AAAAAAANGG TTTTTTTAAT GGAGGTTGTT 540
NTTNAAANNT TCNTGANTGG TGGAAA 566

配列番号:859 配列の長さ:556

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00982 配列: GATCTACAAT TACTAATTAA AGCTGTGAAT CTNTTCCCTG CTGGAACAAA TTCAAGATGG 60 GAAGTTATTG CTAATTACAT GAACATACAT TCTTCCTCTG GAGTCAAAAG AACTGCCAAA 120 GATGTTATTG GCAAAGCAAA GAGTCTCCAA AAACTTGACC CTCATCAAAA AGATGACATA 180 AATAAAAAGG CATTTGATAA GTTCAAAAAA GAACATGGNG TGGTACCTCA AGCAGACAAC 240 GCAACGCCTT CAGAACGATT TGANGGTCCA TATACAGACT TCACCCCTTN GACAACAGAA 300 GNACAGAAGC TTTTNGAACA AGCTTTGAAT ACATACCCAG TAAATACANC TGAAAGATGG 360 GNANAAATAG CAGTAGCGGT GCCTGGCAGG NCAAAGGAGG GNCTGCATNN ANCCGGTTNC 420 AGGGGACTTT GTCGNGNTGG GTAAAGCCAA AGGAAGCTTG TTCCAGGTCN ANGTGCTGGA 480 TGCAAGTTGG GGCNTGGNAT TNNCNATTTT TTGTTGGGGT GTTCCTTTTT TTANTAAACC 540 TGNANTTCTT TTTAAA 556 配列番号:860 配列の長さ:555 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00983 GATCTGGATT ATTTGTCTAA GTGAGAGATT GCGAATATCA AAATATCTGT CTCACTTCTT 60 CTGTGAATNA CACAGAGTAG AAATAAATTC ACTTTAAAAA TATGACTGAA TTTTGAAAAT 120 CAAGACTGAA TCTCACATAG CTGCAGACAG GAACTAAGCC AGCCTCTTTG TATGTGGTAA 180 CAGCAATATA TATTCAACTG TGTACAGGAT TTAAGAACTT ATTTTATGAA GGAGTAATAG 300 TGTGTAGATA TAGATTCTGA AGTCTTTAAA CGTGCCTTAA TAAATNAAGT TCNCTGGCAT 360 TGAGNTGANN ACCAGGTGAC CNTTGGGGNC AAAAACCCNC ACAAGTGATT NGCACACCAG 420 TATACNTTCA CCANTATACT NTNTGCACAC ACANCNTTTG TTTNGGTTCA GGGTTTTGCA 480 AATNGGTCCN ATGTATTGGC ACTGGCGTCT TTGNATTGTG TAAGTGGNTA TTTTNTGAGG 540 NTAGCGTGGT NNCNN 555 配列番号:861 配列の長さ:554 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS00984 配列: GATCCATGTC TCAGCCTCCA CCCCGCCACA CCTGTCTGTG CAGCCCACCG GCCTTACCTT 60 CTACCCTGCC GTGGATGTCC AGGCCTTTGC CGTCCTCCCC AACTCCTCCC TGGCTTCCCT 120 CTTCCTGATT GGCATGGTAA GCAGTTCCTG GGTTGGACAG ATGAGGAGCC CCAGACAGTC 180 CCAACAGCAC TGTCTTTGGA GTCAGGAGAC CATGTGAATC CTGTCTGGAT TCAAACCTGG 240

ACTGTGTCAC TCCGGAGCCT GAGGCTTGAG TCACTGTACT CAATGGTGCC GACTCCTGGA 300 GGTATTCATT CACCCAGCCA TTCACTAGTG CGTTTGTTTA CTTATTCATT CAATTATTCA 360 TTCAGTCAAT TTCTCATTCA TTCANTTATT CATTCCATGT TGGCTTGAAA TATGTGTACT 420

GTNCCAATTN ATCCATTTAT ATCTTTAGTC ATTCAATTAT GCATTNGTGG TATTTGTTCA 480
TTNATTCANT TNTTAATTTN ATTNAGTTAN TNNNTNGGTT GGTGNCTTGG NGTANNGTNA 540
TACATTTGNG GAAA 554

配列番号:862 配列の長さ:549 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00985

配列:

GATCCTATGG TTCAGGAGGC CAGAAATTC CACCTCTAGG AGGTGGTGGT GGCATAGGTT 60
ATGAAGCTAA TCCTGGCGTT CCACCAGCAA CCATGAGTG TTCCATGATG GGAAGTGACA 120
TGCGTACTGA GCGCTTTGGG CAGGGAGGTG CGGGNCTGTG GGTGGCAGGG TCCTAGAGGA 180
ATGGGNCTGG AACTCCANCA GGAATATGGT AGAGGGAGAT AAGAGTACGA AGNCCAAACA 240
AAAAACCCCG ATTTTAGATG TGATATTTAG GCTTTCATTC CAGTTTTGTT TTGTTTTTTT 300
GTTTAGATAC CAATCTTTA AATCNTTGCA TTTTAGNAAG AAGCTATCTT TTAATGGTTG 360
TAGCAGTTAT TGACCTAATA TTTGAAATGG CTGTTGGCAG TAAATTATGA ATCAGTTTTT 420
GACCAGGNGA TTTTTTNCN TNTATTCCTT ANTTTCCTGT TNCTGATATN CCCCCAAGTA 480
TGCAGTTNCT NNNCNCTNAA TTCCANGGNN CCATTTTTT TTCNGGGTTC AANAATNGAA 540
TNGNTTAAA

配列番号:863 配列の長さ:543 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00986

配列

GATCAGCAGT CTTCTGCTGC CTTCTTAATG TTTCACCTAA GTTCCCATAG TTGCTCTCAA 60
AAAGTTTCTT GGCCCTCGTG GGCCAGTNTG GAGGGGCTGT ATCATCATTC ATNAGGAGCG 120
TCACTTGGTG GTTTAGGGGG AAATAATCTA TTCTNAAGAT TGAAGAGAGT GCAGGATTTG 180
GGGGGTTGAC TCTACATCCT TCAGTATCAG GGCTTATCTC CTTGTNTTAC CTCCTAGGAG 240
ACCCTCCTGT TCTTAACTGT GGGCGATGAG AAAGGTGGTG GACTCTTCTT ACTGGCAGGG 300
CCACCTGCGT CTGTGGAGAC CCTGGGGCCC AGGGTGGCTG AGGTCCTGGA AGGCAAAGGA 360
GCAGGGAAGA AAAGGCCGTT TTTCAGGGCA AGGCCACCAA GATGAGCCGG CGGATGGAGG 420
GCGCAGGCGG TTCTCCAGGN CTACATCAGC AACGNAGAGT NCTAAGNANT TANGGCTTTA 480
GGGCACTTAN CTNCTGGTTT CCACAGGAAT CTTTTNGTCA ATNAAATTAG TTTGCCTCAG 540
AAA

配列番号:864 配列の長さ:538 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00987

配列:

GATCATTTCT ATAAAAGAAA TGGTCATTTT ACTTAGATGC CAGTCTACTT TATAAAGACA 60

AAAGTGATTAT AGACTTAAAA ATAGTCATTT TTCTTATTCA TAAATCTGAC AGGCATAAAC 120 CCAAATCAAA GATAATTTGG TGCCCATTAT GAATTTGAAG TTAAGTGATA GCTCACTTGT 180 AAAGTGACTA CCTTAATGTG TATAGAGACC CCAGTCTACT ATTATTTGGG AAAATTGTTT 240 AGGTTATATG GGAAAAGTAG CTCTTTAAAA ATCATATTGC CCAACAGAAA CCTTAGGCTG 300 AATTTACAGG TATGATAATT TTTGTAATTA ATTTTCTTAG AATTGTCAG GCTGGGATGG 360 GGATAATGNC ATACTCTTTT ACACTGTACC AGCAGCATTT ATTNNCCTNG GACCTTTTAA 420 CCNTTTTAGG GGTTAGGGTN CTNGGGGAAC CAACCTTAAT TNGGNCATCC TCCATTTNC 480 TTNTNTNCCN NNNNCCCNNT TTTTTTTTTG GNCCCCNTTN GGNCCCCTTA AACNACCN 538

配列番号:865 配列の長さ:533 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00988

配列:

GATCAAAACT ATANGTGGCT ATGGCGGATA TGATTATACT GGGTATAACT ATGGGAACTA 60
TGGATATGGA CAGGGATATG CAGACTACAG TGGCCAACAG AGCACTTATG GCAAGGCATC 120
TCGAGGGGGT GGCAATCACC AAAACAATTC CCAGCCTTTC CACATTGGCT TTCCCATGTA 180
GTCCTTAGTG TGTCTGCTNC TCCTCTCTC CCTCATCACA GTTCCCAGCC CCCACCTTCA 240
ACTGAACTCA ACAAAATCTT CAACTTCATA CAGTAGTCAC ATTGTTAGTA ATAACACTGG 300
GCATTTTTAT TTTGATANAN TAGACCGTTT AAATTTTTGA GATTCTACCT TATATTTTTT 360
GAACTATATATA CTAAAGCANA TAAGTAGGTG NTGTAATGTC CATTGGGGNC CAAGNTTTTT 420
AGGTGTAAAT GGNAAAAGGG TANCAAATTT NAANCTCAAG TAAACACCCT GTAGGCTTTC 480
CCCATGGNTT GGGGNATNTC CGGATTAAGG NCAGGGTTTT CCNTTTTCTN AAA 533

配列番号:866 配列の長さ:532 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00989

配列:

GATCTGAAGT GGTGGATTCC TTGTTTTTGC TAGTATCTCA TTTAGAGTTG AGATGGACCT 60
TAAAACTCAT CTGTTTTAAC TCACTTTTTA ATAGATGAGT TAAACTTAAT TTACTTAAGG 120
ANNNNCAGTT AGAGCCTGGA ACTTCAACCA TTATTCACTC CCCATGCCCT GTTTCCCCCC 180
ACTTCGAAAT TAAATGCGGT TAGCATCATA TAGTTCATTT TCCCCCTCCA TGCTGCTGTG 240
TGATTCTTGA CCTTGGGTAT GAGTTTTTCA TCCTTCATGC AGGGTTCTGT CAGTTCATGG 300
TATAGTGATT CAGTGTTAAA ATGGTGGTGT CTCAGCTGTG CTGTGCACAT TTCCAACCTT 360
GTCAAAATTAA TAGTCCTGAG CAAGCAAGAA AAAGAGGTAA TAACATACCC ATTTTCTTTT 420
ATGGANTATA AGCTTAATAA TATTTTTTC NATGNGCCTA TTTTTACCT GNGCAAATTN 480
GTATGGNCTC ACATGGTTAA CCCCCAATNAA TTANTCTTGG NCAATTTTTA AA 532

配列番号:867 配列の長さ:528 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00990

配列:

GATCGCAAAT NCACCTAAAC AATACATTTA CAAAGCCATC TTTACATGCA TTAAACGAGG 60
GCTACAACAA TATTGTTTTA CAAATACTAG CACTTTTTC CTGTTATGTA CTTAGTGTTA 120
GAGGGTCAAA ATAATCTTC TGCTTAGCAT CTCTTAAACC ATACCTGCAA ATATAGCAGG 180
ATTNTTACAT TTACAGTACT TTAATACTTG TATAANCTAT GCAGAAATTT TTAATAAAGT 240
GTAATATATT TNATAAGCTA ATAAGACTGA ATGGGTAAAG GTTTTTNGCA TGCGTTAGTA 300
TACTTGCAGA TACTGAAACA TTTTGGTAAT CTTTCTTACT AAAGGATGTG AATGTTAAT 360
GTACCTTCC TGTTTCTACT CTGTAGTCCA ATGGGAATTC AGTAATGNCA TTTTGNCATG 420
TCAACCTGGG GACCATAAAN TTGGTCCTGG TCCAGGCCCT CATNTCCTAT ATCCAGTATG 480
CAATNTTATN TNNTNTNCCT GGTNAATNAA CCCCTCCGGG NTTTTAAA

配列番号:868 配列の長さ:526 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00991

配列:

}

GATCTTTCCT CAGTATGTGC TGATGTTTGG GTTGCTTGTG GAATCACAGA CACTCCTAGA 60
GGAGAATGCT GTTCAAGGAA CAGAACGTAC TCTTGGATTA AATATAGCAC CTTTNATTAA 120
CCAGTTTCAG GTACCTATAC GTGTATTTTT GGACCTATCC TCATTGCCCT GTATACCTTT 180
AAGCAAGCCA GTGGAACTCT TAAGACTAGA TTTAATGACT CCGTATTTGA ACACCTCTAA 240
CAGAGANGTA AAGGTATACG TTTGTAAATC TGGAAGACTG ACTGCTATTC CATTTNGGTA 300
TCATATGTAC CTTGATGAAG GGGATTAGGT TGGATACTTC ANGTGAGGCC TCCCNCTGGA 360
AACAAGCTGC AGTTGTTTTA GNTANTCCCA TCCNGGTTGA NATTGGGNGN GGNCCTTGNN 420
CCTAGCATTN CGCATCACNA AGGCAATGTC NGCNTCACAG TTANGGCATT GNGGGGCCGT 480
TTTNCCATGN GNACTGGGTT ATTGGGGNCT NACCAGGTCC AANTTN 526

配列番号:869 配列の長さ:526 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00992

配列:

GATCCTGTTG CTTCTGCAGG CCATTTTCTG AAAACCCCTG TTAGGAAGGT TGGATTTGGC 60
GTGACTTGCT TGAGCAAGAG TCCTGGGGAG AGATTTTNAG GTTTAATTTA ACGGTATATC 120
CAGAGCTAAC AGTGACTCAA CTCGTCTAGT TCTGCAAGTC AGATGTACAC TTAGAGTCTC 180
TCTGTGAAGG GTTTGGGTCT GAGCTGTATA GTATGTCAAA CTGCCAGTAA GCCAGCCCCT 240
CACCNTCTGA TAGATATTCC TTTAATGCAC CAGACTTCAT GTTTGATAAA TGATTAATGG 300
TTGAAATTGT TTCCTCTTT TTGTGTTTTC CCAGTTAATA GATGGTCACT GTTTCCACAA 360
TGTTTTATAC TTTCCAGCTT TTNGTAACTN AACCTATAAT TACTTNAATT TTAATTTTT 420
TTAAAGCTTN GTTGGTGGNC CTAATGNGAA GGTNTTTTTC CAGTGCATNA ATGGTTTTTT 480
NTGGNGCTTC TGNNAAATGN CCNTCCCAAT TGTGGGTTGG GTTTTN 526

配列番号:870

配列の長さ:520 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00993

配列:

GATCAGGACG GCTGGATTCA GGTGTCGTAC GAACAGTACC TGTCCATGGT CTTCAGTATC 60 GTATGACCCT GGCCTCTCGT GAAGAGCAGC ACAACATGGA AAGAGCCAAA ATGTCACAGT 120 TCCTATCTGT GAGGGAATGG AGCACAGGTG CAGTTAGATG CTGTTCTTCC TTTAGATTTT 180 GTCACGTGGG GACCCAGCTG TACATATGTG GATAAGCTGA TTAATGGTTT TGCAACTGTA 240 ATAGTAGCTG TATCGTTCTA ATGCAGACAT TGGATTTGGT GACTGTCTCA TTGTGCCATG 300 AGGTAAATGT AATGTTTCAG GCATTCTGCT TGCAAAAAAA TCTATCATGT GCTTTTCTAG 360 ATGTCTCTGG CTCTATAGTG CAAATGCTTT TATTAGCCAA TAGGAATNTT AAAATACCAT 420 GGACCTTACA CAAAAGGCTT TCATGNCCTT ACTTTNTNAA AAGGGGTTAT TGTATTCATT 480 520 GGATATGTGC. CGTAGCAATN NNGGGNTGTT AGCGGNTAAA

配列番号:871 配列の長さ:517 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00994

配列:

GATCTCCGTG GCTTTGGGTT AAAAGACACA CTTGTCCACA TAGGTTTAGA GATAAGAGTT 60 GGCTGGTCAA CTTGAGCATG TTACTGACAG AGGGGGTATT GGGGTTATTT TCTGGTAGGA 120 ATAGCATGTC ACTAAAGCAG GCCTTTTGAT ATTAAATTTT TNAAAAAGCA AAATTATAGA 180 AGTTTAGATT TTAATCAAAT TTGTAGGGTT TCTAGGTAAT TTTTACAGAN TTGCTTGTTT 240 GCTTCAACTG TCTCCTACCT CTGCTCTTGG AGGAGATGGG NACAGGGCTG GAGTCAAAAC 300 ACTTGNANTT TTGTATCTTG ATGTCTTTGT TAAGACTGCT GAAGATTTAT TTTTTTCCNN 360 TTATAATANG GGGNTAANCC CCACCTTNAT TCCTTCAATT CANCCTACCA TTTTCNNGGG 420 TTCTTNGTGT TGGGCTTGTG GCAGGNCCAG CTTNTGGGTT TTCCTTTTN CCATGCCAAN 480 NTTNTNAATT NCCCATGTAC CAGTTTGNTN CAAAGGN

配列番号:872 配列の長さ:517 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSOC995

配列:

GATCAGAAAT ACAGATTTTG ATAGCAAAGC GACGTTAGNT NGANGCTCTT GTGAGGAAAG 60 TCATTGGCTT TATCCTCTTT AGAGTTAGAC TGTTGGGGTG GGTATAAAAG ATGGGGTCTG 120 TAAAATCTTT CTTTCTTAGA AATTTATTTC CTAGTTCTGT AGAAATGGTT GTATTAGATG 180 TTCTCTATCA TTTAATAATA TACTTGTGGA CTAAAAGATA TAAGTNCTGT ATAAANNCNN 240 CCAATTATGT TAAACTAGCA TATCTGCCTT TATTGTGTTT GTCATTAGCC TGAGTAGAAA 300 GGCCTTTAAA ATTTTTTTAG AAAGCATTTG AATGCATTTT GTTTGGTATT GTATTTATTC 360 AATAAAGTAT TTAATTAGTG CTAAGTGTGA ACTGGACCCT GTTGCTAAGC CCCAGCAAGC 420 AATCCTAGGT AGGGTTTAAT CCCCAGTAAA ATTGCCATAT TGCACATGGT CTTAATGGAN 480 GTTTGAATCT TAAATAAATT GGATATTCAC TTTTAAA

517

配列番号:873 配列の長さ:515 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00996

配列:

GATCTGCGAA AGACCAACTT TTAGGCAGTG ATACTTTCT CCCATTCCCT GGGGTGGGGG 60
GAGTATGCAG TTGGTGCTTT CTGTAATTCC CTTGTNCTGT TTTGTTTCTG TAAGCTTTTC 120
CCCTGGTGTC ATGGAAAGGA CTTCTTAAAT AACCACATTG TGGGTGGCTG TATCCAAAGT 180
TTAAATAATT GGCCAGAAGT GCAGAGTATC CTTTCCTGGA TTCGTGTCAG AAAAGGGCTC 240
CTTGCCACAA CTGAACTTAC TGTATAAAAAA CCTGGCTAGG GAGATTTAAT TTTACTAAAA 300
TTACAGTTTA ATGTTACCGT CTAGCCACAA ATCAAGCAGC AAAAGCTATT TTGATGATGA 360
AAGGGGGTCC CGTTGAGCTG GCCATCTAGT GCAGTGTGCT CTCAGATNCC ATGTTTGTTG 420
ATTGTGTGCT TCACAAGNCC NTCTCTGGTG CTTGAATTGG ATTTGAATTC TTGGTNAGAA 480
GNCTCAGCAT CTCCTTGGGG TNGGCTTGGG CCAAA

配列番号:874 配列の長さ:514 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS00997

配列:

GATCAGNNAA TNAAGTGCAG CAATATCATG AATTCTCAGA AGCCCTTTCA GGGAGCCAGT 60
NAGTCATACA GTATCCACAG TTGAGTCACT TAAAGATGTC AGTATACGAA ACATTATTCA 120
CAATCCTTGG GCAATCTCAT TTTTTTTTCC TTCTCCCCTC CTCCCCTGCC CCCCATACAT 180
TTNTATCCTT GAGTTAGTTT TGGNGGGGCA GGAAGTACTT AACATCTCAG AAGCTAGATT 240
GGGAAACATG CTCAGCTATA AGAACTGAGC TTTAAATTTT GAGTTTAAAA ATGTACATCA 300
GGAGCAGNTG GGGAGGGTCT TTTTTTTNAA AAAAATCTTT CCCAATTTTGG GTTTTCTNTG 360
CCATATGGCC GTTTTGTAAA TNCTTTNGGG GTTTTTNATT NTTTTNGAAA GTGGNTGAAA 420
TCTTGTTNTG GGNTTTTTT CCCCCGAACA TTTNNAATAT AACCCNGTTT ATTTTNNAT 480
GNAAATTAAA CCTTNTTGG GTAAAAAGGT TAAA

配列番号:875 配列の長さ:513 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00998

配列

GATCTTCTAT TAAANTGATT CCTCTTTATT AGAGAAGGAA AATTTAGTTG CTATACATCT 60
TATATTTNCA CAGTTTATTA AAGTCAGTNC CCTAAAGGTA CCTNCTTTNC TTTGTGGCAT 120
ATATGGCATC TNCTGTCTTC AGATTTNCTT ACACTTTTGT GATTTATAAT GTTAGTGATT 180
GGTGCCTTAT TCTCTGAGGA AAGATGGAGG GTTCATAAAG CAATGCCTTA TCCACAGCAG 240
ATTTNCTTGT ATATTAAGTT AAACAGAATT CTGTAAATTA TTATGAAGGG TTCAAGCTCT 300

TTAGGGGGAG TTTTTTTTC TTGTTGGTTA ACAAATTGGT TGCAATCTNT TATATTTCGC 360
AATTGGNTTA GATATTACAG TCTACTTATT TTTNCANGNG TAAATTAATT GTNTAAGGTT 420
TGGGTTNGGT ATAAATGGNT AAAATATTAA TATNGTGGGG GGTAAAATTT GATTNGGNGT 480
TTTTTTTTTT NAAGGCCNNN GGNTTTANGG AAN 513

配列番号:876 配列の長さ:510 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS00999

配列:

GATCAGTATG AGANGCAATA CCTAATCCTA TGTTGCTATT GTATTTTTC CTAGTTGGTG 60
TGCCTGCTCA GAAAAACATA TACTGTATGT GTATACATAC CTGTGTATAT ATAAAAAGGTC 120
AATTTATATA TNTNCCTATA GGAAAATGGA GTAACAAGTT CCCTATCTCC CATATTTATT 180
TGTCCATAGT AAAATGGCCA CATTGATGAT AATTTCTAGA ACTAGTTTCT GAGATTGTCA 240
GCCCTTTGTC TAAAATAATG GCAGTATTAA TGATTGACTT CTGTCACTGC CATAGTTACC 300
TGGAATGTCA GCCTNGGTAG CCTTTGTCTA AAGTCCTAAA GAGTTCCAAA AAAAATGTGT 360
TGAAATAATT GCTAAATAGT GGTGGGTGAT TCTTNCAGTA GGNATTTGTA ATAATTTCNT 420
GGCAAANAAG GTTATTNCCT GCTATTGGTA TTGGATNATT NGNCTTNTAT NCNGGTATTT 480
TNNAAAAGGC AGGNNTATAN GGNTNNNCCN 510

配列番号:877 配列の長さ:504 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01000

配列:

GATCTTCCAT CCTCAAATGA CTCTTTTTC TTTATATGTT AACATATAA AAATGGCAAC 60
TGATAGTCAA TTTTGATTTT TATTCAGGAA CTATCTGAAA TCTGCTCAGA GCCTATGTGC 120
ATAGATGAAA CTTTTTTTTA AAAAAAAGTTA TTTAACAGTA ATCTATTTAC TAATTATAGT 180
ACCTATCTTT AAAGTATAGT ACATTTTACA TATGTAAATG GTATGTTTCA ATAATTTAAG 240
ACCTCTGAAA CANTCTACAT ATACTTATTA CCCAGTACAG TTTTTTTCCC CCTGAAAAGC 300
GGAGGGGGGA TTAAGGGGGC CTAAGGTNTA TGCCTCCNNG GTTTTAAANT TAAATNCCCT 420
CNNGGTATTT AAATTANNTT TTNCCNANGG TTTNTNGGGG GANTGGGGGG GTTTANANTT 480
GCCTTNTTTN GGGGTTTGGG GAAA 504

配列番号:878 配列の長さ:500 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01001

配列:

GATCTGGGCT CTGAGCACAA GTCAGGAAAC ACCAACATAT TCACACTCTC CCAGTAGGTT 60 CCTCAGTCCG ATGGTGAATG GCTATTCGTA AATGGCTGGT CTGGCTCTTT GGTGTTGGAG 120 CCTTTCCAAT AGCCCCATGA AAAGAAGCAT CACCCAAGGA TATTGTAAAA AGGATGTAAC 180
AAGGAGATAG GGTAGACATT GTACTCAGTG GGCCTTGGGG CCTAGCCCAG CTCTGAGCAG 240
AGGACTGTGG CATTCACTGT CCTTGAGTGT TTCACCTTCT TGGATAACAC ACGGGCCTTC 300
TCTTCTGGAT TTCATCAGAG ATTACAGCCA GATGGGGGCT GAAGACCATC CTCTTTGACC 360
ACAGAGGGTG TGACTGTGGG GAATTCCTCC CAATTTATGG TTTCCNAGGA AAATCTTAGT 420
TCCTTTTATT TATAGGAATG CATGNCNTTT TGGTGTTAAG GAAACCCAAG GGGNANTTAA 480
NCCCGACCANT CCTANTNAAA 500

配列番号: 879 配列の長さ: 500 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01002

配列:

GATCTCCAGC CTCCCAGAAG CCTGCTGTGC TTTCGTCCCA CAGCTTTCTG CCCATTGTTT 60
CTTACTAGTT TCTTGAATTG TNCTTGTGA CTTTNCCTCA GGGATACATT GGCCTGCAGG 120
TCCCAGTTCA CATGTAGTCC CCTGCTCACC ATTGGAGAAT CAGCTCACTG CTCTCTAGAA 180
ACGTGGCGTT GGTGAACGGA CCATGCTTCC GTAGCTCTGA CCTGGGCAGC TTGGACCTGG 240
TCATCCTCTA CTGCCATACC TTTCCCTGGG GGCTTGAACA CAGAACAGGG AGATGGACAA 300
CCACTTCAAA GAAAGACCCA CCGAATGCAG TTTCTGCTTG ANTGACTGGG NCTGCAGTTC 360
CNTTNTCCTG GGACTTAGAG GTGGNCAGAT NTANGGCCCC TTTACTCATC CANCTTNGTN 420
TTCAACTGGN ACTNCCNAAT NANTNAAAGA GCCTNAAATT TTAAACTNGN TGTGGATNGG 480
GNATATGGGA NTAGGGTTGN 500

配列番号:880 配列の長さ:500 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01003

两两

GATCGTCAGC AAGTACTGTA NCTGTAAAGG AAAATCTCTC TCTCTGGAGA ACCCACACAA 60
ACCATTGACC TGAGTGCGCA TGACAGCCAC TGGNNATNTT TTCTATGATT GAAAATCTGC 120
CATCGCTGAC TGTTGGCCAG TTTCAAAGGG ACCCATTGTA TACAGGGTGC AAATGTATTA 180
TACGGATGTT TCCTTTTGTA CACTTCATT TTACAAGTTT TGCTACTCAC AAGCTTTATG 240
TAGAGCTTCAG AGGCCTGTGT CCCCAAAGGCC TGGCTGCTGT TGCCGTGCTG TGCGAGGACC 360
TGTGTACACA GGCAGGTGTT CGCCTGCCCG AGCGCGAGTA GCTCTTTGTG TAGTNGGTGA 420
AAATGCTTGC AGGCATCTGT TTAAATAAA ATTNCCTGCT GTTAAAGNCA GGGGTTAAAA 480
ATNTCCACAA TTTANGGAAA 500

配列番号:881 配列の長さ:498 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01004

配列: GATCAGGATT CAGANGTGGA CATCTTCCCC GCAGACTNCC CTACTGAGCC ACCTAGCACT 60 GCCACGAACC GGTCGGGCTA GGAAAGAAGT AAAATATTTT GCAGAGTCTG ATGAAGAAGA 120 AGATGATGTT GATTTTGCAA TGNNNTAATT AAGTGCCCAA AGAGCACAAA CATTTTTCAA 180 CAAATATCTT GTGTTGTCCT TTTGTCTTCT CTGTCTCAGA CTTTTGTACA TCTGGCTTAT 240 TTTAATGTGA TGATGTAATT GACGGTTTTT TATTATTGTG GTAGGGCCTT TTAACATTTT 300 GTTCTTACAC ATACAGTTTT ATGCTCTTTT TTTACTCATT GAAAATGTCA CGTACTGTCT 360 GATTTGGCTT NGTAGGAATT GTTTATAGGN CTGCCCGTGC ATTAGGCACA GGATTTTTAA 420 ATTGTCCATG GGTTNCCANC CTACCAGACC CTGCTTTTTT NGNNAATNGG AATTTTNAAC 480 498 CATTNANAAA TNGGGAAA

配列番号:882 配列の長さ:494 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01005

GATCTTACTC CACGNATACT TTTTGGTNTG TGAAGGCATC GGTTAAGGGC ACAAAGACAG 60 CCATGGGGAC ATTTATGTAA ATACGTCTCT AATTGCCACA CTGCAGCTGA ACAGTGTGTA 120 GTATTTTCCC AGTCAGCTTT GCCATACTGA CGTCAATCAT TTGAGAGAAA TTATTCAGAT 180 TTNATTTTTG TATCTGTGGT AACAAAACAT TAACCAAAAG ATTTTNTGTC CAGAAGCCTC 240 CCCGNCCCC CAAGCTATTT GCTCACATTA ACANATTAAA GTGCCTGAAG CATAATTCAT 300 TCTTTACCTG TATACTAAAA ACCCTGTTGT ATTGGTTTTT TTTNTAATAA GCCTTTTTAC 360 CTCTGTGTAA ANANATATAT ATACCAGGTG TATGATGGTN CATTTTGGGT CTTNANCTTT 420 TTTTTAATGG TTTCTAATNT GTNTGNCCNA ATGTTGGCNT TGNTTTTANA NTTGTNCCGG 480 494 **GGTNNATTTT TANN** 

配列番号:883 配列の長さ:493 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01006

GATCTTGATG CTGTGGAAGT AGTTTGAGGA ACATCCTATG AGTTTNCTTA GAATGTATAA 60 AGGTTGTAGC CCATCCAACT TCAAAGAAAA AAATGACCAC ATACTTTGCA ATCAGGCTGA 120 AATGTGGCAT GCTTTTCTAA TTCCAACTTT ATAAACTAGC AAAAAAGTGT TTGCTTATTC 180 CACCAGTTCT ACTGTGACAT ACTCGAGTAT AAAGACATGT AGCAATAACG GGGAGTGGGG 240 GGGGAGTCTC ACAGTGCCTT TGGAAGGGCC CGAACTTGCC TTAAATCTTC CTCAACCAAA 300 TAAGTATTTT ATTAGTGCTT GAGAGAATCT GGAATGTAGG NTGGGTTCAA CTGCACAAAN 360 GGAAAANGNT TTTTACCACT NTTTTTATAT AGNTATAAAG TGNAGCAACC GCCTTAGTGC 420 CTGAATATGT AGTCCATGAN TATGCCTTGT NTAATTTCCA GAAATTCCAN ACCTTGTACT 480 493 GTTTTTTTC CCN

配列番号:884 配列の長さ:492 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01007

配列:

GATCAGCACT GCCAGTGGAG ATGGGCGTCA CTACTGCTAC CCTCATTTCA CCTGCGCTGT 60
GGACACTGAG AACATCCGCC GTGTGTTCAA CGACTGCCGT GACATCATTC AGCGCATGCA 120
CCNNNGTCAG TACGAGCTGN NCTAAGAAGG GAACCCCCAA ATTTANTTAA AGCCTTAAGC 180
ACAATTAATT AAAAGTGAAA CGTAATTGTA CAAGCAGTTA ATCACCCACC ATAGGGCATG 240
ATTAACAANG CAACCTTTCC CTTCCCCCGA GTGATTTTGC GAAACCCNCT TTTTCCCTTC 300
AGCTTGCTTA GGATGTTCCA ATTTTAGGAA AGCTTAAGGC GGCCTACAGA AAAGGGANAA 360
ANGGGCCACA AAAGTTTCCT TTTAACTTTT NAGTAAAAAT TAANTTAAAN CAGCAGCAGC 420
AACCANTTTA AATTGGATTT AANGGGTCCN AATTGGAATT NAATTTTTTG GNTTNNNNCG 480
GGNTTTNAAA AN

配列番号: 885 配列の長さ: 490 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01009

配列:

GATCGAGTTT NATGCATCAC AGTTAACATG TCAGCTGGCC CTCCAGGCCC CCGCCCCAT 60
CCCGTCCACG TTGCTGTGTC GTGAGGTGCA GCGGGTCACC CTGTGGCCC TCCTGTGACC 120
CATATTTAGC CGTGTTTGGG ACTCCGTGTC TTCAATGGTT TGTTAGTTGC CATTACAACT 180
TTGTCTGGGT AGAGTTTTTG AGTTTTNCA GTTCAGTATC CCTCTGTCTA TTCACACTTC 240
GTGTTAGTGG TAACTCAGTT TGTCTTTAAA TAGTTACAGA AGGGATACGT CATTTGTNAA 300
TGCTTTTGTG AAGTGAGTTA AACGAGCTTT CTGTATTTTA ATGCTTTAGT GTTTCAGTTT 360
TATAAAGTGAA GATTTTATTT TAAAAAACCAG TGGGAAAGAG TGGGGGGTTT CTTTTTATGT 420
CTGGGTCATT CAGGCAGTAC ATCTGNTTTA AAGCTGAATG TAGGACANTT AATGAAATCC 480
ANATCTGAAA 490

配列番号:886 配列の長さ:487 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01010

配列:

GATCAGCTAT ATACTATTTA TATACAAGTN ATAATACAGA TTTGTAACAT TAGTTTTAAA 60
AAGGGAAAGT TTTGTCCTGT ATATTTNNTT ACCTTTTACA GAATAAAAGA NTTACATATG 120
AAAAAACCCTC TAANCCATGG CACTTGATGT GATGTGGCAG GAGGGCAGTG GTGGAGCTGG 180
ACCTGCCTGC TGCAGTCACG TGTAAACAGG ATTATTATTA GTGTTTTATG CATGTAATGG 240
ACTATGCACA CTTTTAATTT TGTCAGATTC ACACATGCCA CTATGAGCTT TCAGACTCCA 300
GCTGTGAAGA GACTCTGTTT GCTTGTGTTT GTTTGTTTGC AGTCTCTCT TGCCATGGCC 360
TTGGCAGGCT GCTGGAAGGC AGCTTGTGGN NGGCCGTTGG NTCCGNCCAC TCANTNCTTC 420
TGGNGCACTG GTTTNTNCTT TANAGTTANG GTNCCATGNN NCAAGGGGGG TTCCNANGNG 480
GAGGNCN 487

配列番号:887 配列の長さ:485 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01011

配列:

GATCGCAAAT ACACTAAATG TGGAGTGTAG GAACCAAAAT GAAACCTGCT GTATGGAAAC 60
TACTTTCACT TATGGTTCAT TGGTTTTTTT ACCAATATT TTTATGCACT TCAGTGCAAG 120
TNTTGTCAGT TAACCTTACT TTATGAGTAA GCTAAATAAC CCAAATTACA TTTNTTTAAA 180
CCTGTTTTAC TACTATGGCA CTTTGATAAA ATGGTCAGGA ACCAACTTTA CTGGCAAAAG 240
GGTCCATGTA CCACCATGTG CTGGAGCATC TGTTCTACAT GTGGATATCT ATGANTGGTA 300
ATGTTTTCCT TCATGTAAGT GCCTATTCAG AGTTTCAGAA TTTTAAAATG CCAAATATTT 360
TCATGGGTCA TTTGCATGTA GTAAGCCAGA AAATATTCAA NGGGATTTTG GAAAACCAAT 420
TGGTATTTAA CCAGCCTCAA ATTGTGCAAC CATGGTTGTA TAATAANGGA TTTGGAACCC 480
GGAAA

配列番号:888 配列の長さ:485 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01012

配列:

GATCTAATGN CATATTCCAA AAGCTCAACA GCAACACCCA GGTAGTTTTG CTGTCAGCCA 60
CAATGCCTTC TGATGTGCTT GAGGTGACCA AGAAGTTCAT GAGGGACCCC ATTCGGATTC 120
TTGTCAAGAA GGAAGAGTTG ACCCTGGAGG GTATCCGCCA GTTCTACATC AACGTGGAAC 180
GAGAGGAGTG GAAGCTGGAC ACACTATGTN ACTTGTATGA AACCCTGACC ATCACCCAGG 240
CAGTCATCTT CATCAACACC CGGAGGNAGG TGGACTGGCT CACCGAGAAG ATGCATGCTC 300
GAGATTTCAC TGTATCCGCC ATGCATGGAG ATATGGACCA AANGGAACGA GACGTGATTN 360
TNTGGNANTT TCGTTCTNGC TCTAGCAGAG TTTTTGATTTC CANTGACCTT TTGGNCAGAG 420
GAATTNTTGT TTNNGAAGGT TTTTTTTTAG TCATCANNCT NTTGTCCTTT CAACTATCAG 480
GGGTN 485

配列番号:889 配列の長さ:492 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01013

配列:

GATCGCAACG CCAAAGGTGA AGAACCANCT CAAGGAGACC ACTGAGGCAG CCTGCAGATA 60
CGGAGCCTTT GGCCTGCCCA TNACCGTGGC CCATGTGGAT GGCCAAACCC ACATGTAATT 120
TGGNTCTAAC CGGATGGAGC TGCTGGCGCA CCTNCTGGNA GANAAGTGGA TGGNCCCTAT 180
ACCTCCAGCC GTGAATGCNA GATTTTAAGA TTGCCCGGAG GAAGCAAACT TTTCGTATAA 240
AAAAAGCAGG CCATCTGCTT AACCNTTGGN TCCACCATAA GGCACTGGGA CTNGGATTTT 300
TNTATCTGAT AGAGGTATTT NTTGTGGCCC TGGGAGCTGT CTGNTTTTCC CCTACCCCCA 360

AGGNTGCCAG GAAGACGTCC ACCATTAGCC ATGTGGNAAC CTTTACTTCT ATGCTTACAA 420 GTGCCTTTNA GNGAGCCCCA ATTCTGGTTT TNCCACAAAA TAAACCTAAT GCNNTCAGGG 480 AAAACNNTTA AA 492

配列番号: 890 配列の長さ: 478 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGS01015

配列:

GATCTTGCTT CCAGGCAGCA GCTTGAATTC CCGAATCTNC CTGCAAGCNG CATACAAATG 60
CAGCGTGAGA ATCCATACAC GTAATCCATA TTCACCTTCC CATCCATCCC GCAGAAGAGG 120
CATGGTGACA CCCAGGCTAC TGTCCATGCT TGAGAGGACG TATTTGAAGG TTCTGTTACT 180
ACAAGTTGGG AATATTCACG GGCCATGCCT GAATACCCGG NCTGTANCTC ACACNGTGGT 240
CTGTGTAAGG GGNTACCCTN GGGGCGGCCT GGTTTAATCN TGATTAATAT CTGAAAGCNT 300
GGGTTNNNTG GGGAATGTNA GGGTTTTCCT AATGCCATTA AATTTTTTTT TAGGCNGTAA 360
AAATTAAAAAT NCATTTTNTT ATCCAGCAGG CCTCTTTTAT ACCTTTATNG GGGAATCTNC 420
CATACTTACT TTCCGGCCAN NTTTTCAATA ATNAAATTTA TTTTGGAAAN TTTTTAAA 478

配列番号: 891 配列の長さ: 474 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01016

配列

GATCTTACAC TCTGCTTTTG TCCAAATAAA ATGCAATAGT ATCAATATCA ATTTCAGAAA 60
AATGGACTGA ATATGCTTTT TTGGTGATGA AATCTCATGT ACGATATTA TAGTGATGTG 120
CTTTTATTTN CTCATGAGAT ACTAAATATT AATTGTGTTG TACATTTGTN CTTAGCATAT 180
ATTAAAGTTT TGAACCAAAT GTGTTAAAGC TTACGCTTTG CCATGTAAAT TTCCCAGAAG 240
TTGTTGAGCT CAAATGTATC CTACATCAG CTGTAGAAAT TTGTCAGAAA TTGTTTAAAT 300
TTTGTATATA ATTGTACTGT TTAAATTCTAG CCATTGCGCT GAACAGTATT TGAGTTACCA 360
TATAATATGG CTTTACACAA NGGNAATGTG TGGCTTTTGT TTTGGTATTT TTTCCAGTAT 420
AGGAAGTTCC CTGTGGCCTT ATTTAAAATA AAGGTTATTA GGTAAAACTG GAAA 474

配列番号:892 配列の長さ:473 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01017

配列:

GATCACAGCT CACTGCAGGT TCAGCCTTCT GAGTTCAAGC AATCCTTCTG TCTCAGTCTC 60
CTCAGTAGCT GGGGCTTTAG GTGGGCACTG CCACACCGTA CTAATTTTNG TATTTTTGT 120
AGAGACGAGG TCCCACCATG TTGCCCAGGC TGGTGTCAAA CTCCTGGGCT CAGTCAGTCC 180
CCCCATCTCA CCCTCCCCAA GTGCTGGAAT TACAGGCGTG ANTTACTGTG CCCAGCCTTA 240
CGGACATCCT TTTGAATTAT CTTTTTCACT CATAGAATAT GAATACATTT ATTTAGACTT 300

TTTCTAGAAC TTTCCTGTTT TCATGTCTTT GNTTCACCTG GAATTGGGTT TAACACCCTT 360
TTATAAAGTT TGTGGTTTGN AAAATTTCCA TTGGGGCCAT CAATACGGAA ATATATTTGG 420
TAANATTNGG GGGTTCNATT TTTTAATTAA AATGGCAAAT GANNGGCAGG AAA 473

配列番号:893 配列の長さ:473 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01018

配列:

GATCGGGTTG AGGATTGGGG CTAGCTCGAT NACANTAAGG CCCCAACATC GNGGGACCTG 60
CTGTGGCGCG GATTCTTAGG AACGCTGTTC TAGCCGGCCC CCTCTCCAGG GGTCGCCGTG 120
GCCGGCATTA TTTCCTAGTT CTTCTTGTAA CCCTGAGGTG CCAGCGCGGG GAGTGAGGAG 180
GGGTCAGGGG GCTAAGGATG CAACCTCTGA CGTTCTGCGC CTTCCTAGGA GAGTCTTACA 240
TGTNTTGAGA TTTCACAAGC AATGCGAGTT GTAAAATACC AGCTCTACAN GAAGCTAGGC 300
TCTGTGACGG CATAGTTTTC AGTAGCTNTA TCACAATATT CACAATGGAG AATTATATGA 360
CATGGTAAGC AGAAATAGGC CCCTTTTAAT GNGNTGCTTC TATTTTACCT CANATTGGTG 420
GNTNTAGGNT AATCANTAAA AATCNATCCA NNGCNTTTCA CAACACTNNN AAA 473

配列番号:894 配列の長さ:468 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01019

配列:

GATCAGGGGG CCAGGCCAGC AGCTCGGGGG CCACAAGGAG ATGGATAATG TGCCTGTTTT 60
TTAACACAAC AAAAAAGCCT ACCTCCAAAA TCCCCTTTTT GTTCTTCCTG GACCTGGGCA 120
TTCAGCCTCC TGCTCTTAAC TGAATTGGGA GCCTCTGCCA CCTGCCCCGT GTATCCTGGC 180
TCTCAGCTCA TGGGGAAGCC ACATAGACAT CCCTTTCTTC CCTTGCACGC TCGCTAGCAG 240
CTGGTAAGGT CTTCACACCC TGATTCCTCA AGTTTTCTGC TTAGTGGCAC TGACATTAAG 300
TAGTGGGGGG ACAGTCCATG CCAGGACACC CTGGAGTAGC CTTCCCCCTT GGCCGTGGGG 360
CAGGNCCTAA CTCACTGTCG CTTTGGAGTT GAGGGTGTCT TTTCTTNTTC TTTCTTTAGT 420
TCCTGTATTC TAAACATTAG TAAAAAATAAA TGTTTTTTAC ACAGGAAA 468

配列番号: 895 配列の長さ: 462 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01020

配列:

GATCCTGCAG GACTACAAAT CCCTCCAGGA TATCATTGCC ATCCTGGGTA TGGATGAACT 60
TTCTGAGGAA GACAAGTTGA CCGTGTCCCG TGCACGGAAA ATACAGCGTT TCTTGTCTCA 120
GCCATTCCAG GTTGCTGAGG TCTTCACAGG TCATATGGGG AAGCTGGTAC CCCTGAAGGA 180
GACCATCAAA GGATTCCAGC AGATTTTGGC AGGTGAATAT GACCATCTCC CAGAACAGGC 240
CTTCTATATG GTGGGACCCA TTGAAGAAGC TGTGGCAAAA GCTGATAAGC TGGCTGAAGA 300

GCATTCATCG TGAGGGGTCT TTGTCCTCTG TACTGTCTCT CTCCTTGCCC CTAACCCAAA 360
AAGCTTCATT TTTCTGTGTA GGCTGCACAA GAGCCTTGAT TTGAAGATAT ATTCTTTCTG 420
ACCAGTATTT AAGGGTTTCC AATAAAATGT ACACCNCTCA AA 462

配列番号:896 配列の長さ:462 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01021

配列:

GATCTAAATC CTCATTTATC TCTNCTATGT CTAGTATTTT ACTGTCACTG GAGGCTCTGT 60
GGGCTGTCAT AGTTAATTGA CCATAATTAG CAATATACTT TTAAAGTGGG AAAGCTGAAT 120
GACACTNTTT AAGACAATGA ACAT#ATCAA AACAAAATGT ATAATTNCTT AATTTGAATA 180
ATAAATTAGG CGTTTAAATG CTATTTGTAG TCTTGATATA CAGAAATAAA ATAATTAGGG 240
TTGGTCTTTT TTATTTTAGG TTGTTTTATG TTGAATGTTC TATATCTTAT TAGTTAATTN 300
GTATATTTNA TTAGTATTTN GGGAAAATAGC ATATCTGAGA CTGAAGGGGA AATTGGCCAA 360
TTCACTTATT TGTGGTTTTT TTCCTCAGCT ATTCTGAGCT TATTTATTAA TTGNATGGCC 420
TAATGGCTAA CCATTTACAT TAAAAATGGTT TTTTNCCCCA AA 462

配列番号:897 配列の長さ:459 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01023

配列:

配列番号:898 配列の長さ:457 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01024

配列:

GATCCACCTG AGCGACCTCC GGGAGTACAG GCGCTTTGAG AAGGAGAAGC TCAAGTCCCA 60
GTGGAACAAT GATAATCCCC TTTTCAAGAG CGCCACCACG ACGGTCATGA ACCCCAAGTT 120
TGCTGAGAGT TAGGAGCACT TGGTGAAGAC AAGGCCGTCA GGACCCACCA TGTCTGCCCC 180
ATCACGCGGC CGAGACATGG CTTGCCACAG CTCTTGAGGA TGTCACCAAT TAACCAGAAA 240
TCCAGTTATT TTCCACCCTC AAAATGACAG CCATGGCCGG CCGGGTGCTT CTGGGGGCTC 300

GTCGGGGGA CAGCTNCACT CTGACTGGCA CAGTCTTTGC ATGGGAGACT TGAGGAGGGG 360
AGGGGNTTNA GGTTGGTGAG GTTAAGGTGC GTGTTTCCTG GTGCAAGTCA AGACCATCAG 420
TCTTATTAAA AGGTGGGTGC CAATTTTTTT TACNAAA 457

配列番号:899 配列の長さ:457 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01025

配列:

GATCCAGTAT CTTCCTCGGC TTTTTAGGGA GCAGGAAAAA TGCGTCTNAN AGCAACTTTT 60
TTTAAAAACC TGCCCTGTTG TATATAACTG TGTCTGTTTC ACCGNGTGNC CTCCCAAGGG 120
GGTGGGAACT TGATATAAAC GTTTAAAGGG GCCACGATTT GCCCGAGGGT TACTCCTTTG 180
CTCTCACCTT GTATGGATGA GGAGATGAAG CCATTTCTTA TCCTGTAGAT GTGAAGCACT 240
TTCAGTTTTC AGCGATGTTG GAATGTAGCA TCAGAAGCTC GTTCCTTCAC ACTCAGTGGC 360
GTCTGTGCTT GTCCACATGC GGTGGGCGTC TTGGGACCTT GAATGCCTGC CCTGGTTGTG 360
TGGACTCCTT TAATGCCAAT NATTTCTTCA NTTTCTCTTG GGACACCNAG GGNTGCCNGT 420
TNGACAAAGT TTTGGNGAAC NTCCTAATTT AAAATGN 457

配列番号:900 配列の長さ:454 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01026

配列:

GATCCGANGA CCACATCAAT GGGCGCGTGC TCTACTATGC CACCTGCAAG TAATGCTACA 60
GCTTCCAGCC CGTTGCCCCA CTCATCTGCC GCCTTTGCTT TTGGTTGGGG GCAGATTGGG 120
TTGGAATGCT TTCCATCTCC AGGAGACTTT CATGTAGCCT AAAGTACAGC CTGGACCACC 180
CCTGGTGTGT AGCTAGTAAG ATTACCCTGA GCTGCAGCTG AGCCTGAGCC AATGGGACAG 240
TTACACTTGA CAGACAAAGA TGGTGGAGAT TGGCATGCCA TTGAAACTAA GAGCTCTCAA 300
GTCAAGGAAG CTGGGCTGGG CAGTATCCCC CGCCTTTAGT TCTCCACTGG GGAGGAATCC 360
TGGACCAAGC ACAAAAACTT AACAAAAGTG ATGTAAAAANT GAAAAGCCAN ATAAAAATCT 420
TTGGAAAAGA GCCTTGGAGG TTCAACGGGG GAAA

配列番号:901 配列の長さ:453 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01027

配列:

GATCTTNCTT NTTAAGTGGA TAAGACAGTC CCACAGTCCA GCCTAACTAT GGGACAGCTT 60
TACGAGAAGG AAAAAGATGA AGATGGATTC TNATATGTGG CCTACAGCGG AGAGAACACT 120
TTTNNAANCT GAGGGCCATT GCTGGGCTAG GTGCACCGTA ACTGCTTGTG TATCTTGTAA 180
ATAGCCAGCC ATTTNCAGTT ATTATACCAG AACCTCTTCA CATAGACCTA TTAGTGCATT 240
TGTAACTGGN TTTATTTCTT AATATATTGG AAGGTTTGTT TCCTTAGNCT AGTAAATTAT 300

CATACAGNGT TTTATTTTGA GGTTTTTCTT NNNTGTGCAT TNTCCTCATG GCCTGTAAAC 360 CNCCAGGAAA CCTTTTCCTT CTNGGAAATC ATATTTGAAA TGATAATTCN TATATCCGAN 420 GTGAGGNTAG GNNCCGGGTC CTCCCAATAA ANN 453

配列番号:902 配列の長さ:452 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01028

配列:

GATCTTAAGT GAAGAAGGAA GACTTGGCCT TTTGTATTGC TTGAATATTA ACTGTCTTGG 60
AAGGAAGTTA TGCTACAAGA AGTCATACTT TCATAAAAATT ATTTGCATCT GTGTCAAATG 120
CAGTTTAGTC AGAACGTAAG ACATAATAGG TGTGGACATG AACTCTGGAG TGTGAAATAA 180
AATCCACAGT TACTTAAGCA GTCTGTTTTG ATGGACAGTA TCTTGGGGATA ATACTTTCCT 240
CTGTGGGATT TTGTTCATTT TAGATGGTGC ANGGNAGTAT CAGTCTTTAA TTTTTTTGTT 300
GTTGTTTTTA TCANTCATTT GCTCTGATGG TATGATGCAT GGGCTTCAGG ACTCCAGCTG 360
CACCACTGTA TAAAACTCAG TTCAGGTTTN CTAGCGGTCN TTGGNTAATT TCCGGGGCNT 420
ANCCCGATNC CAATTNTTTT TAATGTGNTA AA

配列番号:903 配列の長さ:448 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01029

配列 ·

GATCAGGGAC CCTCCCNGCT TTCCTGGGCC TCTNAGTTGA ACAAAGCAGC AAAACAAAGG 60
CAGTTTTATA TGAAAGATTA GAAGCCTGGA ATAATCAGGC TTTTNAAATG ATGTAATTCC 120
CACTGTAATA GCATAGGGAT TTTGGAAGCA GCTGCTGGTG GCTTGGGACA TCAGTGGGGC 180
CAAGGGTTCT CTGTCCCNGG TTCAACTGTG ATTTGGCTTT CCCGTGTCTT TCCNGGTGAT 240
GCCTTGTTTG GGGTTCTGTG GGTTTGGGTG GGAAGGAGGG CCATCTGCCT GANTGTAACC 300
NGCTAGCTCT CCGANGCCCT ACGGGCCTGN CTNGTGTGAG CGTGTGGACA GTGGTGGCCG 360
GCGCTGTGCC TNCTCGTGTT GCCTACANTG TNCNTGGCTG TTGAGGCGCT GCTTCANGCC 420
TGCAACNCGT CCNTNGTCTC ANTACAAA 448

配列番号:904 配列の長さ:461 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01030

配列:

GATCGGTTTA CAGATGAGGA AGTGGATGAG CTGTACAGAG AAGCACCTAT TGATAAAAAG 60
GGGAATTTCA ATTACATCGA GTTCACACGC ATCCTGAAAC ATGGAGCCAA AGACAAAGAT 120
GACTGAAATA ACTTCAAATT CCAGCCAAAC GTTCCTTGTT GCCACTTTGG GTATTCTGAG 180
ATTTTCTCTT GCATGCCCTT AGCTTTACAG CTTTTGCATT TCCTGTTGTA TTTATTCTCA 240
GCCATTTTGG GCATATGTAT CTTTATAATC AGACTGGAAA CGGGACTTTC TATTAATATC 300

ATTTTTCAGA ATAAAAAATA GGGTAATTTA ACCTACCAGC CCTTCTCCCC CAATAACTGT 360
GGGCCTATAC AGNGTCAATA TATTTTTTNC AGNGAAAGGT TTATTCGGCT CGATTTTTT 420
CTGGAANTCC ATAATTTAAC CTTTTATGGG TTAAANTTAA A 461

配列番号:905 配列の長さ:453 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01032

配列:

配列番号:906 配列の長さ:445 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01033

配列:

GATCCGATGG AGAAGGGGGG ACCCAGGCCA GCAGGAGACA GGACCCCCGA AGCTGAGGCC 60
TTGGGATGGA GCAGAAGCCG GAGTGGCGGG GCACGCTGCC GNCTTCCCCA TCACGGAGGG 120
TCCAGACTGT CCACTCGGGG GTGGAGTGAG ACTGACTGCA AGCCCCACCC TCCTTGAGAC 180
TGGAGCTGGC GTNTGCATAC GAGAGACTTG GTTNAACTTG GTTGGTCCTT GTNTGCACCC 240
TCGACAAGAC CACACTTTGG GACTTGGGAG CTGGGNCTGA AGTTGNTCTG TACCCNTGAA 300
CTCCCAGTTT GCGAATTATA GAGACAATCT ATTTTGTTAC TTGCACTTGT TATTCGACCA 360
CTGAGAGCGA GATNGGGAAG CATAGATATC TATATTTTTA ATTTCNCTAT NGAGGGCCTN 420
GTAAATAAAT TTCTAAAAGC CTAAA

配列番号:907 配列の長さ:444 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01034

配列:

GATCTCAATG AAATTAAATT AATAACTATA TCTAGAAAAA CTCCCAATAT GTGAATATTA 60
AGCAACATAC TTATAAAAAA TTCATAGTTC ATGGATGAAA TCAAAAGAGA ATTCAAAATA 120
TTTCAAAATA AATTATGATG ATTATATAAN ATGTAGAAAT GTGTGGGATG CCACTACACC 180
AGTTCTTAGA GTGAAATGCA CAGCTTTCAA GGCTTCTGTT AAAAGAGTTG GGAATTACAA 240
AACAAGGAGC AGCGACTGCC AATGGGTGTG GAGTCTTTTT TGGGGTGATG ATGAAAATGT 300

TCAAAAATTG ATTTTATTGA TGGTTACACA CGTCTATAAA TATATTTNAN CGGNAGAATT 360 ATATGGATAT ATATGTGATA TATGGAGGTA TATCCTCTGT AAAATTCCTA NGGGTTTAAN 420 GGAGGATTGG GTATCCACAC CAAA 444

配列番号:908 配列の長さ:440 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01035

配列:

GATCCCAGTG TTGCCTTAAC AGGGTGTCTG TCGTGCCGCA GTAGAGCACT GCTGCTTCCT 60
CCAACCCCAA AATTTATGTT CCTAAGTAAG TCAGGTCCCT AAGCCCCGTC CCAAGAAGTG 120
ACACAAGTGG CCAACATCCA CACTGTAGGC TTGCAGGCTA CCCGCCCTGA GATTTGGTAA 180
AGAACACTGC CTTGTTCCCC ATCAGTAAAC AAGGTTACCT ACCTCAGGAG GCTGCTTGTG 240
AGAGGCAAA TGCAGTATCT TCAGANTGAT TTATTTTTTT ANTTAATTGT AAAGACTTGT 300
CCCATTGGCT GCTCTTTCTA GTCCCCTAAN TTTCTGTTCT AGTTTTAANT TTCTCTAGAN 360
CTTGCAATNG TTGGGGGGTT TTTATANTGG TGTTTTNCA ATGNTTTGTT TCNTTANNNT 420
AAANCCTTAA AAGTTCCAAA 440

配列番号:909 配列の長さ:439 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01036

配列:

GATCGGCGTG GGGGTGCTGC TCATCTTCCT TGTCAAGTAC GACCTTAACA ACCNGGACAA 60
GCACGCCAAG CTGGACTTCC TCAACAACCT GGCCACGGGN CTGGTGTTCA TCATCGTGGT 120
AGTCAACATC TTCATCACGG CCTTCGGGGT CCAGAAGCCC TTGATGGACA TGGCACCCCA 180
GCAGTAGGAC ACCCAGGACC NTGGATGCTG CCTGCCNNTG CAACTCAGCT GCCCGACCCC 240
AGGAGTCGCC ATACCTGTNA GGTGTCCACC TCCCTGCACA TGGCACTACC CAGANTGCCA 300
GAGCCCAGGC TGGNCTCATC TGCACCATGT CCCCGGACCA GCCCTTGCTC TGANTGCGGG 360
CCAAGNACCA NGTAGGAGGN CACTNTTGTT TNTNAGCAGN TTTTTCCAGG NGGGNAGTTN 420
NNTTCTGGGA AATTGGGGGN

配列番号:910 配列の長さ:435 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01037

配列

GATCCAAGGA CCCACACTTT GTCACCTCAT ATCTCTCTC CTCTCCCACT TTCGCTTCT 60
CTGTCTCTTC TTAGTTCTGC TTTCCTCCAC TGTGCCTTCG CTCTCAGAGA GAGCTCTCCC 120
CTGGCAGTGA CAAGATGGCT GCAGCAGCTC CAGCAACCTC AGAGGACTCC CCCATCCAGG 180
GTCCTTGTGA GCTCCTCATC TGTAGGATGT GCAGTAAACA CTCACGTGTC CTTTCCTGAG 240
GAGCCCAGTG GCTGGGGTGG GGGCTGAGGG GCAGCCCCTA TGCCCTCACA GTGCAGCAAC 300

CTTGGTTAGC TCACCCATCA GGGCAGACTT GGGCAGAAAT CATGTCTTGG CATATTGTTT 360
TGTAATCTGC TTTTTAAATT GTCACTATAT ATTATGAGCA TTTCCCTATA ATATACAATA 420
TTCTTCCACA TTAAA 435

配列番号:911 配列の長さ:433 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01038

配列:

GATCATATGA AAAAGTAACA AGCTGTTCCN TGTTTCTGAT ACATAAAATN ATTTTAAGCA 60
TTTTTATCAAT CATTAAAATT TACTGCCAGT TGTGAGTGGC TTTTTAATTA ACTTGTCTTT 120
CATTGCACTT CACTCTGCCT GTTTTCAAGG GGAGTAAGAT TGGTAACATT TGGGGAGACT 180
GTATCTGTCT ACTTAGCGTG GCTGTTTTGA GGGACTGTCC CATCAGTGAA CAAACTGCAT 240
GGCCTTGGAG AGAGACTCTG GGCTCTTGGC TCAGATGTGT TCATCAAATA CTCCTTTCAG 300
AGCTGTTGTG GGTGTAAGTG ACATGATGTG GCCAAAAAAAT CCAAACTGTG CAGTTGCGNT 360
TGTGACAACC ATGCAATGTG NCTGTAAAAAA TTNANTTNCA GTTTAAATTN ANATNNTTTA 420
TATTNNGTGG AAA

配列番号:912 配列の長さ:431 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01039

配列:

GATCTTCTA ATTCGAAAGC TGTGTTCTTT TTGAATACCG TGCATGGGGG TTAAGCTGAT 60
GTTAAAACAG TTTGCAATAA AAAAAAATGA ATNAGCTTAA GTCATTTAAT CATTTCAAGT 120
GCATTCTGCA TCCTTTAAAA ATAAGTTTAA GAAATTTAAG AGAATTGTGT TTTCATTAAG 180
TTTTGCATAT CTTTTGTTAT GCCATGTAAA TNCCCTTTTN CGTATGATTA AAGGAAGGTT 240
ATGATAAAAT GATTAGTTCA TTTACATTCA CTTGTAGCAA TTACATGAGA ATTTGAATTT 300
NGTCGTGTTT GGGTTTGTNC ATTCCTGTGA ATGATGGTNC AGTTAGGTGA GATTTNCTGT 360
TATGGNACCC CAACTCACCA TTTGGNCCTC TTTAATCTTT GGGGGGTTCC AATAAAAATT 420
GGTCACTNAA A

配列番号:913 配列の長さ:431 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01040

e in the same of the

配列:

GATCCAAANT TTAAGGGATA TTGCCTATTT TGGAAGAATA AAACTAAAAT GTTAAAACTG 60
TTGAATTACA GAGAACAGAT GTACTCTGAG ACATAATTTT AAACAAATAT TTAAAATANG 120
GCAGGTTAAC ATTTGCGTTT AGGCACAATA AATCTGTATT AAAGGGAAGC ACATCAAGGA 180
AATATATACA TGTTGANTAA TGTAACTNAA AAATATTTTT TAAAANCCAC TTAAAAATGA 240
NAAATAATTT GATGGGTACT TTAAGCATTG TAGATAGAAA TTAATGTATA ATAGTGTCCT 300

CCCNGTCTTT GTATGAAAAN TTAAAANCTC TCTAGTCCTT TAATGAGCAT GANTTTTATA 360 CTTCTACATT TTGTTGCCTA GGNAAAATTN TCCTCNNGTA CCTTTGAGGT NATTCCGGAT 420 TTTATGGTTT N 431

配列番号:914 配列の長さ:430 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01041

配列:

GATCTATAGA GAGAGATATA TACACTTTTG ATTGTTTTCT AGATGTCTAC CAATAAATGC 60
AATTTGTGAC CTGTATTAAT GATTTAAAGT GGGGAAACTA GATTAAAATA TTTGTTTTTT 120
AACTAGTTTA TTAGTTTCTN TGGAATCTGC CTGTGTCCCT GGGTTTGGGT TTTGCTCTTG 180
GCAGCAGCAG GTGCCTCTTG GGTGCTCCTC CTGCTCCTGC CTGCAGCCCT AAGAGCAGGT 240
GGGTGCCGAG TGTCTGGCAC AGCTTGGATG CCGCCCACTG AAGACAGCAG AGGGGGGTTG 300
TNTTGAAGCT CCCGNGACAC AGTCAAGCAT CTTCTGAGNC TTCGATGTCT TCGGNAAGTA 360
AAAATGGGGN TTTAGTAAAA CCCTGCCCCN GTTTNTCACA GGGGGTTNTT TTGCAAGNNA 420
AANTGATAAA

配列番号:915 配列の長さ:428 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01042

配列:

GATCAGATTC TAATTTGACA GGCAACCAGT CAATGAAACA GACACACCTG CACAGTTGGA 60
AATGGAGGAT GAAGATACAA TTGATGTGTT TCAGCANCAG ACAAGAAGTG TCTACTGNAA 120
AAGGANCCTG CTTCTTTACT CTAGAACTTT GTTCTTATAG ACCAAGATTA CATTCTCAAT 180
TAGAAAACTG CAATTTGGTT CCACCACATC ATGACTATTA CTATAGTATA GTTTTCTCTA 240
TTCTTTTATT TTTCCCTTTA CCCATTCCCT TATTTGTACA TAAAATAATG GGTGTATGTT 300
CACAAGCATT TTGCTGGTTT TNAAATATTA ANTGGCCAAT GACATCCACT TGATGTCANT 360
CAANACNATA TCTGTGGGGG NAAANTACCG NTTCTTNGAA ATTTNCCTCC NNTTTTTCCA 420
TNAGTGGN 428

配列番号:916 配列の長さ:428 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01043

配列:

GATCGCCAGG TTCTACAAGC TGCACGAGCG GAGGTNTGAG CCCATTGCCA TGACAGTNCC 60
TCGAAAGTCG GACCTGTTCC AGGAGGACCT GTACCCACCC ACCGCAGGGC CCGACCNTNC 120
CCTCACGGCT GAGGAGTGGC TGGGGGGTCG GGATGCTGGG CCCCTCCTCA TCTCCCTCAA 180
GGATGGCTAC GTACCCCCAA AGAGCCGGGA GCTGAGGGTC AACCGGGGCC TGGACACCGG 240
GCGCAGGAGG GCAGCACCAG AGGCCANTNG CACTCCCAGC TCGGATGCCG TGTNTCGGCT 300

NNGAGGAGGA GATGCGGGAA GTTCCAGGCC ACGGTGCAGG ANCTCCAGAA GNNGTTNGGA 360 CAAGGNTTGG AGGAGACAAG TCCAAGNNCA AGTAGNAGCC CCTGAAGGNN TTTNCATCAN 420 GGTTTCAN 428

配列番号:917 配列の長さ:424 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01044

配列:

GATCCAATAT TCAATTCATT TGTGTACTCC CACATGCAAA ATGCTAAATT ACAATGCAGA 60
CATTAAGAAA AAGTATTGAC TGGAGGGGTT GAATTCCTTG AGAATTATT TTATAGTCTA 120
AATCACAAAT ACTTTACTCA ATTTAGTTTT TAAAATAGTA AACTGAATAT TTTTTGTTA 180
AGCCTATCAG AGTCAATCCT TCGTTTGGAA TTGTTTTCCT GTTTTNCCTT ACTATAAATC 240
ATTTAAAAAC TGAATTCATT TTCTTAGATG GCATAAGTCT GTCTCTTGAG AAATAAGTAA 300
AATACTCCTA TTTTCAGTAT CTGTAGCACC TGAAATAGGT CTTTGTATAG CCAGAANCAA 360
GTTATGNTTG AAGTTAGCTT TTCTTTGTCA CCAGTTTTGG NCAATAAAAA TCTGAANGTT 420
TAAA 424

配列番号: 918 配列の長さ: 422 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01045

配列

GATCAACATA ATGGACCACT CCTGAATGAG ACTTAATTTT GTCTTTCAAA TTTACTGTCT 60
TAAATCAGTT TATTAAATCT GAATTTTAAA ACATGCTGTT TATGACACAA TGACACATTT 120
GTNGCACCAA TTAAGTGTTG AAAAATATCT TTGCATCATA GAACAGAAAT ATATAAAANT 180
ATATGTNGAA TGTTAACAGG TATTTTCACA GGTTTGTTTC TTGATAGTTA CTCAGACACT 240
AGGGAAAGGT AAATACANGT GANCAAAATA NGCAACTAAA TGAGNCCTAA TAATTGGCCT 300
TCGATTTTAN ATATTNGTTC TTATAAACCT TGTCAATAAA AATAAATCTA AATCAAAAAA 360
AANTTGGTTC CACCTNTGCA GGTTTTTATA ANTGGTGCCA ATTAAAGGTT TTTGTTTTTA 420
AA

配列番号:919 配列の長さ:422 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01046

配列:

GATCCTTACT AAGTNTTTCA TGGGAGACTT CCTTCATCAC ATCTTATGTT GAAATCACTT 60
TCTGTAGTCA AAGTATACCA AAACCAATTT ATCTGAACTA AATTCTAAAG TATGGTTATA 120
CAAACCATAT ACATCTGGTT ACCAAACATA AATGCTGAAC ATTCCATATT ATTATAGTTA 180
ATGTCTTAAT CCAGCTTGCA AGTGAATGGA AAAAACNNNC AAGCTTCAAA CTAGGTATTC 240
TGGGAATGAT GTAATGCTCT GAATTTAGTA TGATATAANG AAAACTTTTT TGTGCTAAAA 300

ATACTTTTTA AAATCAATTT CNTTGATTGT AGGTAATTTC TATTTGCACT GGGCCTTTCA 360
ACTCCAGAAA CATTCTGANG GTGGTACTTG GGGTTTAANT TAAAAAGGTC CACTTTGGTA 420
AA 422

配列番号:920 配列の長さ:410 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01047

配列:

GATCGCTGTT TCCAGAACGG GGAGGAGTAT CTCATTGTGA AACAGACTCT AGAGTGGTTC 60
TATTTGGTCT TCAGTGTTTT AGCCTCATTA GTTCATATTT GGCATGCAGC TTGTGGTGAG 120
TACTGTTCTA GGACTGGCCA AAAATGGGCA AAATGTATCA CTCCAAACAC TACTGATTCA 180
GCATTGTTTT CATGTCTTAA AATTGCCACC TGCACTTTGT TTCTGCACTA TTATGTAGTG 240
CATTTTAACT TAAATTTTTT CCAGCAACAT GTTACTTATT TANGATACAT TACTGATATT 300
TCATTATAAT TANGTTCATC TTCCCTGTGA AACAAGAGAA TTGTAAAATG TTGTGGGAAA 360
ATGATACATA TGTGGGATGC TAATGNAAAT CATAGGTATT TTTGTGTAAAA

配列番号:921 配列の長さ:409 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01048

配列:

GATCACANTT GANCTGGCAG CGGGATGGCG AGGACCAAAC TCAGGACACC GAGCTTGTGG 60
AGACCAGACC AGCAGGAGAT AGAACCTTCC AGAAGTGGGC AGCTGTGGTG GTGCCTTCTG 120
GAGAAGAGGCA GNGATACACA TGNCATGTAC AGCANGAGGG GCTGCCAAAG CCCCTCACCC 180
TGAGATGGGA GCCATCTTCC CAATCCNCCN CCCCCATCGT GGGCATTGTT GCTGGCCTGG 240
NTGTCCTAGC AGTTGTGGTC ATCGGAGCTG TGGTCGCTGC TGTAATGTGT AGGAGGAAGA 300
GCTCAGGTGG AAAAGGAGGG AGCTACTCTN AGGCTGCGTG CAGCGACAGT NCCCAGGGCT 360
CTTAATGTGT CTTTNACAGN TTGAAANGCC TGAGACAGCT TGTTTTGTN 409

配列番号:922 配列の長さ:407 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01049

配列:

GATCCAGGCT GTCATGTGAT TTATGGTGGC ATGTGTTGTG TATTTGTTGG CTACTTGTGT 60
CTTGAAATCT AGAATTATTT CACGCAGAAT TGTCACTGTT TGTCAGGAAG AGAAAATGGG 120
CTAGTGGAAG CCCAGTCTTG AGTTCTTGTC TTGTTACCAT TTAAAAATTGA CATTTAATTT 180
TCAAATCACT GTTGGTGCCT AATCACTNAA GTTATTAATT TATTCTGTTG TATTCTTTTT 240
TTTNAAATNG TAACATATTT ATCCGGTGGG TGGGACAGGA GTGTGTTCAA GTGGGTCATG 300
TTTTTNCTGT GGTGACACAT GGTACAGGCT TGGAGCTTGC AGGTCCCTTT CTACTGTGGT 360
TTTGGAGCAG GNCAATTAAA GTCCACTANG AAATNCACCN CTTTAAA 407

配列番号:923 配列の長さ:411 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01051

到列:

GATCCAGGTT CCTCCAGAAA TAAGATATAC AGATTACTTT GTNATTGTAA GTGGAACTTC 60
TACCCGACAC TTACATGCCA TGGCCTTCTA CGTTGTGAAA ATGTACAAAC ACCTGAAATG 120
TAAACGTGAC CCTCATGTTA AGATAGAAGG GAAGGACACT GATGACTGGC TGTGCGTGGA 180
TTTTGGCAGC ATGGTGATTC ATTTGATGCT TCCAGAAACC ANAGAAATCT ATGAATTAGA 240
GAAATTATGG ACCCTACGTT CTTATGATGA CCAGTTAGCT CAGATAGCAC CTGAGACAGT 300
ACCTGAAGAC TTTCATTCTT GGAATAGAAG GTGATACTTN ATCTGTNACT NCANTGGGNG 360
TTAAAAATGTG GATTAAATTN TTTTANTGCA NTGNNGTTAG TCATTTTCAA A 411

配列番号:924 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01052

配列:

GATCAGAGCN TATNTTATGA TTGTTGATAA CTAACCAAAG TAGNTGCCTG CAGAGACTTT 60 - AAAATGTAAA ATAAAGATGT ATGCTGCCTG TCAGCTATTC TCATTTAAA 109

配列番号:925 配列の長さ:405 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01053

配列:

GATCCGAGGC TGGGAAGAAG GGGTTGCCCA GATGAGTGTG GGTCAGAGAG CCAAACTGAC 60
TATATCTCCA GATTATGCCT ATGGTGCCAC TGGGCACCCA GGCATCATCC CACCACATGC 120
CACTCTCGTN TTCGATGTGG AGCTTCTAAA ACTGGAATGA CAGGAATGGC CTCCTCCCTT 180
AGCTCCCTGT TCTTGGGTAA GGAAATGGAA TACTGAAGGG CCCTTCACTG CCTTTGCTCC 240
TCCCATGTTA TGCCCAGCGT TTGATGGGTA GCAGAGAGGA CANANATCAC CACATGGCTA 300
TTTTTCCCNC TGAATNCTGT CTNGNATTGN GTACCTNTCA AGTGTTATTA GTGNATGCTT 360
TNGAAATGAA AAATTTGGGC NACCTTATGG GNAGGGNGTN GGAAA 405

配列番号:926 配列の長さ:405 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01054

配列:

GATCTTAAGC AGTAATCTGT CAGTGTTTGT ATTTGTATTC TCTGCAATTT TACTGTGAAA 60

AAAAATTTGT TTTCAACAAT TGGTGTCATT TTCTTGATGT CACTATTTGT NGGAGAGTTA 120
AATGGTCTCT NCCCTTTGTG TATCTTACCT AGTGTTTACT CCTGGGCACC CTTAATCTTC 180
AGAGGTGCTA AATTGTCTGC CATTACACCA GAAGGATGCC TCTGATAGGA GGACAACCAT 240
GCAAATTGTG AAATAGTCCT GANGTTCTTG GATTACTTTA CACCTCAGTA TTGATTTGTC 300
CCAGAATTTN CTGGCCTTNC ATGGCANTGA AANTNTTNGG GGGAAAGATT TAANGTATTT 360
NANTTTTAAN GAGTGTGTTA TAANNATANT TGTACTGNNT NCTNN 405

配列番号:927 配列の長さ:404 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01055

配列:

GATCTATGTT ACATTTACCA CACTGAAGTT TTTTTTGTTG TTTTTTGTTT GTTTTTAAAG 60
AATCACCCTC ATTGTTGAAA GTAAATGTAC TCTTAGGGTG CGAATATTAG TGTTCCAATA 120
AGCATGTGAT TATATTAAGG TGGTGGTAGC GGGAAGATAA TTCTGATTCC ATTGGGAATC 180
TTAGGTTTTC GTAAATTTAT TGGGAAAATA GTTTTTCCTG TACTGCTGAA GTTTCTTTTT 240
GGTAAACAGT ATCTTTCTAA AAGAAAAAAG CATGAAGGGA GAAATTGAGG TGTGTATACA 300
TTTCCTCAAA TGACCAGCAT TGTATTCGTG AATACTGTGT ATCTTGCAGT GAACAGTGTG 360
GAAGCTGTTC ATTTTCAAT CTGAAGTAAA ATACTTTCAA GAAA 404

配列番号:928 配列の長さ:399 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01057

配列:

GATCANGTGT AAATGTGACC TTGTACAGTT TACTAAAATT ACTGATATTT TTCACTACAT 60
TGAGACAGTT ACTGTGAGAA TAGGACACAA ACACCAGCTA TTGCCTGCAT CTGGGAAATT 120
GCTGAATCGC ACAGCAGTCA TGTCATAATC AGAAAATTAC TGCCAAATAA TTGTAAAAATT 180
TGTAAAGTAT AAAGTATATA AAGTAGATAC TAAATACAGN CACTTCANTA TTTTGTTGAA 240
GCTATTGACT GTACANTTAG ACATTTTCAN ANGGGTGTAA TTTATTTANN GTTGTCTCAT 300
TTTGGTAAAA TTTATGTGAA CTTTTAAAGC TAANTATTAA NCCTTAATAT GCTATGTAAA 360
TNTTTTCCNT NTATACCATT TNCTGGTGGT NTTTTTTTN 399

配列番号: 928 配列の長さ: 397 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01061

配列:

GATCTGCAGA AGGTATCTGG TGATGCAGAG ACTCTTTCCC CGCATCCNTC ACATGAAAGA 60 CCCCATCGGT GACAGCTTCC AAAACGACAA GCTGGTGGTC TGGGAGGCGG GCAAAGCCGG 120 CCTGGAGGAG TGTCTGGTGA CTGAAGTACA GGTCGTGCAG AAAACTTGAG ACTGGGGTTC 180 AGGGCTTGTG GGGGTCTGCC TCAATCTCCC TGGCCGGGCC AGGCGCCTGC ACAGACTGGC 240

TGCTGGACCT GCGCACGAGC CCAGGAATGG ACATTCCTAA TGGGTGGTGG GCATGGGAGA 300
TGCCTGTTTA ATTTCGTCCG AAGCTGCCAA GGAAGAAGAC CAGAACTTTG TGTGTTTATT 360
TCATGATAAA GTGATTTTT TTTTTTTNA ACCTAAA 397

配列番号:930 配列の長さ:402 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01062

配列:

GATCCCCAAC AATGTCAAGA CAGCCGTCTG TGACATCCCA CCTCGTGGCC TCAAGATGGC 60
AGTGACCTTC ATTGGCAATA GCACAGCCAT CCAGGAGCTC TTCAAGCGCA TCTCGGAGCA 120
GTTCACTGCC ATGTTCCGCC GGAAGGCTTC CTCCACTGGT ACACAGGCGA GGGCATGGAC 180
GAGATGGAGT TCACCGAGGC TGAGAGCAAC ATGAACGACC TCGTCTCTGA GTATCAGCAG 240
TACCAGGATG CCACCGCAGA AGAGGAGGAG GATTTCGGTG AGGAGGCCGA AGAGGAGGCC 300
TAAGGCAGAG CCCCCATCAC CTCAGGCTTC TCAGTTCCCT TAGCCGTCTT ACTTCAACTG 360
CCCCTTTNCT NGTCCNTCAA GAATTTNGTG TTTTGCTTGC CN 402

配列番号:931 配列の長さ:396 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01063

配列:

GATCTGCCGA CCTTGCTATA GATGCCATGT TACCAATGAT TTCCTGTGGT GGGGGCTTGC 60
CATTNTTTAC TCTCTTATTT ACCAACTTCT GGCCTAGGCA TGACAGTGGG CACCTTCCCC 120
CAGCCCTGGN TGGGCCCAGC GCCTNTTTC TGTGTTAGAA AGGTTTTATA TATATATAAA 180
ATTACATATA TATGTAGAAA TATATGTAAT NTTGGGGGCC CTGTTCCTTG CACATTTTAC 240
AGTTACCTCA TTTTTNCCCA TGTATGTATT TGAGAAAATG CTAATATATA GNGAAAAAAA 300
TGGGTTCTTA AAGCTNAAAT GTGNGGTTTT TNCCATTCCA GGGGNTCACA TTNGGTTTGN 360
GGCATNGACN ATACCTNGTA TGTCGNNNTA TAAANN 396

配列番号:932 配列の長さ:394 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01064

配列:

GATCCGTGGA TTTTTGGTGC AATTCCCCTT TTATTTCTTG TCTGAAGAAA GCCTACTGCC 60
TTCTGTTGGG ACCAAAGAGG CCATAGTGCC CATGGAGGTT TGGACTTAAG AGATATCAT 120
TGGCAGCTCA AAGACTTCCA CCCTGGAGAC CACACTGCAC ACAGTGACTT CCTGGGGATG 180
TCATAGCCAA AGCCAGGCCT GACGCATTCT CGTATCCAAC CCAAGGACCT TTTGGAATGA 240
CTGGGGAGGN CTGCAGTCAC ATTGATGTAA GGNCTGTAAA CATCAGCAAG NCTTTATAAT 300
TCCTTNTGCC TAANTTGTAA AANGGGGGNC TGCATTCTTG TTGGAAGNAT GNACTNTNTT 360
TNNGGAAAAC CACATTTTA AAANTTCCCG TAAA

配列番号:933 配列の長さ:393 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01065

配列:

GATCCACAGG CTTTTGTACT CAACGCTGAC AACAACCCTA AGAGGTAGGT ATCATTATAT 60
CAACCATTTT ATGAATAAGA AAACAACAGC ACAGAGAGAT GCAGTCACTT GCCCAAGGTC 120
ACACAGGGCC AGGGGTTGGG CCAGGATTCG AAGCAGGCAG GCTGTCTCCT GGGTCTGAAC 180
TCTCAACTAC TACACCCTAA TCAAACAATC CCTCTGGTCA AATGTGAGTG ATAATAATAG 240
TACCCACCTC GTGGGTGTTG AGGGTGAGCC CAAGTTAGCA TTCAGCGTGG GCATGTGAAC 300
AATTATAGTC AATATTGANT GGAGACCTAT GATGCTTTTA TGAAGGTTTC TATTTTGGGT 360
TAAAAAAATGC ATAAAATTTC TCCTGACCAG AAA 393

配列番号:934 配列の長さ:393 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01066

配列:

GATCACCTTA AGTGAAATNA TTTNCCTTTA ATCTTTNATG TATTTATTCA CTTTTGGAAG 60
CTAGGAATGA GCAACACAAA TTTTACTCTG AAGTCAGAAG AGCTCATATA TAATANTTCT 120
AATGTCCCAC CTATTTTCAC TTGTCCATTC CATGTACCAG CTTAGTTATG ATANNNNGTC 180
ACATAATTAT CTTTGATAAA GGTAGAGGCA CAAAGAGGCA AACTAAGCAA GTCAAATTCT 240
AATGTGTGTA CTTCATAATA ATTTTTTATC CATTTTCATC TTTATATTCT GTAACATGAA 300
NCTTACCTAA TCTTCAAATG TTAGCTTCCA TTTTTTACCT TTGAAATACT TAAATCTTTC 360
TGGANTAAAT ATAATGGGGC CTNTAAAANT AAA 393

配列番号:935 配列の長さ:392 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01067

**码** 61

GATCCTGTTC TTTCAGCAGG TGAAAAATAA AACGCANTCA AATTTCATGG TTTTAATTTT 60
NAACTCAGAA GCACTCAAAA ATGCAAAATG TGATAATGGG CACTTGTTTA AAAGANTTAG 120
TGTATCCAGC CTTCACTCCA GCTGGTTAAA AATGTTGCAC TTATCAGCAA CCNNACCACT 180
TTCATCTGCT GAAAGGNCAA ATGTGCTTGG TTTTACTATT ATGTAATCAC AACTTTCTTT 240
NTATNTGCTTGTA GTTGCTTAAA ATTATGTATT TGGTCTNGGG CTGCAATTTG GTTTNATGCT 300
NTATNTGATT ATTACNGCAG TAGGTTGCCT NTCCNGTATG GGAAAAATAA AGTGGAATNG 360
CCCNAATTAA ACCNCCTCTN TCTTAAAGGTA AA 392

配列番号:936 配列の長さ:391

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01068

配列:

GATCAGGCAG CCTCCTGATG CCAGANCACC TCAGGCAGAG CCTACTCAGC TGTACCTGTN 60
TGCCTGGACT GTCCCCTGTC CCCGCATCTC CCCTGGGACC AGCTGGAGGG CCACATGCAC 120
ACACAGCCTA CCTCCCCCA GGGAGCTCTG CTGCCCTTGC TGGCCCTGCC CTTCCCACAG 180
GTGAGAAGGG TCCTGTCCAC CAGCACACTC AGTTCTNTTC CCTGCAGTGT TTCATTTNAT 240
TTTAGCAAAN ATTTTGCCTG TTNNTGTTNA AACATGATAG TTGATATGAG CTGAACCCCT 300
GGGTTNGGNG GGAATTGGTC AGAGTGGCAA CCTGGGACTG TGAGCCCTGT TCGGNACAGN 360
NTATGGATAT GAAAANTCTG NCCNNNGCNA N 391

配列番号:937 配列の長さ:390 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01069

配列:

GATCTTTCCC AAGATTGTAA CTGAAAACTG CTGTCTCTTG TTTTTTTCGT TTTGGGGGTG 60
GTGGTGCTGG CTGGGCCATG CTTGTAAAGT GATGTGTCC TCTGATTTAA CGGATTCACT 120
GTTTTCTCTG CTAATTGAGA GAGCGTTATT TACATTATTT ATTTGTTTTG ACACAAGTNC 180
TTTCAGTGTT TTATCCTAGC TAATGGCTTC TTAAAGGTAA TAAAACCCTT CCAACGTAAT 240
TGGTCAGATA AAACTTTTTT CCTTGTATGC TTAAATAAAG CAATTAGTGA AGCACTTCTA 300
TCCAAAATGA CTTTTTTGTC CTTTTTAAA ACCAATTTAC TGTTACTGGA AACTTTGTAC 360
AATAAAGCAA ATCACGCAGA TTAANGGAAA 390

配列番号:938 配列の長さ:389 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01070

配列:

GATCAGAGGG AAAGAATGAC CAACCNNGCA ATAAGTGTAC TAAACTCTAC GCTCTGGTTA 60
ATGTAATGTA CTCTCCTGGA CTGAATGCAG TGTATAATTN CTGTCTACAG CTAGAAGCTG 120
TGCCCCAGTT CCACATTTGA TTACACATGT NAGATTTGCT GCTGTTGCAG TATAAACACT 180
AGGTATAATA GGATTTGAAA TTGCATTACA GTTCATAAAA NTNGAAAATG AGGAATTAAA 240
CCNGCAAGTG AACATTTGAA CGNTTATNCT NTCTACATAA GACATGGTTG GGACATCAGT 300
ACTNACAAGA TGGTTTANGT ATGGTACTAG NGNANTTAAG NTTTCTTTCT CTCTGGTTTA 360
TNGATNGGGT TATTTCCATT ATGTATTNN 389

配列番号:939 配列の長さ:390 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01071 配列: GATCTCACGC TGCCTCTGTG GTTCCCTCCC TCATTTTTCC TGGACGTGAT AGCTCTGCCT 60 ATTNCAGGAC AATAATGGCT ATTCTAAACG CTAAGGAAAA AAAACAAACA CAGAACTGTT 120 TCAAGTACTC AAGACTGACT TACAGACCAA CCAACCACCT TGCTGGAACC CTTGCTAGCA 180 GGCATTCTTA TAAAAGAAAC TTTCGAGCCT CCTTATATTG CTGGAAACTC AGCTGTGCTC 240 CAGACTAGAG CCTCCTTACC TATGCTATGG ATTTTTAATT TATTTTCTCT TATTTCATGT 300 ACACTECTTT TTTTGGTTAC AGTGTATGAT GGATGTGTAT GAAAAAAATG TATCTTTGGG 360 GAACCAATTA CAGTTTTGTT AATTTGGAAA 配列番号:940 配列の長さ:543 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01072 GATCCACACA CGTTGGTCTT TTAACCGTGC TGAGCAGAAA ACAAAACAGG TTAAGAAGAG 60 CCGGGTGGCA GCTGACAGAG GAAGCCGCTC AAATACCTTC ACAATAAATA GTGGCAATAT 120 ATATATAGTT TAAGAAGGCT CTCCATTTGG CATCGTTTAA TTTATATGTN ATGTTCTAAG 180 CACAGCTCTC TTCTCCTATT TTCATCCTGC AAGCAACTCA AAATATTTAA AATAAAGTTT 240 ACATTGTAGT TATTTTCAAA TCTTTGCTTG ATAAGTATTA AGAAATATTG GACTTGCTGC 300 CGTAATTTAA AGCTCTGTTG ATTTTGTTTC TGTTTGGATT TTTGGGGGAG GGGAGCACTG 360 TNGTTTATGC TGGAATATGA AGTCTGAGNC CTTCCGGTGC TGGGGACCAC ACANGNGTTN 420 GTTGNAAAGT TTGACCAAGN AGNCCTGCGC ATNNNCTCTG GATGCCTNTG GTATCCATTC 480 TTNGANGCAA TCCGCTCGGG NCCCGTGGGC CCAATAAANC NGGTATTTNT CCCAANGGGG 540 543 配列番号:941 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01073 配列: GATCTCAAGA TTTCTAAATT GTCAAGATTT ACATGGCATT GTGGTGGAAC TAGTTAACAC 60 TTAGAGCTTT TGGTATGTAA TAACTATTTG CTATGGACTG ATTAAATGTT TCAAAAGATT 120 GTGTTCTTCA AA 132 配列番号:942 配列の長さ:387 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01074 配列:

GATCAGCACT AAGTCCTGCA TTCCTGTTAA AGCCACTTGG GTCATAAGAA GGGAGTAAAA 60 AATGAAGTCT GACTAGNAAC CTATTGCAGA GGCCAAGTAC ATTTAGTATG GCATTGAGTT 120 GTGATATAGT TTTACTTTGA TGTGCATTTT GAATTTCAGC TACACCTAGA TAGACGTAAA 180

ATGATAATTA AAATGCTGTA ACCAACTTAT CTAATAAAAT TGGCAACCAG CCACTATTTT 240 GTTGACTATG AGAAAGTTAA AAGTTTATGT TAATTTTTNG GGTCTGATAG AATATTTCAT 300 GTGTATTACA GTGGTATTCA TATGCTATGT CTCTAAACTT TATTTTCAAA AGCTTANGGC 360 387 CCANATACAA NCTTCTCTGG GNNTAAA

配列番号:943 配列の長さ:385 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01075

配列:

GATCAGANAA AAAGTCCATA TGGACTGTGG ATACCTATCT AAAAGAAGAA AACTGATGGC 60 TAAGTTTGCA TGAAAACTGC ACTTTATTGC AAGTNAGTGT TTCTAGCATT ATCCCATCCC 120 TTTGAGCCAT TCAGGGGTAC TTGTGCATTT AAAAACCAAC ACAAAAAGAT GTAAATACTT 180 AACACTCAAA TATTAACATT TTAGGTTTCT CTTGCAGATA TGAGAGATAG CACAGATGGA 240 CCAAAGGTTA TGCACAGGTG GGAGTCTTTT GTATATAGTT GTAAATATTG TCTTGGTTAT 300 GTAAAANTGG AATTTTTTAG ACACAGTAAT TGAACTGTAT TCCTGTTTTG TATATTTAAT 360 AAATTTCTTG GTTTTCATTC TTTAAA

配列番号:944 配列の長さ:383 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01076

配列:

GATCTTCTAG CTACCATNCA TTTTCTTCAC TGTTCACAAA AGATGAGTGT GAAATTCAGT 60 GAATGCTGTT ACTAATCCTG TTACGAGATG AATCTCATTT CACCAAAATT AAATTATGTT 120 TTTCCGCTAA AATGATGATA CAAGTTGAAG ACACATCACT CTGAAATTGG AAGACCTCAC 180 CACTTAAGGC TCCACAGTGG CTTACTCAGC TGAACTCTAG GTTACTACTC TTTACTTTGT 240 TCACCCATTG GGGGGTGCAG TTTTTTTAAA ATGTTGGGAG ATGGCCATTC TAACTACTGT 300 TGAATGTCTC TGTTTTGGGA AGGTATAACA NGAANTAAAA ANGNNTATAT ATGANGGGAG 360 383 AGNCTGGTTA TCTCCTCCCC AAA

配列番号:945 配列の長さ:382 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01077

配列: GATCTCTCCA TGTACCCTGC AGGGGGCTTG GTACTGTGAA ATNAGTAACT TAATCCTGAC 60 AACCGTAGTG CAAGGTATGG CCCATCTCCT GTACGCTTGG AGCGACCTTT GGCTACGTGG 120 CTGGCCTTGT TATTTCACCA CTCTGGATAT ACTGGAATAG AAAGCAACTT ACATACAAGA 180 ACAATTAACT GGAGCAAAGG GAGATATTTC TTTGTGCAGA TTCTGTAAGG GCTGGGCAGA 240 AATGTGTATG GTCAAAGCCA AGCAGTTCCA TTTACAGCTC TGTTTTTTAC GTAGTTACAA 300 CATGATGTGA TTGTAGCTTT TTAAACTATG AAACCCCTGA GAGATTGTAC CTTCCTAGTT 360

382

GAAATAAAGT ATTTATAATA AA

配列番号:946 配列の長さ:381 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:WWGSC1078

配列:

GATCCGAACA CCTCCAGATT CCGGCTTCTA CATGGNNCAG ACGGGACGC ACAGGCCACC 60
TTCCTTCTGG CAGGGACTCT TATTTATTCC CATTGCTCTA GGGCTTTCNN TTTCCCNTTC 120
TTCCGGTAGG CCGCGTAGAG GCATGCACCG GGTAGGTTTC CGCGGTGACC CCGCGGCGC 180
CTGAGGGACG CTCCCTGCCC CATCCCGGCT GTTGGGCTGG GCCGCTTTGC CTCTGCTTCG 240
NCCTGTGCTG TGTTCTCCAG CTTTGTAGCA GCAGCTTGAC AAACCCAGGC GCACTGTACC 300
AAGGCAATGT AACTTTTNAT TTTCGGTCAA TTTAAGTTCT TTTTGTCACC AAATATTAAT 360
AAACCAGTTT TGGACTTNAA A 381

配列番号:947 配列の長さ:380 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01079

配列:

GATCTGAGTC CAGAGTTGGC CACTTTGTGT GGGTCCTCAC AAGCAAAGAG AGCACTAAAC 60
TTGACATTGG GGGTCCACCA CTCCAACTTT NCTTTCTGAA GGTTTTGGTG TACATTGAGC 120
CCCAGAAGGA AAGGAGAGTA TCTGTGAGTG GGGGCCTCCC TTGACCCCAG TACGAAGTCT 180
ATGCCCTGAA TCCCCAGAGT AGCCCTTCCT GGTGCCCAAC TGGCCTGGGG ACAANCAGCG 240
TCCACTACAT CTAGGCTGCC GGCTAAGTGG CACACTTCTT GACCTCCTAC CAGGACTTTG 300
GTAAAAGCTA GCTTTGGGGA GGGGTGGGTT AAATATGAGA GGTGGAGGNG CCANTGGTAG 360
AATAACATGG GTAGACTAAA

配列番号:948 配列の長さ:380 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01080

配列:

GATCTGCATC AGTTGTAAAG GGGAATTGGT ATATTCACAG ACTGTAGACT TTCAGCAGCA 60
ATCTCAGAAG CTTACAAATA GATTTCCATG AAGATATTN NNNNCAGAAT TAAAACTGCC 120
CTTAATTTTA ATATACCTTT CAATCGGCCA CTGGCCATT TTTTCTAAGT ATCAATTAA 180
GTGGGAATTT TCTGGAAGAT GGTCAGCTAT GAAGTAATAG AGTTTGCTTA ATCATTGTA 240
ATTCAAACAT GCTATATTTT TTAAAAATCAA TGTGAAAACA TAGACTTATT TTTAAAATTGT 300
ACCAATCACA AGAAAATAAT GGCAATAATT ATCAAACCTT TTAAAATAGN TGCTCATATT 360
TTTAAAAAATA AGGTTTTAAA

配列番号:949

配列の長さ:399 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HDMGS01081

配列:

GATCAAAGCA TGCAATAAGC AATACAAAAT ACCAAGCCTT ATACTTAAAA GAAGTTTAAC 60
ATATTGGTTA ATATACTGGT TAATATACTG GTTAAACATA TTGAATGTAT ATAAGTGGCA 120
AAACTAGATT TTTAAGGAAG TGTACATTAT AATATTGGAG CTCAGTACTG CATGANGAGA 180
CTTCATTAAA ACTAAGAAAN CATTTATTTG GGGAGAAATT TTAGGCATTT AAGANCTTGT 240
ATTTTTCTAT TTTAAAAAGT TAAATTATTC CGTAATTTGG ANGGAAGTTT CGTTGAATGT 300
AGGCCATAAC CGTTTGANGG GTTTTCCTTT GGANAACTTG GTGTNTTTNG GTGCCCTTAN 360
TATTTTTGGTC CTTTTAATAA AAATGCNCCT GNATTTTCN 399

配列番号:950 配列の長さ:379 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01082

配列:

GATCAGGCCC TGGGCCCCC TGCATCTTTT ATAGCAGTGG GTGTCCAGTC CAGGACACTG 60
GTGCTTTTTT ATACAAGAGA ACGAGCCAGA GTTCACTCCT TCCTCCTGGC TCTCTATATA 120
CCTGTGAATA TGTGAAATAG TGTAAATATG AAAGAACTTG TACCTATCAC TTCAACCCCT 180
GCCTTGTACA TAATACTATT CCATCCACAC AGTTTCCACC CTCACCTGCC CCNTCATACG 240
GAGTTGGATG GGGGCCGAGT NAGGTAACCA GGTGGCATCT ACCNNATGTT TTATAAGGAA 300
TTTTTGTACAG TCTTNGTGAA ATAAAAATAAC GTGCTTCATT TGNAAAAAATN NNGTTNNNTT 360
TNTNTTTNNT NGNGGGTTN 379

配列番号:951 配列の長さ:376 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01083

配列:

GATCTAGTAG AAACTAAGGG ATGGGAAAAA CCTTTTCATT TTTCATCTNC TTTCCAACAA 60
TATGAATTTC TTAGTTTTCA AACTATACTC AGGAAAGCTG GGCTTTAGGA TTTAACATGT 120
AGTGATGAGT TCTGTGTGTA TTTTAATATT TNACTCAGGA TTCCTATTAA TTGAAAAAAA 180
TTTTTTAACTT TTTTATTATA AATCTTTTTT TCAGGGAGGN GATATCACCA AACATGATGG 240
AACAGGCGGA CAGTCCATTT ATGGAGACAA ATTTGANGAT GAAAATTTTG ATGTGAACAT 300
ACTGGTCCTG GTTTACTATC CATGGCCANT CAAGGCCAGG ATTACCAATA ATTCNTCATT 360
TTTGTTATAC CACTGN 376

配列番号:952 配列の長さ:375 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01084

配列:

GATCAAGCCA CCACGTGCCC TACGATGGCC TAACAGGAGT GCCCATTGGC AGATTACACA 60
TGTAAATATG ACCTCAGACA AAAAGGAACC AGAGGCCCAA GGGCAATAAT AAGGTGGAAT 120
TTNCAGGTCA GCCCAGGAAT TGGCAGAGGA AGTAGGTGTC TGATAACCCT TTGTGGAGAA 180
TGAGATTCCC CCCACCTGTG TGAGAAAAAT AAACAGCTCT GGAGTCTTGT NCCTGACTCC 240
AGAGGAACGA GAGCATTCCA GGAAAGAGAG ATTCCCTGGA AAATTGAAAA TGTGAATCCT 300
AGGGGGAAAT TGGGGATTGT NTCTTTCCCT GTTGAAAATG TTTNGNTGGG AATAAATATC 360
TTCAGGAACC ATAAA

配列番号:953 配列の長さ:374 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01085

配列:

GATCTTCTNC ACACACCCCA TCACCCAGAT AATTTACAGT TCTGTTAACA GTGAGGTTGA 60
TAAAGTATTA CTGATAAAAA ATTATCTAAG GAAAAAAACA GAAAATTATT TGGTGTGGCC 120
ATCTTACCTG CTTATGTCTC CTACACAAAG CTAAATATTC TAGCAGTGAT GTAATGAAAA 180
ATTACATCTT ACTGTTGATA TATGTATGCN CTGGTACACA GATGTCATTT TNGTTGGTCA 240
CAGCACTACA GTGAAATACA CAAAAAATGA AATTCATATA ATGACTTAAA TGTATTATAT 300
GTTAGANTTG ACAACATAAA CTACTGTNGC TTNGAAATGA TGTATGCTTC AGTAAAATCA 360
TATTCAAATN TAAA

配列番号:954 配列の長さ:376 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01086

**耐利** 

GATCAAAGCA AAGAGCGCCT TTCCATGTAT CTCATGAAAG CTGACCTGAT GCCTTTCCTG 60
TATTGGAATA TNATGCTAAG GGGTTACTG GGAGGACCAG CGTTTCTNCG CAAGTTGTTT 120
CATCTAGGNA TGAGTTAAGN ATGGCTCAGC ACTTGCTCAT CTTGGATGGC TTCTGGGCCA 180
AAACTGCAGT CACTGAATGA CCAAGAGCAG CACGAAGGAC TTGGAACCTA TCCTTGTAAA 240
GAGTTCCTTG ATGGGTAATG GTGACCAAAT GCCTCCCTTT TCAGTACCTT TGAACAGCAA 300
CCATGTGGGC TACTCATGAT GGGCTTGATT CTTTGGGAAT ANTAAATTGA AATANTACTT 360
TTNTTTTCTG AATAAA 376

配列番号:955 配列の長さ:371 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01087

配列:

GATCAGAACC TCCAAATACT GCCATGAGAA ACTAGAGGGC AGGTCTTCAT AAAAGCCCTT 60

TGAACCCCCT TCCTGCCCTG TGTTAGGAGA TAGGGATATT GGCCCCTCAC TGCAGCTGCC 120
AGCACTTGGT CAGTCACTCT CAGCCATAGC ACTTTGTTCA CTGTCCTGTG TCAGAGCACT 180
GAGCTCCACC CTTTTCTGAG AGTTATTACA GCCAGAAAGT GTGGGCTGAA GATGGTTGGT 240
TTCATGTTTT TGTATTATGT ATCTTTTGT ATGGTAAAGA CTATATTTNG TACTTAACCA 300
GATATATTTT TACCCCAGAT GGGGATATTC TTTGTAAAAAA ATGAAAATNA NAGGTTTTTT 360
NAANTGGNAA A 371

配列番号:956 配列の長さ:368 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01088

配列:

GATCTGGGGA GGGCTAGCCC AAAACCTCCC GCATCGGGCA GGCACCCCCT GAAGTACTTC 60
CTTCAGGGTT TCCCCTTTGT NAGGGTGTCG AGTAGCCTCA CCGGCCTGTN TGGAGGAGCA 120
GCTGGCTCTG CTCTGAGAAA CTCTGGCAAG TGGACGCCAT TCTNTTGCCC TTAGGATTCA 180
CTGCTCTCTC CTACAGCCGC CAGNCCTGGG GTCCTGAAAG ACCTTGGGTG GTAAAGCTGT 240
ACTTGGTGGG AGTNAGGGCG TGGGGAGGAA CCATGCAAAT CGCCTTCCAT GGGTTTTTAA 300
NTGCAGTAAA TAACATTTCT GGATGAGACT NGTTTCCAAA NTAAACCNNG CTATTATCTG 360
TTTTTGAAA 368

配列番号:957 配列の長さ:369 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01089

配列:

GATCCGAGCT CTGGAGCGTG GATACCGGAT GTCTCGCCCA GAGAACTGCC CAGAGGAGCT 60
CTACAACATC ATGATGCGCT GCTGGAAAAA CCGTCCGGAG GAGCGGCCGA CCTTCGAATA 120
CATCCAGAGT GTGCTGGATG ACTTCTACAC GGCCACAGAG AGCCAGTACC AACAGCAGCC 180
ATGATAGGGA GGACCAGGGC AGGGCCAGGG GGTGCCCAGG TGGTGGCTGC AAGGTGGCTC 240
CAGCACCATN CGCCAGGGCC CACAACNCGN TTTNCTACTT TCCNAGACAA CNACCNTCGG 300
TTTCAGGCCA CAGTTTTCTT CATCTGTCCA GTTGGGGTAG GTTTGGGACT TGGNAAAATN 360
TTTTTTTTTN

配列番号:958 配列の長さ:366 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01090

配列:

GATCGAGCCA CTGCACTCCT GGGGCAACAG AGCAAGACTT CGTCTCAAAA TAAATAAATA 60 AATAAAGTGG CTCTTGGGGA AAAGCAATTT AATGTACCAC GATGAATAGC TAACTGTTCC 120 CAAGTGTTTG CTATGTGCAA CACACCGCGT GAGAGTGTTA CCTGCATTAT TACATTAGGC 180 TGAGAGGTAA AATAATTTGC CCGAAGACAT ACAGCTAGTG ACGAATGGAC TGATGGTTTG 240

AACTTAACGT CTATTTGACT TAAGGTCCTG CACCCTGCCA CTTGTAATTT TCAGANTCAC 300
TGATAATCTG AAATAATGCA GCTTAAACCA TGTTTTCTTA ATTAAAAGTA TAATTGGATG 360
GTGAAA 366

配列番号:959 配列の長さ:364 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01091

配列:

GATCCTGAAG GTGAAATGAA ACCAGGAAGA AAAGGTATTT CTTTAAATCC AGAACAATGG 60
AGCCAGCTGA AGGAACAGAT TTCTGACATT GATGATGCAG TAAGAAAACT GTAAAATTCG 120
AGCCATATAA ATAAAACCTG TACTGNTCTA GTTGTTTTAA TCTGTCTTTT TACATTGGCT 180
TTTGTTTTCT AAATGTTCTC CAAGCTATTG TATGTTTGGA TTGCAGAAGA ATTTGTAAGA 240
TGAATACTTN CCTTTAATGT GCATTATTAA AAATATTGAG TGAAGCTAAT TGTCAACTTT 300
ATTAAGGATT ACTTTGTCTG CCCACCACCT AGTGTAAAAT AAANTCAAGT AATACANTCT 360
TAAA

配列番号:960 配列の長さ:364 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01092

配列:

GATCTGGGGC CGNCCTTACG GGGCAGGGCT CAGTCCTGAC GCTTGCCACC TGCTCCTACC 60
CGGCCAGGAT GGCTGAGGGC GGAGTCTATT TTACGCGTCG CCCAATGACA GGACCTGGAA 120
TGTACTGGCT GGGGTAGGCC TCANTNAGTC GGCCGGTCAG GGCCCGCAGC CTCGCCCCAT 180
CCACTCCGGT GCCTCCATTT AGCTGGCCAA TCAGCCCAGG AGGGGCAGGT TNCCCGGGGC 240
CGGCGCTAGG NTTTGCACTA ATGTTCCTNT CCCNGCGGGT GGGNGCGGGG AAATTCATAT 300
CCCCTGTTTC GTNTNATGTT GTGTCNNNCG NNCCCAAATT TAAAAAGGNA ATTTNAAAAN 360
GGTN 364

配列番号:961 配列の長さ:362 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01093

配列:

GATCGAGGGG CGGGGTCAG CTATGCAGCC CATCACGTGT GTTTTTCATC TGGGATGAAA 60
AAGCCTGGTT CTCTTTTGAA ATGCTTGATT GTACTTATTG AGCTAAACAA GNCTTGGTGA 120
CTNTTGTTGA TTTGCCTCAA AAGTTTTAAG TCCTGGGTTT TCAGACTACT GTGTAGCAGC 180
TGTGTGTTTA ACATACTGTA GCTTTTTCTC CCTTGGGGGC ACATACAAAT AGGATGTGTT 240
GATGTGGACT CTAAACTGTA ATTTTCCTGT AACTATTTTG GAATGATGCA TATTTCTAAT 300
GTTTGTTATA CTTGTACAGA GTATTTGCTG TTGGTTGCTT TTTTTTTTTN TTCANNGGGA 360
AA 362

配列番号:962 配列の長さ:360 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01094

配列:

GATCCAGGCC AAGGCACTGG CTGTNAGTGG CAGAGTTTGG CTGTAACCTT TGCCCCTAAC 60
ACGAGGAACT CGTTTNAAGG GGGCAGCGTA GATTGTNTNA TTTGCCACCT GGATGAAGGC 120
AGACATCAAC ATGGGTCAGC ACGTTNAGTT ACGGGAGTGG GAAATTACAT GAGGCCTGGN 180
CCTCTNCTTT CCCAAGCTGT GCGTTCTGGA CCAGCTACTG ANTTATTAAT CTCACTTAGC 240
GAAAGTNACG GATGAGCAGT AAGTAAGTAA GTNTGGGGNT TTAAACTTGA GGGGTTCCCT 300
CCTGACTAGC CTNTNTTACA GGANTTGTGG NAATATTAAN TGCAAATTTA CAACTGCAAA 360

配列番号:963 配列の長さ:358 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01095

配列:

GATCCAATTT GTAGCTTCCT GCCTGGCTTC AGAGAGCCCA GCAACCTTCT AGGCCTGCTT 60
TCCAGACTTC TGAGATAGCC TGGGATGAGC AATCCTGTTA TAGTACATCT GGACCTTCCC 120
TACCTGGGCT CTGGGGAGGC TGTGGGCCTG GAGAGGGAAA AGGAGGGAGG GGGTGTCTGC 180
ACCACCTGGG AAGATAGCAC AAGGCCTAAT GAGGTCACCC TGACTCCCCA CCCCAGCATT 240
TCATTCATAC CAGATAATAG CTGCATTACT GCCANCTGAC CTTATAACCC TCTGCACCTT 300
CAAAAAGGGT CATGGTTTTT AATTGCTGCT TTTTAATAAC ATTTTGTTNA AGNTTAAA 358

配列番号:964 配列の長さ:195 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01096

配列

GATCGCCCT ACTAAGATGC AGAGACCCCG NCAGAGCTNG CATTGACTAC CAGATTTATT 60
TTTNAAACCA GAAAATNTTT TAAATTTATA ATTCCATATT TATAATGTTG GCCACAACAT 120
TATGATTATT CCTTGTCTGT ACTTTAGTAT TTTTNACCAT TTGTGAAGAA ACATTAAAAC 180
AAGTTAAATG GTAAA 195

配列番号:965 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01097

配列:

GATCCAAGAC TGGCTGACTT CATTTGAAAT GGTTGAATCT GCTGTGTAAT AAAGTGGTTC 60

AACCATGATT AGGAACTGAA ATTTAGTAGA AGAGGGAAAA GGAGTTAATG TAACAAATTA 120
TTTTAGCTAC AAACCCCGGT AATAGAGCAC TTGGGGGATG GGATGGGGTG GGTTGGTGAG 180
ACAATCAGAA TGGTAAATTG ATTAAATGCT CCTAACCCTG TAATTTTGTG CATAGAGCAC 240
CCTATGCTGT GGAAATAACT GTTCTTAGAT TTCATTGTAA CTGGACTGTT CAGGTTGCCC 300
AGAGGGAAAG ACCATTCCTA ATTCTAATAA AATAACCTTT TATTTTGTTA TTCAAA 356

配列番号: 966 配列の長さ: 356 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01098

配列:

GATCTCCACC ACCATCTCCC CTCTACTTCT CATTCCCTAA CTCTCTGCTG AAATATGGGGT 60
TGGTGTTCTC ATCTAATCAA TACCTACAAG TCATCATAAT TCAGCTCTTG AGAGCATNCT 120
GCTCTNCTTT AGATGGCTGT AAATCTATTG GCCATCTGGG CTTCACAGCT TGAGTTAACC 180
TTGCTTTTCC GGGAACAAAA TGATGTCATG TCAGCTCCGN CCCTTGAACA TGACCGTGGC 240
CCCAAATTTG CTATTCCCGT GCATTTTGTT TGTTTCTTCA CTTATCCTGT TCTCTGAAGA 300
TGTTTTTGTGA CCAGGTTTGT GNTTTCTTAA AATAAAATGC AGNGACATGT TTTAAA 356

配列番号:967 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01099

配列:

GATCTTCCAC AAAACATCTA GCCATCTAAA ATGGAGAGAT GAATCATTCT ACCTATACAA 60
ACAAGCTAGC TATTAGAGGG TGGTTGGGGT ATGCTACTCA TAAGATTTCA GGGTGTCTTC 120
CAACTGAAAT CTCAATGTTC TCAGTACGAA AAACCTGAAA TCACATGCCT ATGTAAGGAA 180
AGTGCTATTC ACCCAGTAAA CCCAAAAAAAG CAAATGGATA ATGCTGGCCA TTTTGCCTTN 240
CTGACATTTC CTTGGGAATC TGCAAGAACC TCCCCTTTCC CTTCCCCCAN TAGGNCCATT 300
TAAGTGTGTG TTAAACANCT ACAGNATACT ANNTAANAAG TTTGGCCAAN NCCAAA 356

配列番号:968 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01100

配列:

GATCAGATTT TTGGGTCATG TCTGTTGTAT TTTCAGTAAT GTGATTTCAG ATGGTCATCT 60
GGATTCTCCC ACTTCTCAC TCCATTATTT CTCTACTTTT CCTTCCAGCA NACCTGANNC 120
GTGAGGGAGA TGGATTAATG TGAGTAACAG GAATGTGTCT TTAAAAAAGCT AGAGTGGTTA 180
CATTTAATCA GGCAGTAAGA TAATTTGGGT TCTTGAGTTG TTTTGGNGTA ATATCCCACA 240
ACTGGGGTAG GAAGCTCAGG ACTTTTTNT TTAAAGCTAG TCATTTCAAA AGCATATTGT 300
ATTTTTTTGA NTGACTACAG TATGCCCAAN TTCAANANCC AAANCCCNCT TTGGGN 356

配列番号:969 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01101

配列:

GATCCAACAA TTTTNAAGAG CTCTCTCTTA ATCTCTGACA TAATGAGTCT GAAACAAAGA 60
AAAGTTACCT TACCGTGTCT TTACTTCCTT TCTTCTGGGC TGTGAACTCA AGTGCCTTGA 120
GGGCCAGCTA AGAGCTTTTT GGGATATTTG TCTAACTTAA TTGAACTGTT ACTGAAAGAT 180
AAATTAACAA AATGGTTCAG AGTTTTGGAT TAAGACCTTT GTAACTAACT GACCGTCAGC 240
ACAGGAGCTT CGGTTTCCTT CTCTGTAAAA CAGGGCTCCT CATTCCAATT CCACCTATCC 300
TGTAGCCTTG TGGGAATAAA AGGAGGCACC ACGTGGAGGT GCTTGGCAGG NTGAAA 356

配列番号:970 配列の長さ:355 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01102

配列:

GATCATANAA NGGCCATCTG GGCCCAGCTN GTGTACAGCG AGGGNGGGCA GCCCCCTCCA 60
CTCCACTCTG CTTCCACAAA GTCGGCTCCC GAGAGCTCGA GGCTGCTTCT TTTTATATGT 120
GCAGGGCCCG GGCGGTGAA GGGTCAGAGA GACGGACACA AGGAGCCGGC AGGAGNGCGG 180
ANCGAGGATG TCCTTTCCCG GGAGACAAGT CGGGAAAGCC TGGCTGGACT GCCTCAGCCC 240
CGNGTGANTC CTGGNCTNAA GGNTTCCCCG TCCTGAGCTC GGGAGATNTT CAGAGTCACA 300
CTGNCGNCCT GTCTTGCCAC GGAGAGGTCA ACTTGCCACC GGNAGTNCNT GGTAN 355

配列番号:971 配列の長さ:355 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01103

配列:

GATCCAAACA ATATCTTCAA GGCATTCTTT GGCGGTCCTG GCGGCTTCAN CTTTGANGCA 60
TCTGGTCCAG GGAATNNTT TTTNCAATTT GGCTAATGAA GGGCAACCAC CCAGAACCCA 120
GAAAATNCAG ATTCACTCAG TTTAATCTTG AATGTGGAAA CAGTTCACCT CCTCCCTTCA 180
TCACGTCTCC GTGTGCTTAG AGCAGTTTCG TTTTCTCAGT TGGATGCCCT GTGTCTCTGT 240
GAGTGGGGTG GAGCAAAGGG AACCAATGCC GAAGACCGAG GGCAGGGGAG GGGAGGCGGG 300
GGTNGGACAG NGAGGCAGCT TGTGAATTTT TGTTTTACTG TTTAACTTTA TTAAA 355

配列番号:972 配列の長さ:352 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01104

配列:

GATCNTAGGC TGGGGCCAAC TGGAACCATT GGCAGCTGCA CGCTCATTAC TACCCTCCGC 60
TCCTGCGCTC TGCCACTGTC CGGAAATTCA TGGTTGGCTA CGAAATGCTT GCTCAGGCTC 120
AGAGGGACCT CACCCCTGAG CAGGCTGCAG AGAGACTAAG GGCACTTCCT GAGGTTCATT 180
ACCACCTGGG GCAGAAGGAC AGGGAGACAG CAACCATCGC CTGACCACGC CGACCACAGG 240
GCCTTGAATC CTTTTTTGTT TTCAACAGTC TTGCTGAATT AAGCAGAAAG GGCCTTGAAT 300
CCTGGCCTGG AATTTGGGCA GATATAGCAT TAATAAAACT GTGCATCTCA AA 352

配列番号: 973 配列の長さ: 358 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01105

配列:

GATCAAGGGG GTTGGGAGGG GGGAAAGAGA CCAGCCTTGG TCCCTAAGCC TCCACNNAAC 60 GTCTTCTTAA TCCNCACCTT TTCTTACTCC CAAAAAAGAA TGAACACCCC TGACTCTGGA 120 GTGGTGTATA CTGCCACATC AGTGTTTGAG TCAGTCCCCA GAGGAGAGGG GAACCCTCCT 180 CCATCTTTTT TGCAACATCT CATTTCTNCC TTTTGCTGTT GCTTCCCNCN TCACACACTT 240 GGTTTTGTTC TATCCTACAT TTGAGATTTC TAATTTTATG TTGAACTTGC TGCTTTTNTT 300 TCATATTNGA AAAGATGACA TCGGCCCCAA GGNGCCAAAA NTAAAATGGG ANTTGAAA 358

配列番号: 974 配列の長さ: 354 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01106

配列:

GATCTTAGGC AAAATACCAG NTGATGAAGG CATCTGATGC CTTCATCTGT TCAGTCATCT 60
CCAAAAACAG TAAAAATAAC CACTTTTGT TGGGCAATAT GAAATTNTTA AAGGAGTAGA 120
ATACCAAATG ATAGAAACAG ACTGCCTGAA TTGAGAATTT TGATTTCTTA AAGTGTGTTT 180
CTTTCTAAAT TGCTGTTCCT TAATTTGATT AATTTAATTC ATGTATTATG ATTAAATCTG 240
AGGCAGATGA GCTTACAAGT ATTGAAATAA TTACTAATTA ATCACAAATG TGAAGGTTAT 300
GCATGATNGT AAAAAATACA AACATTCTAA ATTAAAGGCT TTTGCAACCA CAAA 354

配列番号:975 配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01107

配列:

GATCAGAGCT TGAACACAGG CTTATTTTA AAANNANAAA TATTTTTAAC ATGGGTTTCC 60
TTATTGAAAA ATCAGTGTAT TAGTCATAAA ACACCATCAT TAAGAATAAT TGAACAATAA 120
AGTTTGCTTT CAGATGCAGT TTTCAAATTA TAATCTCATT TCAATTTATA ACGTTCTCAG 180
TCCTTTGTTA TAATTTTCCT TTTTCATGTA AGTTTAATTA TCTGCATTTA TCTTTTTTCC 240
TAGTTTTTCT AATACTAATG TTATTTCTTA AAATTCAGTG AGATATAGGG NTAAAATAAT 300
GCTTTGAGGA GNATGTTTAA TAGGAAATTA AAATAACTTT TTCTGGCCAA A 351

配列番号: 976 配列の長さ: 420 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01108

配列:

GATCCAGAAC ACTTCAAGAA CTCGTCAAAC AGCTCGATAA GCCTTTTTNA CTGTNTACAT 60
CTGTACCGGG AATAACATTC CTAGGCTGAA ATTTCCACAA AGAATAGAAC CTGTACCCAG 120
TTCTTCAGGC TGATTTCCCT GACCTCTTGG GCATTTGTAT TTGTAGTAAA GTATTGCAGA 180
GATTCCTAAG TNTTTTATAG CAGCCATCAA ATTTGGACTT TGTATTGTTT ATTCATAAAA 240
GACACTTGGT AATAGACTTC AGTGAACTCT GTATGAATGC AGTAGTGTGC GTGCAAAATC 300
CGCTTCCTGA GCGTAGGGTG CTGAGCTGGC GCTAGGGCTC GGTTGTTGAA ATACAGCGTA 360
GGTCAGCCCT TGCGCTNAGT GTAGAAACCC ACGGTCTTTA AGGTTCGGC CTTGGTCCAN 420

配列番号: 977 配列の長さ: 349 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01109

配列·

GATCCTCATG TACTCAGAGG CACTTCCCTC CTAAGTCAAA GACCATCCTC ACTGACTATG 60
TGCCAACGCC TCGTTTCAGG CTTGTNACTC AACAAAGGGC TTTTCCATTG ATAGAAGCAG 120
TTTGGGATTT GTAGTTGCGA CTTCTTCGAT AGTTACCTGC ACGTCCATTG CTGGCAACTG 180
ACTTGTCATT AAAACCTGGC TCTTTGGTTA AGGGAGCTAC GCTGTGGTTT ATTCTTAAGT 240
TACGTGGATA AACTAACCTC TAACAGAAAT ATACTTTGGT TAATTTTGAA ATGTGTCATT 300
TTTAAACAAT CTTAAAAGTA ATACAGAATT GTGATTTATT AATTTTAAA 349

配列番号:978 配列の長さ:349 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01110

配列:

GATCAGAGTG GGTTAAGCTG ACCAGGAACA CCCATTTAAC CCCTTTTNCT TTTTGCTTTC 60
ATTTTTATAA AGGAAAAGAG GACCTGTCAG ATAGGCAGCC CCATGCTACG TGATTCTTTA 120
TGTTGTGTTG TTTTGTTTTG TAAATTGTAT AATTTTTAAA TATCTGAGTT TTAAAAAAAG 180
AAAAAAAGTAC AAAAAAATCT TGTTATGGCC TTAAGAAGAGG NNTAGTGCAT CTTTCAGGGG 240
TCACTCTGCC ATGGGGATAA AATAGCTGTT TCACAAACAG TTTTATTTAA AAAANCAANN 300
ACCANNAAAN ANTCAAAAATN TCATGNAANN TNTTNAACCT TCATTTNN 349

配列番号:979 配列の長さ:345 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01111

配列:

GATCACGTGG GTGTCAGTAT CTTTAACGGC CTTCATTCTT GGTTGTNAGA TTTTATTTGA 60
TATGCCCACT CACCCTCGAC GAATCTGCCC GCTTTGGGCT GTGGTGCCTG TGTATCTTTG 120
CCCGTCTGGT CTCCAGTTGG TGGAATNACC TTTTTTGTAC TGCCACTTCT CAGCATCTTT 180
NAAATTTGAC ATAATGTTGC TTCATTTCAG TTTTTTAAGT TCTGTAATTT GTTGATTGTA 240
TTTAACTATG TNAGTTCTGT TGTNATGTTT ACTGTATTGT AAAGCACCTC ATTCATGTNA 300
TGAGTGCTCT ATAAATCAAT AAATGATGAC TTAGAGGGCT GTAAA 345

配列番号:980 配列の長さ:344 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01112

配列:

GATCTGCTTG GNGTTTTCTN CCCCCCACCC CAAACTTCTG TCGAGGAGCA AGGCTTGCCA 60
GCAAGTCAGA AGGATTGAA CCGAGCAGCC AATCTTTCCA GCCCTCCCNT ACCGACCTCT 120
GTCTGGAGAC GCAGCAGCCT GTGTCCTCCA GGGCCTCTGG TTTGTNGTAT TATAGTATAT 180
TTNGCTGTGG AAAATGTCAC GTTTAGTCAC CTTGGAGCCA CTCACCTGGT CCTGTTGTTT 240
TANCCCATCC CTTCTNTNGN GGGCTATTGA TTTNTTCTNA GGAGAGTACA NCGTCACTAT 300
TGTAGNGTAA CCCTGTACTC AATATTACCA TAGNNCGNTG NCGN 344

配列番号:981 配列の長さ:357 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01115

配列:

GATCAGAAAC CAACCATGAA TGAACCCCTG GCTCCTTCAC CACCCCCACG ATTGGTATGA 60
TGCTGCCGGC ACAGNTGGGA TACACACGGC TCCCCCAGGC CTGAGCTGCT TCACTAGGGA 120
ATCCTGCCAC CACCCTGTCT TCCTCTGCAA GTGCTCAGGG AAATGGCCTT NCCGCCGGAG 180
NCATNCTATC TGNCTGACAG GCTGTGACTC TTCTCTCAAC CTTGGCCTTC TCCCCTCTTC 240
TGAGCTAGTT GGTTGAATNN NNGTTAATGC TTAAGATTTG TTTTTCTCTT TCACAGCAA 300
CATTTTCTTG AATTTTTTC TGCACAGCTT TTCCAAAAATA AAAACCTTCC AAACAAA 357

配列番号: 982 配列の長さ: 340 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01116

配列:

GATCAGAAAT AAGATTGACT TGGGTGTTAT ATTTCATCTC TCTCCAGACT CTAGGTATAT 60
TTCCAACTTT ATATATCACA GTATTTAAAA AGACATGTTT GCATTGAGAA ATTAACCCTA 120
AAGGGTTTTC AATAGGGTGT AGACCTCCAG TACCTTTGTA ACTAAAGTCT GTCTAGTCAT 180
NGTAAATATT TATCTGTCAG TTTTGACAGA TTGGGGCCAG CTTGATGTTT TAAATCTTCA 240

GCCCGGTATG AAAACTTAAA GGTATATATT CANTTTTTTA CCATTTTATG GAAAATATTT 300 AAAATCTGTT TTTACAGGGT TTTTTTTTTT TTTTTTTTTN 340

配列番号: 983 配列の長さ: 340 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01117

配列:

GATCTGGTTC GGCTGCTGTC GGATGAGGAC GTAGCGCTCA TGGTGCGGCA GGCTCGTGGC 60
CTCCCCTCCC AGAAGCGCCT CTTCCCCTGG AAGCTGCACA TCACGCAGAA GGACAACTAC 120
AGGGTCTACA ACACGATGCC ATGAGCTGAC GGTGTCCCTG GAGCAGTGAG GGGACACCAG 180
CAAAAAACCTT CAGCTCTCAG AGGAGATTGG GACCAGGAAA ACCTGGGAGG ATGGGCAGAC 240
TTCCTGTNTT TGAGGCTAAT GGACCCGTGG GGCTTGTAAT CTGTCTCTTT CTACTATTTA 300
CATCTGATTT AAATAAACCA TTCCATCTGA AAGGGGCAAA 3CCTGGGCAGA 340

配列番号:984 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01118

配列:

GATCTATGTA TTATTAGAAA AATGAAGTAT TTCTGACATG GAACAAAGAA AGTGGAAACT 60
GGTACTTAAT GGGGGAAGCA AAATTAGCTG GGACTAAAAC GGACATGTTT TGTTTTGTGA 120
ATTCTACCTA AATGTCTCTC TATCCACAGA GAAACTAGTA TTACTTGAAG ATGTGAAAGT 180
TCCTGTGGTA GCCATACCTT GAAGCACAGT GTTTGTACAT AAGTAAATAT CTTGATTCTA 240
AATTAAATCC AGATTTATCT AATATATATN ATTTNATATC TTTGTTGTAT TAAANTGGTT 300
TAATANTCAC TANAANTANN ACATTTTGNA TGTTGGAAA 339

配列番号:985 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01119

配列:

GATCTCAGGA ATTTTTGTAG GGGATTGAAG CCAGANCTAG TTGCGTCCCA GGGACCAAGA 60
GAAAGAAGCA GATATCCAAA GGGTGCAGCC CCTTTTGAAA GGGGTGTTTA CGAGCAGCTG 120
TGAGTNAGGG GACAAGGGGC AGGTCCCAGG AGCCACACAC TCCCTTCCTC ACTTTGGACT 180
GCTGCTTCTN TTAGCTCCTC TGCCTCTGAA AAGCTGCTCG GGGTTTTTNA TTTATAAAAC 240
CTCTCCCCAC CCNCCACCCN CCAACTTCCT GGGTTTTCTC ATTGTCTTT TGCATCAGTA 300
CTTTTGTATTG GGATATTAAA GAGATTTAAC TTGGGTAAA 339

配列番号:986 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01120

配列:

GATCCTTTCC GACACACATG TCTGAAGACT TATTTCAAA GNCAGCACAT TTTTGGAAAC 60
TAATCTCTTT TCCGTAATAT TTCCTTTATT TCAATGATTC TCAGAAGGCC AATTCAAACA 120
AACCCACATT TAAGGTTCTT TAGGATTATA GAATAAATTG GCTTCTGAGT GTTAGCTCAG 180
TGAGCTAGGA AAGCACCAAT CGATATTTGT TTCCTTTAGG GATACTTTGT TCTCACCACT 240
GTCCCTATGT CATCAAATTT GGGAGAGATT TTTTAAAATA CCACAATCAT TTGAAGAAAT 300
GTATAAAATAA ANTCTACTTT GAGGACTTTA CCAAGTAAA 339

配列番号:987 配列の長さ:337 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01122

配列:

配列番号:988 配列の長さ:371 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01123

配列:

GATCGGCCAG CCCCCACCTA CAGCAACATG GAGGAGGTGG ATTAGCAGGT CCCTGGCTGA 60
TGGGGGGGAC TGGGTTTGGG ACACCCACAC AGNGGGCCAG CTCCTTGCCG CTTCTCCTTC 120
TCTAACCCAG AGGACACTGG CTCTGTCAGT GGGAAGCTGA GGGGTATGAT TTGGGTGTGG 180
AGACCTCTCA GGTTGGGACT TCTTGTCAGC TTGGACCCCT GACCAGTGGG CTTTGGCTTC 240
TCCAGCCGCC TCCAGTGCTG CGTGATTTGA TTCTGTTGTA CCTTCAATTC TTCTGACCCG 300
CATTATAAAC ATTATAATTN NATTCTAAAA ATTGTAATTT TTTTTGCAAT TTTGGAAGTG 360
ACTGCTGCTG N

配列番号:989 配列の長さ:334 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01126

配列:

GATCTTCTTT ATATTCTACT TGAGTGCTGT CTCCATGTTG ATGTATCTNA GCAGGTTGTC 60 CACAGGTAGT CTAGGAGGGT GGCAACTTAG AGGTGGGGAG AGAGATTCTC TTATCCAACA 120

TCAACATCTT GGCAGATTTG ACTCTCAATC TCTTCACTAA AGTTGTTAAG NTCNNCCGGT 180 GATAAGTACT TCAATTTCAA CTTGTAGNNT GGGGAAATTT AGAATTATGC AGNTTATGGA 240 ATTGTATATG ATGACATTTG CAATAGGTCT ATTCTCTATC ATTGTAAGAA GNTGTGTGTA 300 CTGGTATTTG NCCCAAGTAA TAANCTAACT GAAA

配列番号:990 配列の長さ:333 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01127

配列:

GATCTGNCGT GCCCACCAAC TGGTGATGGA AGGTTACAAG TGGCACTTCA ATGAGACGGT 60 GCTCACTGTG TGGTCGGCAC CCAACNACTG CTACCGCTGT GGGCGTGTGG CAGCCATCTT 120 GGAGCTGGAC GCGCATCTCC AGAAAGATTT CATCATCTTT NAGGCTGCTC CCCAAGAGAC 180 ACGGGGCATC CCCTCCAAGA AGCCCGTGGC CGACTACTTC CTGTGACCCC GCCCGGCCCC 240 TGCCNNTTNC AACCCTTCTG GCCCTCGCAC CACTGTGACT CTGNCATCTT CCTNAGACGN 300 333 AGGNTGGGCG TGGGNGGGNN TGTNCTGGNT NTN

配列番号:991 配列の長さ:329 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01128

配列:

GATCGGACTG AACAGGAATC CTCGGGGGGT GAACAGCCAT TCCTTCGTGA CCTGTGCACG 60 NCTTCTGCAA CCCTGGAGCT CTGCTCGGCT AGTCTGACTC GAAAAGGGCG TGACTCAAGC 120 TGACGGGACT CCAGTAGGGA CTTTGAGAGC ACATTTTGTA AAAATATTTA TCTAGACGCA 180 AATGCTTATC CATGAATGTC CTCTTAGACC ATTTGGGGAT GAAGCCATCT TAATAATTAG 240 TAATAATTAA TTAGTAATAA TTAGTAAGCA TTTTCTCAAT GCTCTGATTC CATCATGTTT 300 329 TCTTAACATG ATAACTTAAA AAATTGAAA

配列番号:992 配列の長さ:332 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01129

配列:

GATCCTCCTC AGAAACTACC GGACTTGTTT TCTGTATTGG TGTGTTTTGT ATCTTGCTTG 60 AACTTCCTGT TCTTCTTGGT ATACTTTAAC ATTATNATNA TGTGGGATTC CAAAAGTGGA 120 AGAAATCAGA AGAAAATCAG CTAGCTGTAT TCCTAAACAA ATTGTTTCCT AAACAAATGT 180 GAAAATGTGA ACAGTGCTGA AAGGTTTTGT GAACTTTTTG CTATGTATAA NTGAAATTAC 240 CATTTTGAGA ACCATGGAAC CACAGGAAAG GAAATGGTGA AAAGTCATTG TTGTCTACAC 300 AAAATAAATG TATATGGAGA CCAAAGACCA AA

配列番号:993

配列の長さ:330 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01130

GATCAAGAAA TCAGGATGGC CATTTATTTA ATATCCATTC ATTTCATGTT AGTGGGACTA 60 TTAACTIGTC ACCAAGCAGG ACTCTATTTC AAACAAAATT TAAAACTGTT TGTGGCCTAT 120 ATGTGTTTAA TCCTGGTTAA AGATAAAGCT TCATAATGCT GTTTTTATTC AACACATTAA 180 CCAGCTGTAA AACACAGACC TTTATCANGA GTNGGCAAAG TTTTCCAGGN TTCATATACA 240 GNTAGGCTAT NNGNCATGTA TTTTGAAACG CAGTGTTNCA TNATGAAAGN GCTCTCAAGT 300 330 NGCTTNAAAG NTANTTTATT AAANGGGTNN

配列番号:994 配列の長さ:330 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01131

配列:

GATCCGGGCC TTGCGTGCAG CCTCCCAACC ATGGGCTGGG TTTNGTGCTT ACTGTATGTT 60 GGCGACTTGG NNAGGGCAGG AGACGCAGCG TGGAGCCTAC CTCCCGACAT TCACGCTTCG 120 CCCACGNTGC TCCGACTGGC TGCAGCGGAC ACTGCCCAAA GCAGAGGGGA GTCTCAGTGT 180 CCTGCNAGCC AGCCGAACAC TTCTCTCCGG AAGNAGGCTG GTTCGACTGT NAGGTGTTGA 240 CTAAACTGTT TCTCTGACTC GCCCANAGGT CGTGGCTAAA GGCACTTAGG CGNCTTAAAT 300 330 TTGTAAATAA AATGTTACTA CGGTTTTAAA

配列番号:995 配列の長さ:338 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01132

配列:

GATCTGAATG ATGATGGAAA CATGCAGACA GCCTCTCAGT CTTACTATTT AATGTTGTAG 60 CTGGGAAAAA ACCCAGAGAG GTTAACTGAT ATACTGGGTT GGGACTAGGA TGTGGGTTTT 120 GTNACTCTNA ATCCCATGTC CTCAAACTAC GCTGCCTTCC GAAGTCTGGC ATTTGTNAGC 180 TCATGCTTCC TTGTAGTCCA GCTTCTTATG TGCCTGTAAT ATTCTCCAGT ANGATTGTAA 240 GCCCCTTAAG GGCAGGGACG TCTTTNCATC TCTAGCACTG CTATAGTGTT CTATCCTTAG 300 338 TTATGGACCT AGATAAATAA NTNGGTGGTG GCAACAAA

配列番号:996 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01133

配列:

GATCTTTATA TTTNATACTC TAAANTCGTA CAAGCCAATC TNCATTTCNA CTAGTGGAAA 60

CTGTATAGCT GGTCATCTTT CCAGGACCCT TTTATCAAGA AACAATGCAG CTTCTACATT 120
TGTNCTGCTT CTACACCAAA ACAGCTGGAA TGTATATNGT ATGGTTCTGG ATGCTCTTGT 180
ATACCTNACT CTTCATTTCT NACCTAACCC ATGTGCTATG ATTTGAATGT TTCTCCCCTG 240
CAAAACTCAT GTTGAAATGT AATTGCCATG NTAACAGTAT TANTAGGTGG NNTATTTNAG 300
NGGTGNTTAG GGTGGGATTG GTGNTGTN 328

配列番号:997 配列の長さ:326 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01134

配列:

GATCTTGTGT CTTAGAGAAG CCCCCATACC TGGTAGAGCA TGTACCATCT TACATGCTTA 60
AATAACTCCA CATTTATTTG TGTTTATNAC TCTGTGTTAT AAATATACAT TTGTNGGTCT 120
CTCTCTTGGA TTATTTTGTT TCTTTGTCCT GTAACTACCA CTGAAAGGGT GCAATACAGC 180
CTTCTTGAAA TGTGTATTGA ACGGATGAAT GTATAAATAA AANTTAAATT TTGTAAATTT 240
CTGCTTATNC TTAGAAAAAG AATCTAAATN GTGACAAATC AGAATTGAAA AANGTATTCT 300
AATAAAGANA AACANGCTTT TATAAA 326

配列番号:998 配列の長さ:325 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01135

配列:

GATCCCCAGT GTTGGAGGTG GGACCTAAGT GGCAGGTGTT TGGGNCATGG GGATGGATTC 60
CTCACAAACG GCTCGGTGGC CTCCCTGCAG TAACGAGTGA GTTCACACAC TATTAGCTCA 120
CATGAAACCT GGTTATTAAA GAGTCTGGGA CCTCCCTCCA TGCTCTCTCT CTTGCTCCTT 180
TCTCTCACCA CATCACACGT GGCTCCCCTT GCCTTCTGCC ATGAGTGAAA GCTTCCTGAG 240
GGCCTCACCA GACACAGATG CTGGTGTCAT GCTTTTTGTA CAGTCTGCAG AACCCCGAGT 300
CAAATAAACC TCTTTTCTTT ATAAA 325

配列番号:999 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01136

配列:

配列番号:1000 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01137

配列:

GATCTTAGAA ACCTCTGCAC AGAAGCTGCT TTGCTGGCTC TGCAAGAAAA TGGACTAGAC 60
GCAACTACAG TNAAACAAGA GCACTTCTA AAATCACTTA AGACTGTAAA ACCGTCGTTA 120
AGTTGCAAGG ACTTGGCTTT ATATGAAANC TTATTTAAGA AAGANGGATT TTCTAACGTG 180
GAAGGTATTT AAAANTCACC TTAAACTCTT GTNCAGTTCA CATTAATTGA AATGTGAACT 240
TGCCTGTCGT TTGCAACTTC ACACTTTAG AATTTGTGTT TATATTTCCT GTANGTGAAT 300
AAATANANCA NNNCAGNNCA AA 322

配列番号:1001 配列の長さ:353 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01138

配列:

GATCTCAGAA CAACCTTTCT TGTTAGTAAC ATATTTTGG CAATACATAN CAACCTGGGC 60
CTGGTGGATA ACCAACAAGA TGGGGAAGAA AAGNATTGAG AACTTTAAGA GTGGTGTGGA 120
TGCAGACTCT TCTTATTTNA AAATCTTTAA GACAAAACAT GACTGAAAAG AGCACCTGTA 180
CTTTTCAAGC CACTGGAGGG AGAAATGGAA AACATGAAAA CAGCAATCTT CTTATGCTTC 240
TGAATAATCA AAGACTAATT TGTGATTTTA CTTTTTAATA GATATGACTT TGCTTCCAAC 300
ATGGAATGAA ATAAAAAATA AATAATAAAA GATTGCCATG GANTCTTTGC AAA 353

配列番号:1002 配列の長さ:320 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01139

配列:

GATCTGACCT GGTGAGATTA TTTCTGATGA CCTCATCAAA AAATAAACAA TTCCCAATGT 60
TCCAGGTGAG GGCTTTGAAA GGCCTTCCAA ACAGCTCCGT CGCCCCTAGC AACTCCACCA 120
TTGGGCACTG CCATGCAGAG ACGTGGCTGG CCCAGAATGG CCTGTTGCCA TAGCAACTGG 180
AGGCGATGGG GCAGTNAACA GANTAACAAC AGCAACAATG CCTTTGCAGG CAGCCTGCTC 240
CCCTGAGCGC TGGGCTGGTN ATGGCCGTTG GACTCTGTNA GATGGAGAGC CAATCTNACA 300
TTCANGTNTT CACCAACCNN 320

配列番号:1003 配列の長さ:318 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01140

配列:

TTAATGTGTN TTAAA

•	
GATCCTNCNA GTTAGCCTAG TACTGCTGTA CTGGCCTGTA TGTACATGGG GTCCTTCAAC	60
TGAGGCCTTG CAAGTNAAGC TGGCTGTGCC ATGTTTGTAG ATGGGGCAGA GNCATCTAGA	120
ACAATGGGAA ACTTAGCTAT TTATATTAGG TACAGCTATT AAAACAAGGT AGGAATGAGG	180
CTAGACCTTT AACTTCCCTA AGGCATACTT TTCTAGCTAC CTTCTGCCCT GTGTCTGGCA	240
CCTACATCCT TGATGATTGT CCTCTTACCC ATTCTGGAAT TTTTTTTTT GNNGATANNI	300
ACAGAAAGCA TNTTGAAA	318
•	
配列番号:1004	
配列の長さ:320	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01141	
配列:	
GATCTTTCTG TCTTCTGGGT TCCATTTTTN AAATGTTTAA AAATATGTTG ACATGGTAG	60
TCAGTTCTTA ACCAATGACT TGGGGATGAT GCAAACAATT ACTGTCGTTG GGATTTAGA	i 120
TGTATTAGTC ACGCATGTAT GGGGAAGTAG TCTCGGGTAT GCTGTTGTGA AATTGAAAC	1 180
GTAAAAGTAG ATGGTTGAAA GTACTGGTAT TGTTGCTCTG TATGGTAAGA NCTAATTCT	i 240
THUCGCCATG GTHCATAATT NCCTATHCAC CTTHCCTHCC CCTTTHCAGC CCAATTAAA	300
GTTGGGGTCN TAACCTCAAA	320
配列番号:1005	
配列の長さ:315	
配列の型:核酸	•
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01142	
配列:	r 60
GATCTGGGGG CTCGAGACTC TGAAGGCAGG GACCCTCTGA CCATCGCCAT GGAAACAGC	C 190
AACGCTGACA TCGTCACCCT GCTACGACTG GCAAAGATGA GGGAGGCTGA AGCGGCCCA	M 120
GGGCAGGCAG GAGATGAGAC GTATCTTGAC ATCTTCCGCG ACTTCTCCCT CATGGCGTC	'W 100
GACGACCCGG AGAAGCTGAG CCGTCGNAGT CATGACCTCC ACACGCTGTN ACCCGAGGC	10 240 17 900
CACGGGGCCG CGCCTGCNTC CCTTCCCCGN NACCGNGCNN TCTGCCATTA AAGCCTCCC	315
GCTTCGNTCT TCAAA	310
TO THE 1000	
配列番号: 1006	
配列の長さ:315	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01143	
配列: GATCCCTTGC NTGCCCCTCC CTGTGGCAGG GCTAACTGCC TGGCCCTCCT GGCTCGCA	GC 61
CAGCCAGNCC CCTGGCAGCA GGTTCTCCTC AGGGCTTGGN TCTTCAACCT GTGGCGAC	AG 120
CAGCCAGNCC CUTGGCAGCA GGIICICULU AGGGCIIGGN ICIICAACCI GIGGCGAC	FA 12
GAGGCAGGGC AGACTGTGGA GGACAGGATG CAGGTCAGG AGAGGGAAGG CAGGGGTG	TC 24
CCGCCATGAG CATGAAAAGC CCGAAGCAAG TTGACTCTTN AATTTGCAAC TGTTATGN	ጉጥ ረበ
TGAAAATGAG AACGATGTAT CAANTTGATG CANTTTNGAT GTTGTACTTA CAATAANG	11 30

315

配列番号:1007 配列の長さ:315 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01144

配列:

GATCTGAGGN CAGGANTTAA ACCACAGAAT GTATNTGCCT GTAAAGCACA GGGGAAGAAA 60
CGACTCATTA GAACTACACC TGTTACATAC CATTCGGTAA ATGNTTTAAG NGGGGAATGG 120
TGTGACAAAC CTTCAAAAAAA NATGAACACC TTAATGTTCA GGACTGAAGC TAACTCCCTA 180
TGNTTAGGCA CAGCTTGATA CGAGCGGAGA CTTGGCAGTC AATTCCANGT CTTTTATACT 240
NATTACCTCA TCGTNACTGT NAGTGCAACT ATAGTCTGTT GTNGGAATTT GGNCATCCCT 300
TAGTNTCNGA TGGTN 315

配列番号:1008 配列の長さ:314 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01145

配列:

GATCAGAAAA AACAGAAGCC AAACTCGGGG TCATCTTTGT TTTTAAAGCT GAAGTGGGAC 60
TGTCTGGCAC TCTGTGTATT TATGCGTTCC AGCATCTGGA ACCTCCCATC CCTGCCCTCC 120
TCCTGTGTAG CTGCCACCTC CCCGCTGGGC CCAGCATGGC TCACCTGTCC CGTGGGCTGT 180
GTTTCTTGTT GTTTTCTCT TTGCAAAGAC ATAGCTAGGA AAGCGAATGA TAAGGGAAAA 240
GTTCTCAGGG AATTGAAGTG TTGTTGCTAT GGTGACGTCC TTTTGCTGTG AATAAAGGTG 300
CTCTTTTGCAG CAAA 314

配列番号:1009 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01147

配列:

GATCCACAAT AGTGGCATGA GGCAGGCGAC TGTNTGTNAC CTCTATGTCC GCAGAGTCCA 60
GCACGCTAAC AGCTGGGAGA TAAAAGCAGT GGAGAGGGCT GTTGGGGGGAC ATGCCATGGA 120
AACTACCTAG GACCTGTTCC CTGAGTTAAC ATTCTAGCCT CATCTACTTG TNTTGCCCCT 180
GCAGCTCATA TACANACTGG CCCACCATTT ACGNACCATC CCCTCAAGTA ATCTTAAAGG 240
TTCTCAGCCC ANACANATTA ACTGTTCTGA CCCCACCTNC TTAATAAACA ATCCTGGGNT 300
CAGCCATNTG AAA 313

配列番号:1010 配列の長さ:311 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01148

配列: GATCTGGCAG TTGAAAATTG TGGGAAAGAG AATTTGTATG GGCACTGTAT CTATGAAATA 60 CCTCATAACT TACGTTTACA TGTTTTCCTA ACTTTTNGTA TTTTCNTNGT ATAGCCACCT 120 AGAGAATTCT TCATAGATTA AGAACTACAG TTTTNACCAC TTAACATAAG TAAAACAAAG 180 TCCTTCATAA TTNAACCATT AGCATCTTTG GCCAAACCAA AATAAAGANA AGCATCTNCT 240 CCTAGTTGTG TGTGGGCAAC AGANACANGT TAAGGNAACA NAAATACTTA TATATACACN 300 311 GANCANANGT N 配列番号:1011 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01149 配列: GATCTCCCTT GGTCTTCCAT GGGATGGTTA GTGTGGAGGG GAGATATAGA TTGTCCGGCC 60 GNTTTGTGAT TCCATGGGAT TGATTCAGTC TTCTGGATTT TTTTTNCTGT ATATTTNGGG 120 TACTGGAGCT TTTAAAAATG CTTGGNTTCA GGTATTTTNA TTCATGTGAA GTGTATATGA 180 TTCTNTTGAG ATAAGGTTTT AAGCTAAAAT GTNACTCCCT GNTTNAGCNT CTGAACCCTG 240 ACAGATTNAC AGGGACTTTG CTGGTGTAGG CTTTTTAAAG GGNTTANTAN TCCACTTTGA 300 308 GCCTNAAA 配列番号:1012 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01150 配列: GATCTGGAGT TACCTGAGGC CATAGCTGCC CTATTCACTT CTAAGGGCCC TGTTTTGAGA 60 TTGTTTGTTC TAATTTATTT TAAGCTAGGT AAGGCTGGGG GGAGGGTGGG GCCGTGGTCC 120 CCTCAGCCTC CATGGGGAGG GAAGAAGGGG GAGCTCTTTT TTNACGTTGA TTTTTNTTTT 180 TCTACTCTGT TTTCCCTTTN TCCTTCCGNT CCATTTGGGG CCCNGGGGGT TTCAGTCATC 240 TCCCCATNTG GNCCCCGGGA CTGTCTTNGT TGATTCTAAC TNGGNNNGGA AAGAAANTAT 300 308 TATTCAAA 配列番号:1013 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01151 GATCCATGGG GCCGCAATGA AGCTTGGAGA TACATGGGTG GCTTTGCAAA GAGTGTTTCC 60 TTTTCTGATG TATTCTTTAA AGGATTCAAA TGGGGATTTG CTGCATTTGT GGTAGCTGTA 120

GGAGCTGAAT ATTACCTGGA GTCCCTGAAT AAAGATAAGA AGCATCACTG AAGATAATAC 180 CTGGAAGCAT CATAGTGGTT TCTTAACTCT CCAAAATAAG ATTTCTTCTC TGTAGCCTAC 240 TTGTCTGGTT TATCCCTTAC AGAATATAG TAAGATTTAA TCAATTAAAA TATATATATA 300 TGCCAAA 307

配列番号:1014 配列の長さ:306 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:MUNGSC1152

配列:

GATCGGTCCA CGAAAGTTAG CCCATATGTA TATCTTGAAT AGTATAGGGG AGGGTATTCA 60
TAAAGTCCTT ATGTGGTTTT AACTAAGTGA AATTATGGAC AAGAGAANNN NTTGTAAAAT 120
CGTCTTAAAG GCAAATTTAA TTTTNACTCC TGTTTATGGG ACATTCGTTC TATTAACTGT 180
CAGACACAAT TTCTGTTTTC ATCTGAGAGC CAGTTTTCCT TTATTTCTAC ATCTAAAATA 240
AGANCATATT GTACACTATT ATATAATACA GAATTGTCTT AAACTTTAAT AAATTCGCAT 300
TTTAAA 306

配列番号:1015 配列の長さ:306 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01153

配列:

GATCTCAGCA GTGGGGCAGG AGGGTGCCTG ATTTCGGGGA GTCCTGACCC GAGCCTGTTG 60
TCAGAGTTGG GAGGGGCTCT GAGCAGTGTT GGGCAGGCCG GGTCTCCCAT CCCGAGGCCA 120
GCGTTCCTGT GCAGAGCCCC ATCCACTGGT TCTTGCCCTG AGCCACATAT GTCTGTNCCA 180
TGGGCTGAGT GCCACGACAG GCCCGTGTGA CAGCTGCTGC CCACGCATNT NGAAGCTAGG 240
TGGGACTCAT TCCTAATTCT GCCGTTGTAA TGAGACTTGA TTAAAACACC GCCACTTTTT 300
TGCAAA 306

配列番号:1016 配列の長さ:304 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01154

配列:

GATCAACAAG AAATGTTATG AAATGGCCTC CCACCTTCGG CGTTCCCAGT ACTGACCTCG 60
TCTGTCCCTT CCCCTTCACC GCTCCCACA GCTTTGCACC CCTTTCCTCC CCATACACAC 120
ACAAACCATT TTATTTTTTG GGCCATTACC CCATACCCCT TATTGCTGCC AAAACCACAT 180
GGGCTGGGGG CCAGGGCTGG ATGGACAGAC ACCTCCCNNT ACCNATATCC CTCCCGTGTG 240
TGGTTGGAAA ACTTTTGTTT TTTGGGGTTT TTTTTTCTG AATAAAAAAG ATTCTACTAA 300
CAAA 304

配列番号:1017 配列の長さ:304 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01155 配列:

GATCTAAAGC AGGTNGTGTT GTTTACATGT TTCTACACAT TTCATCCTTT AAAAAGTTGT 60
TGAGAGAGGT TGTATTTACC TTCCCAAGGT TGGAAAGCAG GGGAATTTCC CAGTGTCCTA 120
GTTTTCCACC AGAGGAATAT GTGTAAGTAG CAAAGTATTT GCTGCTTACA TATAGTGTGT 180
ATGTATGTAT ATATGTAAAT NGTGTGTTAA AGAGCTGATA CTGATTTTCA TATGNCAATG 240
TTAAAGGCAAA GGCCTCCCTG CATTTGANGA GCAGGTNTTC ATTTATATGT ATTTNGGGA 300
TAAA

配列番号:1018 配列の長さ:304 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01156

配列:

GATCAGAAAT NAAGTGCAGC AATATCATGA ATTCTNAGAA GNCTTTAAGG GAGCCAGTNA 60
GTCATACAGT ATCCACAGTT GANTCACTTA AAGATGTCAG TATACGAACA TTATTCACAA 120
TCCTTGGGCA ATCTCATTTT TTTTCCCTTC TCCCCTCCTC CCCTGCCCCC ATACATTTNT 180
ATCCTTAANG TAGTTTTGGA GGGGCAGGAT GTACTTAACA TCTCANAAGC TAGATTGGGA 240
ACATNTCANT ATAAGACTGA GTTTAAATTT ANGGTTAAAA TGNCATCAGA ANANTTGGGN 300
GGGN 304

配列番号:1019 配列の長さ:169 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01157

配列:

GATCTAATAC TACTGTCAGT TTTAATGTGC ACTGTGTTTT ATACAGTATC TTTTTTTGTT 60
CACTINGGAA ATTTTTACTA AAAATTGCAA AAAATAAAGT ATTGTGCAAA GATGTAAGGN 120
TTTTTGANAC TTGNNGTGCA TTAATAANTA GACGATTAAN TCAAGGAAA 169

配列番号:1020 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01158

那列:

GATCCTCTAC CACAGACATT AATAGCTGAG CAGGAGCCAC ATGGATTGAT TGTATCCACT 60
CACCATTGAC GATGGCATTG AGCGTANTAG CTTATTTCCA TCACTACGTG TTTTTGAGCT 120
TGCTCTTACG TTTTAAGAGG TGCCAGGGGT ACATTTTTGC ACTGAAATCT AAAGATGTTT 180
TAAAAAAACAC TTTTCACAAA AATAGTCCTT TGTCATTACA TTATTTACTC ATGTGTTTGT 240
ACATTTTTGT ATGTTAATTT ATGAATGATT TTTTCAGTAA AAAATACATA TTCAAGAACC 300
AAA 303

配列番号:1021 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01159

配列:

GATCCTTNGG CTCAGAATCT CGAGAACCGC CTGCTCCTAA CAATTCAGCA AGTCAGGGGC 60
TTCCTCTCTG TTAGTCCCCA AATCCTTACT TATTTTAAAA AGACTAGACC CTCTCTAAAG 120
ACTGTTCCAT TTTAACATGT CCTGATTCTG CATCCGTGGG TTTTGTGAAA GAGAGCTAGC 180
TGGCGGTTAG AGCCTGGAAG AAGGAGGGAA GTGGCACCTC ACTAGCATTT ATCACTTTTT 240
TCCTTCTCTT TTTAAAAATA AAACCAGACT CTGTTCTGAA AATAAAAAAC TTGAGACTTG 300
AAA 303

配列番号:1022 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01160

配列:

GATCTGNCTT ATCCGAGCTT GTTATTGGGG AGCCATAAGA GTCAGTTATC CAGAACACAG 60
TTTTGCATAA GCTTGTTTAT GATCAGTAA TGCAGGTGAG AGTGTCTAGC AGTTCTTGGT 120
AAGCTACTCT GGACATCTTT AAATTATTTA TCCTAATGGA TTCCATTCTG GTTTATGTAT 180
AATCGTTTCA AGACTTTGGG AGTCTTTTAT GAACAAATGC TCATTGCACT ATATTATATG 240
CAAATTGTNN NGCTGCTAGG TTTTCAAAAT TTGAATAATA AAGCCTTTTC ATGTTCTTTT 300
AAA 303

配列番号:1023 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01161

配列:

GATCAAAATC CTGTACAATA CTATAAATAT ATATTNATNT TTTCACAGTC ACCAAGTGTA 60
TTGTAATGTA TACTTGAAAA ATGTTATAAC TTATGAAGTA AAGTTTCTNA TAGTAGTCTT 120
TAAAAAGATAT AAGACTTAAT ATGTTTTATT CAGCTTCTAT AAGTGTGACC AGTTTTNATA 180
TTTATTTATE CTAATATTT TAACAAGTCA TTTCAAAATA TGTGTATCTC AAATCCTCCC 240
NAAAGTGTTG TGGCCTTAAC TGTTCAGTAT TGCAATAAAA NATATATNTN NNTATGTGGT 300
AAA 303

配列番号:1024 配列の長さ:302 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01162

配列:

GATCTATGGA AAACTGGGAA TGTAATGTAG GATTCTGTCA GAGCTCCTAC AGAGCACAGT 60
TGCCTTTAGT TTCCTTTAAA GATGTAAAAA TATTGTATAA TACAGTTTTG TCCCTACACA 120
ATTGTATTTG CCAAGCTTAG TGCATTATGA TACCTTTATT TATTTGTTTT GGGCAGTATT 180
ACTATATATA TATAANCATA CAGTTACTGT TTTATATATT CTTAGGTCAT TCAAAGCCAT 240
GTATGCTGTA AATGTGCTAG TCTTTAGAAT GACACATAAT AAATAACTGA CAAGATATTA 300
AA 302

配列番号:1025 配列の長さ:435 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01163

配列:

GATCGAGCCA TTGAAAGCTC ATTACCAGTA GGACATAATT TTTGGCTCTC CCTATTCACA 60
ACCAGTGCAC AGTTTGACAC AGTGGCCTCA GGTTCACAGT GCACCATGTC ACTGTGCTAT 120
CCTACGAAAT CATTTGTTTC TAAGTTGTGT TTATTCCTGG AGTGACATGC CACCCCGAAT 180
GGCTCACTTT CACTGAGGAT GCTGTCCTCT GATTTAGCTG CTGCCTCCAG CCTCTGGCTT 240
GAGAACTTAC TAAAGGCACT TCCTTCCTGT TAAACCCCTG TTAACTCTCC ATAAATTTGG 300
TGATTCTCTG CTAGGCCTAA GATTTTGAGT TAACATCTCT TGAAGCCAAA CTCCACCTTC 360
TGTGCTTTTT TGCTTGGGGA TAATGGAGTT TTTTCTTTTA GGAAACCAGT GCCAAGGAAT 420
GNCAAAGGTN TTAAA 435

配列番号:1026 配列の長さ:298 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01164

配列:

GATCCACATC CTCTACAGGT CGGGGACCAA AGGCTGATTC TTGGAGATTT AACACCCCAC 60
AGGCAATGGG TTTATAGACA TTATGTGAGT TTCCTGCTAT ATTAACATCA TCTTAGACTT 120
TGCAAGCAGA GAGTCGTGGA ATCAAATCTG TGCTCTTTCA TTTGCTAAGT GTATGATGTC 180
ACACAAGCTC CTTAACCTTC CATGTCTCCA TTTNCTTCTC TGTGAAGTAG GTATAAGAAG 240
TCCTATCTCA TAGGGATGCT GTGAGCATTA AATAAAGGTA CACATGGAAA ACACCAAA 298

配列番号:1027 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01165

配列:

GATCCACTTT GTTGGTTGTT GTTGCAGAAG ACTGAACTGT TTTGGAATAN TTAACAATTA 60
CAGAAACAGT CAAGTGTTTT CCAATGTGGT TGTCCGGTTT CTATGGCCTT GCTGTGTACT 120
TTCCCTCTTT TTGACAGTAA ACTTCTGCCT ATGGCTTACA GTTTGACATT TAATTTATTA 180
GCGCTGCTCT GCACCCCTNC CTTGGGAGGG AGACTTCATG TGGTTTATTG CGAGTTTTTT 240
TGTTTACTTT TCAGGGTTNG TACCTACAAA GGTTTTAATA ATAAAAANCA AAGNTTTTTT 300

NGGCNATTNG TCTTGTCTTN GTGGGAAA

328

配列番号:1028 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:9UMGS01167

配列:

GATCTACAGT GCTGATGAGA AGAGAGCCCT TGCATCCTTT AACCAAGAAG AGAGACGAAA 60 GAGAGAGAAC AAGATTCTGG CCAGTTTTCG AGAAATGGTT TACAGAAAGA CCAAAGGGAA 120 GGATGACAAA TAAAGATTTT NTGATTGTCC AGAAGACATT TTTAACAACA AAAAAGAAAG 180 TCTGGGTTCC ACACATACAT AGAAAAAGAT TATTATGTTC TGAGAAAGCT TTACAGTGCT 240 ACTGTGCCTT CTATTTAATT CTTTCÂGTCC TTCAATAAAA AGCTGCTTAT TGATAAA 297

配列番号:1029 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01168

配列:

GATCCTGCTG AAATACATCT GCAGCTGACA ATGAGAGAAG AAACAGAAAA TGTCATGTGA 60
TGTCTCTCCC CAAAGTCATC ATGGGTTTTG GATTTTTTT GAATATTTTT TNCTTTTTTC 120
CTTTTCCCTC CTTTATGACC TTTGGGACAT TGGGAATACC CAGCCAACTC TCCACCATCA 180
ATGTAACTCC ATGGACATTG CTGCTCTTGG TGGTGTTATC TAATTTTTGT GATAGGGAAA 240
CAAATTCTTT TGAATAAAAA TAAATAACAA AACAATAAAA GTTTATTGAG CCACAAA 297

配列番号:1030 配列の長さ:296 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01169

配列:

GATCCAGAAC ATGGGAAGTT AGGGAAAATG TGTGATTTTG TGTTTTGAAT TACTGTCAGA 60
ATTACATACA CAATTACAAC AAACTTTTTT TAAAAAGACAT TTCATTGTAC TGCAAAAATC 120
TGAATATTTA TATTTCTNGT TTTTTTCTTT ATATGTTTTG CATTTTANTA TGTTGAGCCA 180
CTGGAAAATT TGTAACAGNT TANTTTGTTA TNGGCGTTTA ANTGTGTTGT CATTGNCTCC 240
ATTGTCTTTG TCCAGAGCCT ATTATTATGG AACCAATAAA NTTTAATGGG GTCAAA 296

配列番号:1031 配列の長さ:294 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01170

配列:

GATCCTAGTC CCCTGCCCTC TGGCACAGCT GCTTCCTGCA AGANAGCAAG TNTTTGGTCT 60

CCCTGAGAAG CCATGTCCCT CGTNCTGTNT CTTGCCTGTC CCACCTGTGC CCTGCCCTCC 120
AGCTTGTATT TAAGTCCCTG GGCTGCCCCC TTGGGGTGCC CCCNGCTCCC AGGTTCCCCT 180
CTGGTGTNAT GTCAGGCATT TNGCAAGGAA AAGCCACTTG GGGAAAGATG GAAAAGGACA 240
AAAAAAATTA ATAAATTTCC ATTGGCCCTC GGGTGAGCTG AGGGTTTTTG CAAA 294

配列番号:1032 配列の長さ:293 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01171

配列:

GATCTTCAAG AAGTGAAAGA GACCGAAAAT CAGACAGGAA AGACAAAAGG CGTTAATGGA 60
AGAAGCCAGG CTTTCTTAGC CATTCTTTGC AGCAGAAGAT TTCTTGATAA AAAAGGATTA 120
CCTTTCCTTG TAAAGAGGAT GCTGCCTTAA GANTTGCATG TNGTAAAANN NCTTTTTGGA 180
AAATACAGAC TGTTTGTTTA CCAGACATTC TNGTACTGNT NGCATAATNN GGTAAGAGTT 240
ATTNATCAAA ATNATGTGAG GTTCCAAAAT ATGTAAAANT GATATNATAA AAN 293

配列番号:1033 配列の長さ:293 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01172

配列:

GATCAGCGGT TCTTTTTGCA GCAAAGCCTG CATCTGTGTT GACTTGCAAG ATTTTGCGTT 60
TATTCAGGCA AAAACTGGTC AAAATGGTTA CTACATGATT TGTTCCCAGA GGTTTGAAAC 120
ATTCAGTGAA ACTTTTTAAA ACTTTGATTG CATGATGTAT TTTTTTTTNA GAAAGTTATT 180
GTTTGAGAAT AATGTCTTTT TATACCAGGA AAATAGTTAT CCNGAATGAC GTTGAAAACT 240
CCCCCTCCCC TTNATTTTN TTTAATCANT ACATGTGAAA GTNNCCANGC AAA 293

配列番号:1034 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01173

配列:

GATCCCAATT CCACATAAGC ACTTTTGGAA GAAAACAGCC AAAGTTGGCC TAAAATTGGC 60
GCTGGAATTT GGNCTGGGAA AAATCTTGTG GTTATTTCCT TTAAAAAGGA ACAAAACTTT 120
AGTATTTAAT TAGTTGATTT ATTTAATGTA ATTNCAAACA ATTAAATTAT GAATAATGCA 180
ATGTACAGTA GAATCACGTT TTGATTTTAT TAACACTGAC CAAGTTTAAC TCCATATGAN 240
GTGTAAGCTT GATATCGTTT ATGATGTCTA TCAACTGTAC CAAAAGTAAA ACATTTAAAA 300
NCANNAAA 308

配列番号:1035 配列の長さ:292 配列の型:核酸

PCT/JP94/01916 WO 95/14772

トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01174

配列:

GATCTCAAGT GACCCGCCTG TCTCGACCTC CCAAAGTGCT ATGATTACAG GCATGAGCCA 60 CTGCACCCAG CCAAACATGA CTTTTCCATC CAGAGTAAAT CCAACTAACA AGAATCCACC 120 CTTGGAGTTC ATGTAAAAAT ACATGACACA GGGTGATGAA AGTGCTTTGA AACTAGATAC 180 AGGCAGTGGT TCTATAGCAT GGTGAATGTA CTCAAGGCAA CTTCTTTACT TTAAAATCGT 240 292 TAATTTTATG CCATGTGAAT TGCATCTCAA TAAAAATTGT TTTCATTTTA AA

配列番号:1036 配列の長さ:363 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01175

GATCGGGAAC TCCTGCTTCT CCTTGCCTCG AAATGGACCC CAACTGCTCC TGCTCGCCTG 60 TTGGCTCCTG TGCCTGTGCC GGCTCCTGCA AATGCAAAGA GTGCAAATGC ACCTCCTGCA 120 AGAAGAGCTG CTGCTCCTGC TGCCCTGTGG GTGTGCAAGT GTGCCCAGGG CTGCATCTGC 180 AAAGGGACGT CAGACAAGTG CAGCTGCTGT GCCTGATGCA GGACAGCTGT GCTCTCAGAT 240 NCCHNTTTGT AAAATTTTTT TTTNNNTGAA ATANGNAANG GNAATAATTN ATCNGGNNTN 360 TTN

配列番号:1037 配列の長さ:288 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01176

配列:

GATCTTGGAA AGCACTAGAA ACTAAACATC TTCACCAGGT GCTGAAGAAA AGTGTCTTCG 60 TTTTAATTGC CAAGCAGGA TGTGGACATT TGGATGGTGA CTTTCCTGGG TGGTTCCCCA 120 TAGATTCACC ATTGCCTCTA ATGGTGTCTA CACCCGTCAT ACTACCAGCT GAGATGGTGG 180 TGGGCATAAG GAGAATTTGT GCCTATAACC CTTAGTGTGT TCTGGTTTTT TTTCTTTTAA 240 TTTTTAAATT GTCGTAAAAT ACTCATAAAA CATACTGTCT TCACCAAA 288

配列番号:1938 配列の長さ:288 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01177

配列:

GATCACCTTG TAGTCTTTAA ATTCTTGGTC CCTGAGGCCA AGTCCACAAC TTGCCTTCTA 60 GTCACTTGCC TGCCCGCAGT GGTGGTGGAT GTGTTAGCTG GTAGATTTGG AATCAGTCAC 120 CAGTCTTTCT GTACTGTCTT GGTTAGCTCT ATATAAGTAG GGGCAGCTTA GCCCTGAGGC 180 CCAGAGACCT GCTGTCCTTT TTCTCCTTGA GGGAGGAAAT AAAACTGCGG AATACAATGT 240

## CCTTCCATAG CATGGGAAGA AGAAAATAAA CATCTCCTTT CCAACAAA

288

配列番号:1039 配列の長さ:288 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01178

配列:

GATCCACCCT CCTGTAAATA TGGAACAAAT ATCTGAATGA AATCCACCCT AGGAGACGGA 60
GCAAACTAAA CTTGTGGTTT TNCATTTAAC TTTTGACTAC AGCATGGCCC CATGGCATCC 120
ACACCAAGAG GGTGTTGTGA TGAGGTGCCG GTGTGCAAAG GGAACTTTAG TTTTTCCACT 180
GGTTCTTATC TGCTAGCCTT TTACATACAT GTGTACTATA TTTGTTTATA GACTGTAGGT 240
GGATATATAA TTTAAAAGCT TGATTTAATA AACATTTAAC CCCNTAAA 288

配列番号:1040 配列の長さ:287 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01179

配列:

GATCTTCAAG TATTTGCNAC TTTCGAGTAC AGCTAATTGG ATAATCTCAA ACCCTTTAGT 60
GAAAATATCT TAAATGCATT GAGAATATTT CCTAATTACC TGTGTATGCT ACAGTACAGA 120
CATTAATTCT ATAAACATGT TCATAGGTCT TCCCCCTCGC CCCGNCCGTC TTCTAAGGGC 180
ATTTCCTGTT TCTNTTNAGT GAGTTCATGN ATGTTTACCG GTTCTGGCGN AANGTTTCTT 240
GCATNCTGAG CATAAAAATA NTAAAACCNA CTGATANTTG CTTGAAA 287

配列番号:1041 配列の長さ:289 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01180

配列:

GATCTGCACA CGCATAATAA TCAGCATTGA GGGCAACAAA ATGCCATTGT GACCTTGCCT 60
GGAATGTGTC CCCATCTCTA CTCTAAGAAA TGCGCAATGG ACTCTTTGGA GAAAGAAGAT 120
ATTTTAAAAC ATTTTTAGTG TGTCTGTAAA TGGTTCAGCG TGTATCAGAT GTTGTCATAG 180
GACTCACATT TCTCTCAGTT ATATTTAAAA CCGTTGTGTA CTTTGTACAA NGGAATACTA 240
GTCATACTTC TATAAACTTT NCACAATAAA ATTNTCATTC TGGGTTAAA

配列番号:1042 配列の長さ:287 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01181

配列:

GATCGCACCA CTGCACTCCA GCCTGGGNAA CACAGTGAGA CCCTCTCTCA AAATAAATAC 60

AGNCAGGCAT AGTGGCTCAT GCCTGTAATC CCNGCATTTT GGGNGGTAGA GGTGGGTGAA 120
TCACCTGAGG TCAGGAGTTC ANGCCCAGCC TGGCCAACAT GGCGAAACCC CATCTCTACT 180
AANTATACAN AANTTAGCCA GGTGTGGTGG CCTGCACCTG TAATCCCAGC TACTCAGGAG 240
GCTGAGGTAG CTTGANCCCN GGAGGCANAN NTTGCAGTTA NGCCAAN 287

配列番号:1043 配列の長さ:286 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01182

配列:

GATCTCTCCT GGAGTATGAA GACCTCCAAG GACTCACTT CCCTCCCTTC TGATGCCAGA 60
GCAGACCAAG CTGTCACACT CCAGTCTCAT GCTGAAGTCT CCAGCTTCTC AAGCTTAGAA 120
GAGTTTTTNG AAGAGTCACT TTCAGCTCAT GCAGCTCTCA CAAGTGTGAA GGGAGTGGAT 180
TGGGGGTGTT TTCCTTGCCA TTTTCGAAAA GAAAAAAATT ACCTGGTGAT TGGTGGAAAG 240
ATACAACTGT CAAAAATGCA TGATTGAAGC AATTTAGGTT GGGAAA 286

配列番号:1044 配列の長さ:286 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01183

配列:

GATCAATAAA TNATACCAAA TATATGTTTA CAGTATGATT TAAAGTCTGA TTCAGACCAG 60
GGACTCTATT TTAAGTTCAA CTGAAATAAC ACTGGGTTTT AATTATATCA CAGGAAAAAA 120
AAAGTGCATT TAAGTATTGT NATCGTGGAC TTTATAAAAAG CAAAGGAAAT TGAAAGTAAC 180
TTTNGATTCT GTATCANGAA TCATATTTNC ATACAGTCAT AACTGTCTTN CTGTGACCCT 240
TTCACAGGGC ACTGTAGGAT GGATTAAAGG TGGCAATTTA CTGAAA 286

配列番号:1045 配列の長さ:439 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01184

配列:

GATCATACCG GTAAAGCAGG AATNACAAAG CTTGCTTTC TGGTATGTNC TAGGTGTATT 60
GTGACTTTAA CTGTTATATT AATTGCCAAT ATAAGTAAAT ATAGATTATA TATGTATAGT 120
GTTTCACAAA GCTTAGACCT TTACCTTCCA GCCACCCCAC AGTGCTTGAT ATTTCAGAGT 180
CAGTCATTGG TTATACATGT GTAGTTCCAA AGCACATAAG CTAGAAGAAG AAATATTTCT 240
NGGNGCACTA CCATCTGTTT TCAACATGAA ATGCCACCAC CATAGANCTC CANCAGCATC 300
ANTTNCATTG CACAGACTGA CTGTNGTTAA TTTNGTCACA GNGTCTATGG ACTGANTCTA 360
ATGCTTCCNA AANTGTTGGT TTGTTTGCAN GTTTTCGANC CGTTGTTATG GCANGANGTT 420
NGTTTAGTTT CNGNTTGTN 439

配列番号:1046

配列の長さ:285 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01186

配列:

GATCTGGAAA CAGTTGAAAA CGAGACAATA TAGCCGGAGA CGCCTTATAT GATGATGCAG 60
TATCGACTAC ATTAATGAAA GTAATGCCAA ATNCAACAAG AAAGCTGAAG ATTCTATGGG 120
AATACACAGC TGAATTAACA GATTTGGAAG AGAACANCTG NTAATCCTTC AGGACTGTTA 180
TAGAGTTNAG ATGGGTAAAT TCTCCTANAA ATCAAGTCTT TTGAATTTNC AGAATCAGAN 240
TTAGAGCCNG CTCTACTAGA TTGNATAANT GNGGTCTAAC GGAAA 285

配列番号:1047 配列の長さ:285 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01187

配列:

配列番号:1048 配列の長さ:283 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01188

配列:

GATCGAAGTG ACAAAGTGTG TTTTCANTCA CAGTGGAGGC TACATCAAGC AAGGGAGGT 60
CCAGCCCTCT TGCAAGTGTG GTGAGAGGCT CTACTAGCAA AGACATGGGC ACCGGAGTAG 120
GTCCCGTGTA GCATGCGGGT GCTGTAGAGA AAATTCAGTG ACGTACATGG CTCTGGTTCT 180
GGACACAAAA TCTGTACTGG AGAGGAAATG ACTGCTGAAA TAAGGCGATT GTATGAATAT 240
TTAAAAATGCC TGGAACACTA AAGTAAAGTA ATGATATTTC AAA 283

配列番号:1049 配列の長さ:283 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01189

配列:

GATCCTCGCA GCTTCCTNCG AGCGGGGTGT CGCAGTCTTG TGCACAGAGT AAACTTTNCT 60
AGCTGCCCCT TTCTGTAATA GTGAAAGTTG GTATTTAACA TTTATNCATT TTTAAAATAT 120
TTGGAAGGTC TGANCTTGTG AAAAGAAAGT GGTTGGNCTG AGGTTGGAGG NAGCTGAATG 180
GAATCTNACG GTTGGNAGTG GTGGAAATTG GAAGGATACC AGGAGGTATT TGGGAAGGCC 240

AATGGCGTGG CTCCTTTGAG GAAATAAAAC ACTAAGCATG AAA

283

配列番号:1050 配列の長さ:281 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クコーン名:HUMGS01191

配列:

GATCCTTTC ATACCTNATT TGGAATTGCT GGATTGTAAC TTTTGGNAGA AGAACAGATT 60
AAACCTGTTA ATCCTGTCTT TTGCATGCCT GAAGAAGTGC TTCAAAGAGT GAATGTTCAG 120
CCTGAGCTAG TGAGCTAGAT TCATTGAATT GAAAGTTGCA TAGTATAGTT TTGCCATTTT 180
AACATTTCTG TATTTNAAGT GCTTATCGAA TCTAAAAGTG ACTACTGTNA ATATTNNGTA 240
TATNGTGTNA AATTAATTNN ANTAAATNAT ATAATTNTAA A 281

配列番号:1051 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01192

配列:

GATCAATGAC AGAGCCTTCT GGAGGACATT CCAAGACAGT ATACAGTCCT GTGGTCTCCT 60
TGGAAATCCG TCTAGTTAAC ATTTCAAGGG CAATACCGTG TTGGTTTTGA CTGGATATTC 120
ATATAAACTT TTTAAAGAGT TGAGTGATAG AGCTAACCCT TATCTGTAAG TTTTGAATTT 180
ATATTGTTTC ATCCCATGTA CAAAACCATT TTTNCCTACA AATAAA 226

配列番号:1052 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01193

配列:

GATCACAGCA TAAAAGAATC ATAAGATAAA ACATCAAACT ACCCAGCAAC CTGAGAAGCA 60
CAGAGTGTTA AAGCCTCCAC CGTGTGAGAA ACTAAATTAG GGTAACTAGC TATTGAGTAT 120
ATTGAGTACC TTCAAAGCAC TCAACTGACA GGTTTTACAG ACTGGAAATT ATAATACTTA 180
TGACATTTCT ACCTTTATA TAACCAATAA TCTACCATAG AATGTAGTAT TTTTANAGCT 240
ATTAGCANGC AATATATTAN NNTANTANTG NATTAAA 277

配列番号:1053 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01194

配列:

GATCCAACCC GAATAAGATT AGAAGCTTTC CATCAGTAAA AGGATGTTTT CTTTTTCAC 60 ACAGTAAAAA TTCTTATCAT TCAAGGATAT TGGAACCACA GGACTATTTG GATAAAAAAC 120

ATTATTTGCA	AATTAATGCG	CATAGGCCAT	CTTACTTTTA	TTGCAAAATG	GCATGTGCTG	180
CCATCTATTA	TTCATTTTTA	AATGGTCATT	TCTTATTCAG	TGAGTGCTTT	AGTGTTTTAA	240
ACTATATGGA	TAAGAATGCA	GGTAGGATAA	TATTCTN			277

配列番号:1054 配列の長さ:283 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01195

配列:

GATCCTGAGG ATTACAGCTG TGGAATTTTT GTCCATGCTT CAAATAATTT TGAAAGAAAT 60
TTTCCCATAT NAAAAAAGGA GAGAACACTN GCATCTGTTG AAATTTGGAA NTTCTGAAAT 120
NATAGTATTT TTAAAAATTG CACTGAAGTG TATACACATA AAGCAGGTCT TTTATCCAGT 180
GAACAGGATG TTTTGCTTTA GCAGCAGTGA CATAAANTTC CATGTTAGAT AAGCATNTGT 240
TNACTTACCT NGTTATTAAA TATTTNTTGG AAAAGCAGTG AAA 283

配列番号:1055 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01196

配列:

GATCTGTGTA TGCTGTTGGG TCGGAGTGCC AGTNACTGCT TTGGAAGTCT GNGTTCTGGG 60
GCTGCAGAAT GACAAACGTG TCATGGGATT AAAACCAATC AACTGTGAAT TGTGAAATTG 120
AAGCTACTCT TTCGGTTTTA TTTTCTTTAG CATATTGAGT ATAGAAATCT GAAACTTATT 180
TAAAATTTAT ACTGCTTTG TTGATGGCTC ATTTTGGCTG TGTATCCTCA CTTATGTACT 240
GATTTCTGAT AAAGGCTTGA CATTATTATA ACANAAA 277

配列番号:1056 配列の長さ:103 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01197

配列:

GATCGACCTT NTCTGTTTTN TTTTGTTTTN NTTTCTNTTT CCTGGCCATG AGGACAAAAA 60
TTACTGAGTG GCCCTTAAAG AGGGAAGTTT GTTTTCAGCT GTN 103

配列番号:1057 配列の長さ:291 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01198

配列:

GATCGACCAC ATCCTGGATG CCCTGTAGCC CCTGCCCGCA TCCTCCAGGG GGCCCAGGGT 60 GCCTGCACTT TNCTGTGGCA GGCAGATTGG GTGGTAGTGG GAGGTTGTGC ATGGAGGCCA 120 GTNAAAGCTG ACATCTGTAA AAGGCCTTCA AGGAAGAGA ACCAGGCCCT GCGTCAGGCA 180 GTGTGAGTTT GCCGTTTGTC CTTAACTTC TTTTTTTTT TTTAAAAAAA GGAAANNTTT 240 AAAAAANCTC CCTTTAAAAC CAAANCATNT TTGNNTTTNN NCCAAGGGAA A 291

配列番号:1058 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01199

配列:

GATCCCGCTC TGTNTTTCC AGGTTTGTGC TATTCTNATT ACATTATCGA CTAGTCTGAA 60
GCAGAGCTGA TATCTCTTTA CCTGGGGAGT CAGCTTCACC AGCCACAGCT GCTGAAAGAA 120
TAGCTTGGAG ATTTCACCCA CTGCAFTTCT GTNGCTCAAA CTTTTTGACC TTTGTGCTAT 180
TTGAGAAATC TTTGAAATGC TGAAGGTATG ATTCTCCTTC AGGGGGAACA TGCTTTGGGA 240
AAAACGCCCA CTTAATAAAA TGTATTTCNT TTCAAA 276

配列番号:1059 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01200

配列:

GATCTGTATA TGGTAAACAG GGGTTTAACC ACATGTGGTT AACATGGATT AATGTGGGAN 60
TTTGGCTTCA AGAACACAAC CTTAGGACCT TGGNCCCCAA AAGCTGGTGG TGAAATGAGA 120
GGNGCCAATT TAAGAAGACC CTTATGGAGA CCTGAGGCTG CAGAAACTGG TAGGTTCAT 180
CAGGTGGTTA AAGTCGTCAA AGTTGTAAGT GACTAACCAA GATTATTTCA TTTTAAAACC 240
ACAGAATAAA AATGACACCT GAGCTTCTCT NTNAAA 276

配列番号:1060 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01201

配列:

GATCTAGTTC CCCTGGAAAA GCTGCTGTAT TTTTAATTTT TAATGGAATG TAGCTTTNN 60
AATCCTGTCA CTGGCATCAA CAAAAGGAAT TATACCATGA GACCTTATAG CTGTACTTAA 120
AAGCCATTCA GTTCAGCTAT TGGGAGTTCA TGATGAATTA GCATATGCCA GAAAGGTTGC 180
TAACCTTAAC ATCTGAGAGC AGTAACACTG ATTTTATCTG CTGTATGAGA CTTTGTGCAT 240
TTTACTTTGA AATAAAGATT TTTTTCCACA CTGAAA 276

配列番号:1061 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01202

配列:						
				TTCACACTGT		60
				ATAAAAAAA		
TTACAAAAAC	AAGACACCCA	AGTCCAGGCC	CAAGGAGTAA	GTACAAATAT	TCCTGTTTCT	180
GANCCATTAC	TGTAATTGGC	TCTNAAGNCT	TGAGGTANCC	TTATAGGTTA	CTCATAGGGC	
ATATACAAAT	AAACTNGTTT	GTTTTCTTTT	TNCAAA			276
配列番号:	1062					
配列の長さ	: 275					
配列の型:	核酸					
トポロジー	:直鎖状					
クローシ名	: HUMGS0120	3				
配列:		ŝ				
				AAGCTGAGGA		
				ACTTTTCTCG		
				TTTTTGACCA		
				ATATATATT	CTTTGTCTAA	
TTTAATATGT	CAAATAAATG	AGTTCATCTA	ATAAA			275
配列番号:	1063					
配列の長さ	274					
配列の型:	核酸					
トポロジー	:直鎖状					,
クローン名	: HUMGS0120	)4				
配列:					•	
				ACAGGAGAAA		
				TTTCTGACTG		
				CATGCCACAC		
				A AAGCTTTGTA	A TTAAAAGAAA	
TANATANTA!	T AATAAAAAG'	r ctgtgctgt1	C GAAA			274
配列番号:	1064					
配列の長さ	: 274					
配列の型:	核酸					
トポロジー						
クローン名	: HUNGSC12	C5				
配列:						
				A GTCACCTCC		
CGGGCGGGG	G TGTGACACC	T CTCCCCCAC	C NCCGACTCC	G TGGTTTCCG	r ategteaac	; 120
CTTCAGCCG	C CGACCCGGG	A GGGGTCTGG	C CTACACTGG	T CTTCCCCTT	U CUATCAACTO	180
				C GGTCCTCCC	U TITTTCCTC	
CCCTGACAA	T AAAGTCTGA	A TTTGTTCTG	C NAAA			274

配列番号:1065 配列の長さ:269 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01207

配列:

GATCTATCCA TCCAATGTTG TCATTATATT TGACTGTGGT TCAACAGTAT TGCGTTGTCA 60
GACTAGGAAA GTTAAACGAA CAAAATGGTT TTAGTTTTGC TGAAGACTGG CCTTATTAAT 120
GGACAGCTTT CCTAACAAGA GATTATTAAC TTTTATCAGG TGTTAACATC TGTTTCAGGA 180
ACATGGCAGT ATGTTTACAT GTCAGAAGTT TTGTTTAATT CTATGGTATT TCTAAATTGA 240
CTTGTTTAAA TAAATTCAGC AAATGGAAA 269

配列番号:1066 配列の長さ:269 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01208

配列:

GATCTGGTTG GCATTTTCTC CCTGATGATG GGAGCGTCAT TCTTTTGTCT TCATGGTTAC 60
TTGTGTGATA TAACATACAT CTGTNAAAGA AAATCACTTC TTTCTAGGGG AGGGAGGTAG 120
AAAAGTATCT TTCAAACTTG GTTTTTNAGT TTGTNTCTTG TCTTAACTTT GTGTNGGCTC 180
TAACTNAAAC ATGCTGATAT GTGTTNCAN GANTTTTGGT TTAAGGANGT ATTGTATGGA 240
NGTCCACANA TTGGNAGGTN GTTCATCTN 269

配列番号:1067 配列の長さ:269 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01209

配列:

GATCGATTAA GGAAGGTGGT TATGGCTGGG TGGTTCAGGG GTTTTTTTGG GTTTNTTTT 60
TTTTTTCTTT GTCTTTTNAA CCTAAAGCTG TTTAAGTTGA AGCATTCTNA GATGTTTGGG 120
GGGAAACATC CTCTNAAAAT GGGNCCTTGT GCTTGCNTTC TGGGGAGGCG GTCCTGAGCA 180
GGTGANTCAT ANGGCATTTA TGCATATGTN ATATGNGGAC TGNACCCACC TTTCCCCCCN 240
AGCCTTTGCC TCTTGGGTTG TTGTNCTGN 269

配列番号:1068 配列の長さ:268 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01210

配列:

GATCCTCTTT GTTTGTNCAA AGGACCAGTT TTCCTAGGCC AAAGAAGTCT CTNCCCCATG 60
TAAGNCCTAT GCCTTNAAAT ATCATGCACC ATGACCCACA GCCATCTGGT TATGTCTTAT 120
TTTTTTCCTA AAAGATAATG TTTATNNTTA AAAAGGAAGG ANGGAGCAAG TGAAGTTTCA 180
TTCTGCTCCA GCGGTGGGGG ANGCCGCTGA ATCCACCTGN TTCTCCTTTT GCAACCGNCA 240
GCANGCAGCT TTTCTCCGGG CNNCAGGN 268

配列番号:1069 配列の長さ:267 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01211

配列:

GATCTAGAAG GTGAAGAATT TTTTNATGTA TATATAGACA TATCTATATA AATNGTCTGG 60
CTGAGGCAGG GCCTTCANCT ATCATTTGGT TAATAAATAC ATTTNAGTAT TTNCATTTCC 120
TACTGCCTGC AGAGTTTCAG GTGCTTGTNG TGTGAAAGTC CTGTAGATGT GTGCAAATTT 180
AACGAAATGA AATTGTATGT GTAAAANTGT ACGATTTTCC ACTGTGCAAC TGTAAATNAT 240
AAATAANANA TATTTTTNCT ATTCAAA 267

配列番号:1070 配列の長さ:266 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01212

配列:

GATCCTAGTG ATTTCAGCCC ATGCATTAAA CAGGAAACAA TAATAAATTT GTAGAATTCA 60
TATTTTTCTA AAGGGAACTT AAAAACTGCT GCTACATGTT ATGTACAAAA CTGGTTTATG 120
CCACATGGAC AGAGAATCAC ANGTTTGGTT TTGGTACTTT NNGTTCCTCT TTGTATTCAG 180
TTGTATAGAC CTNCCAAATT CAGAATGAGA NGAAAGCTGT CTGTATCAAA CCATTTANGC 240
ANTAATTGTT ATATNTNANA GCTAAA 266

配列番号:1071 配列の長さ:266 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01213

配列:

GATCCAAGTT ATACATGAAT AGAAAAAGAT GGTGTTAAAT TTGTGTGTAG GCTGGGAATT 60
CTTGCTGAAG GAATTGGAGA AAACCTGTTG CTGCAAAAATT TTACATGTTC CAGATGGAAA 120
GGGAAGTCTA AGCNCTTTTT AAAACAATTT TTTTTTGTAT TTAATTAAGC AATTNCAGTT 180
ATCTGGGATT TTTGGGTCAG AATTTTAAAT TCTGTTTGAT TCTCCATATT CCAGTNAATA 240
AAATACAAAA GCATTGTNTT TTTAAA

配列番号:1072 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01214

配列:

GATCTTCAAT TCCTTGAGTC TGAGCTTGTG GGTGGAATTC TAAATTTGTA TCATAATCTG 60 TCTTTTGTGA AACATTTTGA AAATATGTAT ATATAATATT GTATATGCAA ATTGTGTTGT 120

TTCACTTGTA AAGGGAAAAG GCTTATTTTN CTTTATATTT CTGATAACTT GTTTTGCATA 180
TGACCAGCAC TGACTGAAAG GCATGTGTAG CTGCAAACAC TGTTGCTTTT TTTGTGAAAT 240
GNAAATAAAA GTATTTAAAT ACAAA 265

配列番号:1073 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01215

配列:

GATCGTGCCA TTGCACTCCA GCCTGGGTGA CAAGAGCAAA ACTCCATCCC CCCTGCCCAA 60
AAAAAAAATN AATTTCACA GAAAATTAAT AGCATAGGTA TTATNATCCT CATTTTACAG 120
AGAAAGAAAC AGCCATAGAG AAAAATGACT TGCTCACAAC ACAGGCAACT TTGACTCTAG 180
AGATANCACT TATTACAGTA AAATCCCTCT TCAGNCACAA AATACATGAT TATCTTAAAC 240
ACATTCTTAA TAAAANTTTA NCAAA

配列番号:1074 配列の長さ:268 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01216

配列:

GATCAAAGAT TGTAATAATA ATTTTGTAAA TTGTAAGCAA AAAGTTATTT TTATATATA 60
TACAGTCTAA TTGTTCATCC TAATTGTTCC TGTTTTCATC TAGTCAGAGA TTCAGTAAGT 120
NCCTTGGAAC AATATTGAAT TCTCTTAGCT TGTGTGTGTT TCTTTAATAT TTGAACTCAA 180
GTGGGATTAG AAGACTATNA NNNTACATGT ATGTTTCAGG ATATTTGACC TGTCATTAAT 240
AAAAACAAAC AGTTTTACAG TGCCTAAA 2668

配列番号:1075 配列の長さ:305 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01217

配列:

GATCTCCATG TAGTCCATAT GAAACCTGCA GAGTGATTTT CCAGAGTGCT CGATACTGTT 60
AATTACATCT CCATTAGGGC TGAAAAGAAT GACCTACGTT TCTGTATACA GCTGTGTTGC 120
TTTTGATGTT GTGTTACTGT ACACAGAAGT GTGTGCACTG AGGCTCTGCG TGTGGTCCGT 180
ATGGAAAGCC TGGTAGCCCT GCGAGTTAAG TACTGCTTCC ATTCATTGTT TACGCTGGAA 240
TTTTTCTCCC CATGGAATGT AAGTAAAACT TAAGTGTTTG TCATCAATAA ATGGTAATTC 300
CTAAA 305

配列番号:1076 - 配列の長さ:263 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01218 配列: GATCCTGTAA GTTGTCATCA AAATATGATT TAGAAATATT GGCCAAGGTG TTGCTTTAAC 60 TGAGGAGAAA AGAAAGCACA CTGCCTAAAT GTGTAAAAGA AAAATGCAGA GGTTATTAAA 120 ATGTAAAGAA GTAACAATCT TTGGATTTGT CTATACATAT ATATATATA ATATNGNTTT 180 GCCTTAATAT ACCCCCTTTT TTGTTTGTGA CTTTCAACTG TAATCAGTTA ATAAAGTATT 240 TATTCTCTGC ATTCAGGTTC AAA 配列番号:1077 配列の長さ:354 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01219 配列: GATCGACAGC AAGCAATCCT TAAGGGACTT TCAGAACTGA GACAGGGCCT TCTCCAGAAG 60 CAAAAGGAGT TGGAAAGTAG TCTCCTGCCT TTAGCTGAAA ATCAAGAAGA GAGTTTTGGT 120 TCTTCATTTT AAATGTAGAA AATCAAATCC TTCACATTTG ATTTGTGTCT TCCAAATTAT 180 AAAATGTGCT CACTGGCTCA ACTGTATTTT TCAAATAGCC TAGATTTACT TATTTTTTTA 240 ANNGNNCATT AAAAACTTGT ATACTATGTA GTAAAATGCT GTACTTGTNC TATACAATAA 300 ANCAGATACT TCTTTTGTAA AAGCTTAGTA GTAAAACNCC ACCNNNNNNN NNTN 配列番号:1078 配列の長さ:260 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01220 配列: GATCGTGCCT GTGAATAACC ACTGCACTCC AGCCTGGGCA ACATAGTAAG TAAGACCTTG 60 TCTCTTAAAA AAAATACATT CTGAAGAAAG TTCTACTTAT GANTACATTT TATTTATAAC 120 AAACTGGTGA AAATTTTAGA CCAAACCATG TCTTTCTGGG TTGTAGTGAT TAAAAAATGG 180 TTAAGAGAAT GTTCCCTATA CAAGGCATAT GTTATTAANC ATGAAATTTA GGNTTAGTTT 240 260 TCTCTTTGAA NNTCCTTTTN 配列番号:1079 配列の長さ:260 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01221 配列: GATCCCGAGA CTTGTGTTCT CTTGGCTGAA NACACTNAGG TGCTCCCATC TGTNCGTGGC 60 CCATGANCTG GGATGGTCCT CCAGCTGCCC ACAAGGTCCG CCCCTCTNTC TCTGCACCAC 120 CTGTTTGCAT AAACACACTT TGCTACAATC TTGCTAGTNC GTTTTCTTAA AAGATAATCT 180

260

ATTTACTGTA AAAATAAATT GGACTTTGCA AAAGCTTTTA GAAGGAAAAG AAAGAGGATT 240

AAAGAGAATT GCTGGTGAAA

配列番号:1080 配列の長さ:259 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01222

配列:

GATCCAAATT TCCTTTTGAT ATTATTTAC TTCTGCCTGA AACATTTTCT TTAACATTTT 60
TTATAGTGTT GTTTTACTGG TGATGATTC TTTCAGGTTC TAAGTGCCTG AACAAAATCT 120
TTATTTCACC TACATCTTGA AAGATAGTTT CTCTGAGTCT ACAATTCCCA GCTGACAATG 180
TTTATCTTCC AGTACTTTAA AGATGTTGCT TCATTATCTG CTAATTTNNT TTGTTTCCAA 240
TAAAATGTTT GCTGGCAAA 259

配列番号:1081 配列の長さ:316 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01223

配列:

GATCTGCGGT GAAGCCAAGC CGCAAGGTTA CAAGGCATCC TCACCAGGGA TACCCGCCTG 60
CTGCTCCCAG GTGGCCTGCG GCATNGCTAT GCTCAAGGAC CTGGAAACCC ATGCTTCGAG 120
ACAACGTGAC TTTAATGGGA GGGTGGGTGG GCCGCAGACA GGCTGGCAGG GCAGGTGCTG 180
CGTGGGGCCC TCTCCAGCCC GTCCTACCCT GGGCTCACAT GGGGCCTGTG CCCACCCCTC 240
TTGAGTGTCT TGGGGACAGC TCTTTCCACC CCTGGAAGAT GGAAATAAAC CTGCGTGTGG 300
GTGGAGTGTT AGGAAA 316

配列番号:1082 配列の長さ:259 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01224

配列:

配列番号:1083 配列の長さ:258 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 - クローン名:HUMGS01225

配列:

GATCGCTTCA CATNTATAAA AAAAATAANA ATACCCGGGC AAGCTTTCTT TGAAGNTGCT 60 ACAGCATTAA ATATCGAGAA TTTTGGGTGG GAGAGAGCAG TTCAATTTTC TTTACCAGCT 120

GAAGTTCATT TATGATACAA AAGAGATGAA ATGGAAGTGG CAATATAAGG GGATGAGGAG 180
GCATGCTGGC AACCCTTCTT TTAAGATGTG CTCAATTTGT ATAANTGGTG TTTCATGNAA 240
TAATCATCTT GGAGGAAA 258

配列番号:1084 配列の長さ:342 配列の型:核酸 ドポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01226

配列:

GATCGCCGCC CAGGGTTCA CGGTCGCAGC CATCTTGCTG ACGTCTGNCT GNCACTGCTA 60
TGAAGTCTCG ACCCTAAGCC CAGGGTCTGG CCTTGAAAGC TCCGCAGAAA TGATTCCANA 120
ACCCAGGGAG CAACCACTGG CCCTACCGTG GGACTTACTC CCTCCTCTCC TTTGAGAGGC 180
CCATGTGTCG CTGGGGAGGA AGTGACCNTT TGTGTAACTG TAACCGAAAG TTTTTTCAAA 240
AATCCTAGAT GCTGTTGTTT GAATGTTACA TACTTCTATT NNNGCCACAT CTCCCNTCCA 300
CTCCCNTGCT TAATAAACTC TAAAAAATCCA CTTGTATTTA AA 342

配列番号:1085 配列の長さ:260 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01227

和利:

GATCTAAGAA GANACTAGCC TTGTGGAGTA TATAGATGCT TTTCATTATA CACACAAAAA 60
TCCCTGAGGG ACATTTTGAG GCATGAATAT AAAACATTTT TATTTCAGTA ACTTTTCCCC 120
CTGTGTAAGT TACTATGGTT TGTGGTACAA CTTCATTCTA TAGAATATTA AGTGGAAGTG 180
GGTGAATTCT ACTTTTTATG TTGGAGTGGA CCAATGTCTA TCAAGAGTGA CAAATAAAGT 240
TAATGATGAT TCCAAATAAA 260

配列番号:1086 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01228

配列:

GATCCTTAAT GTTTTGATTN TTGTTTTCTG AAATTGGATT TTATTTATT TTATCTTATA 60
ATNNCAGTTC ATCTAAATTG TGTGTTCTGT ACATGTGATG TTTGACTGTA CCATTGACTG 120
TTATGGAAGT TCAGCGTTGT ATGTCTCTCT CTACACTGTG GTGCACTTAA CTTGTGGNNT 180
TTTTATACTA AAAATGTAGA NTAAAGACTA TTTTGAAGAT TTGANTAAAG TGNNGNNGTT 240
TGCATTACAC CTCAAA 256

配列番号:1087 配列の長さ:254 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 WO 95/14772

クローン名: HUMGS01229 配列: GATCTTTAAA CTCTGGCTTC TTCCTCCTCA ATCTTGACAG AAAAAGGGTG CAGACGTCTG 60 GTTCAAAGAG TTGGATATCA ACACTGATGG TGCAGTTAAC TTCCAGGAGT TCCTCATTCT 120 GGTGATAAAG ATGGGCGTGG CAGCCCACAA AAAAAGCCAT GAAGAANGCC ACAAAGAGTA 180

GCTGAGTTAC TGGGCCCAGA GGCTGGGCCC CTGGACATGT ACCTGCAGAN TAATAAAGTC 240

ATCAATACCT CAAA

配列番号:1088 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01230

配列:

GATCCATCCC ATTCACCCAG TGACTTCTTT TTGCCCAGGC CGGGACTTTT TGCATCAGTN 60
ACGTTAACCA GATGACTTTG CCTGTAACCA AACCTCATGC ATCCACGTTT GCGTCTGGGG 120
AGGAATAAAA AGACATCGTT CCCGCTTCTN CGTTTTGTNA TTCCTACTGC CGCCATAGGA 180
ATTATTTCGT TGGCTGANCG TTACCAGCAC CCCGAGANCA CATTTTGATN GANTCAGAGT 240
AGAGGNCATG GCTGTNTTCT NAAAANGCCN CGCCATGNAA NTGCCAATCC CCTTTTN 297

配列番号:1089 配列の長さ:253 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01231

配列:

GATCGCATTT TTGTAAAAGA ACCATGTGT TTTATATGTG TTTATATATA TACTTGTGTA 60
TGCAAAGGTA AAAGTCTGAA AGGATATATG CTAACTGTTC ACAATGATAA CCCCCCAGGA 120
ATGGGATTGG AGGGGAGGGG GCTTCTGTGT TTGTNATGTA TGCTGGGTGG GANNTTGTGC 180
TTTTATTTCT ATATTGTTTG AATTTTTTTA CAGTATGTAT TATTTTTGTA ATAAAAATTT 240
TAAAAAAATTC AAA 253

配列番号:1090 配列の長さ:252 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01232

配列

GATCTGCCTT GAAATTTAAA AATCTAAATA GCTCTTAGTT GAACAGGGGA GATATAAACA 60
AAGTTTGCAA AATCCTAAA ACACGATGAT AATAAACATC ATACATCAGA NTTTTGAGAT 120
ATAATTAAAG CAGTACTTAG AAGAAAATGT ATAGCCTTAA ATATTTAACA TCAGTAAAAN 180
TGANAGGNTG AAAATTGGGA TTTAAATTCC CAACTCAAAG AGCTAGAAAN NGANTTACAA 240
AGCAAGNNGA AA 252

配列番号:1091

配列の長さ:251 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01233

配列:

GATCTCATGG GCTTTCCTGG AGGAAAGTTT TTTTTGTTCG TTTTTTTTA AGACTTGAAA 60
CTTGTAACTG AGATGCTGTA GTTTTTTGCC ATCTGTAGTG ATGTAAAGAT TTAAACCTGA 120
GAGACTTTTN CTTTGTTAGA TTATGAGAAG NACTAGATGC TTTAGGTTTC ATTTTCCCTT 180
AATTGCNATT CTTGTGCGCT NGTTGGGNGG GAACTGTTAT TTTCCNCAAT AAAAAGTAAG 240
TCTTATCGAA A 251

配列番号:1092 配列の長さ:250 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01235

配列:

GATCATTAAA ATCAACGTTA TCTAAGACAG CTGTATCACA TTTTTGGGAT ACATCATGGT 60
ACAGTCAGAA GCATATAAAA TTATGGTTCT GCTTGTCAGN CNCATACAGA ATCCAATACA 120
TTTTGACAAA CTGCCCATTC CTGCAAGTTA ATGCCCTTTT TGAAGCTTCA TTTCCTCTTG 180
TAAAGTACAG ATAGGAATCA TTATTTTGTG GAGTTGCTGT AAAGATTAAN TAAAGGTGAA 240
TGAAAATAAA 250

配列番号:1093 配列の長さ:248 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01236

配列:

GATCCCAACA AAGATACAAG TGAAAACGCA GAAGGTCAAA GNGATGAGAA CAAGGACGAC 60
TATACAATCC CAGATGAGTA TAGAATTGGA CCATATCAGC CCAATGTTCC TGTTGGTATA 120
GACTATGTGA TACCTAAAAC AGGGTTTTAC TGTAAGCTGT GTTCACTCTT TTATACANNN 180
CNAAGAAGTT GCAAAGANTA CTCATTGCAG CAGCCTTCCT CATTATCAGA AATTAAAGAA 240
ATTTCTGN 248

配列番号:1094 配列の長さ:248 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01237

配列:

GATCACTGNC AAAGTGGGAG CACTAAGGGG TGGGTGGGGA AGTGAAATGT TAGGCGATGA 60 ATTCCTGAGC ACCTTGTTTT TNTNCCAAGG TTCGTAGCTC CTCTNTGCCC TTCCAAGCCT 120 GTAACCTCGG AGGACTATCT TTTGTCCTTN ATCCTTTGTN TTGTTTGAGT GGGNCAGCCC 180 CAGAGGAACT GATAAGCAAA TGGCAAGTTT TTAAAGGAAG AGTGGAAAGN NCTGCAANTA 240

248 **AAANNCCN** 配列番号:1095 配列の長さ:246 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01238 配列: GATCTCCATG CGGTCCCTGG AAGTACCCAT TGAAACATGC GTATTTGTGT ATAGCAGAAC 60 TCTGAAATAA TATTCTGACA GCAGTTATCT CTGAGGAATT GGGTTATAGG TGATTTTCCC 120 TTTCCGCATG ATAAATTTAT GTAATATTTG ACTGACTTGA CCGTAAGTAT GTTACTTGTA 180 TAATAAAAGG AAAAAAGGTA CTTCTATTTT GAAAAAATAA AAATAAAAGC CTTTGGGTTC 240 246 TTGAAA 配列番号:1096 配列の長さ:315 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01239 配列: GATCCTGTCA GGGNGTCCCC CATGCCTGGA AGAGGAGCTG GTGGCTGCCA GCCCTNGGGC 60 CCGGCACAGG CCTGGNCCTT CCCCTTCCCT CAAGCCAGGG CTCCTCCTCC TGTCGTGGGC 120 TCATTGTGAC CACTGGCCTC TCTACAGCAC GGCCTGTGGC CTGTTCAAGG CAGAACCACG 180 ACCCTTGACT CCCGGGTNNN NNNGTGGCCA AGGATGCTGG AGCTGAATCA GACGCTGACA 240 GTTCTTCAGG CATTTCTATT TCACAATCGA ATTGAACACA TTGGNCAAAT AAAGTTGAAA 300 315 TTTTACCACN TGAAA 配列番号:1097 配列の長さ:245 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01240 GATCCCGGGA GCCTTGCCGC ACTGCCTTGT GGGTGGCTTG GCGCTCGTAA TTGCTTCCTG 60 TGAACGCCTC CCAAGGACGA GCCCAGTGTA GTTGTGTGGC GTGAACTCTG CCCGTGTGTT 120 CTCAAATTCC CCAGCTTGGG AAATAGCCCT TGGTGTGGGT TTTATCTCTG GTTTGTGTTC 180 TCCGTGGTGG AATTGACCGA AAGCTCTATG TTTTCGTTAA TAAAGGGCAA CTTAGCCAAG 240 245 TTAAA 配列番号:1098 配列の長さ:245

配列番号:1098 配列の長さ:245 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01241

配列:

GATCTGCAGC AGCCGAAAAT GCGTTNTGGT AAACCTGGCC TCAAATTCAT ACTACCATAA 60 CTGTTTTTAT ATATTGCCAC TAATTTTGAC TGGATTTAAT AGCACTTTAT TGTACANCTA 120 CAAAAAAAAA TATATNCCTA GAATNGTNNC CAGTGTAATT CCTCTAATGT CCTGGTGCCT 180 TTTCATATAT TTCCAGNATT TTNATACTAT ATNGGTATTT CCTTTGTATA AATNGATNGA 240

配列番号:1099 配列の長さ:251 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01242

配列:

GATCTTAGGC TTTTCACTTT TTTTGTTTTG TTTTGTTTTT GAAAGAAAGA AAAAAATACA 60
ATTAACAAGC CTCTTTTGTA AATGGGTTTC CTTTCTATGT ATAAAATCGT GGTGGTCCCT 120
TGTTTTTACA TGTTCATGCT GTGTAATTTT GAGATGTTAC TGAGATATGT TCTGAACATA 180
ATGTGCATTT TTTNCTGTAC AGATGAAATG GGAGANTTTA ATAAAGAGTT TGCAGGTTTT 240
TNCTTGTTAA A 251

配列番号:1100 配列の長さ:247 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01243

配列:

GATCCAGCCC TGAGCATCAC CCAAGTGCCT GATGCCTCAG GTGACAGAAG GCAGGACGTT 60
CCATGCCGAG GCTGCCCCCT CACCCAGAAG TCTGAGCCCA GCCTCAGGAG GGGCCAAGAA 120
CCAGGGGGCC ATCAAAAGCA TCGGGATTTG GCATTGGTTC CAGATGAGCT TTTAAAGCAA 180
ACATAGCAGT TGTTTGCCAT TTCTTGCACT CAGACCTGTG TAATATATGC TCCTGGAAAC 240
CATCAAAA 247

配列番号:1101 配列の長さ:266 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01244

配列:

GATCTTCCCT AAAGAGCAGN GGACCANATA NGAAGAGGAA AATTTCTACC TTGAACCGTA 60
TCTGAAAGAG GTTATTCGGG AAAGAAAAGA AAGAGAAGAA TGGGCAAAGA AGTAATCATG 120
TAGTTGAAGT CTGTGGATGC AGCTGTTATG AAGATGGTTA AACTTGAANC AAACAATTTT 180
AAGANTTATT TNGTCTGAAN GATGTTTTAC TTTAAATAAA TGTCTCNTTG NAATGGCTGG 240
AGGTTTTTGG GNGCCAAACC NTTAAA 266

配列番号:1102 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01245

配列:

GATCCCAGGT CCCAAGGAGT GACAGGGGCT TCCTCCCACC TTCTGTCCTT GTCCAGTNAT 60
GTAAATAATG TGCTTTTCCT CTCCCCGAGT CTTTTTTTT AAAACCTACC GTGGTTCCTN 120
AGCTAACTGC ATTCCCTACC CAGGCAGAGA CTGTCCTATG CCTCGGGCTT CCAAACGAGA 180
CTCAGACCGC GACANAGCCA CCGTATTTAT GGATTGCCAA ANTAANTAAN GCCCAAANCC 240
ATCGGTCTCT GTGAAA 256

配列番号:1103 配列の長さ:240 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01246

配列

GATCCTGGTG CTGGACAACG CTGCCATTGT CTGCAACTTT GGCAGTGAGC TCAGCCTGGT 60 GTATGTGCCC TCTGTGCTGG AGAAGCTGGA CTGAGCGCAG GGCCTCCTTG CCCAGGCAGG 120 AGGCTGGGGT GCTGTGTGGG GGCCAATGCA CTGAACCTGG ACTTGGGGGA AAGAGCCGAG 180 TATCTTCCAG CCGCTGCCTC CTGACTGTAA TAATATTAAA CTTTTTTAAA AAACCATAAA 240

配列番号:1104 配列の長さ:245 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01247

配列:

GATCTGGGCA GTNAGATAGT GCTCTATGCC TAAGGTGAAG CCACACTAGG NTGAAGCCTC 60
ACTTCCCTGT TTAAGCAATG CAGTGCCTGC TGCCCGTGTG CANGAAGGTA CAGCCATTCA 120
GATAAGTGGA ACTATTGAGT TACATAAAGA AAGTAGATTT GCANTNNTCN GGCAGACGTT 180
TATACANCAC CACGGTGCTT TTATACATTG TNCTNATTTT AATAAAACTG ANGTTCTATG 240
TGAAA 245

配列番号:1105 配列の長さ:240 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01248

配列:

GATCTGGCTT CCATTTGGCC CCCTCATTTC CCAAATGTTT AAATGTATTG GATTTGGATT 60 CTCAATGTAT AAGTTGCCTT ATCTGTTAAT GTCTATCTC TGTCTCTTTA ATTTTGTATA 120 TCTGCTGTTT TGCTTTTGGA TACATTTTCT AATTAGAAGT CACATGATAA ATATAATCAG 180 TATAGTAATA ATACCATAAT GTGCACATAC TCAATAAATA AATGACTGCA TTGTTGTAAA 240

配列番号:1106 配列の長さ:240

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01249

配列:

GATCCATTIN TCCNTGTAAC TNGGAGAAAG GCCAGTCCCT GTAACGGGGC AGCCCTCTCT 60
TTCCCTCGGT CAGCTCGTGT NAATCCTGGN ACCTCTTCCG GTCGGCTCTG CCCGCTGTTC 120
TGGGGTCGAC TGCCACGACT TINNATTCAA GAAGCTTCCT CCAGGCGGNA GCGGCTATTT 180
TCCCTAAATN AGAATTGTTA CATTGCAAAT NGTTGAATAA AATATTTNGC GGTCCTTAAA 240

配列番号:1107 配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01250

配列:

GATCTGAAGA AATGATGGAA TGGGGAGTGT AGAGAAATGA GAGTCTGTAT GATTCTGGAA 60 CAGAGACATC AGAAGGAAAG ACTGGTGAAA AGATGTATCT TTGTATATTA ATAGCTGTAA 120 TGTAGCTTCC TGATGCTTGA CTAATTGAGG TGTTAATTCT GACTTGAGAA TCTTTTTCAT 180 GAATGATTTT AAAGAAAAAT TTGGATTTTA AAGGTATTAA AATATTTTNG TTTTGTAAA 239

配列番号:1108 配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01251

配列:

GATCCGCAGT CGAAAAAGAA CAAGCCACAG AAACGGGCTC GTCGTGCCAG GACACAGCAG 60
TGTCTTTCAA AAAATCAAAA CCAGAAGNTT TATCANCAGC AGGAAGNATG TGGGCTCTGT 120
CAAGTTCACC GTCACCATCA AGCCACTGCT GTGGAAGAGT TTGNCAACAG GNCAGTGTCA 180
CAGCACANCT TCAGANGCAG CATCCGNGTG TCGTCCAACA GANGNCCTNG TCCGGTCAN 239

配列番号:1109 配列の長さ:238 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クコーン名:WMGS01252

配列:"

GATCTATGTC CGGTGTGGGT TTTTGTCCTC TCGAGTTTTG TCTCTAATAA AGGCCTTTTT 60
TGTTTCAAAT TACATACGCT TTTTACTGCA CAATTTTTGT ATTGACCTTA TTTCAACTGA 120
AGCGATTATT TCCAGCAGGT TTAATTTCGA CAATAAGATA TATTTNAATA GTTTTACCTT 180
TCGCTAGAAT TTTGTATTGT TTAAAACAGT AAATGAATAA NTTTGCTGAT GATTCAAA 238

配列番号:1110 配列の長さ:238 配列の型:核酸

PCT/JP94/01916

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01253

配列:

GATCAATGAA ATGCACATAA ATNAACTGGT TCCATCAAGA CTGTGCACCC AGGCCTTACA 60 GTCCAACCTT TTTCTGTGTC TGGCTAATAT TTAAAACTAG AAAAACTATT CCTAATCAAC 120 ATGGAGTGGA GAGTTTATTC ACTGTCTTAT CTGCAGAAAT TTGCTGTCAA TATATAACCC 180 GCCTGCAGTG GAAAGTGTAT AGTGTTTTGT AATAAATGGC CTGATGCTAA TGTGTAAA 238

配列番号:1111 配列の長さ:237 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01254

配列:

GATCTACCGG GGGCTATTAG TTTCAATGTA GTGATGAACA CAAACTATAT TTTGAGTTCT 60 CTGCAGCAAG TGGAATGTGG TATGAAAATA TCTGATATTT ACAAAGATGA TACTGCTAAG 120 TCAGAGTCAC GTTTATTGCT AATATGATGG TGGAGTGTTG TCTTCATTCA TAATGAAGGG 180 AAATGTTATT TTTAATAGNG GTTAGTGAAA TAAAANTAAN CCTATTTTCT AANCAAA 237

配列番号:1112 配列の長さ:268 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01256

配列:

GATCTGGAGC ATTTGAGCAA GTTTATAGAA GAACATGCCA CAAAACTGAG CAGGACCAAG 60
GAAGAGCTTT GAAGGCCTGA GGTCTGCGNA AGGTGGGAGG AGGCAGACGC CCTGCGTGGC 120
CCATGGTCGG GGCGTCCACG CCGAGGCCGG CAACAAACGA CAGTATCTCG GATTCCTNTT 180
TTTTTTTTTT AAATTTTTNA AACTNNGGGG TTNCACTNCA NGNTCTGAAT ACTGANTANC 240
CATGAATNCC TGAATAGTTT AGNCCAGN 268

配列番号:1113 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クコーン名:HUMSS01257

配列:

GATCAGCGCT GAGGACGGNC TCAAGCATGA GTATTTCCGC NAGACCCGNN NCCCCATCGA 60
CCCCTCCATG TTCCCCACGT GGCCCGCCAA GAGCGAGCAG CAGCGTGTGA AGCGGGGCAC 120
CANCCCGAGG CCCCTGAGGG AGGCCTGGGC TACAGCCAGC TGGGTGACGA CGACCTGAAG 180
NAGACGGGCT TCCACCTTAC CACCACGAAC CAGGGGCCTC TNCNGCGGGN CCNGGN 236

配列番号:1114 配列の長さ:235 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01258

配列:

配列番号:1115 配列の長さ:235 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01259

**配列**:

配列番号:1116 配列の長さ:234 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01260

配列:

GATCACAATT NGCTTCATGA ATCAAGGTGT GGAAATGGTT ATATATGGAT TGATTTAGAN 60
AATGGTTACC AGTACAGTCA AAAAAGAGAA AATGAAAAAA ATACAACTAA AAGGAAGAAA 120
CACAACTTCA AAGATTTTTC AGTGATGAGA ATCCACATTT GTATTTCAAG ATAATGTAGT 180
TTAAAAAAAA AAAANGGNAA AAACNTTGTT GNAANTNCCN CCTTTNCCTC NGGN 234

配列番号:1117 配列の長さ:234 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01261

配列

GATCCCCCGN TCAGCNCCNA AAGTGCTGGG ATACAGGCAT GAGCACCACG TCCGNCTAGA 60 CTTTACCTTT CTAAAGAAAT TGTTTACTGG ATTTATAAGA AGTTAATTTT TGAAAATNAC 120 ATATTTTTGT NTGATAGAAA GAATGGAGCA AGTNGTGCCT ATTTCCTCCA AGTCAGATAA 180 GGTTTCTAAA ATAAATAAAT TTCTAGCATA TAAAGGGTAG AGATAAACTC NNNN 234

配列番号:1118 配列の長さ:233 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS01262

配列:

GATCACAGGT CTTCCCTGTG AACTTTGGTT TCTTTCTATA AATGTGTGTG GTTTTCAGCG 60 CTCAACTCCT GTCTTCAAAT GGTAGTAAGT NCTACTTCTA CTTCTGTCAT TCAGAACATT 120 TTATGTCAAA TGATGTAATG CAGAAATNCT TGTGCATATT TGTAACTGAA GGAAGCTTTT 180 TAGATTTATT TNNGTTTTTA ATAAAATTCA GATTCCTATT CTAAACTGGT AAA 233

配列番号:1119 配列の長さ:230 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01263

配列:

GATCTNCTAT GCAGTTCTGC CATGCNTCCT GTTGGTCTCT CTGTGTTCTT TGTTACTTGG 60 GTGCAATAGC AACTTCCCTA CCCCGTGCAT TCCATCTTTN ATGTTGTGTA AAGTTCTTCA 120 CTTTTTNNTC TGAGGGCTGG GGGTTGGGGG AGTCAGCATG ATTATATTTN AATGTAGAAA 180 ATGTGACATC TGGATATAAA ATGAAAATAA ATGTTAAATT AAATGGAAAA 230

配列番号:1120 配列の長さ:237 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01264

配列:

GATCTAAGTT AGTCCAAAAG CTAAATGATT TAAAGTCAAG TTGTAATGCT AGGCATAAGC 60 ACTCTATAAT ACATTAAAAT ATAGGCCGAG CAATTAGGGA ATGTTTCTGA AACATTAAAC 120 TTGTATNTAT GTCACTAAAN TTCTAACACA AACTTAAAAA ATGTGTCTCA TACATATGCT 180 GTACTAGGCT TCATCATGCA TTNGTAAATT TGTGTATGAT TTGCNNNTNT GNNNGNN 237

配列番号:1121 配列の長さ:234 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01265

配列

配列番号:1122 配列の長さ:232 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01266 配列:
GATCCTCAGG ACGCAGGTCA CATTCACCTG TGGGCAGAGG GACAGGTCAG ACACCCAGGC 60
CCACCCCAGA GACCCTCCAT GAACTGTGCT CCCAGCCTTC CCGGCAGGTC TGGGAGTAGG 120
GAAGGGCTGA AGCCTTGTTT CCCTTGCAGG GGGGCCAGCC ATTGTCTCCC ACTTGGGGAG 180
TTTCTTCCTG GCATCATGCC TTCTGAATAA ATGCCGATTT TATCCATGGA AA 232

配列番号:1123 配列の長さ:235 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01267

配列:

GATCAGGAGG CATCATTGAG GCCAGGAGCT CTGCCCGTAA CCTGTATCCC ACGTACTCTA 60
TCTTCCATTC CTCGCCCTGC CCCCAGAGGC CAGGAGCTCT GCCCTTGACC TGTATTCCAC 120
TTACTCCACC TTCCATTCCT CGCCCTGTCC CCACAGCCGA GTCCTGCATC AGCCCTTTAT 180
CCTCACACGC TTTTCTACAA TGGCATTCAA TAAAGTGTAT ATGTTTCTGG TGAAA 235

配列番号:1124 配列の長さ:238 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01268

配列:

GATCGATGCC ACGTTCGTAA GGTTCTAAGT CCTTCTTGGC TCCTNATGTG GTCCCTCTCC 60
TCGGAAGAAC TGCCCAGCCA CGGGTTTTNA ACCCACCTGT TGCTCCTNAG GTCGTCACTA 120
TATCAACAGT CACAAACCCA ATGGCAATAA AGGCACTGAC GATAGCTGGC GCGCGCNACG 180
CCACACACCA TTTTNAGATG CCGTTGCAAT TAAATCTTGC CACACTGTCC TCCTGAAA 238

配列番号:1125 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01269

配列:

GATCCCTGGC TGGAATGTCA TACCATTGAC CCATTTGAAG AGTTAAAGCT GGATTTGACT 60
GCTCTATTCT ACCAGGAATA TTGTTAGGGT AGCCTTTTAC CAGTTTCTAA ACANTNGTAA 120
TCATTTATTG ACTCAGCAAT TCCTCAGATA ACAGGTCAAA AGATGTACAG ATACATTCNN 180
NAGTTTTCTT GCTATTAAAG GCACAAGAGT TTCCTTGTAT TTTGACTGAA A 231

配列番号:1126 配列の長さ:230 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01270

配列:

GATCTACAGT CATGCTTTAG CATGGCTATG GAGCTAATTA TCAAGCTTAA AGGGTAACTT 60
TGGGAGGACT CCTCCCTTCA CTCCTAGTCT CCCTTGGAAG AGCAGTCCAG GCTCAGGGAA 120
GGGAATGGAT AGGATGACAC AGTAAGTACA GAAACTGAAG CTGTCAATAG TGAAGGAAAA 180
AGGGGAATTC TTCGTTGCTT TGGCATTNAC ACATAAGTAC TTTGATTAAA 230

配列番号:1127 配列の長さ:229 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01272

配列:

GATCCAAAAT TTATAGCATT CTTCTACCAC CACAGGGGCT CATATGACAT TAACAGACAA 60 GACACTTTTC AGAAAGACAG GTTGTTCTTT TGGGCCACAT CTAAGAAATC TTTGTCTAGC 120 CAAAAGCCAC AAATAATTTC TCATTTTTG GCTTCTGGAA GATGTACAGT TAAATGTTAT 180 ATTTGGGACT GTTATCTAAT TTGATTAAAT TGCACTCTAC AATATGAAA 229

配列番号:1128 配列の長さ:229 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01273

配列:

GATCAGGGCT GAGGGTAAGG AAAAGAAGAG ACTAGGAAAG CTGGGCCCAA AACTGGAGAC 60
TGTTTGTNTT TCCTGGAGAT GCAGAACTGG GCCCGTGGAG CAGCAGTTTC AGCATCAGGG 120
CGGAAGCTTA AAGCAGCAGC GGGTGTGCCC AGGCACCCAG ATGATTCCTA TGGCACCAGC 180
CAGGAAAAAT GGCAGCTCTT AAAGGAGAAA ATGTTTNAGC CCAGTCAAA 229

配列番号:1129 配列の長さ:227 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01274

配列

配列番号:1130 配列の長さ:227 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01276

配列:

GATCCGCTTG GTGACGGGCG TCTTCCCAGA TGCTGGCGTC ACCGCTAGAC CAAGGAGCCC 60

TCTGGTGGCC CTGTCCAGGC ATAACAGAAG GCTCGCACTC CTGTCTTCTG GTCACTTCTC 120
ACTATGTCCC CTCAGCTCCT ATCTCTGTAT GGCCTGGTTT TTCCTAGGCT ATGATTATTG 180
AGTGAGGATT ATCATAATAT TGGAATAAAA AGTAATTGCT ACCCAAA 227

配列番号:1131 配列の長さ:227 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01277

配列:

GATCAGGATT GTCCTACAGT TGTAAATAAG ANTAGGTCCT GTTTATTTTG ACATCTNTTT 60
ACAAATGCAT TGTATTAGGG TGTGAATATT CTGAACCATC CTCTTGTTTA AAGTTTGGAA 120
ATTTTTATTG TTAAATGTAA CATTTTAATG GTTGTAATAA TTATTTGTAT AGATATGAAT 180
ATAGTATTTN ATTTAAGANA ATAAACTTTG CATTTTTGCA TNGTAAA 227

配列番号:1132 配列の長さ:227 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01278

配列:

GATCTGAAAT TTGTGTATNC TAAAGTAATT TNGTTTTATG TATTGGAAGT TCACTTAAAA 60 ACTGGAAATA TTTTCTAGAA GGGTACCACA CAAAAGGAAT CATCTTAAAG CTGTTTAATT 120 AACCTAATAA AATAATNTGA TGGGGAAGGC ATTCTAATTG TTTCTGATTT TNNGAGTGGT 180 TCCTGCTAAN TCATCANTAT CANTACAGCT TGATTTGATT TAAGAAA 227

配列番号:1133 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01279

配列:

GATCTTAAAT GTTATATTGA TAACCATGCT CAGCAATGAG CTATTAGATT CATTTTGGGA 60
AATCTCCATA ATTTCAATTT GTAAACTTTG TTAAGACCTG TCTACATTGT TATATGTGTG 120
TGACTTGAGT AATGTTATCA ACGTTTTTGT AAATATTTAC TATGTTTTC TATTAGCTAA 180
ATTCCAACAA TTTTGTACTT TAATAAAATG TTCTAAACAT TGCAAA 226

配列番号:1134 配列の長さ:225 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01280

配列:

GATCTTTACC AAATTCCTGA CTCAGAGTTC CTCCCATTTN CTTCTGACTC TCATTTTATT 60 CTTACCTCTC ATTTTATTCT TATGATGTTT ACCATTTCTN TTCTCCTCAG TGTCCCTCTC 120

TGAGTGGTAA GAGTATGTTA ATAAGCCAGT NCTGAGACCG GAGCACGAGG CAACTGCTCA 180
ATGTTGGTCA TTGTCACTGT TATTAAATGT AACTTAAGGG NNAAA 225
配列番号:1135
配列の長さ:224
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS01281
配列:
GATCTGACTT AAAAACCCAC CAGCATGCTC AATCCCTTGT NATCCTTATG GAATCTGTAT 60
GTTAACTCTC TGGGTGTTCA GGCTTCTATT TGACTGCTGT TGTNACCCTG TTTGCAAAAT 120
GAATATGACA CTCTGTGGAT TATTTNCTCT GTAAGGCACA AGTNCTTCTN ATGATTANTT 180
TGACGTTTCA NGAGCAAAAG CAAATTNANA CTCTCTTCAG CAAA 224
配列番号:1136
配列の長さ:223
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS01282
配列:
GATCCAATAG GAGACACCAG TTCCTTGACT GANCCATGCC CCCACCTAAG TNACAAAATG 60
AGGGAAGTGG GGAGTTAGAT TTCAGAGTCC AGGCCCCTAG GTTGGGACCC ACTCCAAATA 120
ATCTCCTCGG TGTGGGTNGT GGTTCTATAG AGGNATANAT GAATAATAAA CATTGTTAAA 180
NTATACGATA ATGNATAAAG TAATCCTTTC ATCANNTGTG AAA 223
和耐暴量,1197
配列番号:1137 配列の長さ:222
配列の型:核酸
記列の至:核酸 トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS01283
記列:
GATCCATCCG ATGGCCTACC AGCTGCAGCT CCAAGCCGCC AGCAACTTCA AGAGCCCAGT 60
CAAGACGATT CGCTGATTCC CTCCCCCACC TGTCCTGCAG TCTTTGACTT TTCCTTTCTT 120
TTTTGCCACC CTTTCAGGAA CCCTGTATGG TTTTNAGTTT AAATTAAAGG AGTCGTTATC 180
GTGGTGGGAA TATGAAATAA AGTAGAAGAA AAGGCCATGA AA 222
Oldologoda Allondalla ioliologoda i December 1
配列番号:1138
配列の長さ:432
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS01284
配列:
GATCGCACAT CCCTGCGCCC CCATGCCCCC ATGCCCCTCT GAGTCACACA GGACAGAGGA 60

GGCAGAGCTT CTGCCCACTG TTATCTTCAC TTTCTTTGTC CAGTCTTTTG TTTTTAATAA 120 GCAGTGACCC TCCCTACTCT TCTTTTTAAT GATTTTNGTA GTTGATTTGT CTGAACTGTG 180

GCNACTGTGC ATTCCTTGAA TAATCACTTG TAAAAAATTGT CAGTGCTTGA NGCTGTTTCC 240
TTTACTCACA TTGAAGGGAC TTCGTTGGTT TTTNGGAGTC TTGGTTGTGA CNNCAAGAGC 300
AGAGTGAGGA AGACCCCCAA GCATAGACTC GGGTACTGTG ATGATGGCTG CAGTCCAGTT 360
TTTATGATTC TGCTTTTTAT GTGTCCCTTG ATACCAGTGG NCTTANCAAT TATACATTNC 420
CTCATANTTA AA 432

配列番号:1139 配列の長さ:220 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01285

配列/:

GATCAGACCC AGAGAAAAGT AGTTGTCAGT CATAGCACAC ATCGGACATT TGGAAAACAG 60
CAGTGGCAAC AACTGTATGA CACACTTAAT GCCTGGAAAC AAAATCTGAA CAAAGTGAAA 120
AACAGCCTTT TGAGTCTTTC TGATACCTGA GTTTTTATGC TTATAATTTT TGTTCTTTGA 180
AAAAAAAAGCC CTAAATCATA GTAAAACATT ATANNCTAAA 220

配列番号:1140 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01286

配列:

GATCTTGGGG CCTGTTTTCC CATGGGATTC AAGAGGGACA GCCCCAGCTT TTTTTGTTTT 60
TAAGCTTAGG AATCGCCTTT ATGGAAAGGG CTATGTGGGA GANTCAGCTA TCTTGTNTGG 120
TTTTTTTTGAG ACCTCAGATG TGTNTTCAGC AGGNCTGAAA NCTTTTNTNC TTTAATAATG 180
AGAAATGTAT ATTTTACTAA TAAATTATTN ACCGAGAAA 219

配列番号:1141 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01287

配列:

GATCTAGAGA CAAAGGATAC TCAATGAGGA GCTTTTTTCC CCTCTTGGAA CAGGTAAAAT 60 GCTTTTCCTT ATTAATATAA TTATAAAACA GTATTTTATG TAACAGCTAT TCCCATATTC 120 TAGGAGTGGC CTAAGAAATG CGTGTTTCAG TGACTAGATT ATAAATATNC TCTATTGTGA 180 ATAGTTGAAT AAAACAGCTG TTTTTTTCTG CTTCCTAAA 219

配列番号:1142 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01288

配列:

GATCTGTGAA ATGCTATCTC TCCTGANGCA ATACTGTTGA CCAGAAAGGA CACTCCATAT 60
TGTGAAACCG GCCTAATTTT TCTGACTGAT ATGGAAACGA TTGCCAACAC ATACTTCTAC 120
TTTTAAATAA ACAACTTTGA TGATGTAACT TGACCTTCCA GAGTTATGGA AATTTTGTCC 180
CCATGTAATG AATAAATTGT ATGTATTTTT CTCTATAAAA 219

配列番号:1143 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01289

配列:

GATECCTGGA CACTTACGTA CAATGCTTCG TNCTGCCTGA TGACAGCCGG GCCAGCCGCC 60
AGCNTACAAG GNTTGTNCGA CGCAGCCTCA GCCCTGTNTT CAATCACACC ATGGTGTACG 120
ATGGCTTTGG GCCTGCTGAC CTGCGCCAGG CTTGTNCCGA GCTCTCCCTC TGGGACCATG 180
GGGCCCTGGG CAACCGNCAG NTNGGGAGGC ACACGCNTN 219

配列番号:1144 配列の長さ:218 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01290

**配列** 

GATCTCGGTG CTTCTTCCTG TGCTGTGGTT TACCCCAAAC CTTTAGGTTG TTTATTCATT 60
CAGATTAGAT AGACTGGAGC CATAAAGTTA ATTTGCACCT AGCTTTTTGG AGAATAGCCA 120
TGATTAACTG CTATTCGTGG TGGGGGTGGG GGGGAACCCT ATGATTTACT ATGCAGATGA 180
AGAGGGTAGG AACTAAATAA AGGACTTTGT AAGCCAAA 218

配列番号:1145 配列の長さ:218 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01291

配列:

GATCAAGAGG GAGTTCATGC AACACCTGAG AATCTGATTA ATGCACTGAA TAAGTCTGGA 60
TTAAGTGACC TTGCAGAAAG TCTAACTAAT GACAATGAGA CAAATAGTTA GCTTCTTTT 120
TTTTTCTTTT TATTAAANCT GNGATAGATT TTNTTACCAA GCAGCATTTG ATAAGAGGTC 180
CACTGGTTTT GGTAANCAAT AANCATTTTT ATACCAAA 218

配列番号:1146 配列の長さ:218 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01292

配列:

GATCCCCAGC TGTTTATGCA TAGATAATCT CTCCATTCCC GTGGAACGTT TTTCCTGTTC 60

TTAAGACGTG ATTTTGCTGT AGAAGATGGC ACTTATAACC AAAGCCCAAA GTGGTATAGA 120
AATGCTGGTT TTTCAGTTTT CAGGAGTGGG TTGATTTCAG CACCTACAGT GTACAGTCTT 180
GTATTAAGTT GTTAATAAAA GTACATGTTA AACTTAAA 218

配列番号:1147 配列の長さ:217 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01293

配列:

GATCCTATCC AGTTGAGGAA TGCTTGCAAT GCTCATTGAA GGGATTTGCT TTGGGACTTT 60 GTCATCTTCC AGAAAGGAAA CATATTGTAT ATTTGGCCCA GTGTGATTGA TTGCTTTATC 120 TTTGGTAACT TTTACTTGAA TGGGATTTGC TGAATTAATG ACTATTGAAT TTAAAACTAA 180 TTATGAGTTG ACAAATAAAT AAAAGGTAGT GTTTAAA 217

配列番号:1148 配列の長さ:217 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01294

配列:

GATCATAGTC AGAAAGTACT GCAGTTAACA GGAACCTTCT TGTTCAGGCT GTCATAGCCA 60 CAGTTGCAAA AAGTGCAGTA TTGATTAATG CAATNAGTGC AATNAGTGAC ATCCTGAGTC 120 TTTTATCTGT TNAGCTTGCT NTNCTNTTCT NTCATACATC AGGATATTGC CTGTAATGTG 180 GAGTGGACAG GATAAAAATA AGNATTTTAC TTTCAAA 217

配列番号:1149 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01295

配列:

GATCTGAAGA AAGCTTTTGG TGCTTGTCCT CACAACCACC TCAGTCCTCC CTCCCTGTCC 60
TCCCCTGTCT CCTTTCCTCC TCCTGGGTTC ATGTTGTAAT AAAAGAAGAT TGTTGGTGTG 120
TAAA 124

配列番号:1150 配列の長さ:215 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01296

配列:

GATCATAGCT TGTTTTATTT TGTGCTATAA AATTAACAGT ATTAAATGAC TTATATTCTT 60 AGAATACATC GAGTGTCTTT TCTTAACAGA TTAGTGCCTT TTNATTTTTG TATTCCGTTT 120 TACGTTACTG GTCCCAGCAT CAAAACCCTT GTTTCCATGG CCTGTTTGTA TATTGTCTCA 180

ATAAAACTTG CATCAGCCGG TGGTGGCGGC AGAAA

215

配列番号:1151 配列の長さ:299 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01297

配列:

GATCATAGTG TTTTGTAATC ATTTAATGTC TGCAGCCAAA TTTTTAAGGG TAATTTAGAC 60
CTAATACTGC TCTTGCTGTG TCTTATTAAG TTAAAATTAA TGAATGANTN CTGGTAAAAAA 120
TTCANNNNGG CACTCTGTGA GTAGAGAGTA TCATTTAAGC TTATTTNAGT CACATGTAGT 180
ATATATCTCC TTAAAGCTGT CACTCTCACT TTNCTTACCA TTCTCTTGAT TTNNTCAGAA 240
NCCATCTAGT CATCATCTTT ATAGTCTACC TGCTTCTGCA ATTGTATATC ANATNGNGN 299

配列番号:1152 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01298

配列:

GATCAAAGTT TAATTGCTTC ATTTTTGTTT AAAAAGGGAT ACTGATGTCA GAAAATCTGT 60
AATATGTTTT ATTCAAAAGA TGTAAATAAT GTATACAGAC TTGTATGTGA TGGGATGGA 120
AATATTTAAA TNCTAGGTGT TTTTTTTTT TTNAANGNGG AACCNCAATG TTTATAGGAA 180
AAAANTGATT AANTNGTTCC GTTTGGCCNT GAAA

配列番号:1153 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01299

配列:

GATCCCTCTC CTCGCCTGCC TTCTGGAAGA CTTCAGAAGA TTGAGCCTCA CTGGTGCCAG 60
GAAGCCAAAG CTTACTTTGT AGAACTGACA CTAAACTACC CGAAGACTTA GGTGCTTTGT 120
GTACTTAACC CCAGGACCTN CTTACTTTTT AATATAAAGA GTGATGTTGT ATTTCGTGTT 180
CTGCACTTTT TAATATAAAG AGTGATGTTG TAAA 2114

配列番号:1154 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01300

配列:

GATCCCAAAG CCACGCTCAT CCAATCCTGG NGAATCATTT ATTTTGAATA TAGACCATTG 60 AATAGGTGAA AAATGGAAAA GTCACTTTTT GTACATTTGC ATTCCTTCAA TAATGATTAC 120 CATTTGTNCA CATATTTGTT GACCATTGGA ATTGATTTTA GCACAGTGCC TAAAATATAG 180 TAGGTGCTCA ATAAATATTT GTTAATTGAA TAAA

214

配列番号:1155 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01301

配列:

GATCCAAACT AATAAGAATA AGCTGTACAG GAACTAGTGC TCAATATACA TTGTATAAAT 60
TTGTGGAAAT CTCTTGGATG TNAATTGTTA CTTCAAGTGG CTTTTATTAA GATTTNCTCA 120
GACTTACTTG GAGGTTAAAG CAAACCCAAA TGTGTATTAT TTTGTTACAG AGCTCTGCTT 180
TATAATTTTG TAATAAAGTT TCAATACAGA CAAA 214

配列番号:1156 配列の長さ:213 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01302

配列:

GATCGCAGTG GAAGAAGATT AGTGCATCAT TGAGAGAGGG GAAGTGGAGT GTGGGGTGAG 60
CAAAAAGCCAA AATACTAATC ACTAGTACAC CAGAGATGCT CCACAAGGTA TGCTCCCCAC 120
GGTTTCTTCT CAATTTCAAA GGTNAAGATG TTTTTTTGTG GTGATATAAA ATTTATTGTG 180
AATACTTGGT CCATNAAATT GGTACTTGCT AAA 213

配列番号:1157 配列の長さ:213 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01303

配列:

GATCTTGTTG AGGCATTTAG CTGCCATGCA CCTGTCCCCC TTTAATACTG GGCATTTAA 60
AGCCATCTCA AGAGGCATCT TCTACATGTT TTGTACGCAT TAAAATAATT TCAAAGATAT 120
CTGAGAAAAG CCGATATTTG CCATTCTTCC TATATCCTGG AATATATCTT GCATCCTGAG 180
TTTATAATAA TAAATAATAT TCTACCTTGG AAA 213

配列番号:1158 配列の長さ:212 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01304

配列:

GATCTCATTT CAATTTCTTT ATTAGAGGGC CTTATTGATG TGTTCTAAGT CTTTCCAGAA 60
AAAAACTATC CAGTGATTTA TATCCTGATT TCAACCAGTC ACTTAGCTGA TAATCACAGT 120
AAGAAGACTT CTGGTATTAT CTCTCTATCA GATAAGATTT TGTTAATGTA CTATTTTACT 180
CTTCAATAAA TAAAACAGTT TATTATCTCA AA 212

•	
配列番号:1159	
配列の長さ:212	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS01305	
配列:	
GATCTGGTCT GTTCCTGCGT CTGCGGANGG CCCTTGTCTC CCAGCTATCT ATAACCTTAG 60	)
CTAGAGTGTC GCCTTGTGGG TTCCTGTTGC TGAGACTTCC TGGATGGAGC CGCCTCACCG 120	į
CCGGGCCCGT GGCCTGCNCG GANTGTGTCC AATAAAGTTC TTGGATGTGA AAACTTAACA 180	
ATTTTGTGTA ATAAAAATGG AGAAGCTCTA AA 212	
Allifoldia alamanatod adandotota an	
配列番号:1160	
配列の長さ:211	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS01306	
환계:	
GATCCTTGGT GTGTAGTTCA GTCTTGCAGT ATACAAGCTT TTGTGTATAA ATGTTTTATG 60	)
ATATGATTCC CTGTATTTTG CAGGGGTTTT TTTCTCTTTT NCTTTTTAGA TAAATATGTA 120	)
TATCAATATT TTAAATNCAT CTTTGCTTTT TTTAGAGGAG TTTGTAATCA CCTTATAACA 180	
TGAAAATAAA CATTTCCTTT TTAACATCAA A . 21	
Idinimitant outilious statements as	
配列番号:1161	
配列の長さ:210	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01307	
配列:	
GATCCTGTAT ATGTGTGTTT TGGGGGAGCT ATGATAAGTT TTATGGCAAA CGGTTGGTAT 6	0
TGTTAACTTT TTATTGTCAT CAAAAGTTCA TAAAAGTCCT ATTAATCCCC ATATTCTNNN 12	0
NCTGCCCTTA ACTCTGGTAT ACACCAAAAA GAAATCTTTA CTTTCCTTGT TTTATCATTA 18	0
TAAAAATAAA GTATTTTGCT AGTATGGAAA 21	0
配列番号:1162	
配列の長さ:210	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01308	
配列:	_
duronoon latitudero committata indestingia desirata desirata	0
CAACAGCTTT CATATTTGTA AGTTTTTTTT CCTAGGTAAC CCAAGGTCTA TTGAAATTNC 12	
ATATAGCTTT CTTTNCTATT ACATATTTAA ATAGATTTNN CCTGATTTNA GAAAAGCTGT 18	0

210

AGATTTTNAT ATGTNAATCT TGTNTCCNTN

配列番号:1163 配列の長さ:209 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01309

配列:

GATCTNGGAC TCTNCCTCTC ACGACTGCGC CTTAGTCACT CAGACATACG GCGCANTGCA 60
GGAAAAGCCT ACACAGACGA CCTGGGTGCT GTGGGTGGCG CCTGCNTGGA GGACGAGCCA 120
GCNTCCTGCN CTGGATGAGG ACAGCGAGCA CCCGCCATNA TTCTNCGGAC TGACTGAACT 180
TNACCTGTGA CCTCTTACCN GTGGAGCAN 209

配列番号:1164 配列の長さ:209 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01310

配列:

GATCACTNCA GGCCAGGNGT CCAAGACCAG CACGNCCAAC ATGGCAAAAC CCAGTCTGTA 60
CTAAAAATAG AAAAATTAGC TGGGCGTGGT GGCGTGTGCC TGCAATACCA GCTACTCAGA 120
AGGCTGNAGC AGGNTAATTG CTTGANCCTG GTAGGTGGAG GTTNCAGTGA GCTGANATCA 180
TGCCACTGNA CTCCAGCCTG GGTNACAGN 209

配列番号:1165 配列の長さ:207 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01311

配列:

GATCCTTACC GTCCTAGAGA GCAGACGCTT TCTGAAAACT ACTTGCTCCA AAAGACCCTC 60
TGAGTTAACG TTTCAGCTGT ATCATTAGAC TTGTATTTAG AGCGTGTCAC TTCCTCTGAA 120
CTGTTACTGC CTGAATGGAG TCCTGGACGA CATTGGGTTT TTCCTCTAGG AGAATACAAG 180
CCTTAATAAA CAATACTATT TAGCAAA 207

配列番号:1166 配列の長さ:207 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01312

配列

GATCTGAACA AAGTCTGCAT TTNGTTAATA GTGTGGTACC AATGTTGGTT TCATAGTTTT 60
GGCCATTGTG CTGTGTATTT ATAAGATGCT AACATTAGGG ATAGCTGAAT GTGGTATATA 120
TAGGAACTCT GTGCTGAGTT TATAACTCCT CTGTATGTCT AAAACTATTT CAAAATAAAA 180
NGTTTAAAGG TAAAANAAAA GATTAAA

配列番号:1167

•
配列の長さ:206
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS01313
配列:
GATCCAGCCA CCACTCTGAA ACTCATCACA TCTTCATTGA CAGGGAGGGA GCCCAGGACA 60
TATETETEGC TCATTGACCA GAAGGCTTTC TTAGTCCCAA CAGCCATGAA CCATGCACTT 120
ATGGATACCC AGCCTTTTAG GGCTACGTGA AATGCATCCT TGTANCATCA TTGTATTCTT 180
TCAATAAATA GCCTTCTGAG TTGAAA 206
配列番号:1168
配列の長さ:213
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUNGS01314
配列:
GATCTGCCTG CCTATNAGAG CTTTGAGAAG CTCCGCCACA TGCTACTGTT GGCTATCCAG 60
GAGTGCTCTG AAGGCTTTGG GCTGGCCTAA TAAGGCCCTG CCCAACTCCG TGGGGTTTTT 120
TTAACCATTG TTGGACCTGG GGAGGGGGGA GTTAAAAAAA GAACCAGAAA GAAATTGTCA 180
AAAACCAATA AATGAAATCC ACCAACTCAC AAA 213
配列番号:1169
配列の長さ:215
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS01315
配列:
GATCTAAAGT GACCTTGATG GACAGTGGAA GAAATCACAA CATGGAATTC CTCGAATAAC 60
AATTTATTGA CTTTAAATAA TTTTGTCTAA TGCTACATAT ACACAATTAA AAAACCTTTA 120
CACTATTTCT AGAAAGTCAG CATGTATTTT TGGCTCGNNG TTTCNCCNCG TGTTTTCTGT 180
GGAAGGAATA AAAATTTGAG TTTCAGTTGT GTAAA 215
配列番号:1170
配列の長さ:349
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS01316
配列:
GATCTGTGAC AGCAGCAGCT TCATGTTGTA TTTTTTTTAC TGAAATTGTA AAATATCCAT 60
CTTAAAGACA TCAACTATTC TAAAANTTGT TTACAGGATA TTCCTTTAGT GGTGGAATTA 120
AAATNTACGA NTACTTGCTT TTTCAAAAAA ATGTATTTTN TGTTAAAAGT TTAAAGATTT 180
TTGCTATATA TTATGGAAGA AAAATGTAAT CGTAAATATT AATTTTNTAC CTATATTGTG 240
CAATACTTGA AAAAAACGGT ATNGAAAGTA TTTTGAGTCA GTGTCTTACA TGTTAAGAGG 300

GACTGAAATA GTTTATATTA AGTTTGTATT AAANTTCTTT AAAATTAAA

配列番号:1171 配列の長さ:205 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01317

配列:

GATCCAAGCT GTATATACCA TATATAAACA TTTTACATGA ATCATTTAGT TTTTTAATTC 60
ATTTACTAAT GCTATAAAAT TTCCTATATT ACCCCAGTAA TTTGCATCAG CTGGTTTATA 120
TACTAAAGCA ACATGTTTTG ATGAGTTTCT TACATCCTTA TCGAGGAATT GGGTTAGGAA 180
AAAATACATA ATTGTAAAAC TGAAA 205

配列番号:1172 配列の長さ:205 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01318

配列:

GATCTTCAGG NTTCTACAAA TAGGGTAATT GTAAATTTAA AGCATTAGCA TTTATTGGTG 60
AATAATGTAT ATATCCCCAT TCCAAGAAAT ATAAGTNAGT NANGTTGAAA TAAAATCTTT 120
AAAATTTACT ATATTGCCAG TGGTTTCACA NCAGTTCTCT TGTATTTATT TATCAATTAA 180
ATCAAATAAA AATGATTATG TCAAA 205

配列番号:1173 配列の長さ:204 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01319

配列:

配列番号:1174 配列の長さ:204 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01320

配列:

GATCAGAGCT GCTGAGTTCA GGATGCCTGN GNGTGGTTAG GGTAGCTTCT TACATGGATG 60
TCAGGAGAGC TGCTGCCCTT GGCGTGAGTG CGTATTCAGG TGTTTTGCTG CTTTGGCAGA 120
GAGTGGTTGA GTGTNGAATC GTTCAGCTCT NAGGTTCTGT NCCCTGTGGT GGAGAGGACG 180
CAGCAGCNAN NTCTGGGNTC TNAN 204

配列番号:1175

配列の長さ:205 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01321

配列:

GATCAGTGCT CTCTATTGAT GTTCTTGCTG GTCTCCAGNC ACATTCCTGT TGCATTAAGN 60 CTTGAAAGAC TTGTAGATGT GTGATGTTCA GGCACAGGAT GCTGNAAGTA TGTTACTATT 120 CTNAGTTTGT AAATTGTCCT TTTGATACCA TCATCTNGTT TTCTTTTTGT AGGTATAAAT 180 AAAANCACTG TTGNCANTAA GGAAA 205

配列番号:1176 配列の長さ:203 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01322

配列:

GATCTCAGCC ATAAAGTGCC AGTTTGCTTA GTTCTCACTG TCTCCTGGTC TGTGCTGCCC 60
TGCTCTGGGG ATGCACGGCG GCAGGGTGGG GGAGGGAGGT TCCTCGCAGG TCTCAGCCCG 120
GGACAGGGTC TTGCAAGCAG CCTCCTGGC AGTCGTAAGG GTTGCGGCGT GATGTCTTCA 180
ATAAATTAAG TTTTATTTGG AAA 203

配列番号:1177 配列の長さ:203 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01323

配列:

GATCAAAATG AAACAAATAT ACCTTATCCT AAAGAGCTCA TAACAAATAA GTTACCTCCA 60 CTCTATAAAC TCAGACCTAC TTTTTGAAGA TAACTGCTTT TAACCTCTCC TTACAAGATT 120 TTTGTTGTTG ATGTATTTAA TTTTAGCCCA TGTCTCAATT CTCATTTCA AAGAATCAAT 180 ATATTAATAT ACCTTTGGTC AAA 203

配列番号:1178 配列の長さ:202 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01324

配列:

GATCGCTCTT GTGTTTTTGC ACTATTAATT AACTTCAAGT GCAATTTTGG CAGGCAGGCC 60
AAGGGTCTCA ACAGGCTATT TGGAATGAGT TCTCTTTTAA GGCCTTCAAC GTAGTNNGAC 120
ATTTTCAAAT CAAAAAGTAC AGCAGGAGCC AGCCTTTATT TTGTCTGTGT ACACAATAAA 180
ATATTCCGCT TCTATAGGCA AA 202

配列番号:1179 配列の長さ:211 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01325 GATCAGCTGA AGGTTCATGG GTTTTAAGTG CTTGTGGCTC ACTGAAGCTT AAGTTAGGAT 60 TTCNTTGCAA TGAGTAGAAT TTCCCTTCTT TCCCTTGTCA CAGGTTTAAA AACCTCACAG 120 CTTGTATAAT GTAACCATTT GGGGTCCGCT TTTAACTTGG ACTAGTGTAA CTCCTTCATG 180 CAATAAACTG AAAAGAGCCA TGCTGTCTAA A 211 配列番号:1180 配列の長さ:199 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01326 GATCCCAGGG TGCAAAGTGG CATTGAGACA GCAGCAACAG CTCAAGAGAT ATCTCCTGCC 60 TACTTGCCCC TCCTTCCAGG CCGCTCTAA GAGAAAGGCC CATCTACTCA GGAAGAGGC 120 CAGGNCCTTG GGTTCTGGGG ATTGGCCCCT GAGAGGGCTA GTCCTGTGGC TGAAAATAAA 180 GCATGTCCCG CCCNNTAAA 199 配列番号:1181 配列の長さ:199 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01327

配列:

GATCTTTTTT TGGATATTTA TACTTTTAGA TATATAGTAC CTTTAAGTAG CAGTATGGGA 60
CAAGGCTTGT AAATGTTTTG TCTAATGTTC TATTGTCACC TTTTATGCAT TTATCACTTC 120
CAAATCTAAC TTTGCACAAG TAACCCATGT AAAAAAAAAT GTACATTTTT CAAAAGTTGT 180
AAATAAAAAT AACCTTAAA 199

配列番号:1182 配列の長さ:252 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSC1328

配列:

GATCTGGACA GCTGTCCCTC CACTACAGAA ACCTCACAGA ACACAGCAAA GNATAAGTGC 60
ANGAAGGCTG CTTCCAGCTC CAAAGCACCT ANGAATGGAG GTAAAGCGAA GGATTCAGCA 120
ANGACAGCAG AGGAAACTTC CANGCCAAAA GNTGACTAAA GNAGTACAGG TTANGGTATC 180
TGGTATCTGC ATGTAGANTC TTCAGCTGGT GGATGGTGAC TTTTGAAGTA CNAAAGGCTT 240
TGGCAACNGN AN 2552

配列番号:1183 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01329

配列:

GATCTAGGGA GTTACCTAGC AGACCTTCCG GACTGACGTG ATGCTACAGG GGTCCCATCT 60
TTCCTTGTCA TTGAGCTATT TTACAGTTCT GTGAATTGTA AAGAACTGAG GGTAATGCA 120
ATMACTCTTG TTCATAGAGG CAAATGAATT TTGTCCCATG GAGATTAAT TGATATTACT 180
CTGTGGATGT TGACAAA 197

配列番号:1184 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01330

配列:

GATCATAGCT ACTACTTCAT TGCAACCTTT ATTAACTGAC CACATCAGAC ATCATGCTAA 60 ATACCTGAAT GCATGAAAAA ACTCCAAATA AGAGAATCTC TTCAGGATTA TAAAAGTTGT 120 AAAATGCAAC TGTATTGCTG AGCAAA 146

配列番号:1185 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS01331

配列

GATCCGGCTG CACACCAGGT GCGGAGGCTG AGCCATCCCT GCTGGACTCC CTACCGCAGA 60
CGGAGTCANG NACGCAGCCG CAGCCNCNTT CCTTCACACC CCCTCACAGA CTCCTTGTGT 120
CCAACGGGAA TAGGAAGAAT TAGTTACTGA CTTCACCTGA GAAAAAAATA AATNCTCTAT 180
GGTGGTTTCA CAGGAAA 197

配列番号:1186 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01332

配列:

GATCTCTTTG TGAACTCTGT GTTCTCTATA TTAGATTGCT GTTTATATGT AAGAATTTTA 60
TTGCTTATGT GGCATACAAT ATTTATAACT ATAAACTTTA TAGAAGTACA GTATTAAAGT 120
CAGTGGTACA CAGACATTCT GTACATATCC TGTGAAACGT GCTGTCATAT GAAATAAATA 180
TATCTGTCTT TACAAA 196

配列番号:1187 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01337

クローン名:HUMGS01333 配列: GATCTTCCCC ATTGTCCACT CAAGTCGTGG CCTGGGGAAC ACAGACGGAG CTGTCCCCAG 60 TGTCCTCCGT CCCTCAGCCC CTGGCCTGGC TGAGTTTGGC AGGGCCTGGG CCATCCCTGG 120 GACAAAGGTG CGTCCCTTCA GCTCTTCTCC GTGGAGCTCG GGGCTTTCTG TATTTATGTA 180 TTTGTACGAA TGTAAA 配列番号:1188 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01334 配列: GATCTTCGGC CTCATTCTGA ATACCTNTTC TTTGGACAGT NTTTTTCCTT TGGTGCTCTC 60 TTGCCTTTAG CTACCTTCTC TAATATGTAT GCTACCATCA CTAATAAAGT GATGGGAATG 120 GGTTTGAGAG TCGTAATTTA TATTAAAAAG TTGTTGGACT TTTAAATACA TTTTTNCAAA 180 TAAAAAATTA AGCAAA 配列番号:1189 配列の長さ:193 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01335 . 配列: GATCATGTGT GCACAATACT TGTGGCCCAC AAAATTTCAC AATGACTGCT GAGGAATCAT 60 TCTTTTTGCC TGTAAAATAT AACAAAGGGC ATCATTAAGT AGACCAGGTA ATTACTGCTT 120 GTNTCTCAAG GCTGCTGTCT TTATCAGCAC TAACTAAATA AATTTGTTGG TTCAGTTGTA 180 193 CTTGTCCTGC AAA 配列番号:1190 配列の長さ:192 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01336 配列: GATCCTGTGT CCTAAATTAA TATACACCAG TGGTTCCTCC TCCCTGGTAA AGACTAATGC 60 TCAGATGCTG TTTACGGATA TTTATATTCT AGTCTCACTC TCTTGTCCCA CCCTTCTTCT 120 CTTCCCCATT CCCAACTCCA GCTAAAATAT GGGAAGGGAG AACCCCCAAT AAAACTGCCA 180 192 TGGNCTTTTA AA 配列番号:1191

配列: GATCAGTGCC TTGATGCCAA CTAAGGAAAT TTGTTTAGCA TTGAATCTCT GAAGGCTCTA 60 TGAAAGGAAT AGCATGATGT GCTGTTAGAA TCAGATGTTA CTGCTAAAAT TTACATGTTG 120 TGATGTAAAT TGTGTAGAAA ACCATTAAAT CATTCAAAAT AATAAACTAT TTTTATTAGA 180 189 GAATGTAAA 配列番号:1192 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01338 配列 :: GATCAAATTT TTGTAAAATT TTTTAAGAAG AGATGGCTTA TTAACAGGGA AGAAGCTTGT 60 NATATTCCAG TTGTAAGAAT AGCCTTAGTG TTTAGATTTT TTNATGATAG GNNAGATGCG 120 GNCATCACTG GGATATTTNC AAATCCCAAG GNCATCAGAG TGAAGTGTCA GTTGTCAGAT 180 189 GATTTNNAN 配列番号:1193 配列の長さ:188 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01339 配列: GATCCCAGCC AGGCCCTGGA GGTCTGACAG CCCCTCCCTC CCAGAGCTGG TTCCTCCCTG 60 GGAGGGCAAC TTCAGGGCTG GCCACCCCCC GTGTTCCCCCA TCCTCAGTTG AAGTTTGATG 120 AATTNANGTC GGGCCTCTAT GCCAACTGGT TCCTTTTGTT CTCAATAAAT GTTGGGTTTG 180 188 **GTAATAAA** 配列番号:1194 配列の長さ:187 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01340 配列: GATCTGAATG ATACTGTCTG CTGTGTCTTT TTTCCATGAG AAATCACTGT TGCAAATTGC 60 CTATAAATTG ACTCTACTAA AATAACAATG TTTCAGTCTG AAAATTTGAA TTGAAAAAAA 120 TGTATAATAT AAAATTGTAA TACACTCAAA TGATTATAAA AGTAAAAGTT GGTAATTTAG 180 187 **GCAGAAA** 配列番号:1195 配列の長さ:187 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01341

配列:

GATCAGGGGG GAAATGGAAT GAGTGAGGCG GGCCAGGGAG CCGCTCAGCT CCAATCTTTG 60
TCACTGTGTG AAATGTGGAC TTGGTATGAC CTGACTGTCC AATTTTCAAG ATGAACCAGA 120
AATCCAGACC NTTATATAAA ATCTCCTGGA TTTTTAAATG TTGGCAATTA ATCAGAATGT 180
TTTTAAA

配列番号:1196 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01342

配列:

GATCACTTAA TTCCTTTCTT ATCTTCCCCC TCACTTCCCT TTCTCCCACC CTCTTTTCCA 60
AGCTGTTTCG TTTGAATATA TTACTGGAAT GAGTTGCAGG NAATGCAGCA NACTTGTTTC 120
NCCTAGATTT GAGTCAAACT CCTGNTCAAA GAATCGGTNG GGCATANAAG AAATNTTCTT 180
NTTAAA 186

配列番号:1197 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01343

配列:

GATCTTTTTA ATGACAGTAC AGACTGAGAT TTGAAGGAAA CATGCACAAA TCTGTAAAAC 60 ATAGACCTTC GCTTTATTTT TGTAAGTATC ACCTGCCACC ATGTTTTGTA ATTTGAGGGT 120 CTTGATTTCA CCATTGTCGG TGAAGAAAAT TTTCAATAAA TATGTATTAC CCGTCTGAAG 180 CTTAAA 186

配列番号:1198 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01344

配列

GATCTTCAGG TATTTTAAAT TTTAGTTACA TCAATTAATG TAAATNAATC CAAATGCTAA 60 TTTTTGTGGT GCAAGAAGTT TCTTATGTAA ATNCAGGGTA TGGATAAGCT AATTAAGATA 120 TCCATCTTTG GTGGCTCTAA GTGTATTATT TGTNTTTAAA TAAAGTGTAC AAATATAGAT 180 AACAAA 186

配列番号:1199 配列の長さ:184 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01345

配列:

GATCTAAACA CGAGGAAACA TTATTCATTG GAAAAGTGCA TGGTGTGTAT TTNAGGGATT 60

ATNAGCTTCT TTCAAGGGCT AAGGCTGCAG AGATATTTCC TCCAGGAATC GTGTTTCAAT 120
TGTAACCAAG AAATTTCCAT TTGTNCTTCA TGAAAAAAAA CTTCTGGTTT TTTTCATGTG 180
GAAA 184

配列番号:1200 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01346

配列:

配列番号:1201 配列の長さ:184 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01347

配列:

GATCTCTGCT CAGCTTCCCT TGCGTTTTAA GGCCTGCCCT AGCCAGGGTT CCCTCCTGCT 60
TCCAGTACCC TCTCATGGCA TAGGNTGCAA CCCAGCAGAG GGCAGCTAGA TGGACATTC 120
CCCTGCTCGG AAGGGTTNGC CTGCCTGGCT GGGGNGGTCA GTAAACTTTG AATAGTAAGC 180
CAAA 184

配列番号:1202 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01348

配列:

GATCCCCTTT GGTTTTACTA CCCAAATCTA AATAGATACT TTTGATAATA GATAACTGCT 60 CTTTTACTAA GACATAGTCT CTACCTATAG AAATGTATTT TGAAAACACT TATTTTACAC 120 AGCAATTTTG TATCCATTTA AACTAACCTT TTATCAATAA AGCACTATTG TTTAGATATT 180 AAA 183

配列番号:1203 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01349

配列:

GATCTCATTC TCCCTTTTTA TCCTGAGTTA CCATCAGTGC TAATGTTCCT CTTTTGGGTA 60 TAGTTCTCCA GGAGAACTTG TCCTATATTT NTTTGTGTGT GTTTTTTTCC TTCCAGCTTA 120

AACAAATTAA AACTAAATAT CTAAACCTTG	TATACAGACA	TTAAAATTAG	TGAGAGAAAC	180 183
配列番号:1204 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01350				
配列: GATCTGCTTT TNCTATTTCT CCCAACCAAA CATGGTCTAG CATGCATCTT GTAGAAACAA TGTTTTATCT GTTTTATATT TTAAAAGATT AAA	GGCATNCTGG	CAGATTGCAG	${\bf GGTTGAGATG}$	120
配列番号:1205 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01351				
配列: GATCTGAATA GAGAAATGCT TACAGATAAT AAAGATGGGA TGGAGTTGTA AAGTGCTTTT TTGACTCTTT GTTTTATTTT GACATGGCAT AAA	ATAATACAAT	ATAATTGTTA	AAGGCAAGGG	120
配列番号:1206 配列の長さ:182 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01352 配列:				
GATCCTTGGG GGCCAGGGTG AAGGGTATTT AGTTTATTCT TTAGACCAGT AGCTCTCAAC ATGTGTTGTG GGGATATCCC AAGTAACTTG AA	CATGATGTG	G TCGTATATT	T ATGGGTCAAC	120
配列番号:1207 配列の長さ:182 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01353				
配列: GATCAAAATT GAAGACACAT TCAGAGGTTT GGTGTATGTA TGTTTNATTT TNATGTCTTT				

TTTCTGATGG ACAAGACCTC ATAACTGTGA TTAATATCAA TAAAAAGGGG ATGTTGTGGA 180

AA 182

配列番号:1208 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSC1:354

配列:

GATCCGTCAA TCTTGGGTGG AATNATTGTN CGCATTGGCG AGAAATATGT TGACATGTCT 60 GTCAAGACCA AGATTCAGAA GCTGGGCAGG GCTATGCGGG AGATTGTCTA AAAGTGTTGG 120 TTTTCTGCCA TCAGTGAAAA TTCTTAAACT TGGAGCAACA ATAAANAGCT TCCAGAACAG 180 AAA 183

配列番号:1209 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01355

配列:

GATCATGTTA TATTCTATAT CAGACAAACT ATTTTNTTTT GACCTTTCTT CCCCTCCATC 60
CAGTATTTCG GTTGATTTCA TTTTCTCCCC TCTCTTCCCC TCCACGAAC TGCAATACCA 120
GTAACCTTGG TATATATTTT TTGATACTGT ACACATGGAT GTNTTGTTTC TATGTGCAAA 180

配列番号:1210 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01356

配列:

GATCAAAGAT TCTCCCCATC TCACAGACAA GGAAACTNAG GCCAGAGGGA GGAGAGAATT 60 GCTCATGGCT CCANAACTGG TGGCAAGTTT CTCTGGACTC TTAGGTTTAT TTTNAATATG 120 AAATATAAAA NCAGTTTCAA ATATCTNATT GAGGGAGANG TAAAACCTTA TTTAANCAAA 180

配列番号:1211 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01357

配列:

GATCTATAAA ATGGAAGGTG ACCAATGTCA CTGCTTCTAA AATACTGTCC TAAACAACCC 60 AGAAGATTT ATTTCAGCTC ATGAATAGCT GTTCTAAATC TGTTGTATGT TAGACATACT 120 ATGAACTACC TCTTCACTTA TTATGGGGAA GTTTCCTTAA TAAAAGTGTG ACGATTAAA 179

配列番号:1212 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01358

配列:

GATCCAAGAC CAGGGGGGTT GGGACGGCCT CCTNTCCTAC TTTGGGACGC CCACGTGGCA 60
GACCGTGACC ATCTTTTTGG CGGGAGTNCT CACCGCCTCA TTCACCATCT GGAAGAAGAT 120
GGGCTGAGGC CCCCAGCTGC NTTGGACTGT TTTTTNCCNC CATAAATNAN GGCATTTN 179

配列番号:1213 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01359

配列:

GATCTGAGAT GTTCCTTAAC ATGTAGCCAT GTAATTAGAA CTCACAAGGG GCATTGAAAT 60 NTTTTCCTTT TTCANATAGT CTGGGGCTAT TTACTTATTT NAAGTAAGCC AAGTCTACCA 120 TTTGAAAAAT GGTGCTTTAT TTCCATATCT GANGCCTGAN GTTATTTNNN AGTTTGTN 178

配列番号:1214 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01360

配列:

GATCTGGCAT CCNCAGGCTG CAGCTTTATT AGCTTATAAC TTACTCATCT CTATCTTTAC 60
CAGCAGGCTC TGTATTGTTG ATATTTGCAA CTNGNTTTGC TTTCCCATTG GTGGAATTGA 120
AATAATTAGT TTTNAATNAC ATAAGANGCC TGTTTGCTAT TNGGNGGAAG ATAGATGN 178

配列番号:1215 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01361

配列:

GATCAAAGAG GTTATCTCTG CCAGTCACAA GTGTGGCTGG TGTCATTCTG GGTCTGACTG 60 GAGCCCTCCT GGACTGTTTC TTTAATTTCA AAAGCCCTGC AGACATAGTA CCTGGTCAGA 120 ACTATGCCTC GGTTTATTTA TCATTTTGAA ATAAAATCAA AATTTCAACC TGTAAA 176

配列番号:1216 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01362

配列:

GATCAAAACA ATTACCTAAT TGCAAAAGAG AAACTGAAAT GGAACATAGT CTCANATTCT 60

NCTAATGTGT ATCTCACAAT GTCATGTAAT GTAAAGNAAA CCCTTTTGGA ATTAGAATTC 120 TTGTNCTGAA TGCTGAACTA TTTGGTAATA AAGTGCTTAT NTGCAGATAA CAGAAA 176

配列番号:1217 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01363

配列:

GATCTGTGCT GGGGAACAAA GCTTTTGCAG TACCTTATAT TGTAGTTAAA ATTTTATTTA 60 ACATATCCTT CAGTGAGCTC ATTTCACACT GTAGCCTCTT CCTTAAAATT TGTGGTGCTC 120 CTGTAACAGT AAGANCTAAT TCTGAAATAA AAGACATCTC CTAATGCTGT GCAAA 175

配列番号:1218 配列の長さ:174 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01364

配列:

GATCAGGATA ATAATCTGCT TAGTAAGAGA AACAATTTGA ATTTTAGAAG GAAATTGCCT 60
TACCATTTGC AAATTAAGGT AATTAAAATA CAGTGAATTT CAAAATGCCT TTTTAATGAC 120
AATGTGTGAA CTTAATTTGT TTTAATAAAC CAAAATTGTT GTTATTGTGT TAAA 174

配列番号:1219 配列の長さ:174 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01365

配列:

GATCTGAGCA GGCAAAGCTC AAAAGAGAGT TTGGAGGTTA AAAATAATTT ATTTTTGCAG 60
TAGTGTGCTT TGAAATGTGT AAATCTTATT TCTAATGTAT ACAACCACAT TTCACATAAA 120
AATATGCAAT TTATATGCCA GATAAAAATA AAACAAGTGA ATTTGCAAGT GAAA 174

配列番号:1220 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01366

配列:

GATCAACATG ATGGTGACTG GGAAAAAATT ACTTCAAGTA ACATGCTTAG CTTTCCCTCC 60
TTAATGTGAA AAATCAAGGG CTTACTGACA TAGGAACAAC AGAAATGCTC CTGGAACTTC 120
AAGTTGCTGA ATTATAAGTT TATTTTTNAT CAATAAATAT NNNNATACTN AAA 173

配列番号:1221 配列の長さ:216 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01367

配列:

GATCCATATT TAGTTTTATT AAGCTTTTCC CTGTTTTTAG TTTTGTTTTTG GGTTTTTTGG 60 CTCATGAATT TNATTTCTGT TTGTCGATAA GAAATGTAAG AGTGGAATGT TAATAAATTT 120 CAGTTTAGTT CTGTAATGTC AAGAATTTAA GATTTAAAAA NCGGATTGGT TAAAAANTGC 180 TTCATATTTG AAAAAGCTGG GAATTGCTGT CTTAAA 216

配列番号:1222 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01368

配列:

GATCGNCTCT GAACCATCCC NTTTCTGCTG CCCGGAGCTG GGGAAGCTCG CTGTGGAGCG 60
TCTCGCACGT GGCAGGCAGG CAGAGAACTT GCTGCACCTT CTAGGAAATT GCAATCGATT 120
TGTAATGCAC TTTCGCTAAT TGGGAGTTCA AAATTAAACT TTAATAAAGC AAA 173

配列番号:1223 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01369

配列:

GATCTTAAGA GCAGACTTAA AGTAGCTTTG TACGCCTTAA TGTTCATTTT GATTTATTTT 60 AAATCTTTAC ATTCAGAAAT NAGATACTGT ATTATCAGAC CAGGAGGCAT TGCTGTGAAA 120 GATAATNTCC TATTCTAAAA TATCAAATTT AAAATAAAGA TAATGAAAGA AAACATAAA 179

配列番号:1224 配列の長さ:172 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01370

配列:

GACCCAAAAA TGGTAGCCAC TCACCCTTCA CAAACTGAAG TCCATGGACC ACGGAAGTCG 60 AGAATTAATG TACACCTGTA TCATGTGTAG GAAACCAGAA ATGTGTTCCT TATTTNTTGT 120 TCCCAAACAG GATTAACTGT GAAGACTAAT TTATAAATGT GAACCTAAGA AA 172

配列番号:1225 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01371

配列:

GATCAGCATG AGGACAGAAG GCAGGAGACT TTGGTCAGTT ACCTGGGAAT TCTGGGCTGC 60
CAGGAAACGA TTTGGGCCTC TGTCAGTTTC TTTTCCATGT ATGAGGAGGG GGAAATTTGT 120
ATATTAGAAA CTTATTCATC CCACTCAGGA CAATAAAAAC GAATGTACAA AAAGCCAAA 179

配列番号:1226 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01372

配列:

GATCACAGTG GCCACGNCCA GGCCACAGTC ATGGTGGCCA CGTCCACAGC CACTAATCAG 60
NAGNCCAGGC CACCCTGCCT CTACCCAACC AGGGCCCCGN GGCCTGTTAT GTCAAACTNT 120
CTTGGCTGTG GGNCTAGGGA CTGGGGCCAA ATAAAGTCTC TTCCTCCAAG TNAAA 175

配列番号:1227 配列の長さ:318 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01373

配列:

GATCTTTAAT CTCATGAAGT ACGACAGCTA CAGCCGCTTC TTAAAGTCTG ACTTGTTTTT 60
AAAACACAAG CGAACCGAGG AAGAGGAAGA AGATTTGCCT GATGCTCAAA CTGCAGCTAA 120
AAGAGCTTCC AGAATTTATA ACACATGAGC CCCCAAAAAG CCGGGACTGG CAGCTTTAAG 180
AAGCAAAGGA ATTTCCTCTC AGGACCGTGC CGGGTTTATC ATTGCTTTGT TATTTGTAAG 240
GACTGAAATG TACAAAACCC TTCAATGGGA TGTGTGTTTT ATTAACTGCT TCACCAGTAA 300
ATTTTGCATG ATGGGCTN 318

配列番号:1228 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01374

配列:

GATCTGGAAG AGGCTTGTNA CCTGAACTTC TGTGTGGTGG CAGTACTGTG GCCCACCAGT 60 GTAATCTCCC TGGATTAAGG CATTCTNAAA ANCTTAGGCT TGGCCTCTTT CACAAATNAG 120 GCCACGGCCT AAATAGGAAT NCCCTGGATT GTGGGNANGT GGGCGNAAGT N 171

配列番号:1229 配列の長さ:170 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01375

配列:

GATCTGATGG TTTTAAAAAG AGGAGTTTCC CTGCTCAAGC TCTCTCTT TGCCTGCTGC 60 CATCCATGTA AGATGTGACT TGCTCCTCT TGCCATCTGC CATGATGTGA GGCTTCCCCA 120

配列番号:1230 配列の長さ:170 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01377

配列:

GATCCATGGT GTTAGAAGCC AGGGGAACAG TTAACAGGGG AGGGATACTG GGGAGGGGCA 60
TCCTGGAGTG CTGGTCTACC TCATCTGGGT GTTGATTTCA TGAGTATTGT CAGTTTGTTT 120
CCAGACTCCC TGTTGGAGAT GTGGAAATAA AAACCACCTA ANCANGNAAA 170

配列番号:1231 配列の長さ:170 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01378

配列:

GATCCATCAC AAAGCGAAGT CATGGGAGAG CCACACTTGA TGGTGGAATA TAAACTTGGT 60
TTACTGTAAT AGTGTGCTGT TCATGGAAAC CGAGGGCTGC ATCTTGTTTA TAGTCATCTT 120
TGTACTGTAA TTTGATGTAC ACAACATTAA AAGTACTGAC ACCTGAGAAA 170

配列番号:1232 配列の長さ:168 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01379

积利

GATCTGGGAT GGAATATGGT TTTCTTGATT CCCTTTCAGC CTTCATTTCT CTCTCTCAGG 60
ACTACTACTT TTTAATTACT TTTCACTTAA TTTCCCAATA CTGATGAAAT AAAGAAAAAT 120
GAGGGTTATT TATATACATT TCAATAAAAT CCAATTTGAT TTTTCAAA 168

配列番号:1233 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01380

配列:

GATCTAGAGA ACATAACAAA TGAAACTCTA GAAATTTGAA AGAAAAAAA ACACTTAGCT 60
GTAAGTGCTT TGACCTATTT TTTTTAAAAA AAAAAAAACC TGTNTTAATT CTGTGACTGN 120
ATTGNACCCT TCACCAGCAC TANGNGAAGT NGGANTGGAN GAAATTN 167

配列番号:1234 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01381

配列:

GATCAAGCCA TCGGAGCTGC TAGAGTTCTG TCTGGACTTT CCAGAGACCA GTATTCCCTT 60
TTGCTGCCTC TAAAAGGCCT GTCCCTGCAG ACATGAGAGA CAGCAGGTCT CATGGGGGTG 120
ACAAGCTTTT TTTTTTTTN TAAANGATTT TCNAAANNNA ANTNCCN 167

配列番号:1235 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01382

配列:

GATCTTTTGT CTTCCAGTCT TCTCTTAGTG TCCTGCTCCT AGGTTTCCCT CTCTTCTGGT 60
TCTTCTCCCA GGTATTCTCT TCCCAGGCCT CTCTGGCCAC TGCTTTGTAT CAGGGTTTTT 120
CACGCTTTTG TAGAACTGAG GTTTCAATAA ACAGTTTCAG TTGCAAA 167

配列番号:1236 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01383

配列:

GATCCTCCAG CCCACCACCA CATAGTAATC ACTGACACTG TGGGGTGTCT CAGCTGGGGT 60
TCTGCTGTGT GTGTGTGTAT TTNACAAAAT ATGTATGGTT TCTGTTCAGC TCTTTTCAGT 120
TAACAGATGA ACTGNNNTA TCATTAAATA TTTTTGAAAA CATGAAA 167

配列番号:1237 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01384

配列:

GATCCATCAG TAATGTAGCT AGCTGTAGAG CTTGCAACTT AATAGCAGCA GCTGCCCAAT 60
GCCATGTNAA GTAACAAACT GGTTTTTGGT TTTTTTTTC CCCTTCAGTT TAAATGTNAT 120
GTGXAATGTA TTAAAACCCT TATTTAAATA AANCTTGTTT TCAGAAATAA A 171

配列番号:1238 配列の長さ:166 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01385

配列

GATCTGGGGT TGGGTCATGA CACCAGCTAC CAATTTNAGA ATATTATTCC TNGGTTTCTT 60
TATGAAAAAT GGGTGCTAGT GGTAATTCCT TNGTGGCTTA GTAAACTACT CTNTGGATGA 120

164

TTTCCAAACA TTCAAAGCCA ATAGCCTNGT NATNAACAAG ANATTN 166 配列番号:1239 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クコーン名: HINGSC1385 配列: GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGGTCTACCT TCTGCTTCCC 60 TGGAAAGGAT GAATTTACAT CATTTGACAA GCCTATTTTC AAGTTATTTG TTGTTTGTTT 120 GCTTGTTTTT GTTTTTGCAG CTAAAATAAA AATTTCAAAT ACAAA 配列番号:1240 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01387 GATCTGTCTG TGTTGTTATA TATTCTTTTA TGCATACTTA AAGTTAAAGG GTTTTATCCA 60 CTGTCATTTC AATTGGATAA CATTTTGTCA AGTTTTTTTT TCCTGATTAT TTGATGTAGC 120 TGGATTCAAG AATGGATTGC CTNATCAATA AAGAATATTT AGAAA 165 配列番号:1241 配列の長さ:166 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01388 GATCCTATTT TGGGCCTGGG GTGGGTATAC CTGNGGCTGG TCTTAGGAGG GTGCTAGGCT 60 GCAGACTGCC TTGTACTCCC TGGACACCCT CAAATGGGGT TTTCTGTGTT ATTTCATAAA 120 ATTCTTTGAA GTCCAATAAA GCATGTAGGA GATTTTAACC ACTAAA 配列番号:1242 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01389 配列: GATCAAAGGN CAAAAGACCA AAAATCAGCG GGCTGAGGAT GGAGCACAGC CATGAACCTG 60

配列番号:1243 配列の長さ:163 配列の型:核酸

CTCACGACAA GACGCACCCA TGCTTCTCAG GGTCAAGGCT TTATGTTAAA GCTTCCTGTC 120

GGGGCTGCTA GGTCAGCATT AAAGTAAGGC AACCAACAGT NAAA

トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01390

配列:

GATCTGCTCA GTAATATAAT TTGCCATTTT TATTAGAAAT TTAATTTCTT CATGTGATGT 60 CATGAAACTG TACATACTGC AGTGTGAATT TTTTTGTTTT GTTTTTTAAT CTTTTAGTGT 120 TTACTTCCTG CAGTGAATTT GAATAAATGA GAAAAAATGC AAA 163

配列番号:1244 配列の長さ:163 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HOMGS01391

配列:

GATCTGGATT TGCTTTACCT TGTTAATATT ATCTAGGGGA AAAAGTGCAA ATTGCTCCAT 60 GTTCTTCTCT CCCTTATGTA ACATCTCCTG AGGGTGTTTA GTTGCATGGC TGTTCAGAAA 120 GGTATTAAGG GCTTAGGCCA AATCTTACTT TGAGTATGTT AAA 163

配列番号:1245 配列の長さ:162 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01392

配列:

GATCGTCAAA AAGAGAACCA AGAAATTCAT CCGGCACCAG TCAGACCGAT ATGTCAAAAT 60 CAAGCGTAAC TGGTGGAAAC CCAGAGGCAT TGACAACAGG GTTCATAGAA GGTTCAAGGG 120 CCAGGTCTTG ATATGATGCC CAGCATTGGT TATAGGNGCA AA 162

配列番号:1246 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01393

配列

GATCTGGAAG TGAACACAGT TTATGTACAG GGAAAAGGAT TTTATTATCC TTAGGAATGT 60 CATCCAAGAC GTAGAGCTTG AATGTGACGT TATTTAAAAA CAACAACAAA GAAGGCAGAG 120 CCAGGATATA ACTAGAAAAA GGATGTCTTT TTTTTTTTT TNNCNCCCCC TNTAANCNCT 180 GNTGCTGCCT NANTTTN 197

配列番号:1247 配列の長さ:160 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01394

配列:

GATCTCAATG CCAATCCTCC ATTCTTCCTC TCCAGATATT TTTGGGAGTG ACAAACATTC 60

TCTCATCCTA CTTAGCCTAC CTAGATTTCT CATGACGAGT TAATGCATGT CCGTGGTTGG 120 160 GTGCACCTGT AGTTCTGTTT ATTGGTCAGT GGAAATGAAA 配列番号:1248 配列の長さ:160 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01395 配列: GATCTGAAAA TCGACCTCAA CTCAAGGGTG GTCAGCTCAA TGCTACACAG AGCACGGACT 60 TTTGGATTCT TTGCAGTACT TTGAATTTAT TTTTCTACCT ATATATGTTT TATATGCTGC 120 160 TGGTGCTCCA TTAAAGTTTT ACTCTGTGTT GCACTATAAA 配列番号:1249 配列の長さ:159 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01396 配列: GATCTGCATG ACCTATAATC TTTGAACCAC TTTCGTACCT CATGTTTTTA TCCAGCACTC 60 TTATTGTAAT ATGTACTAGT CTGTGAACAA TGTCAAATAA AAGAGAACGA ACAGGTAGTT 120 TGGTGGAGCT GAGCTAGTGT ACAATACACT AGTTGTAAA 配列番号:1250 配列の長さ:159 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01397 配列: GATCTTGGAA TTCTTGTNTG GATTTNCACA GTTTTTAAAA TTAATCATGT CAGCCCAATG 60 CAGCTGTGTC ATTGCCACCT AGTGGTAAAA CTAACATTAC TGTTAAGCTG TGTGATTTTA 120

配列番号:1251 配列の長さ:159 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01398

AACTTGAATC CCCAGTAAAN GGTTCACTGT TCTGTGAAA

配列:

GATCCCTCTG AGAGTTGATG AGGATGTGTA ACAAGTATTT NCTTCTATNG TGCCTGCCAG 60
GGCTGAAGCT GCCTGGTATC CAGGAGGGGA ATGCTGGTAT CCCCATATGN CTGTNTTTGT 120
TTGAGATTTT TAATAATAAA TAATAAATTT TTGAAGAAA 159

配列番号:1252 配列の長さ:158 159

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HDMGS01400

配列:

GATCCTATTC TTGTAAAAAT ATTTGTATGT ATGCACAGAA ATCTGCAAAG ATGTACACTT 60
AGTGAACTGG TTACCAACGA ATGGTGGGAC TAACTAAAAT GGTCTTTTTA CTTATATGTG 120
CATTTCTTT TATAATAAAA ATGGGTTATA TGCCTAAA 158

配列番号: 1253 配列の長さ: 158 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01401

配列:

GATCTGCCCT GTGTTATCCA GTTATGAGAT AAAAAATGAA TATAAGAGTG CTTGTCATTA 60
TAAAAGTTTC CTTTTTTATT CTCTCAAGCC ACCAGCTGCC AGCCACCAGC AGCCAGCTGC 120
CAGCCTAGCT TTTNCCCNTT TTTTTTTTT NNNCNNTN 158

配列番号:1254 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01402

配列:

GATCTCAATC TTCGGGGTGT GATGAATAGC GAATCATCTC AAATCCTTGA GCACTCAGTC 60
TAGTGAAGAT GTTGTCATTA TGTACAATAC ATAACTAGTT TAATTAACTA TGTGATGTTA 120
ACTATTATTA ATAAATTTTA ACATTTTCCA AAATAAA 157

配列番号:1255 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01403

配列:

GATCCGGATG NGGGGAGCTC TGTACAGAGG GCTGGTGATT GTAAAAATT CTTTTGTAAA 60 GTAGAAGTTG GGGGTGGGGT GGGTGCTGGC TGCAAAAATT TCTGGCTTCT CTTACCCCTA 120 TTGCCCCCGG CAATAAATTG TTTCTATATG CCAGAAA 157

配列番号:1256 配列の長さ:160 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:EWMGS01404

配列:

GATCTTATTT GGAATTGACA TTCTCTATTG TAATTTTNTT CCTGTTTATT TTTAAATTTN 60

CTTTTTGTTT CACTGGAAAG GAAAGATGAT GCTCAGTTTT AAACGTTAAA AGTGTACAAG 120 TTGCTTTGTT ACAATAAAAC TAAATGTGTA CACAAAGAAA 160

配列番号:1257 配列の長さ:156 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01405

配列:

GATCTTTGTN CTTGACCTCT AGACCCCAAG ATGTGAACAG TGCACGTTTT AATGTCATCT 60
TTNCTCATGT GTTATAAGCC CCAAGTTGCT GTATATTTNC ACAAGTATGT CTACACACTG 120
GTCATGATTT TNATAATAAA TAACGATAAA TCGAAA 156

配列番号:1258 配列の長さ:155 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01406

配列:

GATCTTGCTC TGATTATAAT GCCAGTGAAT GTTGCTGAAC TCTTTGTATA TGCAAATTGC 60
AAGATTTAAA CCATTCTGAT GCAAGGATAA ACCTTTACTT TGACTACCAG CCTGTGTTT 120
TGTCTTTAAA TCTCTTAATT TCATTCCTCT GCAAA 155

配列番号:1259 配列の長さ:155 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01407

配列:

配列:

GATCTGCACT CCCACTCCCC CCACACTTCC CAAAGTGCTG GGATTACAGG CATAAGCCAC 60
AAGCCACCTC ACCCAGCCAA CATGTTACAT CTTAATTCTT GGATTTTCTT CACTGCAGGG 120
CTTTGGGTGG AGAAATAAAA CTCTTCAAAT GCAAA 155

配列番号:1260 配列の長さ:155 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01408

GATCTGGGAG TGCTGGACGT CATCTTCCAC CNCACCCAGC CGTGGGTCTT CTCCTCGGGG 60 GCAGACGGGA CTGTCCGCCT CTTCACCTAG CTGTTCTGCC TGCCTGGGGC TGGGGTGGTC 120 GTGCTGAAGT CAACAGAGCC TTTACCCTGT GCAAA 155

配列番号:1261 配列の長さ:158 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01409

配列:

GATCTTGGAG GCCAGCCAGC TGAAGGAGAC ACTGCAGGCG GTGCCCAAGC CAGGGGCCTT 60
TGACCTGGAG CAGGTGAAGC GTTCCACCTA CTTNTTCAGC TGACACCCCG TGAGCCTTGT 120
CAGTGTGTAA ATAAAGCTCT TTTGCCACCC CCAGGAAA 158

配列番号:1262 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS01410

配列:

GATCCATCAT NGATGTAAAA GTTCACAATC ATGGTTCAAA TGTAACAGTG CAGAATTGAA 60
TATGGAGGCA TGCATAACCT TCCTCTTAGA AAATGGCAGG TGTTGTAATT TCAAATTTTT 120
GTGCAATTAG ATTAAATCAT AATGCAACAA A 151

配列番号:1263 配列の長さ:154 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01411

配列:

GATCTGATGG GTTTATCAGG GGTTTCCACT TTTGTTTCTT CATTTTCTCT TGCCACCAGC 60
ATGTAAGAAG TGCCTTTGGT CTCCTACCAT GATTCTGAGG CCTCCCTAGC CATGTGGAAC 120
TGTAAGGCCA ATTAAACCTC TTTTTCTTCC CAAA 154

配列番号:1264 配列の長さ:154 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01412

配列:

GATCAGCACC TTGTATAGGA ATTCCCATGA ATTATGACTT CTCATTCTGT TTTATCAGAG 60
TGCATATATG TCCTACTTCA GGAAAAGTAA AACAGTCATT TACGAAAGAA AGTCAATCTG 120
TATCCTAAGC ATTTTAATAA AAAGTTAAAA CAAA 154

配列番号:1265 配列の長さ:153 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HJMGS01413

配列:

GATCCTGGCC TGAGAATTGA GGGGAGGTGG CCAGCCCGCA GAGGTGGGGT GCTGGGGCTG 60

CATGATTTTN GCCCTGCGTC CCTTCTCTTT GGGGCTCCTT TCCCCTCTCA TACATAAAAT 120 CGCTTTCAAA TTAAAATCGC TGTTTTCTGG AAA 153 配列番号:1266 配列の長さ:163 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01414 配列: GATCCGAGTG AAGCCCCAGG TCTCANAGAG CAAGCTGTAG CCAGATGGTA CCAGCTTCGC 60 CTGGGGCTTC AAGAACCTCC CATCTATCCC CATTCCTGAN ACAGGGAGTT ACAGTCCCTT 120 TTTGGCCCTC ACATNCAATA AANGTGACTG ATANCACTGG AAA 163 配列番号:1267 配列の長さ:153 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01415 配列: GATCTGGCAA CACGTTTTNN TTGGAATATT TGTGTTTTCT TGAGGAGGTA TAATTACTGT 60 ATCCTAGGTG TGAATTTTTG AGTGCAGATG CACATTTTAA AGAAATNATG ATTAANCTGA 120 TAATGTTTTT NGGCTGAAAA TATAAAANNA AAN 153 配列番号:1268 配列の長さ:152 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01416 配列: GATCATAAAT CAAGGAATGC TGACAGCCAC TAAAGCTGGA GAAGGCCAAG GACAGATATT 60 CAATCCTCCC GTAGAAGTAC AGCCCTGCTA ATGCATTGAT TTTGGACTTC TGGCCTCAGA 120 ACTGTAAGAG AATAAATTTC TATTGTTTTA AA 152 配列番号:1269 配列の長さ:152 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01417 配列: GATCAGACCA ACAGTGCTGT TTCCCGGGAG GAACACTTTT TNATTNTTAC CCTTTGCAGC 60

配列番号:1270 配列の長さ:156

ATGCTGNCTT AGTAGCAACT AAAATGTGNC TN

152

TCCCACCTTT AATCTGTTTT ATACCTTGCT TATTAAATNN GCGCTTAAAT NATTGAAATA 120

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01418

**阿斯** 

GATCCCCCCT ACCCACCCA GTCCCAAATC CAGTCCTCTG GCCCTTGCCT AGCCCTGAAT 60
TGCTTCTCTA AGCTGGTGTT CCCATGCACA GGGCCATTCA GGAAGGGCTG GGGGAGTGTG 120
TGTGGCAATA AAGCTTGAAG GCACCGTGGG AGCAAA 156

配列番号:1271 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01419

配列:

GATCCTCTTC TCTCCAAATG TTAGCCATCC TGAAGTAGCC GAACAGTAGA AACTTTGGTG 60 GGGATTAACC GGGAGCTTGA AAATTTGTNT TTGGTAACCT GATACTGGAC AGCTGAACTG 120 AATGGCTGCA AAATAAATAC CTCACATGAA A 151

配列番号:1272 配列の長さ:93 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01420

配列:

GATCCTGGAG GACCCTGGGC CCCAGGCCAG CTCCCATCGC TGGGGGACGG TGAACGGCCA 60
TGTGTTAATG TTACGATGTT TTTAAAAGAC AAA 93

配列番号:1273 配列の長さ:149 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01421

配列:

GATCCCCTTT GTCAGTGGGG AAACCAAGGC AGAGCTGAGG GGACAGGAG GAGCAGAAGC 60 CATCAAGATG GTCAAAGGGC CTGCAGAGGG AGATGTGGCC CTTCCTCCCC CTCATTGAGG 120 ACTTAATAAA TTGGATTNAT GACACCAAA 149

配列番号:1274 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01422

配列:

GATCTCAACG TGCTGATATG GAAAGTGCTT CAGAATGTAT TAAGGACATA AATTAAGTGT 60 ACAATAATGT GTGTGTGTGT ATATATGTAT ATGCTTACGT GTGTATGGAA AGTATCTCAG 120 WO 95/14772

PCT/JP94/01916

148

151 CAGATACAAT AAAAACTTAA TTGTGATTAA A 配列番号:1275 配列の長さ:149 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01423 配列: GATCCTCCCT CTATTTTGCA AACAGTCTGT AAGTAACTNA TAAAACTTTA AAATATGCAA 60 ATTTTAAAAT TATATAGTTT GATTTACTCA TCAAATTATC ATGTATGCTG TTATTTAAGT 120 149 ATGAATAAAG GCTTTTTTAA ATNGGGAAA 配列番号:1276 配列の長さ:254 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01424 配列: GATCCTACTC CTTTGGAGTA AAACTAGTGC TTACCAGTTT CCAATTGTAT TTAGCTTCTG 60 GTTGGAATTT GAAAAAAAA GAAAAAAGA AAAAGAAAAC CTAAATAAAA TAGGTGAAAG 120 TTCCCTGACT ATTCAGGTGA ATACACAAAG TTTGAAGTGT TAACTTTTTC TTTCCATTTC 180 ACTGATGTTA CTGGTCACCT TAGAGAATTA TTTCATAGTC TGTGGCTAAA TAGTAAATTC 240 254 AGANGAAAAA TAAA 配列番号:1277 配列の長さ:148 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01426 配列: GATCCTACTG TTGAGTTAGG AAAATATGGT TAGACAGACT CACATTACTT TTTTTCAGAG 60 GTAAACTCTA GATTACTGTG TCAACCCAAT ACTATTTGGC CATAGATGTA AAAACTACCA 120 AATAAAAGTG GATTTTGTGG TCTACAAA 配列番号:1278 配列の長さ:148 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01427 配列:

配列番号:1279

AAATCTNTTN TCTTTAAGTG TAAATANN

GATCCACAGT GGAGTCTCAG TAATTATATC TCCTTGATTT CTTCATTTNC TCTTCTGCTA 60
TAAAAGTAGA GATAATGTGT AGTCACTNCT CATTTAGTGA ACCAATTGTN ATANTTCTGG 120

配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HDMGS01428

配列:

GATCCCAATC AGATTCCCGC TAATGGAAGA AGTTTAGAAT CTTTCAGGTG GAATAAAGTC 60
ACATGAAAAC AAAACACAAC TATATATATT TCCAGTTTTT TTGCCTTATT GATTTTTNC 120
CAAA 124

配列番号:1280 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01429

配列:

GATCTTTGGG GAGATACATC TTATAGAGTT AGAAATAGAA TCTGAATTTC TAAAGGGAGA 60 TTCTGGCTTG GGAAGTACAT GTAGGAGTTA ATCCCTGTGT AGACTGTTGT AAAGAAACTG 120 TTGAAAATAA AGAGAAGCAA TGTGAAA 147

配列番号:1281 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01430

配列:

GATCCTGACA CTAAGGAATG CTGAAGCTTT GGACTTCGGC AGTCTTCCAC CTTCAGTCAT 60
CAGCTACAGT TGGAATGAAT TTNAAAACGC TCGGGACCTG TTAATNTNTC CTGTAGNCTG 120
TATTATNTNA AAAATCTGGG CAACAAA 147

配列番号:1282 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01431

配列:

GATCTCGCTC CCCCCTTCGG TTCTTTCGAC CGGTCCCCCC TCCCTTTTTT GTTCTGTTTT 60 GTTTTGTTTT GCTACGAGTC CACATTCCTG TTTGTAATCC TTGGTTCGCC CGGTTTTCTG 120 TTTTCAGTAA AGTCTCGTTA CGCCAAA 147

配列番号:1283 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01432

配列:

GATCTCAGTT CCTGGCTTTC CCCCCAGCCT TCTCACCCTT TGTGTCTGTG TAGTGATTTG 60 GTGAGAAATC GTTGCTGACC CTTCCCCAGA CCATTTATGA GTCNAAGTTT ATTATTCAAT 120 AAAAGTGCTN TATGCGCTTT CTCAAA 146

配列番号:1284 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01433

配列:

GATCCAAAGA TGAGGGGATT NTTTCAGAAA GACAATCTCG GCATGCATTA TTTCTTTNNT 60
TTGAAGATTC ACTCATGTTG CATGCATCTN TAGCTTGTNC CTTTTTAATT CCTAGTAGAT 120
TCTGTCATAT GCCTATCTNC AATTNN \* 146

配列番号:1285 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01434

配列:

GATCCCCATG CTAAGAAAAT GCCCAAAAAA ATAGGCAAAA CACGAGAAGA GCTAGGGTAA 60 GAGAAGGACG TAAACAGAAC CTGACACCAG CTCCTTTTCC TTCTATACAT TATTTAATAC 120 CTATTAAAATA AAATNATTTT TGGAATAAAG CTTGTGGGAA CATTAAA 167

配列番号:1286 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01435

配列:

GATCAAAAAG GCTTATAAAA CAGAGTAATC TTGTTGGTTC ACNCTTGNGA CCGTGAAGAT 60 ACTTTGTATT GTCCTATTAG TGTTATATGN ACATNCAAAT GCATCTTNCA TGTGTTGTTC 120 TTGGCAACAA ATTTTGAAAA GTAATATTTA TTAAATNTTT TTGTATGCAA ACATGCAAA 179

配列番号:1287 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01436

配列:

GATCCGATGG GAGTGTAAAT GTGAGACACA ATGTCTTGAT TATACCTGTT TGTGGTTTAG 60 CTTTGTATTT AAATAAGGAA ATAAACTTGA AAATNATTTG TCATCATAAA AATGAAACAA 120 ATNAAAATAT TTATTGCCAG GCAAA 145

配列番号:1288

配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01437

配列:

GATCAGGGCA TGCAACCAAA AGCAGCTTAA ATGAAATATT TTAAAATAAA ATATCAGGAA 60 GCTATTTTA GATTTCTNCT GGCTTATGTT TCTACTTTAG GACCCTCATT GTNCTCTTAT 120 TAAAAAAAAT TATTTCCTGT GCAAA 145

配列番号:1289 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01438

配列:

GATCAGATTT TTTTTGTACC TACGTAAGAG TACTTGAAGT TTTATTTAAA ATAAAATGTT 60 GTGGAAAAGG TAGCATTCTT TTTTTAGGAG TGTTATTTTT CACTATGTGT GGCACGGATA 120 CAATAAAAGA CTTTTACAAA CTAAA 145

配列番号:1290 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01439

配列:

GATCCCAGGG CTCCCTGCCA TTTTAGTGTC TTGGTGTAGT GTAACCATTT AGTGGTTGGT 60 GCCATTTTTT TTTTTGTNCA AATGATTTAA ATNATTGGAA TNCACAATTT TTTAAATATN 120 CAAATAAAAN GTTTAAAACC TTAAA 145

配列番号:1291 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01440

配列

GATCAGGAAT TCTAAATAAA TTTCCCAGTT AAAGATTATT GTGACTTCAC TGTATATAAA 60 CATATTTTTA TACTTTATTG AAAGGGGACA CCTGTACATT CTTCCATCAT CACTGTAAAG 120 ACAAATAAAT GATTATATTN ACAAA 145

配列番号:1292 配列の長さ:144 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01441

配列:

GATCTGCCAG CACCCTGTGG GGCCCAGACT ACAGGCTGAT GGCGGAGGCT TCGAGTGACC 60
CGGGTGCCGA GGAGCGGGAA GAGTTGCTGG GGTAAGGGTC TGCGGCGACG CCGGCGCCCT 120
GTGCCGTGTC CACGGGTGCA TAAA 144

配列番号:1293 配列の長さ:144 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01442

配列:

GATCTAAATA TTTTNNAGCT GAGTTATTAG GGAGTCATTA TTCTGTGGTA CAATGCTGCA 60 AAAAGCATCA TGTGGAAGAA TGGGAACTAT GCTTACTTTA TGAAGTGATG TATAACACAA 120 TGAAATCTGT TTTACAACTA CAAA & 144

配列番号:1294 配列の長さ:372 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01443

配列:

GATCTTGGTA GTATCCCTGG CTGCTAAGCC TATGGCAGGG GTGGTCCTTT CTACATTCCC 60
ATTCACTTAA CAGCTCTTTT GGGATTGGGT GTTTCATTCC ATTTCTGCCC ACTCCCTCTC 120
CTCTCCTCTC TGGTAGGTTT AATTTTATGC TTTCCCTGAT TCCAGCTTTC TGCTTCCTGA 180
GGACTCCCGC TCCCNCCACC CCAAAGTTTG TCTGTGGGTG TTATAGTGGT AACTGCAGTT 240
CCCTCCTCTG GGAATNGTAG GCTGTAATAG GNTTAATAAA CTCNACNTNC TCTAATCNTT 300
GCTNAAAANG TGGGGGTAAN GGGGATGGCN TTGNCCCNGG GTGGGAAANT TAAANNTGGT 360
GTTTANGGNA AA 372

配列番号:1295 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01444

配列:

GATCTTCTCT GTGGGGGAAA AGGAAGAGGA GGGTCTTGTT CTCCCANTNT GTTTATTCTT 60
TGGGCTCTGG GAACAGGGGA CTACTTTGGG GCTTTCTCCA ATNCTNTTGT ATGNTGTTAT 120
TAAAAGCGAG CTATTGCATT TCAAA 145

配列番号:1296 配列の長さ:141 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01445

配列:

GATCTTATAT CCTGTGACCT GTCTAAATTC AATCTGTTAG TTTTATCATT TTTTAAAAAA 60

ATGTCCGTGT GTGTCTTCCT TGAGATTTTC TACATTA' ATTTACTTCT TTCTTTCCAA A	TCA 7	rgtcatctgc	ANATAAAGAC	120 141
配列番号:1297				
配列の長さ:141				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状		•		
クローン名:HUMGS01446				
配列:				
GATCCAGTTG TACTAAGGTG TACAGGATAT TTGCAGA				
ATTAATAACT GCATTTNCCT AACTTTGAAA AATTTTN	CAA	ATGTCTAGGT	GATTTAAAAA	
ATGAGATTGG GCTATTGCAA A				141
\$ 15150 H 4000			•	
配列番号:1298 配列の長さ:140				• :
配列の長さ:140 配列の型:核酸				
に対の至・核酸 トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS01447				
配列:				
GATCTAAAAT AGATATGTTG GATTGATATT CTCACGT	GTT	CGGTGTGGAA	AACAAAÂCAA	60
GTACATGCTT TAGAAGCAAC AACAATGAAA TCCTTTT	GAA .	ATNTGTGTTA	ATATCGTTTA	120
NTAAAATACC TAGTTTGAAA				140
配列番号:1299				
配列の長さ:140				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS01448				
配列:				
GATCCATAGA AGGGCTTCCC AAACCTTGTT TTGCAAC				
GGAAGGCCTT TATCAGATTC ATAGATGAGC TTTCAT	<b>r</b> gta	AAAATAAATG	TACTTTGCAC	
CACTTCATGA TGGAGGGAAA				140
配列番号:1300				
配列の長さ:140				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS01449				
配列:				
CATCTCACCT TTTTAGATTT TAAATATTTA TGTGGA	ATTA	ATTAAAGGTA	GTTGGCTATA	60

配列番号:1301 配列の長さ:139

AATTGTTAAA AGTTTTTAAA

140

TCGCTATCAT TTCATTCTTT TGACATTATT TGAATATTTT ACTGGAAAAT AAGACTAATA 120

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01450

配列:

GATCTTCACA AAGTTGTCTT TTCACTGTGT TTTGTCAACG TGAAATTAAA TTGTAGTTAT 60 AAGCAAAAGT TGGTTGCCTA GGGAACAATT GTATATNCAG TTTAACAGAA ATAAAAGAAT 120 ATTTGTCTTA AGATGCAAA 139

配列番号:1302 配列の長さ:138 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01451

配列:

GATCGNCACA TTTCCCAAAA ATAATAAAAA AATCACTAAC CTTTTTTAAG GAAAATATTT 60 AAAGTTTTAC AAAATTCAAT ATTGCAATNA TCAATGTAAA GTACATTTNA NTGCCTTATN 120 AAAACTTTCC CAATTAAA 138

配列番号:1303 配列の長さ:137 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01452

配列:

GATCATTTTT TCGGTCTCCG AGGTGAAATG ACTTATTAAT TAAAATTTGT AAACTCACAT 60 ATGCATATTG TATATGTGTA GAAATGTAAT CACACTTTGT CTTGGAATTA CATTAAACTG 120 TTTGAAATCA CTGTAAA 137

配列番号:1304 配列の長さ:136 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01453

配列:

GATCTTTTG TGATTGCTTT CCCGTCTCTA AGTAGTATTC TGTTGTGTCT AGAGAACTGA 60 TTTTTTCCTA CATACGCAAA TTGTACATTT GTAAGTGAAA ATNTCAATAC ATTAAAAGCA 120 TTANCCTAAA ANCAAA 136

配列番号:1305 配列の長さ:136 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01454

配列:

GATCAGCTGG GTTTTGGCCA GGAAGTTGTC TTTGTGGACT CTGCCTGCAT GGCTTAGTAG 60

	•				
TTGAAGGAAA TTTTTTT TTTATTGACT GTTAAA	TTG GTTTTGTTTT	TTATAATTCA .	GTTTAATCAA	TAAACATGTA	120 136
配列番号:1306					
配列の長さ:136					
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状	•				
クローン名:HUMGSO					
配列:					
GATCCCTTTA TGAGTTT					60
ATGTAAAGCA TCTTCCT	CCT TITACTICTT	TTATTGTGAT	AAAACTCATA	TAAAATTGAC	136
COINTAING IGIAM	<i>‡</i>				100
配列番号:1307	٠				•
配列の長さ:136					·
配列の型:核酸トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGSO					
配列:	1400				
GATCTGGGCC CGACCCT	CAC TACCCCTGAG	ATATTAGTTC	CCAGGCCTGT	TTTCCCACAG	60
GATTGTGGGC TCTCTGC	TTC CTTAGTCGGA	AGTNTTTTCA	ACTAATCAAA	TAAATGAATG	
AATGATGAAT AAGAAA					136
配列番号:1308					
配列の長さ:135					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGSO 配列:	1457				
GATCCCAAAG ATATTAA	ATA TATGCAAATA	TTCCAAAGTC	TGAAAAAATC	CAACATCCAA	60
AAACACTTCT GACCCAA					120
TATTATTAAG TTAAA					135
配列番号:1309					
配列の長さ:135					
配列の型:核酸					•
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGSO	11458				
配列: GATCAGGCCA AGAGGTT	CCA CAGGGCATGA	<b>ፐልሮፕሮሮልሮር</b> ር	<b>ፕሮ</b> ርሮፕሮልሮርር	≱ሮርፕሮ <mark>ር</mark> ሮሮ	60

配列番号:1310 配列の長さ:135

TTAAANAAAT ACAAA

135

ACAGGTCAGG GGAGAGTTGG GGCAGGTGAA TGTCAGCATC AGGCTTCTNN TTTTAAACTT 120

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01459

配列:

GATCCTGCCT CAAAAAAAAC AAAAAAATTC TTTATTTTCT CCATAAACTA CAGTTTATAT 60
AAGCAAAAGT TTCAGTACTA AGCAATTTNA GTCTCTGCAG TCTCTNGTNT TGANTTAATA 120
CAACTTTNGT NAATN 135

配列番号:1311 配列の長さ:139 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01460

配列:

GATCTACCTG TGGCCCGGCC TCCCTAATGT NATTCACATT GAATGGGGAT GAGGTCGGAC 60
AGTGGCTCAT AGAGCGAGTA TGAGCCCTAG CTGTGGGCTA GAAATNTCCT TAATAAACAT 120
CCTTATTTTC NTNTTTAAA 139

配列番号:1312 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01461

配列

GATCCTAGTA TGTTGATAGC TTTNATTTTG TGAGTGGTTT ACTAGTCATT TATTATGATT 60 CCCATGANCT CTGATATGAT TCATTGTGGT TTTAACTCAG GTTGAATAAA AGCATCCATT 120 TCTTTTATAG GAAA 134

配列番号:1313 配列の長さ:237 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01462

配列:

GATCTCAAGG TTGATAGTGG TGTTCACTAG GAGACGTGGA ATTGAGACTA ATAACTTGGA 60
TGTTAACACT GTTTACTGTT TTTTCACATG TAGAAATGTT CTTTGTGTAT TTTTCTACA 120
GAGGATTTC TCTGATTTTA TTTTCTTTGT TTCTGACTCT AATAATTAGT TGGAAACTCA 180
TATAAAATGA GCTTTCCTAA ATTAAATCTA TTTTAAATAA AGGTTATTAC TATTAAA 237

配列番号:1314 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01463

配列:

GATCTATAGG TTTATTAGAA NCCTNACCAC AGNATCCAGA TTATCTTCAG TATTCTNTCA 60 GTACAGCTCT CTGCAGCTTA AACTCGGTGG TACATAAAGA AGATGATGAA CCCAAAATGN 120 TGGNCACTGT ATAN 134

配列番号:1315 配列の長さ:133 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01464

耐耐

GATCAGAAAA TCCCTCTGAC ATCTCCACTG CCCCCAAAGA CCTCCGTTGA ACATTCTGTA 60
TGGAAAAGAG CCCTGGAGCA TCAGGTTCCC CAGATAGGCC CCCAAATAAA GACCTGTCTA 120
TGGCTCTCCC AAA 133

配列番号:1316 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01466

配列:

GATCTAGCTG GCTGTAGTAT TGCNTTGATA ATTTTTTCT TTTAATTTAC CTAATATATA 60
TAAGGAAGGG GTTTGGATAT ATTAAAATAG GTGTTAATTT TATCTATTTA CCAATAAATT 120
CATCTCTTTA AA 132

配列番号:1317 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01467

配列:

GATCCAGCCA TTCCTGAAGC CCACCCTGCA CCTCATTCCA ACTCCTACCG CGATACAGAC 60 CCACAGAGTG CCATCCCTGA GAGACCAGAC CGTTCCCCAA TACTCTCCTA AAATAAACAT 120 GAAGCACAAA 130

配列番号:1318 配列の長さ:139 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01468

配列:

GATCTAAAAG CCAACTTTT CTCAGTNTTA CTCAGTGGAA AGATAAACTA AGTTTTAATG 60 TTATNTTTTT AAATNTAAGC AAAATTTATT TCTGTNCTNT AATAAATAAG AAAATGTGGT 120 CCACTGCAAA 130

配列番号:1319

配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01469

配列:

GATCCCCTGC TCCTGTTGTG TTCTGTTGTA AATCATTTGG CGAGACTGTA TTTTAGTAAC 60
TGCTGCCTAA CTTCCCTGTG TTCTATTTGA GAGGCGCCTG TCTGGATAAA GTTGTCTTGA 120
AATTTCAAA 129

配列番号:1320 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01470

配列:

GATCAGAATT TTTAAAGCAG AATTTTGTCA AAAGGGTCAT TTTTTTGTCT ACCCCTTTTA 60 CACTTTTCAG ATTCTCAAAG TGTCTCATCT CAACTTTTAA AAGAATAAAG AATATCTTGC 120 TGGGCAAA 128

配列番号:1321 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01471

配列:

GATCCTTGTC AGATGAAAAT GGATTCACAG CTCTGGCAGT TCCCAATGTC TGGGGAGGGG 60
TATAGGTTTG AAAGGCTGTT TGAAAGAGGA ATGTTTAATA AAGGCTTTGA TTTAATCTTG 120
AAAAGAAA 128

配列番号:1322 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01472

配列:

GATCTCGAAG TNACTCCGGG CTGAGCAGTG GGGCGGCTGG GGGAGGGGTG ACGATTCTCC 60
TCAGGCTTTG GCCCTGCAAG CAAACCCACA TATCTNCTCT GTATGTAATA AATNTNTTAA 120
CGTCGAAA 128

配列番号:1323 配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01473

配列:

GATCCTGAAG CNGCACTTAC CTNTGAANAG TCTTCAAACT TTTAAACCTT GCCAGTNAGG 60
ACTTTTNCTA TTGCAAATAG AAAACCCAAC TCAACCTGCT TAAGCAGAAA ATAAATTTAT 120
TGATTCAAA 129

配列番号:1324 配列の長さ:127 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01474

配列:

GATCTGTGAA GTTATTTTGT AAGGACATAC ATTTGGTAAG TAAGTTTGTG TCCCAGGAAA 60
TGTATGTNTT TTTAAACCCT TTCTAAATAT GCAGGCCATT AATAAATAAG ATTGTTTCTT 120
CCCTAAA 127

配列番号:1325 配列の長さ:127 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01475

配列:

GATCAGAGAG ATTTTTNTTT TAAACTACCA TGGTCCCAGG ATTCCATCCT GAAATNAATT 60
TTCCTTTGTA TGAATATGTG TAAATAATTT AAAAATAAAA CTGTAAAANA TTTGTNCGAA 120
GAATAAA 127

配列番号:1326 配列の長さ:137 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01476

配列

GATCCCCCTT CATTTGATGT TTGGAAAATN CCAGTAATTA TCATTTTTGC AACGAATATG 60 GATACCACAT AGTACTTTGG TGTTACCTGC TTTTGAAAAA TAAAGTCTTT GGTTCACCCG 120 GTGAACTATT TATGAAA 137

配列番号:1327 配列の長さ:125 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS01477

配列:

GATCCTCAGC CTCCCAGTGG TCTTTGTAGA CTGCCTGATG GAGTCTCATG GCACAAGAAG 60 ATTAAAACAG TGTCTCCAAT TTTAATAAAT TTTTGCCCAT TTCTTATTAA AAAAACTTGT 120 TGTAAA 126

配列番号:1328

配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01478

配列:

GATCCATCTG TGTAGTTTCT GAACAGTCAG CGATTCCAGG TTTTAAATAG TTTGTAAATT 60 TTCAGTTTCT ACACACTTTA TCATCCNCTC GTGATTTTT AATTAAAGCG TTTTAATTCC 120 TTTCTCAAA 129

配列番号:1329 配列の長さ:125 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01479

配列:

GATCCATGCT TTACTGTGTT TAATGGGGGT AACAGGGGTC CCTACAGCCC TCCCAGCTAA 60 ACATTTGGAA CAAAACACCA GCCCTTTTGT AGTGGATGCA GAATAAAATT GTTAATCCAA 120 TCAAA 125

配列番号:1330 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01481

配列

GATCTGTGTT GAAAGTNGTA TATTTTTATC TGTNCGGTGC TGAGTGCAGG CCACCAGCTC 60 CTAAATAGAG GTTCCCTATA TGCGCGTATG ACATGGTGAA TAAACACAAC TCTCTCCACT 120 CAAA 124

配列番号:1331 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01482

配列

GATCGTTGTA ATTNNTTGAC ATTCCTTTNA GAAGTTGTGA AATGTTACAA CTTGTNCTTA 60 TGTAGACACA ATCTCCTGTC TCAGTACAGA GGCACTGACT TCAATAAAGT CTATTTATAC 120 TAAA 124

配列番号:1332 配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01483

配列:

GATCAAAAAA TGGAAATGTA TAATTAAATC ATACTTAGCA AATCTAACAC ATGAAATGTA 60 ACATCTGCAT ATGGAGAATC GTGTTACTTT ATTGAAAAAC ATTAAANGTT TGAGANCTTA 120 AGTTGGAAA 129

配列番号:1333 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01484

配列:

GATCTGCCAA GATTCTTTGA ATACAGATAA TTAATGTAAA CAATTATCAT AAGTATACTA 60 ACATGTTATN CTTTTTAAAT AAGAAGGTAT AATAAAATAT CCCATTGGTT TNATGTATTA 120 AA 122

配列番号:1334 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01485

配列:

GATCGGGCCN TTGGCTGTAA GACCCGACCC TTCGAGAACC CGANACGAAA CGCTCCATTA 60 CCACTGCNCA GTGAGATGAG GGACTCACAG TTCCAAGAGG NTTCTTTCCC GTGGNCCCCT 120 NN 122

配列番号:1335 配列の長さ:121 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01486

配列:

GATCCAACCC TGTACTGATA GTACTTCCCA GTATGATATT GTGATGTTTC ATACAATGCA 60 GTGAACATAA CCAACTTGTT ACCTAAATAA AGANTTGATA AAAACAGTGT GACATATTAA 120 A 121

配列番号:1336 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01487

配列:

GATCAAGGTC TGCAAGGGAA TTCTTGTGTG CTGCTTTCCA TTTGACACCG CAGTTCTGTT 60 CAGCCATCAG AAGAGAGACA AGGNATTAAA AATTTCTTTT TAATCNNGTT ACCAAATAAA 120

配列番号:1337 配列の長さ:119

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01488

配列:

GATCTAGTAG GCACGTCTGT CAACAGGACA CATGCCTCCT CTGACTATAA CCTCTTAATA 60 GTTGTGTATA ATGAAAACTG TAAACTTTTT TAAATAAACN GTGTATATAC CTTGGCAAA 119

配列番号:1338 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01489

配列:

GATCCTGAAG CCATGGTTTC TTCCCTGCCA GAAATGAAAG GTTCAGTTAT GAGGCAACCC 60 TCTAGTAAGG CATTGTAAAA GTTACTGGAT TTGGTTTAAT AAAAGTTGAA ATAAAGTAAA 120

配列番号:1339 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01490

配列:

GATCTTCCGA GTGCTTGGGG CCCACAGAGA CATCATCCTG GAGAGCATTC CCACTGACAA 60
CCCAGAGGCG CACAGCAACC TCTACATCCT CACGGGCCAC CAGAGCACCT ACTAAGAGCA 120
GCGGGCCTGT CCAGGGGCTC CCCGNCCCAC CCCACGCCTT AGCTGCAGGC CCTTTTGGGC 180
AAAGGGGCCC ATCCTGGGCC ATCCATTCCA TTTTGTTCCA CATTTCCTTT CTACTCTTTC 240
TGCCAAGAGN CTGCCCCTGC ATTTGTCCTG GGAAACACGG TATTTAAGAG AGAACTATAT 300
TGGTATTAAA GNTGGTTTGT TN 322

配列番号:1340 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01491

配列:

GATCTTTGGA GCAAAAGCCA ACGGCAGGAA AAAATAGTTT GTACCAGTTT CATGAAGTAT 60 GTCTTTGGGT TTTTGTAAAT AATTTTAACT CAAATAAAAT TGCTACTTTC AATACAAA 118

配列番号:1341 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロシー:直鎖状 クローン名:HUMGS01492

耐利·

GATCAGAATN AAATNTGTAT AGAGCAGAGT TTTAAAATGA ATGTAAATAG CACTAAACGT 60

NTNCTTTCTG CAACCTGTAC TTACAGATTC TCCCTGTAAA CTAAATAAAA AAAAANTN 118

配列番号:1342 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01493

配列:

GATCACAAAA TGTGCATGAG NGTTATTNAC TTTATTCTNG TACAGTACTA GGATTCCTGT 60
AACCACTCTT TTTTTTCTTC GNNGTATTGA AAACTGGTTC AGTGTTAACC AGGCAAGN 118

配列番号:1343 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01494

配列:

GATCAATTCA CTTAAAAGNA TGGCCCANAT AGCACNNATA GGACCAAGGG ACACATGTAG 60
TCANTTTTTA AAAACATGTA CTTGGTCTTT TGTGTGTGTC TGTTATATTC CATTAGAN 118

配列番号:1344 配列の長さ:117 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01495

配列:

GATCCCAGGA GAGCTGGGCT ATGACTGCAA TAAGGAGTTG TTCCTTCACC TGAGATGTGC 60
TTCTTTTGGT TCATTTCTGG CTTGACAACA AGAAATAAAC GTGGTATGTT CCTGAAA 117

配列番号:1345 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01496

配列:

GATCTTGAGG GACCCAACAT TTGTAGGGGC ACTAATCCAG CCCTTAAATC CCCCAGCTTC 60
CAAACTTGAG GCCCACCATC TCCACCATCT GGTAATAAAC TCATGTTTTC TCTGCTAAA 119

配列番号:1346 配列の長さ:116 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01497

配列:

GATCAGATTT GGGTGGGAGA AAGAAGTGGG TATCAAGGGT GATTTGAATT TTCTGCAGCA 60

116

TTAAAGTGGC GTTAATAAGA TAAGTAATAA TAAAGAATTC TAACATCCAT GTCAAA

配列番号:1347 配列の長さ:116 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HDMGS01498

配列:

GATCCGGTGG AAATCCAAGC TCTGGGCTGG TAATTTTTAT GAGCATTTC AGCTTTTGCA 60
AATACAAAAT ATAATNCTTT ACAAAAATAA ATTTTTATNC TAATCTAAAT CTGAAA 116

配列番号:1348 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01499

配列

GATCTTCTCT ATGATTGATA CATGGCACAG TGAGAGATTA ATGGGCATTG TGTACAAATT 60
GCTTCTCACC ATCCCCATTA GACCTACGAA TAAAGCATCC GGTTCTAAAA TTAAA 115

配列番号:1349 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01500

配列:

GATCTTTTTG TAAAAGGACC AAATGTTCTT TTATAAATGT AATAAGGAAT ATCTTGCTCT 60
TTAAAATTTA TTAGGNNTTT AATGAGTAAT TTTNATTAAA AGATTTCTTT TTTTGAAA 118

配列番号:1350 配列の長さ:192 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01501

配列

GATECTATTT GTTTCATTTT ATTGTAAATN CCCATTTGCA TCAAAACCTA ATNATAGTGA 60
TNGGTAAGTA AAAACAAATG GTGTATTGCT TTTCATACAA GTGTTTTCAC AAAAGCCATT 120
TGCCTAGGCA GCAAAAAATA TTAATTTGTT AAAAAAAATT TTCCTTCGTG TCCATCCNCA 180
NAAANTNGNG NN 192

配列番号:1351 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01502

配列:					
GATCTGTGGA CTTTCATCAN	ATTATGAGAC	TNNCTCAATT	TCATGACTGT	ACTACCTGAA	60
ACAAAGTGAG AAAGGACAGG	TGTATTTTNN	TAAGTCATCA	AGATAAATCC	TTAAN	115
配列番号:1352					
配列の長さ:150					
配列の型:核酸		•			
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0150	3				
配列:					
GATCTTAGTT TGTAGCTTAT	GACTTATTTA	ATGAATGGAT	GCCCAGCCAA	GCTCAGAGTA	60
GGCGCCCAAA GCATTGTGGA	TTATTTTCCT	GTTTTGTCTT	TTTTTTTTT	TTTTTTNAAG	120
CCATGNCANC CCNGANGGGG	CCAGNGANTN				150
******** + 0 F O					<i>.</i>
配列番号:1353					
配列の長さ:113					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状	-				
クローン名:HUMGS0150	9				
配列:	0.00.0.0.0				
GATCGNNAAG AGGTTACCCA					
TCTAGCAAAG AGGCACCCTA	AGTGGTCCAT	GAAGAGTTTA	ATTTTATNTT	AAN	113
配列番号:1354					
配列の長さ:113					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0150	6				
配列:	-				
GATCGGGTTT AGACGNNAGN	TCATTCAGTG	AAGCAAGCCA	AAAGCNCACA	TTTGTATGCC	60
TTAGGTCTTC TTAAAATGGT					113
配列番号:1355					
配列の長さ:411					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS0150	7				
配列:					
GATCCTCCCT GCCCGCGAAG	TGNACAGTTT	ACAAAATTAT	TTTCTGCAAA	AAAGAAAAA	60
AAGTTAGGTT AAAAACCAAA					
CCAGACAAAT GGAAAAAAAG					
TGCGACATAG GAAAATAACC					
TTCTTCTATC TGTTCCATCT					
GGAGTCGGGG TAGGGGGTAC					

411

TCACTTGTCC ATGANAATAT TTTATGATAT TAAGGNAAAT CTTTTGAAAA A

ì	配列番号:1356			•		
	配列の長さ:112					
٠į	配列の型:核酸					
	トポロジー:直鎖状					
	クローン名:HUMGS01508	3.				
	配列:					
	SATCATGGTG TAATAAGACA					60
(	TTAAGAAGC TGTTGTACAT	TTATGATTTA	TAAAATAAT	TCTAAAGGNA	AA	112
i	記列番号:1357					
	記列の長さ:112				•	
	記列の型:核酸	,	•			
	トポロジー:直鎖状	₹	•			
	クローン名:HUMGS01509	9				•
	配列:	•				
	SATCAAGTGC ATTTGACAGA	AAAGTTCAGT	TTCTTGGGAA	GAAACACCTT	TTAAGCTGAA	60
	GGAGAAAAT NCCAAAATAA					112
	配列番号:1358				•	
_	配列の長さ:112					
	配列の型:核酸					
	トポロジー:直鎖状					
	クローン名:HUMGS0151(	)				
	配列: NATOTOGOAA AAAAAAA		1010101101		000000 + 100 + 1	
	GATCTGGGAA AAAAACAAGA CTNCNTTCTN AAAAANTATC					
١	THENTICIN AMAMNIATE	IACCCCATTI	GUIGAAGIGA	AAANUAGAAA	AN	112
i	配列番号:1359					
i	配列の長さ:112					
Ī	配列の型:核酸				•	
	トポロジー:直鎖状		•			
	クローン名:HUNGS01511	l				
	配列:					
	SATCCTGGTT GGAGTAAACA					60
(	HANTGCAGAA ACATCCTTAT	CACATCCTNC	TGGGAAAGNC	CAACAGCCTG	AN	112
2	配列番号:1360					
	記列番号:1300 記列の長さ:112					
	記列の長さ:112 記列の型:核酸					
	よれの宝・核酸 トポロジー:直鎖状					
	フローン名:HUMGS01512	2				
	アローフロ・Nondoioi2 記刻・	•				

112

GATCCATCAC CTGNGCAGCA TAACTGGCTT CNNCTCAGTC ATCCACAA CACCAGGACT 60

TAAGACAAAT GGGACTCCCT GTCATCTNGA GCTATNCATT TATTTAAACT GN

配列番号:1361 配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01513

配列:

GATCCCTTCA TTGATGTTTG GAAATTCCAT ATTACATTTT GCACGATATG GTACACATAG 60
TACTTTGGTG TACCTGCTTT TGAAAAATAA AGCTTTGGTC ACCCGGTGAA A 111

配列番号:1362 配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01514

配列:

GATCAGAGAA TGCAGCAGCA GTTTTTTTCC TNGTTTNCTT ACCACTTTAT TCTTTCANAG 60 TTTAAAGAAA ATGGACTCAT GCACAGAACA CTATGCATTT NAAAACTNGT N 111

配列番号:1363 配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01515

配列:

GATCGGGGC GTANATNCAT AGTAGTTTTT ACAGCTGTGT TATTCTTTGC GTGTAGCTAT 60
GGAAGTTGCA TAATTATTAT TATNATTATN ATAACANGTG TGTCTTACGT N 111

配列番号:1364 配列の長さ:110 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01516

配列:

GATCTCAAAA CAGTGCTAAA ATCAAAGNTG TNGACTGTAA AGAAAAACAT GTATATATAT 60 TGCACCTNAA AGTTGTCAGA AGNTAGAAAC TNAAATAAAC TAACTTTAAA 110

配列番号:1365 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01517

配列:

GATCCCACGC CACAGCCTTT TGNTNTGCAA CTGCCTTCTT CGGAAAGAAG AAGTGGGAGG 60 ATGTGAATTT TAGTTCTGAG TTTACCAAAT AAAGAGATAT AAGACGAAA 109

配列番号:1366 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01518

配列:

GATCATGTAC TGAAGTAGTT TAAGCAGGCT GGCTAACTTA GACTNATTGA TTCTGCNTTT 60 GTACTNNAAT AGGGGTTATA ATTGTAAGAT AAAAATGTGT GTGTNCAAN 109

配列番号:1367 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01519

**矽列**·

GATCTGGGGG TTTCTTCATA TTCCTGCTGT TGGAAGCAGT TGACCAGAAA TGCTTGNCAG 60
NACTGCCAAA GCACTGCTGT GAAATGTGAA GTACTTTGTT TTTTTATTTT TAATNATTTT 120
CTTTTTGTTA TTAATATTTT TCTCTGTTCC TTTGTTATTA CTTGCATGGT TTGGCGTCAG 180
AAGTCCTTAC CTCTTTATAT TGTTTGCAGG TTTAAATAAA ACAGTGTGGT GCCAAA 236

配列番号:1368 配列の長さ:108 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01520

配列:

GATCTTGAAG TTATTTTTAA GACATACATT TGGTAAGTAA GTTGGTCCCA GGAATGTATG 60
TNNTTNAAAC CCTTTCTAAA TATGCAGNCA TTAATAAATA ANATTGTN 108

配列番号:1369 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01521

配列:

GATCCAACCC AAATCAAATT GTTAAATGCC CTCTTGAATT TTTTTGTCTG TTATTTAATT 60 ATATGGTGGA ATTAATAATA AAATAAACTT CATGTCTCTG ATTCAAA 107

配列番号:1370 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01522

配列:

GATCTNGAGC TCTGTCTTCA GCAGATTTCA GGTGTAACAT TTGTTAACTC GTACTNGAAG 60 GTGTGTCCTC AAGAAGAAG TNTTCAAATT AAAAAAGCTG CTGCAAA 107 配列番号:1371 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01523 配列: GATCATGTAC ATTGTAACGT GTGTCGTCAG TACTGCAGTT CCTCAACTTT NTTTGTCTNT 60 NATTACCATG ACATTTTTAA AGATACAGCT ATTTTNTCGA TGTNAAA 107 配列番号:1372 配列の長さ:286 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01524 配列: GATCACATCT AAAGCTTTAT CTTTGTGTAA TCTAAGTATA TGTGAGAAAT CAGAATTGGC 60 ATAATTTGTC TTAGTTGATA TTCAAGGCTT TAAAAGTCAT TATTCCTGGG CTTGGTAAGT 120 GAATTTATGA GATTTACTGC TCTAGAAAGT ATAGATGGCG AAAGGACCGT TTTGTATTGC 180 TTCCTGATTA CCAGTCTGAT TATACCATGT GTGCTAATAT ACTTTTTTTG TTATAGATTG 240 TCTTAATGGT AGGTCAAGTA ATAAAAAAGA GATGAAATAA TTTAAA 配列番号:1373 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01525 GATCCGCGCA CCTAAGCCTC CCAAAGTNCT GGAATTACAG GCATGANCTA CCATNCCTGG 60 CCTTCTAATG TTTTTCNTAA TTAAGGCTCT NAACTTCCAA GACTGTN 107 配列番号:1374 配列の長さ:106 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01526

GATCTAGAGG NGAGAAAAAG ATGANTTGCT CCTTACATTC GATAATCAGT GACCACGAAA 60

CACTCAGACC AGAGCCTGGC TTATCAAAAA CCTTNAGTGA GNNCTN

配列番号:1375 配列の長さ:106 配列の型:核酸

配列:

106

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01527

配列:

GATCCACGTG CCATTGTGGA GGCAGAGAA AGAGAAAGGN TTTATATACG GTACTTATTT 60
AATATCCCTT TTTAATTAGA AATTAAAACA GTTAATNCNC TTCAAA 106

配列番号:1376 配列の長さ:117 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01528

配列:

GATCCTGAGC TCCCTTTGCA GTCTGAAAAA GGTATTGCAG TCAGAACTGT GTACTGATGA 60
TAAANGCCTC TGGTAGCAAT AAAAAGTTGT CCCTAACAAA AGAGGCAAAA AAATAAA 117

配列番号:1377 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01529

配列:

GATCCAGCAA ACAGGTTCTN TTTAAGAAAA ATAATTTATA CTAAATTNAG TAAAATGGAC 60 TTCTTATTCA AAGCATCAAT AATTAAAAGA NTTATTTNAA TGAAA 105

配列番号:1378 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01530

配列:

GATCAGCAAA ATGAGATAAA TGTTTCTNTT TTCCTTTCTG ACTGCATTAA ATCAGATACA 60 ACTCAGCATT AAAAAGCTAT CTNTGTAAAT NTNGTNACTA ATAAN 105

配列番号:1379 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01531

配列:

GATCTAACAC GAGGAACATA TCATGGAAAG TGCATNGTAT NTATTTTAGG GTTATGAGTT 60 CTTTCAAGGG CTAAGNTGCA GAGNATTTCC TCCANGAATC GTGTN 105

配列番号:1380 配列の長さ:105 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01532

配列:

GATCAGGTTA CATGAGGGNT CACTCTTCTT GTTGTACANN CTGTGAGTTC GGGCAAATNT 60 GTAATGGCAT ATCTCCACTA TTACAGTNTC ACACAGAATT ATTTN 105

配列番号:1381 配列の長さ:332 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01533

配列

GATCGGTGCG TTCTCCTGAT GTTTTNCCNT GGCTTGGGGA TTGTACACGG GACCAGCTCA 60
CGTAATGCAT TGCCTGTAAC AATGTAATAA AAAGCCTCTT TCTTTTTGGG GTGGNNNTTG 120
TCCTTCTGTC AGCTAAAATG GGAGCTCATG AGAGAAGGAC GTCAGGGAAA CGGGGTTGAG 180
GGTGGTCTCG GTGCAGAGAG AAGGGTGTCA GGGAAACGGG GGGTGAGGGT GGTCTTGGTG 240
CCAGACGTAG GGAATGGTGT TGGGAGTGGC CCGAGTGCCT GGCACAGTTG TCTNGTTCAT 300
TCATGTAACA TGATAATTT TAAATCATTA AA 332

配列番号:1382 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01534

配列

GATCCTGCTG CTGTAATGGG AACCCCTCCC CCATTTACTT CTCCACCTCC CGTCCTCCCC 60
ATCATTGGTT TTTTTTTGTG TGTCAACTGT GCCGTTTTTA TTTTATTCCT TTTATTTCC 120
CCCTTTTCAC AGAGAAATAA AGGTCTAGAA GTAGAAA 157

配列番号:1383 配列の長さ:103 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01535

配列

GATCTACTGT TTGTTGAAGT GTGGGAAAAT AGCCTCTCTA AGGCAGCCCA GATGGGACCA 60 AAATCAGTAC AAACATATTT AAGTAAATTT TAAAATGCGT AAA 103

配列番号:1384 配列の長さ:284 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01537

配列:

GATCCCCTTG TCCCTGGAGT AGGGACTAAC TATAGCACAA AGTAATATGT GCCAATGCTA 60

TTTGTGAAAT GTTTGGGCTT TCTAAACGAC				
TTGAACCAAA TCCTAGAGCC AGCTGATAAT				
GTACCANTAA GTGGAGATTC CTCCTTATGA			ATGTAAAATA	240
TTCAACTTTT TCCTNCGTTT TTTGGACTTT	GTATTTTACT	GNAN		284
配列番号:1385				
配列の長さ:103				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS01538				
配列:				
GATCTGGAAC TCCTAAGCCA TCTACTCCTA			NCACACCCTN	60
CTNATGCTCA GAGCTCAACT CCTAGTACCC	CTTCAGCCAC	CCN		103
配列番号:1386				•
配列の長さ:104				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS01539				
配列:				
GATCGCCGTT CTGTTTNGCA TNNTCCCACC			ATGGGGTGCT	60
TGGTTGTTTC CTTCCTAATA AAATAAACGC	GGGTCGCCAT	GAAA		104
配列番号:1387				
配列の長さ:102				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS01540				
配列:				
GATCTTAGCC TTAGGGTAAG TAAAATGGGT			AAACTATTTC	60
NATCTAATAG TACTCTTTTN AATAAAAGTC	AGTAGTNGGA	AA		102
配列番号:1388				
配列の長さ:378				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGSO1541				
配列:			•	
GATCCTNGGT TTTTGTGGTT TGACTTCTAT				
TTAATATTGT GTAAATGTAC TCACCTTAGG				
ATTGTNTACA GTTTGTGAAA TTGTTGCAAG				
ATTACAATGC TCTAGAATCA GCATATAAGA				
GTGGATGGGG GGAGCACGCA TAATTTTTAA				
ልልል <b>ህርር ምምም ተጥህር ምርር ህር</b> ምህር ምርጥር ጥር ጥ	ለጥጥ A A ጥሮ/ቦጥጥ	A A ጥርጥጥጥ A ጥር	CCAAATAAAA	260

378

TGTAAGGGGN ACATGAAA

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

·	
配列番号:1389 配列の長さ:102 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01542 配列: GATCGTAACC GTAACCGTAA CCGNNAAGCA CAAACGGGGG GAGCGGGGCA GTGAGCGGGG	
CAGGNATGAG NCCCGAGGTG GGGTCGGTGG CCAGNACAAC GN	102
配列番号:1390 配列の長さ:102 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01543 配列:	·*,
GATCCAGAGG TCCNNGTCAC TTGGAGAAAG NCCAGTCCCT GNGACGGGGC AGCCCTCTNT	60
GTCCCTCGGG CAGCTCGTGT GAATCCTGGG ACCTCTTCCG GN	102
配列番号:1391 配列の長さ:101 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01544 配列: GATCTCAGCA ATTTGAACAC TAACCTCTCC CCTCCTGGCT CAAGAATTAC TCCGAAGTCA	A 60
GTCTGCAGAA AATAAATATT TAGTATGACA TGACACTTAA A	101
配列番号: 1392 配列の長さ: 101 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01545 配列:	
GATCTACTCA GGCAACNACC AATCTTCTAN TCTGTCACTA TAGATTAATT TGCATTNTTA	A 60
AAGAAATNNA CATACATGGA ACCATACATC ATCTATGCTT N	101
配列番号:1393 配列の長さ:101 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01546 配列:	

101

GATCCTAGGA AGTNTGTCCC TGTCCTCCCT GTGCAGGGTA TCCTGTAGGG TGACCTGGAA 60

TTCGAATTCT NTTTCCCTTG TAAAATATTN NTNTGTCTCT N

	配列番号:1394					
	配列の長さ:100					
	配列の型:核酸					
	トポロジー:直鎖状	_				
	クローン名:HUMGS0154	:7				
	配列:			•		
	GATCCACGTG CCATTGTGGA	GGAGAGAAAG	AGAAGTGTTT	ATATACGGTA	CTTATTTATA	
	TCCCTTTTAA TTAGAATTAA	AACAGTTAAT	TTAATTCAAA	i.		100
	配列番号:1395					
	配列の長さ:100					
	配列の型:核酸	<i>‡</i> *				
	トポロジー:直鎖状			•		
	クローン名:HUNGS0154	8				•
	配列:					
	GATCTTAGGT TACATAAAGT	TTCTAAAGTT	TCAAAGAGTC	TTGATACAAA	ATCAGTTTAT	. 60
	ATTCTGAAAA TATTTATAAT	AAAGTATTCT	AATTTCTAAA			100
	配列番号:1396					
	配列の長さ:98					
	配列の型:核酸					
	トポロジー:直鎖状					
	クローン名:HUMGS0154	9			•	
	配列:					
	GATCAATTCT TCAATTTGAT	TGAACTGTTC	AGCCTTTTCA	AGATTTCTTT	ATTTACAAAT	60
	GATTACATTT AAATGAATGT					98
	El right D					
	配列番号:1397					
	配列の長さ:98					
	配列の型:核酸					
	トポロジー:直鎖状	•				
	クローン名:HUMGS01550	U				
	配列: CATCTCTAAC ATTTCTTCA	4 4 A TO COTTO TO TO	ma i mmama i m			
	GATCTGTAAC ATTTGTTTCA CTTTTTATAC ATTAAATTAG	AAATGCTGTT	TCATTTTTAT	AAAGTACCAG	TGTTTAGCTG	60
	OTHITIANAC ATTACKTIAG	CAAIIIGAAA	AACTCAAA			98
	配列番号:1398					
	配列の長さ:98					
	配列の型:核酸	•				
	トポロジー:直鎖状			*		
	クローン名:HUMGS01551					
	配列:					
1	GATCCTCAGT GTCCTTACCC	CCTCCTACCT	CTTTTCTGTG	CCACCTGCTG	TGGGTCCAGC	60
4	AGGCNTTTAC TTGAGTACAA	TAAAAAGTCT	GAGTCAAA			98

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

配列番号:1399 配列の長さ:98 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGSO1552				
配列:				
GATCCAAGTG TAGTGGGACC CCCTACTAGG		GGACACTAAC	ATCTGTGCAG	60
GTGTTGACTT GAAAAATAAA GTGTTGATTG	GCTAGAAA			98
配列番号:1400				
配列の長さ:104				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS01553 配列:				,
ECグリ: GATCTCCAAA GTGGTGAGTT TATGTGTGAT	<b>ጥጥጥጥ ጥጥጥ</b> ጥር	<u>ም</u> ሞላጥር ርጥር ጥ	ጥሮጥርጥ ለ ጥጥጥጥ	61
CCGAATTTCA TACAATAAAT ATCTGTTACT			ICIGIATITI	104
	11110111111	VIUU.		10
配列番号:1401				
配列の長さ:94				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGSO1554 配列:				
BEZU : GATCCAGAGA GTTCAAGGGA TTGGGGAAAG	ል ር ል ርር ርር ርጥር ል	ል ር ጥር ል <b>ጥ</b> ጥጥር ር	ልሮሞሞሞርሞልሮሮ	60
TGTAAGTTAG GTAATAAACT ATTATACTCG		NUICATITUC	notificance	94
		•		
配列番号:1402				
配列の長さ:92				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGSO1555 配列:				
GATCTAGTNT CTNGCATTTT TATTATGTTG	· -	<b>ጥጥርጥጥልጥ</b> ሶርር	<b>ጥልጥል</b> ሮፕልልልል	60
AAAAAGAATA AATAAATGTT TTGATTGTTA		HIGHINICCG	ININCIANA	92
				O.
配列番号:1403				
配列の長さ:92				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS01556				
配列: GATCINTACA TICITCAGAC TCATCGIGIG	<u>ም</u> ምምርል እነ ለጥጥ	ጥጥተልጥል ልጥሮል	ልሮልጥልጥልጥላ	6(
TTTTWNTTAC AAAACAATAA ACTTTTTCAA		IIININNIUN	MONIMINION	01

<b>2列番号:1404</b>	
<b>己列の長さ:119</b>	
2列の型:核酸	
、ポロジー: 直鎖状	
フローン名: HUMGS01557	
尼列: ATCCTCTGG GGAAGCCAGG ACCAGGAGAG AAGCAAGGTC AAGAAATCCC ACAGTTTGAT 6	0
TATTCCTCTGG GGAAGCCAGG ACCAGGAGAG AACCAAGGTC ARGIGITIOS INTERTITAAA 11	9
TATTAAAGA AAINACIINI IICIACICAA KAIMMIGGO MIGMAGOO I	
配列番号:1405	
記列の長さ:90	
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状	
	• :
クローン名: HUMGS01558	
配列: GATCTTGTGT CTCCTCTCCA TCTCTGCCTT TGTTACCAGT GTGCATGTGT TTGTGTGTTT	60
	90
TTTAATAAAA TATTGACTCG GCCAGTTAAA	
지지프로 . 1406 :	
配列番号:1406	
配列の長さ:90	
配列の型:核酸	
トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01560	
配列: GATCTGTTAT GGCATTCACT TCCAGATTAA TTTTCCGTGT TTGAAGTATG TNCATATGTN	60
CTTTACAGAA TAAAACATCT GAATTTAAA	90
CTTTACAGAA TAAAACATCI GAATTITAAA	
配列番号:1407	
配列の長さ:87	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01561	
<b>配列</b> :	
GATCCATTTT CTTTCAAAAT TTTCTTTATT GTAAAGTATG CAAAATATAT ATTCATACGA	60
TTTATTAAAT CAGAATGTTT ATACAAA	87
配列番号:1408	
配列の長さ:85	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01562	
ह्म क्रा	
GATCTGGAAT CCTTTTCTG CATTGACAAG GACCACAGCT AAAGGACAAT AATATGAATG	60
ACTCATTAAA ATCTCAAAAC TTAAA	85
**************************************	

配列番号:1409	
配列の長さ:85	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01563	
配列:	^^
GATCCAAGTT ATNTTNAGAA GAAAAACCTA ATTGAACAGG TATGGGTTGG GAGCATAATA	60
AATGTGTTTT GAGAATTGTT CTAAA	85
配列番号:1410	
配列の長さ:84	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01564	,
配列:	60
GATCATTATT TCATGACTGG TGCGTTCCTA AACTCTGAAA TCAGCCTTGC ACAAGTACTT	60
GAGAATAAAT GAGCATTTTT TAAA	84
配列番号:1411	
配列の長さ:84	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01565	
配列:	60
GATCTAAGCC CATGAGCACA GGGACTGGCT ATCCCAAGAC CTGGCAGATG TGGCTGCTCA	84
ATAAACACTT GTTGAACCAT CAAA	04
配列番号:1412	
配列の長さ:86	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01566	
配列:	60
GATCACCCAA GGGTTTTTTT GTGTCGGACT ATGTAATTGT AAACTATACC TCTGGTTCCC	86
CATTAAAAGT NCCCATTTNA GTTAAA	ου
配列番号:1413	
配列の長さ:83	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01567	
配列:	n 00
GATCTGTGTT TGTATCCCTT TATGTAATGT AAAATTTAAG GGTATTTTGA TTCTAAATAT	09 7
GATAAAATAA TTTCTCACCT AAA	83

配列番号:1414	
配列の長さ:83	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUNGS01568	
配列:	••
GATCAGCAGT CCACCACAAA AGCTTCTGTT AAAAGACCCT ACACAAATGC ACAAATTCAG	60
ATTAAACAAG GAAAAGACGG AAA	83
配列番号:1415	
配列の長さ:83	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	. •
クローン名:HUNGS01569	,
配列:	60
GATCTTGGTG TTCAAAACAG AACTGTATTT TTGCCTTTAA AATTAAATAA TATAACGTGA	83
ATAAATGACC CTATCTTTGT AAA	03
配列番号:1416	
配列の長さ:82	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01570	
配列:	60
GATCCTTCTG TAAAGGTTTT TGGAATTATG TCTGCTGAAT AATAAACTTT TTTGAAATAA	82
TAAATCTGGT AGAAAAATGA AA	UL
配列番号:1417	
配列の長さ:86	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01571	
配列: GATCTGCATA TTTCTGTATA TTTGTCATGA CAGTGCTTGC ATCCTATTTG GTGTACTCAG	60
CAAATAAACT TTTCATTTA AACAAA	86
CAAATAAACT TITCATITIA AACAAA	00
配列番号:1418	
配列の長さ:81	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01572	
配列: GATCCCAACA TGGTCCTAGC ACTGCACACT CAGTTTTNCT CTAAGAAGCT GCAATAAAGT	60
	81
TTTTTNAAGT CACTTTGTAA A	

配列番号:1419

配列の長さ:81	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01573	
配列:	
GATCTTCANT TAATCNCACT TTAAAAATGA CCAAAACATG TCTTTCTTGA ATTAACTTTG	60
AATAAAAGTT TGTATATTAA A	81
配列番号:1420	
配列の長さ:81	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01574	•
配列:	00
GATCAGAGCT CAGTTCCTGT AGAAAACGAA CTGTAAAAGA CCATGCAAGA GGCAAAATAA	60
AACTTGAAGT GAATGCTTAA A	81
配列番号:1421	
配列の長さ:80	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01575	
配列:	60
GATCTTGGGT TTGGTCTACC CACCCAAGAG AAAAGACTGT TAACTGGAAG AAAAAATATA	80
TATATNNAAT TTTATGTAAA	ου
配列番号: 1422	
配列の長さ:79	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01576	
配列:	60
GATCACAATT ACCTTTAGTT GTTTTTTTTG TAATAATTGT AGCCAAGTAA ATCTCCAATA	79
AAGTTATOGT CTGTACAAA	13
配列番号:1423	
配列の長さ:79	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGSO1577	
配列:	
GATCCTTATG AATGACAGGT TACTGTTTTG CCTTATTGCT TAACTTAATG TAGTGAAATA	60
AAGCAGACAA AGCTTGAAA	79

•	•
配列番号:1424	
配列の長さ:79	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01578	
配列:	60
GATCTTCTGC ATGAGACCTG GAGTTGGGGA AGCAAGGTTA CATTTGTATT NGTTTATCCT	79
ATGAATACTN TTCTTCAAA	10
配列番号:1425	
配列の長さ:78	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	. •
クローン名:HUMGS01579	,
配列:	
GATCAGGCAG TCTGCTCAGA TACATTGAGT GGCGATTTTA AGTTTTGTTT TGAAAAAATA	60
AACAGATTAA CCTGCAAA	78
配列番号:1426	
配列の長さ:78	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS01580	
配列:	
GATCTAAATT TCTAATGTGT TCTATGGGTT TCAATTCTGA AAAAAGAAAA TGAATAAAGA	60
TTTTAATAAA TATTGAAA	78
配列番号:1427	
配列の長さ:78	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01581	
配列:	
GATCTTCATT GTGCTGGGTG CCAGGNCAGT NATCCATTTT AAAATTTGTA ATTCAATAAA	60
GTTTTTTTG TTNTTAAA	78
配列番号:1428	
配列の長さ:77	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01582	
配列:	
GATCTCCAGG CTTGGCCTCC AGAGCAGCCC ACACCAACNC CAAAATAAAA AAATGTATAT	Г 60
ATTCCTTTAG CTCTAAA	77
•	

配列番号: 1429 配列の長さ: 76 配列の型: 核酸	
トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01583	
GAICCCAGG ACCICAGICG GCTIAATCAG AGTGTGGCAT AGAAGTATT TIETT	60 76
配列番号:1430	
配列の長さ:76 配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01584	•
配列:	
GATCAAACTT TTNATGTTCT TAATAAGCTT GCAATTGANT AAAATAGAAT ATAAAATAAA GGTGAAATAA TATAAA	60 76
配列番号:1431	
配列の長さ:79	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01585	
配列: GATCCCAAGT ACAATGAAAA GTTTGCACTG TATGCTGGAC GGCATTCCTG CTTATCAATA	60
AACCTGTTTG TTTTACAAA	79
配列番号: 1432	
配列の長さ:75	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01586	
配列: GATCTCCAAC NTTGGAAAAT ATACATGATG TGAAACTGNG GGTNCTATGT TAAAAATAAA	60
TGTATGATAA CTAAA	75
配列番号:1433	
配列の長さ:74	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01587	
配列:	60
GATCCAAACA TTTTTTTGTG TGTGTATGGC ATTGATGCAG AATAGAATAA AATTATACTT AAGTTCTTTT TAAA	74

配列番号:1434	
配列の長さ:73	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUNGS01588	
配列:	60
GATCCCGGCG CGGGAAAGTC ACAGAGCTGC CTGGGCTTGT ACCTGGNCAC ATAAAGCCCC	60 73
ANTTTAAAGC AAA	10
配列番号:1435	
配列の長さ:73	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	•
クローン名:HUMGS01589	•
配列:	00
GATCCCANAG CNATAAAATA AAATTTTATT CCAAAATAAC AAAACAAATT NATCTACTGT	60
ACACAATCTG AAA	73
配列番号:1436	
配列の長さ:72	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01590	
配列:	60
GATCCCAGGC TTCTGCGGAC CGACGATACG TTTAAATGTT GTTCTAGTAA AGTTTTCGAT	60 <b>7</b> 2
ATGTTTCTGA AA	12
配列番号:1437	
配列の長さ:71	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01591	
配列:	60
GATCCCTTGG NGGNCTAGTT CGTATTTTTG TNTTAAACTA TTTGTTAGAA TAAAGTAATT	71
TTGCTAATAA A	''
配列番号:1438	
配列の長さ:70	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01592	
配列:	G 60
GATCTTAAGT ATAAAAATTT TGTAATTGGG CCTTTACTCT CTCAATAATA AAGTATTTTC	3 00 70
TTTATATAAA	10

配列番号:1439	
配列の長さ:68	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01593	
配列:	
GATCTGTATT TTCTAAGTCC CCAGTTCTCC TGGCTCTCCT TTCTGAAATA AAGGATTGAA	60
AACNGAAA	68
配列番号:1440	
配列の長さ:67	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01594	
配列:	<b>6</b> 0
GATCTGTTTT TAAAAATCAT AAACTGTGTG CAGACTCAAT AAAATCATGT ACATTTCTGA	67
AATGAAA	O1
配列番号:1441	
配列の長さ:71	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01595	
配列:	
GATCAACAGT TACTGTNACT GAGTCGGCCC ATTCTGTTTA GAAATATATT TNAAATGTTT	60
AGTAATTGAA A	71
配列番号:1442	
配列の長さ:66	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01596	
配列:	
GATCTGCCAT TTCATGCCNT GTGACTACNN ATCATTGGCC CTGCAATAAA ATCATTTATT	60
TITTAAA	66
配列番号:1443	
配列の長さ:64	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01597	
· 配列:	
GATCCTGCAT GCTACTCTTA GATAGAAGAT GGCAAAACCA TGGTATTAAA ATATGAATGA	60
TAAA	64

配列番号:1444	
記列の長さ:64	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01598	
配列:	
GATCAAGTCA CTNTTGACAA CATCCAGGNG AATATAAAAA CTTAATAAAG CTGTGGAAAG	60
GAAA	64
配列番号:1445	
配列の長さ:62	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01599	•
配列:	
GATCAATTGG TTTAACTTCT TTTATGTAAG TATGGTATAT AAATTTCAAG ACGAACACTA	60
AA	62
141	
配列番号:1446	-
配列の長さ:62	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01600	
配列:	
GATCACTTTT CACTTTTTGG AATGTTTTGT ATTGAAACTT AATAAAACTT TAACATGGCA	60
AA	62
配列番号:1447	
配列の長さ:62	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01601	
配列:	
GATCGNTCTC AGGCCCTCCC CCCGGAGTAC TTCAGAATGC AATAAATCAA AATAATGGCA	60
AA .	62
配列番号:1448	
配列の長さ:62	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01602	
配列:	
GATCTGTATG TGTTCTATTC AGCACAAGGA AATAAAATTT TAGTTGAGGA TTCAGCACTA	60
AA	62

配列番号:1449 配列の長さ:62 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO1603 配列: GATCCCCATT CTTTTCAAAA ACAAATAAA ACAATAAAGA CTGCAAGGAA GACTGANGGA	60 62
配列番号:1450 配列の長さ:62 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01604 配列: GATCCAGTCT GGAATAACAT TTTGTAAAAA AAAAATATAT ATATATATA ATATNGCTGA	60
AA 配列番号:1451 配列の長さ:61 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01605 配列:	62
GATCGGGGGC ACCAGAGGGG CAGAGGCACC AACATCTGAA TAAAGCCATT GTTCTCCCAA A  配列番号:1452 配列の長さ:61 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO1606	60 61
配列: GATCTTGGAC NTCTCGCATT CAGAACTGTG AGAAATAAAT ATCTATTATT TACAAATTAA A  配列番号: 1453 配列の長さ: 60 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01607	60 61
配列: GATCTCCGTC TTGTATGGCT GAATGTTGGC CTAAAATAAA GATTACTGTT GTAAAATAAA	60

配列番号:1454	
配列の長さ:62	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01608	
配列:	60
GATCTGTGGA GAATGTACAC AGTTTAAACA CATCAATAAA TACTTTAACT TCCACCGAGA	62
AA	UL
配列番号:1455	
配列の長さ:72	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01609	•
配列:	
GATCAAGAAT CCTGCTCCAC TAAGAATGGT GCTAAAGTAA AACTAGTTTA ATAAGCAAAA	60
AAAAAAACCA AA	72
配列番号:1456	
配列の長さ:59	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01610	
配列:	50
GATCTAGATG TTTCTTTAAC CAAGATGAAT TAAAATATAG TAGAGTTCCA CTGTNCAAA	59
配列番号:1457	
配列の長さ:63	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01611	
配列:	- 00
GATCAAATTG TACCTTTTTA GAGAAAAGGA CCAAAATAAA AGAAAAATGA ATTATGAACT	60
AAA	63
配列番号:1458	
配列の長さ:59	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUNGS01612	
配列:	
GATCAGCAGT CTTGGATGGN AGGNAACAAA GCTAAATAAA TGTTAGTTTG GTGAGCAAA	59

配列番号:1459 配列の長さ:65

配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01614	
配列:	••
GATCTCCCTT ATATTCTTAT GATGAGGCTA AATAAAAGTC TAATAAAAAT GTTAAATATG	60
TGAAA	65
配列番号:1460	
<del>ロ</del> 列の長さ:56	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01615	
配列:	
GATCAAAATC AAGTTTTAAG TTTTTTTGAC CAGATAAATT TAATGATTTT GGCAAA	56
配列番号:1461	
配列の長さ:58	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01616	
配列:	
GATCTTAATT ACTTTCAGAA TATTTTCAAA ATAGATATAT TTTNAAAATC CTTACAAA	58
配列番号:1462	
配列の長さ:55	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01617	
配列:	
GATCGTTCTT CTCTCCGTAT TGGGGAGTGA GAGGGGAGAGA ACGCGGTCTG AGAAA	55
配列番号:1463	
配列の長さ:55	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGSO1618	
配列:	
GATCCCTGAG ACGGGGTAAG TTATAATAAA CAGAAATGTA TTGGCTCAGA AGAAA	55
配列番号:1464	
配列の長さ:55	

配列:

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01619

配列の長さ:54

GATCTGTTAT GTATTTCAAC ATAATCATGT TTCATAAAGA TTTAGTCTTC TGAAA	55
配列番号:1465 配列の長さ:56 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01620 配列:	56
GATCCCACCT TTGCTCCTGA CAACCCTCAT TTCAATAAAG ACCAGTGAAG ACCAAA	00
配列番号:1466 配列の長さ:54 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01621 配列:	
GATCAGAATC CTGCTCCACT AAGAACGGTG TAAAGTAAAT TAGTTATAAG CAAA	54
配列番号:1467 配列の長さ:63 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01622 配列: GATCTTGAGC CTTAACTGGA CATGAGGGGC ATGAAAATAA AGCTGAACTG CAGCCTCCTG	G 60 63
配列番号:1468 配列の長さ:54 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01623 配列: GATCTTTTCT AAATGTTATT ACTTGTAAAT AAAGTCTATT TTTCTCCCGT GAAA	54
配列番号:1469 配列の長さ:54 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01624 配列: GATCTGTATA TTTTTTCTA AGAGAAAATG TAAATAAAGG ATTTCTAGAT GAAA	54
配列番号:1470	

配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01625	
配列:	
GATCTGCGCA TATATATATA TGTATAAAAA ATAATAAAAT AATGGAAGNT GAAA	54
配列番号:1471	
配列の長さ:54	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01626	
配列 <sup>6</sup> :	EA
GATCCTAAAT NCACGCACCC CGTGGGAGCN CAATAAAGAT TTACTGAATT GAAA	54
配列番号:1472	
配列の長さ:53	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01627	
配列:	53
GATCCGCCAT CTGTAATGTC CTTGGCACAA TAAAACCAAA TGTCAGTTTC AAA	00
配列番号: 1473	
配列の長さ:52	ě
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS01628	
配列: GATCCCTAGT GATTACAGCC CTGAAGAAAA TTAAATCTGA ATTAATTTTA AA	52
GAICCCIAGI GAIIACAGCC CIGAAGAAAA IIAAATCIGA AIIAATTIA III	
配列番号:1474	•
配列の長さ:52	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01629	
配列: GATCCAGTGT GGATTCTTNG AGTAATAACG TTGGTTTTAT TTATCATATA AA	52
GATCCAUTGT GGATTCTING AGTAATAACG TIGGTTTIAT TIATOMIATA MA	
配列番号:1475	
配列の長さ:52	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01630	
配列:  GATGATCAAT CTTTATTTA AAATAAAATA AAATAAGTTC TTGACTTTTA AA	52
PROPERTY OF A PERSON OF A PERS	

TTAAA

**30**5

配列番号:1476	
配列の長さ:56	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01632	
配列:	56
GATCTTGAAT GAAAGTCTTC TCAGGCTGTA GGGTGGTTCC TACAACCACA GCCAAA	<b>,</b> 0
配列番号:1477	
配列の長さ:51	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01633	•
配列:	51
GATCTCATCT GAATCCCCAA CACCCAATAA AGTTCCTTTT TAACACACAA A	91
配列番号:1478	
配列の長さ:55	
一配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01642	
配列:	55
GATCAAAATC CTATTTAGAA AAAATAAAAC TACTTTCTGT TTATCTCTTT AGAAA	
配列番号:1479	
配列の長さ:34	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01671	
配列:	0.4
GATCCAAAAA CATCCGTGAA CCTCTGTCTG TAAA	34
配列番号:1480	
配列の長さ:305	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01673	
配列:	60
GATCAAAATA AAGGATGATA ATAGATATTA TTTTTNCTTA TGACAGAAGC AAATGATGTG	
ATTTATAGAA AAACTGGGAA ATACAGGTAC CCAAAGAGTA AATCAACATC TGTATACCCC	120
CTTCCCAGGG GTAAGCACTG TTACCAATTT AGCATATGTC CTTGCAGAAT TTTTTTTTCT	34U TOO
ATATATACAT ATATATTTT AACCAAAATG AATCATTACT CTATGTTGTT TTACTATTTG	300
TTTGACATAT CAGTATATCT GAAACACCTT TTCATGTCAA TAAATGTTCT TCTCTAACAT	305

配列番号:1481 配列の長さ:734 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01686

配列:

GATCCAGCCC ATTCTCACT CTTACTCCTT TCATGGGCCA CCAGAGCCAG TACTCTTGGA 60
TAGCAGCAGC ATTCTAGCTG ACAGAATTTT GCTGATGGAT ACTTTCTTC AAATTGTCAT 120
TTATCTTGGT GAGACCATAG CCCAGTGGCG TAAAGCTGGC TACCAGGACA TGCCCGAGTA 180
TGAAAACTTC AAGCACCTTC TGCAGGCACC ACTGGATGAT GCTCAAGAAA TTCTGCAAGC 240
ACGCTTCCNG ATGCCACGTT ACATCAACAC GGAGCATGGA GGCAGTCAGG CTCGATTCCT 300
TTTGTCCAAAA GTGAACCCAT CTCAGACACA CAATAACCTG TATGCTTGGG GACAGGAAAC 360
TGGAGCACCC ATCCTAACTG ATGATGTTAG CCTGCAGGTG TTCATGGACC ATTTGAANGA 420
AGCTGGCTGT CTTCCAGTGG CCTGTTAAAG CTGAGGATAC AACCAGGGAA ATGCAAACGG 480
TNTCAAGATT TGGTGGTTCA AAATTGTCTA GAAAGGGTTT GATAACCATT CCNGGTTACT 540
TTTTCTTNGG ANGTTTTAAC CAAATAATCA ANGGCNATTT TATTATGGAA CCTCTTTAGG 600
TTATAATTNA TTNGGAATNC CGNCNTTGGC CTTTTCTTGN CCTTTAAATT TTAAGGGAAN 660
AAANNTTTGG GCNTNAGGNG GTTNNGGNTT TTTGGNNCNA ACTTTNGGGN TTAATAAANC 720
NGGGGNNTNT TAAA

配列番号:1482 配列の長さ:731 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01687

配列 •

GATCAACCGG AGCGCTTCCG AGCCATCCTT GCATCGGGCA GCCCACACTG AGGATATCAA 60
TGCTTGCACG CTGACCACGT CCCCGAGGCT GCCTGTNTTC TAGTTGACTT TGCACCTGTN 120
TTCAGGCTGC CAGGGGAGGA GGAGAAGCCA GCAGGCACCA CTTTTCTGCT CCCTTTCTCC 180
AGAGGCAGAA CACATGTTTT CAGAGAAGCT GCTGCTAAGG ACCTTCTAGA CTGCTCACAG 240
GGCCTTAACT TCATGTTGCC TTCTTTCTA TCCCTTTGGG CCCTGGGAGA AGGAAGCCAT 300
TTGCAGTGCT GGTGTCCT GCTCCCTCCC CACATTCCCC ATGCTCAAGG CCCAGCCTTC 360
TGTAGATGCG CAAGTGGGAT GTTGATGGTA GTACAAAAAG CAGGGGCCCA GCCCAGCCTTC 420
ACACATGGGG TTTTTGGAAA TAAGNTTCTT GNGGGATGAA TGTAACAGGN GGGNTTTCTT 540
CANGGAGTGG TNCAGCNCAG ACATTTNNAC ATAAGGACCA AACAGCCCAG NNTNCCGNAT 600
TTTGNCNCCC AAGNGCCTTT TTTGGACTTG GANCTTTNTT NGGGGAAAGC CNCTTNAANG 660
TTTTAAGNGCC AGNATNGGTG TTTCNGNAAG NATTGCCATC CGATTTAGCC TTTANGGGAN 720
GTTCCANAAG N

配列番号:1483 配列の長さ:687 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01688

配列: GATCGGTGGC TCCATCCTGG CCTCACTGTC CACCTTCCAG CAGATGTGGA TTAGCAAGCA 60 GGAGTACGAC GAGTCGGGCC CCTCCATCGT CCACCGCAAA TGCTTCTAAA CGGACTCAGC 120 AGATGCGTAN ATTNTGCTGC ATGGGTTAAT TGAGAATAGA AATTTGCCCC TGGCAAATGC 180 ACACACCTCA TGCTAGCCTC ACGAAACTGG AATAAGCCTT CGAAAAGAAA TTGTCCTTGA 240 AGCTTGTATC TGATATCAGC ACTGGATTGT AGAACTTGTT GCTGATTTTN ACTTTGTATT 300 GAAGTTAACT GTTCCCCTTG GTATTAACGT GTCAGGGCTG AGTGTTCTGG GATTTCTCTA 360 GAGGCTGGCA AGAACCAGTT GTTTTGTCTT GCGGGGTCTT GTCAGGGTTG GAAAAGTCCA 420 AGCCGTAGGA CCCCAGTTTC CTTTCTTAAG CTGATGTCTT TTGGCCAGAA CACCGTGGGC 480 TNGTTAATTG CTTTTAAGTT GGGAAGCGGT TTGCAATTAC GGCNCTAAAA NGTATTCATC 540 CTNAATTNAA GGAAAGGGTT TTTTTTGTAC CGAAANNNCG ATTCTTTGAA GNGNTGNCAC 600 CAAATTTTGG GTTTTCANCC GGTAAGGGGN GACATTAGGN CCCAGNACAA GGNATTNTGA 660 687 AAGGGAANAN AANGGCNNCC GAAAAAN

配列番号:1484 配列の長さ:649 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01689

配列:

GATCAAACTG TATTGCCCAG GCCAGCTCCT GAAGAACTGT GAACTATGAA CGTCTCAGCC 60 TAGAAGGATA ATGTGACCTT CAATTTGCAC ACCATCCATT GTCTCTTTCA AACTAAGAGC 120 CTCTCTAAGC TAGATAGGCC AAGGATTATT TTTTTAACTT TTATTTTAGG TTCAGGGGTA 180 CATATACAGG TTTGTTACAT AGGTAACCTC ATGTCATGAG GGATTTTGTA TAGATTATTT 240 GGTGACCCAG GTACTAAACC TAGTACCCAT TAGTTGTTTT TNCTGCTCCT CTCCCTCCTC 300 TCACCCTCCA CCCTCAGTTA GTTCCCAGTG TGTGTTGTTT CCCCACATCT ATCCATGTGT 360 TCTTATTATT TAAGCTCCCA CTTATAAGTA AGAACATGCA GTGTTTGGTT TTCTGTTCCC 420 GATTAGGTAA TGCTGAGGGA TAATGGCTTC CAATTNCCAT CCATNGTTTC TGCAAAGGAN 480 CATGNNCTCA TTNCTTTAAA TATGGGCTNG CATAGNNGTT CCATGGGNGG TGAATGTACC 540 ACATTTTCCT TTNANCCAGG TCTNATCAAT TGGNGGGCCA TTGNGGGTGA TTCCAAGGCT 600 TNGGTAATGG TGAANAGGGC ACAATAANCC AGTACCATGG GGCATGAAA

配列番号:1485 配列の長さ:549 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01691

GATCCTCTGA TGGGAGCTGA AAGGATGAGA GGTGGGCATC TAGATTTAGG GAGGCTGTTC 60 AGGCTTTGCA GGTCCCTTAC CTGAACACAT AGAAACCCTG GAGCTGTGAC TGTGTCCATG 120 TGTGTGTGTT TGTCTGTGTG TGTTGCGGGG GATGGGCACC TGCATGAATG TGGTAGAGAA 180 AATGGCTCTG CTCAGAGGGA AGATACGCAT AGCAAGGCAG GGACCAGAGG AATCACAGGC 240 GCCTGGAGAG CAGCCGGGCA ACGNCTCCAG GGACCTGCCG GCTTCCCTCA GTCCTCCAGG 300 GGCCCAGCAC TCTTCCTTTA GGCCCTGTGA GCGTCCCTTG TCAGGATACA TTCTCTCATT 360 TTGCTGAAGC TGATTTGATT GGGTGTCTGT TTCTCGCAGC CAAAAGAGCT CTGAAATGAG 420
GAAAGTGCTT CTGTGCTAAC TCCCCGGGTC TCCTGAATTT CAGTCATTCA TGTACCCGCC 480
TCGAAATTTT TTGCAATATC TGTGTACCCA ATGTCCATTT AATTAATAAA GAAGTTTTCT 540
TAAATTAAA 549

配列番号:1486 配列の長さ:543 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01692

配列:

配列番号:1487 配列の長さ:533 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01693

配列:

GATCCAGAGT TGCATACAGA CCAATTTCTG CATCAGTGTT ATCTCGACCA GAGGCTAGTA 60
GGACTGGAGA GGGCTCTACG GTATTTAATG GGGCCCAGAA TGGTGTGTCT CAGCTAATCC 120
AAAGGGAGTT TCAGACCAGT GCAATCAGCA GAGACATTGA TACTGCTGCC AAATTTATTG 180
GTGCAGGTGC TGCAACAGTA GCAGAGAACC CTTCGCTGAA GCAGCAGCTG TTCTCATATG 300
CTATCCTGGG ATTTGCCTTG TCTGAAGCTA TGGGTCTCTN TTGTTTGATG GTTGCTTTCT 360
TGATTTTNTT TGCCATGTAA CAAATTACTG CTTGACATGT TGGCATNCAT ATTAATTACG 420
GATGNAATCC TGGGNANCTA CCTGTNCCTC CGAAAACCTG TAGGTANTTG GGGGTCANGG 480
GGAATTGNNC GGTAATTCCC AAAGCCATTT NATTAAAGGN GGAAACCTTT AAA 533

配列番号:1488 配列の長さ:531 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01694

配列:

GATCCAAAAG ANCTGCTTTC TGAAGCAAGT TTCCAAGANG CTCTTCAGGA AAGCATTCCT 60

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

GACATTCAAG CGCACGAGTG GGTGCCGCTG TGGCTACTGC GGTATTCGGT CATTGTGAAA 120
AGTAGAGGAA TTATCAAATC AAAAGGCTAC ATTTTACAAG CTAAAAGAAG GGGTTCTTAA 180
CTGACTTAGG AGCATAACTT ACCTGTAATT TCCTTCAATA TGAGAGAAAA TTGAGATGTG 240
TAAAANTCTA GTTACTGCCT GTAAATGGTG TCATTGAGGC AGATATTCTT TCGTCATATT 300
CATGAACCTC TGTATTGCTT TCCTTAAACT ACTTATCTNG CCTCCATATC AATCCATTCT 360
CATGAACCTC TGTATTGCTT TCCTTAAACT ATTGNTTTTC TAATTGANAT TGTCTATANG 420
GANATNCTTG CAATATATTT NNNCNTTANT TTTTATGNCT AATATNAATN CAGGNNAATT 480
TGTTGTTTGG TATTTTTGGG CNNGGGTTCC GGGGAATGNT TNTNCANTTT N 531

配列番号:1489 配列の長さ:526 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01695

**阿列**·

GATCGGCGTG ACCANCCCTT GCCGGAGGTG GCCCATGTCA AGCACCTGTN TGCCAGCCAG 60
AAGGCACTGA NAGGAGAAGG AGAAGGCCTC CTGGAGCAGC CTCTCCATGG ATGAGAAAGT 120
CGAGTTGTAT CGCATTAAGT TCAAGGAGAG CTTTGCTGAG ATGAACAGGG GCTCGAACGA 180
GTGGAAGACG GTTGTGGGCG GTGCCATGTT CTTCATCGGT TTCACCGCGC TCGTTATCAT 240
GTGGCAGAAG CACTATGTGT ACGGCCCCCT CCCGCAAAGC TTTGACAAAG AGTGGGTGGC 300
CAAGCAGACC AAGAGGATGC TGGACATGAA GGTGAACCCC ATCCAGGGCT TAGCCTCCAA 360
GTGGGACTAC GAAAAGAACG AGTGGAAGAA GTGAGAGATG CTTGGCCTNC GGCTTCAACT 420
TGCGGCTGGC TCTTTCACCG CCATGCAAAC TCCATGCCTA TTTACTNGGA AACCTGTTAT 480
NCCAAACAGT TGTNCNCTGC TAATAAATTG NCCAGTTTAC CTGAAA 526

配列番号:1490 配列の長さ:525 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01696

配列:

GATCAGCAGA GGNATCAAAC CAACACCTTC TTTGGCTCCC CTCCCGCAGC CACAGAGGCA 60
ACCCACGTTG TCAGCACCAT CCCTGAGTCA TTACAATAGC ACCCTGCAGC TATGCTGGAA 120
AACTGAGCGT GGGACCCTGC CAGACTGAAG AGCAGGTGAG CAAAATGCTG CTTTCTGCCT 180
TGGTGGCAGG CAGAGAACTG TCTCGTACTA GAATTCAAGG AGAAAAGAAG AAGAAATAAA 240
AGAAGCTGCT CCATTTTTCA TCATCTACCC ATCTATTTGG AAAGCACTGG AATTCAGATG 300
CAAGAGAACA ATGTTTCTTC AGTGGCAAAT GTAGCCCTGC ATCCTCCAGT GTTACCTGGT 360
GTAGATTTTT TTTTCTGTAC CTTTCTAAAC CTCTCTTCCC TCTGTGATGG TTTTTGTGTTT 420
AAACAGTCAT CTNCTTTTAA ATAATATCCA CCTNTCCTTT TTGCCATTTC ACTTATTGGN 480

TCCATAANGT GAATTTTAAT TTAAGGTTAT GCCACACATG CATGN 525

配列番号:1491 配列の長さ:522 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS01697 配列: GATCAGCTGT TTGTCATAGG GCAGTTGGAA ACGGCCTCCT AGGGAAAAGT TCATAGGGTC 60 TCTTCAGGTT CTTAGTGTCA CTTACCTAGA TTTACAGCCT CACTTGAATG TGTCACTACT 120 CACAGTCTCT TTAATCTTCA GTTTTATCTT TAATCTCCTC TTTTATCTTG GACTGACATT 180 TAGCGTAGTA AGGTGAAAAG GTCATAGCTG AGATTCCTGG TTCGGGTGTT ACGCACACGT 240 ACTTAAATGA AAGCATGTGG CATGTTCATC GTATAACACA ATATGAATAC AGGGCATGCA 300 TTTTGCAGCA GTGAGTCTCT TCAGAAAACC CTTTTCTACA GTTAGGGTTG AGTTACTTCC 360 TATCAAGCCA GTACGTGCTA ACAGGCTCAA TATTCCTGAA TGAAATATCA GNCTAGTNGN 420 CAAGCTCCTG GTCTTGAGAT GTCTTCTCGT TAAGGAGATG GGCCTTTTGG GGGTAAAGGN 480 TAAAATGGAT GAGGTCTGNC ATGNTTCACT ATTCTAGGAC TN 配列番号:1492 配列の長さ:509 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01698

图列:
GATCCCAACA ATATTCCCAA GGCCTCAATG ACAAGTGGTT TGGTTCAGCA GTTCCAACAC 60
ACAGTCCTTC CCTCAGTGAC TCCCTTGGNN CCCTCATCTG CACACTGATT GCCATATTGC 120
CCTCTATTTT CTGTCTTTGG TTTAAACCCC AAGGGCCCAG AGGCTTTCTC CGATGTCTAA 180
CTCTTTGTGC CTTGAGCTCC TTTATGTTTG GGTGGCATGT TCATGAAAAA GCCATACTTC 240
TAGCAATTCT CCCAATGAGC CTTTTGTCTG TGGGAAAAGC AGGAGACGCT TCGATTTTC 300
TGATTCTGAC CACAACAGGA CATTATTCCC TCTTTCCTCT GCTCTTCACT GCACCAGAAC 360
TTCCCCATTAA AATCTTACTC ATGTTACTAT TCACCATATA TAGTATTTCG TCACTGAAGG 420
ACTTTATTCA GAAAAGGAAA AACCTCTTTT TTAATTGGGA TGGGAACTTT CTANCCTGCT 480
TTGGNCNGGG GGCCTCTGGG AAGGNCTTN 509

配列番号:1493 配列の長さ:497 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01699

配列:

GATCCTGTCA AAATAGTCCG ATGCCATGAA CATATAGAAT CCTTACAGTA AATGGAGAAT 60
TACTCTTTTT TAGACAAAGA GAAGGGCCTT TTTATCCAAC CCTAAGATTA CTTCACAAAT 120
ATCCTTTTAT CCTGCCACAC CAGCAGGTTG ATAAAGGAGC CATCAAATTT GTACTCAGTG 180
GAGCAAATAT CATGTGTCCA GGCTTAACTT CTCCTGGAGC TAAGCTTTAC CCTGCTGCAG 240
TAGATACCAT TGTTGCTATC ATGGCAGAAG GAAAACAGCC TGCTCTATGT GTTGGAGTCA 300
TGAGATGTCT GCAGAGGCAT TGNGAAGTCA CCAAAGGATT GGCATTGAAA ATATCCATTA 360
TTTAAAATGAT GGGCTGTGGN TATGAGGCAT ATAAATGNCC TCAGAGGGAT GCACTTGGGT 420
NAATATGGNT ATTGTGCTGT ATCTGTGTTG TGNCTGTGT TGCANCTGAG GTATGCCTGT 480
GGTNTGCTGA TAAATCN 497

配列番号:1494

配列の長さ:472 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01700

GATCAAAATA TCATGGATTG AACCTCATCA ATTGATAGCA GTGAGTGACT GANGCTTCCA 60 AATCAAGAAA AGCCGGCACC AAGAACTTCC ATTCTAATCT AGAGCTGACC AGTTTGAGCT 120 GATTCTNTCT TTGAAGAGTC CTTCTTGATT GCAGTGCAGT ACTGGCATTT CTGAATGGAT 180 GTANGNGGAG TATTTTAGTC TAAAGGCTTT TCAAATTACT TGAATTTTTT TAAAAATTGA 240 GGAGCTTTAT TTCTATTTAC CCTTCCATTT TTGTATATCA AATTTCCATN GTCATTAAAA 300 ACTGTATCTT GAAACTTTGT GAACTGACTT GCTGTATTTG CACTTTGAGC TCTTGAAATA 360 ANTGTGATTT TNGTGTGATT ATCTGGTTTC CNGTTTTAAC CATTACCTGT CACCNTTNAT 420 CCTTAACCTT GAAAGTCCAG AAACCATNNN ATTATTAAGG TNGTCCAATA AA 472

配列番号:1495 配列の長さ:496 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01701

配列:

GATCTGTGTG GATGGCAAAC TCCCCAGGCC ATTCTGGGAC CTAAGTTTAA GAAGTGCCGT 60 CCTCGAACTT NCTGACTCTA AGCTCCTGAG CGGGAGTNAG ACTTAGCCCT GAGCCTGCAC 120 TTCCTGTTCA GGTGCAGACA CTGAACAGGG TCTCAAACAC CTTCAGCATG TNTNTTGTGT 180 GCTCACGTGC CACACAGTGT CTCATGCACA CAACCCAGTG TACACACCAC CTACATGCAC 240 ACAGCGTCCT TNCACACTGT GTATGTGAAC AGCTTGGGCC CTGCAACACA ACCATCTACA 300 CACATCTACA ACCINNAGGA CACACACATG GGTCCGTGCC ATGTCACCTC CNTAGGGGAN 360 GGNTTTCTTT CCAAGGTGTN GCCAGGCCAG GCAAGCCTTC CAGGCCATGA ATTCCTTACT 420 TAGGTACCTN GGGGTTTGGG GTGGGNGNCC CAGNCAAAAT TCTNGGGTTN CGTNCNCTTT 480 496 GGTTNNGNCC AGNTTN

配列番号:1496 配列の長さ:492 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01702

GATCCTGTAC AGCCAGTGTG GGGATGTGAT GAGGGCCCTG GGCCAGAACC CTACCAACGC 60 CGAGGTGCTC AAGGTCCTGG GGAACCCCAA GAGTGATGAG ATGAATGTNA AGGTGCTGGA 120 CTTTGAGCAC TTTCTGCCCA TGCTGCAGAC AGTGGCCAAG AACAAGGACC AGGGCACCTA 180 TGAGGATTAT GTCGAAGGAC TTCGGGTGTT TGACAAGGAA GGAAATGGCA CCGTCATGGG 240 TGCTGAAATC CGGCATGTTC TTGTCACACT GGGTGAGAAG ATGACAGAGG AAGAAGTAGA 300 GATGCTGGTG GCAGGGCATG AGGACAGCAA TGGTTTGTAT CAACTATGAA GAGCTCGTCC 360 GNATGGGTGC TGAATGGCTG ANGGACCTTT CCCAGTNTTC CCCAGATTNC CGTTGCCTTT 420 CCNTNGTGTG AATTTTGGTN ATCTAAGCCT AAAAGTTTTC CCTAAGGCTT TCTTGTCTTC 480 492 AAGCAACTTT CN

配列番号:1497 配列の長さ:490 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01703

配列:

GATCCAAATA CACAGAATCA AGGGAAGGAG TTGCTTCTTC TAAGAGTGAT GCTTAATCTT 60
TTGGGTCATG GATGAATTGA AGATTTGATT AAAGTTACAA TAAAAAGAGN CCCCNTCAAA 120
GCACGTACAN NCTGTATCAC GAACGGTGCC TGGCCTACTT TTTCCTTTTC TACCCACCCC 180
ACCCCAACCC CCCCTGTCTC AGTGAAAACC TGGTTGTTAC TAAAGTGAAA CTTTAATAAG 240
GATATTGCCT AGGGAAGATT AGTTGTTTTC CTTGTCATTC AAGTTCATTC TGGACCTCTT 300
CCTCTGAGCT GTTAATCAGT GTTGCTAAAC AGACAGGGAA AGACAAGGGA GAGAAAAATG 360
CTGATTCATT CTTCAGAACT TTTAACCNTT TTAACCNCTA ATTCTTCCC TTGAGAAGCT 420
ATTCTTTGAT TGTGAAAGCT TTGTTGTTCA GGGNAATATG GGGTAATAAA AATAGCTAAC 480
CATTTTTAAA

配列番号:1498 配列の長さ:477 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01704

配列:

GATCAAACTT CCATATTTGC CTTGGGAATA ATGGACAAAG GGAAATACTC TTAATTCATG 60
AATAAAAACT TTGCAGAAAA TTAGACAGTG TTTAATTTTC GAAAACTTCC CTCTCTAGAC 120
AGTAGATACC ACCTACTGAT GGTTACATAT ACTAGGGAAA TTTTAAAAATT AGGAAATGCT 180
GATAGCTCAT ATTATAAATT TCTAAATCCT AGGAAGAAAC GCTTGGAGTG CTTCTGAATA 240
TACAGAAGTT CCATTTAAGG GCAAGTTTCC CCGTAGATGT ATCAAAATAC TACCAACTGT 300
AAATTGAGGT TTAATTCCCA AATGTATTCT ACTTGTTCTA AAACAATCTG TCCNCAAATA 360
TANAACTATA AAGTAATAAA TTGTTATTTT CCGCACCAAT GGGGNATCTC TAATGGTGGA 420
AAATGGTAAT CCTATGGAAA ATTAATTTT TTTAANTAAA ANGGTNATTT TAATAAA 477

配列番号:1499 配列の長さ:476 配列の型:核酸 トポロジー: 宣鎖状 クローン名:HUMGS01705

配列:

 TGGTNAAATT AAAAGCTTTT ACTTCCTGGG CAATTAAAGG TAATCCTGGT AGGAAA 476

配列番号:1500 配列の長さ:488 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01706

配列:

GATCCTGACT GCTGTCATGG CGTGCCCTCT GGAGAAGGCN CTGGATGTGA TGGTGTCCAC 60
CTTCNANAAG TACTCGGGCA AAGAGGGTGA CAAGTTCAAG NTCAACAAGT CAGAACTAAA 120
GGAGCTGCTG ACCCGGGAGC TGCCCAGCTT CTTGGGGAAA AGGACAGATG AAGCTGCTTT 180
CCAGAAGCTG ATGAGCAACT TGGACAGCAA CAGGGACAAC GAGGTGGACT TCCAAGAGTA 240
CTGTGTCTTC CTGTCCTGCA TCGCCATGNG GTNTAACGAA TTCTTTGAAG GCTTCCCAGA 300
TAAGCAGCCC AGGANGGAAA TGAAAACTCC TCTGATGTGG TTTNGGGGGG TCTGCCAGCT 360
GGGGGCCCTT CTGNGTNGNC CANTGGGGNA CTTTTTTTTT TTTTCCCACC NTGGGNTCCT 420
NTTNANGANAA NGGGCTTNGA TTGCTTGAGC AAAGTTTCAA ATAAAAGNTT TNTNGGGAAG 480
NTTTTAAA

配列番号:1501 配列の長さ:472 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01707

配列:

GATCCAGAAG CTGATGGATG TGGGTCTGAT TGCAATTCGG TGATGACTTG TTCATACCCC 60
CTTCCCTTCG CCCTCATGTG GAAAGAGGAG CTGGGACCGC GGCGAGCAGC ACGGAGCGGA 120
AGGGAGAGCA GGGGAGAGAA GGCCTCATNT CTCTATATTT ATACATAACC CCGGGGAAGA 180
CACAGAGACT CGTACCTGCG CTGTTTGTGC CGCCGCTGCC TCTGGGCCCT CCCAGCACAC 240
GCATGGTCTC TTCACCGCTG CCCTCGAGTT CCATGTCTCT TTCCCCTGCC CCTAGTTGCT 300
GTCTCGGCTG CTCTCCCATA GTTGGTTTTT TTTTTNATTT GGGGCCAGTGG GCATGTTAAT 360
GGGGGAGGGG AGGGGGTTCT TCCAGCCTNA GGTCCCAGTT GGTCTNACGT NGTTTAATTC 420
TTGGGTCCCC TTTTTCCAAT TAAAACAAGC CANTNGGGGC GTGGGTTNTA AA 472

配列番号:1502 配列の長さ:469 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01708

配列:

GATCGCAAAT TGCTNGAGCT GTTGTGGAAT AAATACTGGG TGAATACGTT GAGTTCTTCT 60
AGCTTGCTTA CTAATGCAGA CTATACCACT GGTCAGGTCT TTGATTTGTC TGAAAAGTTA 120
GAGCAGTCAG AAGCCCAGCT GGGACGAGGG AGTTTCATGT TGGGTTTAGA AACGCATGAC 180
CGAAAATCAG AAGACAAACT TGCCAAAGCT ACAAGAGACA GCTGTAAAAC TACCATAGAA 240
GCTATCCATG GATTGATGTC TCAGGTTAAT TAAGGATAAA CTGTTTAATC AAATTAACAT 300
CTCTTCCACA GTCTCTGAGA AGGGCTNTAC CTGAAAGACA GTATGNGGGA AAATATTCAA 360

GGTAACACTT TTAAANCCAG TTNCCNAAAA TCTGATTAGG ANGTNTANGG TTCTCTGAAG 420 TGGTCCTAAA TATTANTATC CCTGTAATAA ANGCTCTTTA AANTGGAAA 469

配列番号:1503 配列の長さ:466 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01709

配列:

GATCTGCAGT GGCTGTTTGA CCAGACCACA AAGTTCACAT CTCCTGAGCT TAGTGTCCGT 60
GGCTGTCCAC CTCCCAGCCA TACTTGACTG TCCCCAAACT CTCCCTGCAG CCACATGTTT 120
CCCATGACCT GTGGGCTCTG CAGATGGACC TCTCTCCGCT AGAGATGCCC TTCTCCCAAA 180
TGGCTTCCCT CCTGGAAGGC CCAGGCTGAG TCCTCGTCTC CTTTCCAGTG CTTCTGCCAG 240
AAGCATCCCC ATGATGTTGT GACCGCACAG CACTTTGTGT CTTGCTTTGA GCACTTGCCA 300
CTCTGGCTGG TGCTGCTCC ACTGATTGTG TACTGTCTTG CTGCCCTTTC TAGACTGTGA 360
GCTCCTCGTG GGCAGGGACC GCCTGTGTTC TCTGTATTTC CCACGGAGCC TAAGNACAGT 420
GCCTTGCACT TGATAAGGTG CTTAATAAAAT GTCTGNTCAA CTGAAA 466

配列番号:1504 配列の長さ:465 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クコーン名:HUMGS01710

配列:

GATCACTGTG TTCAGTGTTG TTGGAATGGA TTCAGACTGG CTAATGGGGG AAAGGGGAAA 60
CCAGAAAGGC AAGGTGCCAA TTACCTACTT AGAACTGCTC AATTAAGTAG GTGGACTATG 120
GAAAGGTTGC CCATCATGAC TTTGTATTTA TATACAATTA ACTCTAAATA AAGCAGGTTA 180
AGTATCTTCC ATGTTAATGT GTTAAGAGAC TGAAAATACC AGCCATCAGA AACTGGCCTT 240
TCTGCCAATA AAGTTGCATG GTAAATATTT CATTACAGAA TTTATGTTAG AGCTTTCATG 300
CCAAGAATGT TTTCTTACAA AATTCTCTTT TTATTGAGGT TTCACTAATA AGCAGCTTCT 360
ACTTTTGAGC CTCAACTTAA AGCAGANCTG TTTTCTACTG GGATTTTTCA TTAACAGCAA 420
GCCTTTTCCT TTTATGTAAA ATTAAATCTA TTGTGGAATT TGAAA 465

配列番号:1505 配列の長さ:462 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01711

配列:

GATCTTGTCT TTAAAACATG ATAGTCCTTT CAGTATAATG TCTTAGATTA AAGACGTTGC 60
CTTTAATATC TGTTGGGAAG GAAATGTCCA GACTTTCAA ATCTCTTATT ATATGTTTCC 120
TTTTNTTGTT TACATAGGGA ACAATGTTTA TAGTCGTGTG TACAGTGGGG GTCTACANCN 180
NGAAGTGTAT ATTTTCAAAC AATTTTTTAA NGATTTAACA ATTTTTGTAA ATCATTTTCA 240
GGCTTCTGCA GCTGTAGATT CTCACTGTGA ATCCCTTGCT TGCTCATGCA TAAGTGTATT 300
TGCAATACCA NATATACAGG TTTAGTATTT TTGCCTGTTA GTNGATTGTT TCACATGNGT 360

AACGINITGG GIGAGAIGIT ANAIGGIIGG NCGAGGIACI GIGGANGIGA AIGIGGGNAG 420 462 TAATTTTAAN NCATATGNAA TTGGTCACCA GGGCCNAATT TN 配列番号:1506 配列の長さ:459 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01713 GATCCCAAGC AGGCTCACAA ATTTAAATGA GGGCTTTGTG TGCAGAAAGA GGAATAAGTA 60 CAGATTATTT TCCTACCACT AGATTTTTGG GGAGAGTCAC CATGGAATGT TGACAATTAC 120 ATACAGCCAT AGGCACCCAC CCGAAATTTC CCTAGGAGTT GGAGTAATGC TAGAATTGAA 240 GACCTTCTGA GTAAAGGGCT TCTCTGCCTT CTCAGAGGCA GGAGAATTTG CACTGGTTGT 300 GTTAAATGTA TAAAAAGCTA TATGTTCACC AGTTTACTCA TTTCCAATGT GTAGATGAAT 360 AAAATGTAGT GTACAAATTA TTTGAAAATC CCAGAAGGGA AGGTACTTTT CAAANACAGT 420 ATTTTTTTA ACAAATAAAC TTACGNTTTT TACAGCAAA 配列番号:1507 配列の長さ:454 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01714 配列: GATCTCCTGT CCATCAGCCA GGACAGTCAG CTCTCTCCTT TNAGGGCCAA TCCCCAGCCC 60 TTTTNTNGAG CCAGGCCTCT CTCACCTCTC CTACTCACTT AAAGCCCGCC TGACAGAAAC 120 CACGGCCACA TTTGGTTCTA AGAAACCCTC TGTCATTCGC TCCCACATTC TGATGAGCAA 180 CCGCTTCCCT ATTTATTNAT TTATTTGTTT GTTTGTTTTA TTCATTGGTC TAATTTATTC 240 AAAGGGGGCA AGAAGTAGCA GTGTCTGTAA AAGAGCCTAG TTTTTAATAG CTATGGAATC 300 AATTCAATTT GGACTGGTGT GCTCTCTTTA AATCAAGTCC TTTANTTAAC ACTGAAAATA 360 TATAAGCTCA GATTATTTTA ANTGGGNATA TTTATAANTG NGCAAATATC ATACTGTTCA 420 NTGGGTTCTG GAATAAACTT CACTGGAGGG NAAA 配列番号:1508 配列の長さ:453 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01715 配列: GATCGAGCAG TGTGACTACC CCCCACTCCC CGGGGAGCAC TACTCCGAGA AGTTACGAGA 60 ACTGGTCAGC ATGTGCATCT GCCCTGACCC CCACCAGAGA CCTGACATCG GATACGTGCA 120 CCAGGTGGCC AAGCAGATGC ACATNTGGAT GTCCAGCACC TGAGCGTGGA TGCACCGTGC 180 CTTATCAAAG CCAGCACCAC TTTGCCTTAC TTGAGTCGTC TTCTCTTCGA GTGGCCACCT 240

GGTAGCCTAG AACAGCTAAG ACCACAGGGT TCAGCAGGTT CCCCAAAAGG CTGCCCAGNC 300 TTACAGCAGA TGCTGAAGGA GAGCAGCTGA GGGAGGNGGN GCTGGCCACA TGTCACTGNT 360 GGGTCAGNTT CCAAAGTCCT TTNNTTANCA CTGTTGTGGA CAATNTNANN TNGGGTCAAN 420 453 TNAAGGGCAG GTNGGTTNAA GNGGNGCCNN GGN

配列番号:1509 配列の長さ:450 配列の型:核酸 トポコジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01718

配列:

GATCCTGGGG AAGGTGGGGA ACATGCTTGC AGTATCTNTC CCTGTNTGTN TGCTCACATA 60 AGCATTCCGT CCATCTGAGC TCATCGTGCT ACTGGTATGT GTATGTNCAG TTACACAGTT 120 TTNTGTATCA TAGATTCTAG TGTGTTTATA CAAGGNGACA TCTGTGGTTT CCCCAACCGT 180 TCCAAAAGGC TATTTCAAAG GAACCAGCCA ACGTATGAGA AATGANTGTA ACACTGTGGA 240 CATTGACTTC CCGCATAAGG CAGGGTGACC CCCTGAACTC CAGATGTNTG CACAGTATCT 300 NATGTGTTGT TTTCCGTTGT GACGAATGTG NATTGGAACA TTTGGGGGAG CACCCAGAGG 360 GATTININAG TGGGAAGCAT TACACTITGC TAAATCANGT ATTINNITCC TGNITAAACC 420 AACCTANTTA ANTNTTTANC CCTTGGCAAA

配列番号:1510 配列の長さ:449 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01719

配列:

GATCCATGGA TGTAGTGGGG AGTGGAAAAT GGCACAATAT CAAGTGTGAG ANAGGNGATA 60 NACTTCGACT CTNCTGCCTT CAACTGAGAN CAGTTGACCG CAAGCTGAAA CTGGTGTGTG 120 GNAGTCACAG CTTCATCAAG GTCATCAAGG CCAAGAAAAA CAAGGAAGGA CCAATGAATG 180 TTAATTGAAA TATGAAAGCT GAAATGCAAC AAACAACTTC CGCTTAAAAC AATTAAGTTG 240 TTAATAACTG TGATTTTGTA AATTTCAGTA ATTCATTTAA ATGATGTTTC AGTAGATATA 300 TTCTAGCATA TTANGAGCTT TTATAACTGA GTTATAGATT AGTTTGCTTT CTGGAATAAA 360 ATTTTCTTCT TATACTCTTC CTTTTTTTA GATATNACAT TTTGCTTTTA TGNCATTCAC 420 449 GGGGGCAAAA ANTAAAATAT CTTTTTTN

配列番号:1511 配列の長さ:464 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01720

配列:

GATCAGAATC ATGGTCTCCC GCAGTGAAGT GGACATGTTG AAAATNAGGT CTGAATTCAA 60 GAGAAAGTAC GGCAAGTCCC TGTACTATTA TATCCAGCAA GACACTAAGG GCGACTACCA 120 GAAAGCGCTG CTGTACCTGT GTGGTGGAGA TGACTGAAGC CCGACACGGC CTGAGCGTCC 180 AGAAATGGTG CTCACCATGC TTCCAGCTAA CAGGTCTAGA AAACCAGCTT GCGAATAACA 240 GTCCCCGTGG CCATCCCTGT NAGGGTGACG TTAGCATTAC CCCCAACCTC ATTTTAGTTG 300 CCTAAGCATT NCCTGGCCTT CCTGTCTAGT CTCTCCTGTA AGCCAAAGAA ATGANCATTN 360 CAAGGGAGTT TGGAAGTNAA GTCTATGANT GTGAAACAAC TTTTNNCCTC CTGTNGTNCT 420 GTGTTAATAA ANCAGGTGNA TTAAACTGGN TTTNGTACTT TAAA 464

配列番号:1512 配列の長さ:445 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01721

配列:

GATCTTGCCA TGGAAGATAC TAGCCCAGCC TAGCAGAAAA GTGCAATATG TATAGCATAC 60
TTTGACATTT TAAACATGAT AGTCCATAAC CATTTTGAAA TGCTGGGCAA ACTACATGAA 120
GTTATTTATA ATTAATTCAC AGCTAATCAG GCATTTTGAAA AGCTTAATTG GATTCAAAAA 180
CCATAATGTT GGAATTTGGT AAAATTTTAA TGTTGATTTT TACTGTGAAA AGGTTTTTAT 240
AAGATATACA CACCCTAGTT TAATGTTGTG TCTTGGTGTG GATTTACAGA TTTACTACAG 300
GTATTCTGAA CCAGGAACAC ANTCAGGTTT TCAGGCCAGT TTGAATACTG GCTGGCCTTA 360
AATTCTAATT ATNNGGAGTA GGGACATCAT ACCTAAATNT TTATGTCAGT GGGGNCTGTA 420
CTTGTCTGTG GGANCTTAGC AAATN

配列番号:1513 配列の長さ:435 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01722

配列:

GATCAATCGG ATTGAGAAGA ACATCCTGAG CTCAGCGGAC TACGTGGAAC GTGGGCAGGA 60
GCACGTCAAG ACGGCCCTGG AGAACCAGAA GAAGGCGAGG AAGAAGAAAG TCTTGATTGC 120
CATCTGTGTG TCCATCACCG TCGTCCTCCT AGCAGTCATC ATTGGCGTCA CAGTGGTTGG 180
ATAATGTCGC ACATTGTTGG CACTAGGAGC ACCAGGAACC CAGGGCCTGG CCTTCTCCC 240
CAGCAGCCTG GGGGCAGGGC AGAGCCTCCA GTCGGACCCC TTCCTCACAC TGGCCCCTAT 300
GCAGANGGTN AGACAGTTCT TCTGGGGTTG GNAGCTGCTC ATTCATGATG GCCTNCTCCT 360
TNAGGCCTCA ATGCCTGGGG GGANGGCTGC ACTGTCCTAT TTGGNCGGGA CANACGGTTT 420
TNTAAAAAATT TTAAA

配列番号:1514 配列の長さ:434 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01724

配列:

GATCTAACCT AGACTAAAAT TGGGAACTTA TTTGCAATTT TTGACCCNGN CCACTAACTA 60
GTGATTCTNC TCCAAAATTG AGAAAGACAG CACCCATTGA AGCAGATATG TGTGTGAAAG 120
TATATTTTTC AATTCCAGAT TTTTAATTTT AAGGCTCCAG GAAAGAAAGG AGAGTAGAAC 180
ATTTTTCCTC ATTTTATCAA ATCCTCTCTT GCCCTCCCTC AATTCCCCTG TAACATTCCT 240
GAAGCTGTTC CCACTCCCAG ATGGTTTTAT CAATAGCCTA GAGGTAAAGA ACTGTCTTTT 300
TCTCTGATTC TTTAATAAAAT TATCTTTATA GGAATATGCA CAAGTTTTTT TTACACTCAG 360

TGTTAAAAGT ATTTATTAAT NGGGAAGTCA ACTTAATGTT TTGAAATAAA NTATATGNCT 420 CTGGTTAATG CAAA 434

配列番号:1515 配列の長さ:423 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01726

配列:

GATCCAGTGA TTCANTCACT TAAATNAAGT CTTTTGGTCA GAAATNACCT TTTTGACACA 60
AGCCTACTGA ATGCTGTGTA TATATTTATA TATAAATATA TCTATTTGAG TGAAACCTTG 120
TGAACTCTTT AATTAGAGTT TNCTTGTATA GTGGCAGAGA TGTCTATTTC TGCATTCAAA 180
AGTGTAATGA TGTACTTATT CATGCTAAAAC TTTTTATAAA AGTTTAGTTG TAAACTTAAC 240
CCTTTTATAC AAAATAAATC ANGTGTGTTT ATTGAATGGT GATTGCCTGC TTTATTTCAG 300
AGGACCAGTG CTTTGATTTT GATTATGCTA TGTNATAACT GACCCNAAAT AAATNCAAGT 360
NCAAATTTAT GTNGNCTGTA TAAGGTTTGT AATAANCCAT GNCTGAGGNC AAAAAAGGGN 420
AAA

配列番号:1516 配列の長さ:419 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01727

配列:

GATCTGTAAT CTCCACTGCT TGGATGTCTG CCCTCTACCC CAGAGGAATT TACAGAAACT 60
TGCCCTGTGC CTGTGTCCCC CATGCTAGGG GCGGAGGGGT CTTTTCCTTC TTCTTTCCTA 120
CCTACCCCTT TTCTCTTGGC CAGGGGCCTC GTATCCTACC TTTCCTTGTC CCCTGGGCTG 180
GCTGCACAGA GGATTGCCCC TTCTCTTTTC AGAGCTGGCC CTCGATGCCA AATTAGCATT 240
TAGTATTTTG CACAAAGTCT AAGGGACCAT GGCTGCCTGC CTTGGGGAGG AACCATAGCT 300
CCNTCTGGGC CGCTTCTGGC CTCTTGGAGC CATGGGCCAA AGGCAAGGGG ATGGGCAGAG 360
GTCTGTGTTT GGTCTGGCCC AGTTCCNCAT CATTAAACTC AGCCTGACTG CTGCCTAAA 419

配列番号:1517 配列の長さ:419 配列の型:核酸 トポロジー:宣鎖状 クローン名:HUMGS01728

配列:

GATCCTCAGT AGANCAGTCC AGAAGCCTGA NAGACAGTGG CCCCTTGATA ATCTGGGTCT 60
CACGGGNCCA GCTAGGGGTC CAGGTTTCAN TCAGTAAATA AGAGTGGTCC ACGTCCTAAA 120
GACACCTCTC CTNNACAAAG ACTTGTGATG CTCTGGGGNT TCTNTGGCCA AGCCCCACCC 180
TTTCCTGGTC ATGGTACCCG TACAGCGTTG ATGGCCACAG CTCGAAGGGG GGCTTTCGTG 240
TCCCCCTGTG CGGTCAGTGT TTTCAGTACC ACCTCTCC CGTGCCCACT TGGCTATTTA 300
CTTATTTATT TATTGTGTGC CAGTNATGGT GGGTGGGGGC TGGGCCTTCC CCGCCACCTN 360
CANCCCTGTT GTGACCTGTC CTTCCGTACT TAATAAAGTG CGCGTGNGGA GTTGTTAAA 419

配列番号:1518 配列の長さ:418 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01729

配列:

GATCTNAGCC CTCCGGTTCC TGGGCAGAGA GAAAGGCTAC AGGTTCATTT NCCTGACGAC 60
AGCAGTCACA AACAGCGCTC GCNTTATGGA GGCCATNAGT GAGGTGAAAG CCTGATGTTT 120
TTCCCGGCCA NTNTTGACAT CTTCCCTGAA CACATTCCTC AGTGAGATGC AGGCATCTGG 180
CACCCAGCTG CTATAACCAA GTGTCCACCA ACTACCTGCT AAGAGCCGGG AGCATGGAAC 240
GTGTTĞGGAT TTAGAGAACA TTATCTGAGA AAAGAGTTCA CTTCCTGCTC CCAGGATATT 300
TCTCTTTTCT GTTTATGAAG TACAA&CCCAT GCTGCTAAGA TGCGAGCAGG AAGAGGCATC 360
CTTTGCTAAA TCCTGTTTGA ATGTCATTGT AAATAAAGCC TCTGCTCTCA GATGTAAA 418

配列番号:1519 配列の長さ:404 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01730

配列:

GATCCAATTT ACAGAAATCA GAGTTAGCTA CAGCTAGGAC TCGTTTGGTT GGGGTTTTTT 60
AGTTTGTCTT TCTAAAGTCA TGTGGACCTT AATTTAATTA CAAAAGTCTA CCCTGGTGGT 120
CATAAAAATAG GCAGGCCTAT GAAGAAAGGC CTTTTACTCT TCCATCTCGT CCCAGCCCCG 180
AGTTGACCCA CGTTGCTGCT CCTCACACCA TGGTGATGCA GGTCTCGTAG TGTGGGCACA 240
GGCCTGGCTA CCTCATCTTT TTAGTGCCTC TCTCCTCTTC CACAGGATGG GGTCCCACAG 300
CTGCAGCAGC TGGCCCGGTA GTTGAGCATG TGTGGTTATC CTGTAGAGCT TTTCCCAAGA 360
AGGGTGTTTG AACTTAGAGT CTTAATAAAA TCTTACCAAA TAAA 404

配列番号:1520 配列の長さ:402 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01731

配列:

GATCTACAGA TACGTGATAT TNTGGTATAA CTAGAATCTT GATTTCTTTC ATAAAGTTCT 60
GCCATGTTCT ATTTCTTCC TTAATGTTTT TTTCTTCCCT ACTGTTTAT CCTCCCTTTG 120
CTTTGGAAGG ATATTNCTGC ATATCGAGCT AAAGGAAAGC CTGATGCAGC AAAAAAGGGA 180
GTTGTCAAGG CTGAAAAAAG CAAGAAAAAG AAGGAAGAGG AGGAAGATGA GGAAGATGAA 240
GAGGATGAGG AGGAGGAGGA AGATGAAGAA GATGAAGATG AAGAAGAAGA TGATGATGAT 300
GAATAAGTTG GTTCTAGCGC AGTTCTTTTT NNCTTGTCTA TAAAGCATTT AACCCCCCTG 360
TACACAACTC ACTCCTTTTA NNGAAAAAAA TTGAAATNTA AA 402

配列番号:1521 配列の長さ:407 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01732

配列:

GATCTCAGCT GAACAAATTA GATGTTTCAG TTGCTCTTGG GTCAACTGGC TTACAGATTT 60
ACATGTGCAC ACACACACA ATTTCTTATC ACATTTTCGC CTTCTTCACT TGACCTAACT 120
GATTATGCGA AATACCCAAG ATTCATGCTA CTGTACCACA GATTTGTTTT CACAGCAATA 180
AATCTTCAGT TCTTTGTTTA TGATTCCACT TAACAAAAGG CCTGCAGAAG TGATTTATTA 240
TTTGGGTATT TGGAGATAAT ACATTTGATG GTTTTTTGGG AAACCTTTTT CACTCCATAC 300
TCAGATATGC TTCATTGTCA AATGCATATT TAGGNTAGGT TAATNGAATT GTAATGTTTA 360
ACCTGCTGCT TNTTTTTAA ATAAAAATTT GACTGAAAAT GGTTAAA

配列番号:1522 配列の長さ:397 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01733

配列:

GATCTAGTAG CCACGCTAAA AAACAAGTAA AATTAATTT AATATATTA ACTCAATACA 60
TTGGAGATAT TATTTCAGAA CGATATTTT CATTCTTATG AAACTAAGTC TGTCTGGTTT 120
GCATATCTCA GTTGAGACAC TAAAGTTTTA CTGATAATAC TTAATCCATN NATTAGATTT 180
CATAAAATCT AAATTTGCAA AGTAAATTTA CATACCCATG TNGGTCTAAA TGTGCTTAAA 240
AGTTTTCCAA TAACTGAAAT GAGTATCAGT TTTAAATTTA AAAATTTGTT ACTTGGTTAC 300
TCCATATTTC AGGTATTAGT GGCTACCATA TTGGTCAGAG CAGATTCATA GGGATGATTT 360
CCCAGGTTTG AAGTGTGTGT ATATTGCTGG TATTATN 397

配列番号:1523 配列の長さ:395 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01734

配列:

GATCTGTACG AAATGTGAAA TNTTTAGGGA CATCTCCATG CTGTCACTTG TNATTTGCCC 60
TCTNATGTAT TTNGGTCATA TTGCCAACTG GAAAGTCAAA ATTTCCTAAC AACTTTAAGT 120
AAGTCCTTTN AAGACTNAGT GCTGTTTTNA ATCCAGTTTA GAAAGTAACT TAATTTTAAT 180
ACCGCTACTA AAAATNCGAA AATTTCTCCT TTAATCACAT TCAATATGGT TAAANGAACA 240
ACACTAATTG ACATTGCGTG GGCTTTTCCT CCCTTTGTTT AAANANGTCA TTTTGTTGAG 300
CAAGNGGTTG TATAGTATTA TCTACTNNCT TGAGGCTGTT AAATTTNCNA TTCCAGNGGT 360
TTTGTAAATG TATCCCGGGG CCNTGNTGCA TTGGN 395

配列番号:1524 配列の長さ:391 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01735

配列: GATCTCAATG ACCTGGCGAA GACTGGAAAA TACAACTCCC ATCACCAGCA GAGTTGCTAG 60 GCTGCTGCTG TATGGGTACA GAGAAGGGTT TGACAAAATT GACCTGACTG TGGAAGAACT 120 TCCAGCAGTT TACACAGGAC TGTTTTATAA ACTCTATCAT AAGGAACTGC CAGAGAATTA 180 TAAAACTATG AAAGGAATTG ATTAAATTCA CATTTATATG TTTAGAAACA TGTAGACTAA 240 CGAATGACAT AAGAAATAGT GGACATTTTG GATTGATTAA ACATCTGACT GTGATTTTCT 300 AATGTATATG ATTTCCATGA AGAAATTTTG TTTCTAAACA TGCACATTTT AAAAGCCTCT 360 391 TTTCGAATAA AGCAAATGCG TGAAAANGAA A 配列番号:1525 配列の長さ:388 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01736 配列: GATCCGGCGC CACAAGACCA CCATCTTCAC GGACGCCAAG GAGTCCAGCA CGGTGTTCGA 60 ACTGAAGCGC ATCGTCGAGG GCATCCTCAA GCGGCCTCCT GACGAGCAGC GGCTGTACAA 120 GGATGACCAA CTCTTGGATG ATGGCAAGAC ACTGGGCGAG TNTGGCTTCA CCAGTCAAAC 180 AGCACGGCCA CAGGCCCAGC CACAGTGGGG CTGGCCTTCC GGGCAGATGA CACCTTTGAG 240 GCCCTGTGCA TCGAGCCGTT TTCCAGCCCG CCAGAGCTGC CCGATGTGAT GAAGCNCCAG 300 GACTCGGGAA GCAGTGCCAA TGAACAAGCC GTGCAGTGAG ACCCCCAAGA GGCCCATTTC 360 388 CCCCAATAAA AGAGATTTGG GAGTCAAA 配列番号:1526 配列の長さ:388 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01737 配列: GATCTTATTT CTTCTACTCA ATTGTATATT TATACCCATT AATCAACTTC TGTTCTTGCT 60 CTCTCCGTGC TACCCTTCTG GCCTTTGGTA ATCGCCAATC AATCTACTCT CTATCTTCAT 120 GAGACCAGCG TATTTTAGCT CCCACATATG AATGAAAACA TATAATATTT GTCTTTCTGT 180 GCTTGACTTA TTTTACTTAA CATAATGACC TCCAATTCCA TCCATCTTGT GGCACTGACA 240 GTATTTCATT CATTTTTGTG TGAATTATAT TTCGTTGTGA ATATACATTA CATTTTCTTT 300 ATCCATTCAT CACTGATGTG CACTTAGGTT GATTCCATAT TTGGGCTATT GTGAATAGTG 360 388 TGTTAATAAA CATGAGAGTG CAGTTAAA 配列番号:1527 配列の長さ:385 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01738

660

GATCTTCCTG GTCAGCGCTC TCTCTAGCAT ACTCTTCCTC TATTTGGCTC ACAAACAGGC 60 ACCAGAGAAG CAAATGGCAC CTTGAACTTA AGCCTACTAC AGACTGTTAG AGGTGATACT 120 ATGACCATGA GTAGCATCAG CCAGAACATG AGAGGGAGAA CTAACTCAAG ACAATACTCA 180 GCAGAGAGCA TCCCGTGTGG ATATGAGGCT GGTGTAGAGG CGGAGAGAGG CCAAGAAACT 240 AAAGGTGAAA AATACACTGG AACTCTGGGG CAAGAGATGT CTATGGTAGC TGAGCCAAAC 300 ACGTAGGATT TCCGTTTTAA GGTTCACATG GAAAAGGTTA TAGCTTTGCC TTGAGATTGG 360 CCTCATTAAA ATCAGNGACT GTAAA 385

配列番号: 1528 配列の長さ: 377 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01739

配列:

GATCCGTACT CAGAACGTCC AGGAGAGACG CATGGCCCGA AGTCAAAGTG CTGGAATTTT 60
CCAAAACAGC CTGTTCTCTC CTCTCCTC CCCAGAGCAC CCCCTGCCAT CAGGGGGGTT 120
GAAATCCCTC TCCCCCAGGA GCCCTGCTGC TTTGCTTGGT GGTAGGGCAG GAGAGCAAAC 180
AAACAGTCAT GGTCTAAAAC CCACATAGCA CTTTGCTCTT AGTTACATGT AAAATTTTAG 240
ATTTCTAAAA CAGGTGGGCA ATCATTTTGA ATACTGTTCT GTGACCCTGA CTGCTAGTTC 300
TGAGGACACT GGTGGCTGTG CTATNGTGTG GCCATGCTCC NTTGTCCCCG TNCCTGTTGG 360
CTGCTTCTGT TTAGGTN 377

配列番号:1529 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01740

配列:

GATCCAAGGC CTGTGGTAAA CGGGAGANCT TGTNTTTTC AAGTGGAAAA AAACCCAAGA 60 GTTTGTNCAG ACATCCTGTC TTCCCAGAGA AGGTGGACAC TCTTGGNCTC ATTGTAAAGT 120 GCCTGCTGNA TCAATAAAGC TCTTGGCTTA TTAGTCTATA AAACAAA 167

配列番号:1530 配列の長さ:372 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01741

配列:

GATCCACACG TTCCGGGACT ACCTGCACTA CCACATCAAG TGCTCTAAGG CCTATATTCA 60
CACACGTATG CGGGCGAAAA CGTCTGANTT CCTCAAGGTG CTGAACCGCG CACGACCAGA 120
TGCCGAGAAA AAAGAAATGA AAACAATCAC GGGGAAGACG TTTTCATCCC GCTAATCTTG 180
GGAATAAGAG GAGGAAGCGG CTGGCAACTG AAGCTGGAA CACTTGCTAC TGGATAATCG 240
TAGCTTTTAA TGTTGCGCCT CTTCAGGTTC TTAAGGGATT CTCCGTTTTG GTTCCATTTT 300
GTACACGTTT GGAAAATAAT CTGCAGAAAC GAGCTGTGCT TGCAAAGACT TTCATAGTTC 360
CCAAGANTTA AA 372

配列番号:1531

配列の長さ:372 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01742

配列:

GATCCACTGT TGGGGCCTCG ACGAGTTCCT GTCCTGGGAA AGGAGTACAC CGAGAAGACC 60 CCCATTTCTG AGCATGCTGT TTTCAATGTG GACCTCATGA GCAAGAAAAT TCATCTGACT 120 GAGAATGGGA TAAGGGTGGA TATTGGCGAT ACAATAATCT ATCTGGTTCA TTAAACTCAT 180 GCACATTGGA GATTTATCCT GGTTTCTTAG GAATACTACT ACTCTGATTG TGTCTACTGA 240 TTGGCTATCA GAACCTTAGG CTGGACCTAA ATAGATTGAT TTCATTTCTA ACCATCCAAT 300 TCTGCATGTA TTCATAATTC TATCAAGTCA TCTTTGATTC CTGGACCTAA TAAATTTTTT 360 372 TTCCCTTTCA AA

配列番号:1532 配列の長さ:368 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01745

配列:

GATCCCAGTC ACAATTATCA CCGGGTATTT AGGTGCTGGG AAGACAACAC TTCTGAACTA 60 TATTTTGACA GAGCAACATA GTAAAAGAGT AGCGGTCATT TTAAATGAAT CTGGGGAAGG 120 AAGTCCGCTG GAGAAATCCT TAGCTGTCAG CCAAGGTGGA GAGCTCTATG AAGAGTGGCT 180 GGAACTTAGA AACGGTTGCC TCTNCTGTTC AGTGAAGTGA GGAATGTGTT TACTGTGTAC 240 ATGGTTTACT AGAAATGTTT ATTGATTATA TTTCCAGCTT TAATTTTCTT GAGTAATTTA 300 ACTGAATTTA CACAGTTTGC TTCATTGTAT TTTCAAACAA ATAGAAAATA AACTTATTAG 360 368 GAAGCAAA

配列番号:1533 配列の長さ:364 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01746

配列:

GATCGTCCCC GTATGATGAT TGTNAGAAGA CAGGACTAAG TAGCAGAGAA TAGCTAAGAG 60 ATAAATTGGG CTGGGGAAAC TTGTCAGAAA GCACTGAACA ATTAAGAAAT TTTCCAAGAA 120 AATGTGCAGT ATTCTCTGCT ACTTCTGAAT CTGTTTTGTC TTCCTAATCT ATCACAATTG 180 CCACCCATCG GGTTTTGGGT GTGTGTTTTC ATAGCGTGGT TACTTTCTAT AATGCTGTAC 240 CCAGATTCTA AGAACCTGGA GAAGGATTAG CAGTTCTTAG TAAGTTTACT GTGTATAGGA 300 ACGGTTTGTA TTTCATTACA GCTATTCATC TTTTCTACAT TAAAAATATT TTTCTCTAAA 360 364 GAAA

配列番号:1534 配列の長さ:362 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01747

配列:

GATCTGTGCC ATAAAATTTC AGTGTAATAA GACTTCTTCA ATACATCTTC CAATAAGGGG 60 TGCTTCTTTG TGACAGTATT TTTATTTCTG ACATTCATTT TATTTGGGTA CATAGTGTGG 120 TTGTTGATAC CTTGCAATAG TATTGCTTCT GAAAGTAATA AAAAATTTTA GGAGAATTTG 180 AGAAGTTTAC AGAATTACTT ATTCATTGTT TTCTTAGTAA GTCAGTTTAA TGTTTATTTT 240 TCTCATTATT TCATCACTGC AATAAAGAAT AAGGGTGTTT GAGCTCACCT CCATGCAAAG 300 ACTTCAGTTT TAAAACATTA TTTGCCTAAA ATTAGCATTG TGATGCTTTC TGAAAGAAAT 360

配列番号:1535 配列の長さ:361 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01748

配列:

GATCCACCTC TCCTGTGCTA AGATTAAGAN GACCAACGTC CCCGANTTCT TTNATTGCCA 60 GAAATGCAAG GAACTGAGGC CAGAGGCCNN GCGGTTAGGG GGGCCTCCCA AATCTGGAGA 120 GCCCTGATGG CACCAACTTT AGCCTGGAAC TTCCAAATNA CAACATGATT TGGGAACTGA 180 GCCTCAGGGT CCTCAGCCTA TCCCCTGGAG CTTGGATACT GTCTGCACTT CAAGGCAGGA 240 ATTCTCAAGG GAGACTTGTT TGAAAATNAG TGTCTCACTT TCCCACCCTA TCCTTCCTCC 300 CCACTCTGTG GACTTGAAAT TGAATCCATT ACGGTTGGGG ATGGGAGGCT GTCTGTGTCC 360 361

配列番号:1536 配列の長さ:360 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01749

配列:

GATCGATTCT CTCTATGAAG GAATCGACTT CTATACNTCC ATTACCNGTG CCCGATTNNA 60 AGAACTGAAT GCTGACCTGT TCCGTGGCAC CCTGGACCCA GTAGAGAAAG CCCTTCGAGA 120 TGCCAAACTA GACAAGTCAC AGATTAATGA TATTNTCCTG GTTGGTGGTT CTACTCGTAT 180 CCCCAAGATT CAGANGCTTC TCCANGACTT CTTCAATGGA AAAGAACTGA ATANGAGCAT 240 CAACCCTGAT GAAGCTGTTG CTTATGGTGC AGCTGTCCAG GCAGCCATCT TNNNTGGAGA 300 CAAGTNING AATGTTCAAG ATTNGCTGGC TCTTAGGNTG TCACTACTCT TTTCCCTTAN 360

配列番号:1537 配列の長さ:358 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01750

配列:

GATCCCAGTG AATCCTGGGT CCAGGAGTAC GTGTATGACC TGGAACTGAN CTGAGCTGCT 60 CAGAGACAGG AAGTCTTCAG GGGAGGTCAC CTGAGCCCGG ATGCTTCTCC ATGAGACACA 120 TCTCCTCCAT ACTCAGGACT CCTCTCCGCA GTTCCTGTCC CTTCTCTAA TTTAATCTTT 180
TTTATGTGCC GTGTTATTGT ATTAGGTGTC ATTTCCATTA TTTATATTAG TTTAGCCAAA 240
GGATAAGTGT CCCCTATGGG GATGGTCCAC TGTCACTGTT TCTCTGCTGT TGCAAATACA 300
TGGATAACAC ATTTGATTCT GTGTGTTTTC ATAATAAAAC TTTAAAATAA AATGCAAA 358

配列番号:1538 配列の長さ:354 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01751

配列:

GATCECTCCT CTAGGGGCCT GGGGACTTTN ACTGATGCTC TTCCTGATTC TAGAGCAAAG 60
GTGTGGGAAG GGGAAATGGA GGAATGCCCT CCTGTCTGTN TCGTTCTCTG TGCCACAGCT 120
ACAGATGCAG AAGGTTTCTC TGGATAGCAC ACCTCTGANT GTAAATCATG ATAAAATGGA 180
TATTTGGAAA CTTACTCCTA AGCTGTGATT TAGGGTGTAT TTCTACTTCT GGACTGCCTC 240
AATATCAAGG GCTGAGACTT TTGAATTTTG AATATTCGTT GGGTTTCATG TTAAGANGCC 300
TGTGGTCTAG GAGTGCTATT CAGTGTTTCT TTTCCTGATA AACACTTTGA ATAN 354

配列番号:1539 配列の長さ:352 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01752

配列:

GATCTCAGTA TGGACAGTGT AACAACAAAA CCAAAATGGC TGGACAGACT TCTTGTGTTT 60
TGTAAATATA AACTAGGACA GTTCTGTAGG TTTGTTCAGT GTGCTAGTGG AGTATTCCT 120
TAATGTAAAA CTTCACTTAA CAGAGAGATT CTTTGTTTAG CAAGCTTGGN GTGATGATAN 180
AGNGGTAAGA AATAATATAA ATGTTGAAGA AAGCATCACA ACAGAACTAT AGGAGTCTAA 240
ATTTAATAAA TCTTTAAAAA AAACCAGTGT CTAGAATATA TACCATGTTT TATTATTAA 300
AATCATTGTC TTAAATTTTT GTTCAAAAAA TAAAAATTTG AATACAATCA AA 352

配列番号:1540 配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUKGS01753

配列:

GATCAGACAA GCCCAAACTG AGAGACACTC TACAAAATAA CTGGCCAGTA CGTTTTNCAA 60
GTNCCAAGGC CGTGAACAAT AAGGAAAGAC TGAGGAACAG TCATGGACTG GAAGAGAGTA 120
AAGAAATATG ATAACTAACT GCATTGTGAG ATACCGATTT AGATGTTGGA TTAGAAAAAG 180
GACCAGAAAT AAGATTTCAT CAATGTCAAT TATTTGGTTT TGATAATTGT ACTGTGGTTA 240
TGTAAGATGT TAACATTAGT AAGAGCTGGG TGAAGGGTAC ATGGAAACTA TTATTTTGC 300
CACCCTTTGA AAGTCTAACT TTTTTCAAAA TAAAAAGTTT TAAAAAAATAA A 351

配列番号:1541

配列の長さ:357 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01754

配列:

GATCCCAGAT GCAGTGACTG GTTACTACCT GAACCGTGCT GGCTTTGAGG CCTCAGACCC 60
ACGCATAATT GGGCTCATCT CCTTAGCTGC CCAGAAATTC ATCTCAGATA TTGCCAATGA 120
TGCCCTACAG CACTGCAAAA TGAAGGGCAC GGCCTCCGGC AGCTCCCGGA GCAAGAGCAA 180
GGACCGCAAG TACACTCTAA CCATGGAGGA CTTGACCCCT GCCCTCAGCG AGTATGGCAT 240
CAATGTGAAG AAGCCGCACT ACTTNACCTG AGCCACCCAA CCTAAATGGT ACTTATCTGT 300
NCCCATGTNC NTACACCAGC CTGTTTTNAT AATAAACTTT ATTGGTGGTA GGGNAAA 357

配列番号:1542 配列の長さ:412 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01755

配列:

GATCAGGGCA GTAGGCATAA TTCAGCAACA AACAATCTTC CTTTGGGAGA AACCTNTTCA 60
TTCCAATCTT CTAATTACAG TGGTTCCTAT CTCAGGGATA CTGGACTTTN TGACGCAGAT 120
GAACAATTAA GGGGAAAAGC TTCCCTTTTC CCTCTGTGC AGTTACGATT TTNACTTCAG 180
TCCTGAGAAA AACTTCAGGT TTTGAAAAATC AGATGATGTC TTCTCCTTTT CCAANCACCA 240
CACGTTGAAA GCNTTTATAA ATCCAAGTCT GAAACTCTGC GCTCTAGTAC TGCTGTTAAG 300
NTACACAACT TGTTTTCTNN GTTCATATAA TCTNGGGGTA CNCACNCACA CACNCNTGTA 360
TGGGGGGGGG GGNNTGGCGN TTNCCACCGC GCGTTCCNTT TTTGNNGGGT CN 412

配列番号:1543 配列の長さ:343 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01756

配列:

GATCCCAAAA TGCTGCGGGG CAATGACAGC TCAGTTCCCA GAAATAAAAA TCCATTCCAA 60
GAGGCCATTG TTTTTGTGGT GGGAGGAGGC AACTACATTG AATATCAGAA TCTTGTTGAC 120
TACATAAAGG GGAAACAAGG CAAACACATT TTATATGGCT GCAGTGAGCT TTTTAATGCT 180
ACACAGTTCA TAAAACAGTT GTCACAACTT GGACAAAAGT AACACAGAAG AACCTTACTA 240
TGATAATCTA CTTGGAATGT GGATAAATGT AAAANGNAGA AAAGTTAGAA NGNGCANTAT 300
GTTTCCTTCT CTGTAACAGT GTCCTAACAG TGAAAATTCA GGN 343

配列番号:1544 配列の長さ:340 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01758

配列:

GATCGANCTT NCTATGGACT CAAGCAGGTG NNGAAGGCCA ATNAAGCCAT GGCAATTGAC 60
ACATTGCTCA TCAGCGATGA GCTCTTCAGG CATCAGGATG TAGCCACACG GAGCCGGTAT 120
GTNAGGCTGG TGGACAGTGT GAAAGAGAAT NCAGGCACCG TTAGGATATN CTCTAGTCTT 180
CACGTTTCTG GGGAACAGNT CAGCCAGTTG ACTGGGGTAG CTGCCATTCT CCGCTTCCCT 240
GTTCCCGAAC TTTCTGACCA AGAGGGTGAT TCCAGTTCTG AAGAGGATTA NTGATTGAAA 300
CTTAAAATTT GNGACAATCT TTGTGTTTTC CTAAACTGTN 340

配列番号:1545 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローシ名:HUMGS01759

**初列**·

GATCTGCTTT CATTAACTGG AATTCTGTAG GAGATACTGG TGACCTAAGC TAAGTTGCAC 60
TCAGCATACT CAGTGTCAAG CTAATGAGGT TCTATTATAA AGGTTCTACT TTTAATCTGA 120GGGAAAACAT GTTCAGGGCT TCTAGAACAC TAAAAAATTN GGNTTAAACC AGTGTNCAGT 180
CTGGTGCCAA ACTTCGAATG GAATACAAAT NNACATAATC TGANCTTTGT NCACAGGTTA 240
TCCTAATAGA GTAATTCTCC ACTTTGCTCT ATTGAACTGT CTTAAGGGAT TTGTTTAAAC 300
AGCTAAGTTA CTTGATTAAA ATAATGATAA AATTGTAAA 339

配列番号:1546 配列の長さ:362 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01760

配列:

GATCTGGTAG AAGGTACCAG CTTCCTTTCC AGCTGGAGAG GCCCCAACAC TGGATGGTTC 60
TGTAGGGAGC CTAGGGAGCC TGGTCATCAA CTTGCAATAC CTCACAGAGC CAGTTCACAT 120
CCCACTCTGA GCTCCCACGA GAAACACTGC TTCTCCAGGC CCGGGGTTGT TGGGGAGAGA 180
GGCAGAGGCA GCTGGAGCGC CGTTCTCTCC TGCTGGGACA CCGCTTGGGC TTTGGTATTG 240
ACTGAGTGGC TGACAGTTAT CTTCCAACCC CAACTGGCTT GGGGGCAGGA CAAGGGCTTA 300
GGCTTGATGG TGGNCAGGCT TGNCTGCTCC CCACCTGNGA TGCCCCTGCT CTGGGACCTC 360
TN 362

配列番号:1547 配列の長さ:335 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01761

配列:

 TAAAATACTA GGTCATTGGA GGCTAATGTG GGAAA

335

配列番号:1548 配列の長さ:330 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01763

配列:

GATCATTAAG GAAGGCGATG TAGATGTTTC AGATTCTGAT GATGAAGATG ATAATCTTCC 60
TGCAAATNTT GACACATATC ACAGAGCCTT GCAAATAATA GCAAGATATG TACCATCATG 120
AGTATACTGN TCCTTATTTT GAATGTTTAA TTCTCAAGAA AATTGTAATC AATTAGTAAAA 180
AATTATAAAAA TGTTAATAGT ATTAAAGCTT GAGTCTTACA TTGCATTTTT TTTTTTNGNA 240
NCCACTTGGG GAACCATTCC ATNCTCCAAA ANGGGGCATT CCCATTTCCT NTTNATCCCC 300
TNNAATGGTT TTNCAAAGTN NGTNTGCNGN 330

配列番号:1549 配列の長さ:330 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01764

配列:

GATCATGGTG GATGAGGAAG CCTCAACGTA GATTCCTGAA CTCAAGGTAC CAGCAAGANT 60
GCNTTCTCCC AGTGTGCTCT CCCCAACATC CTAGGCACAG CTTTCATAAC CCAGTTTCTT 120
AGGTGTAAGA AACTGTTTTN ATCTCATTTA TTAAGTCTCA GAACTTAACA GAAAAGGAAG 180
CCTTTTAAAT ATTCTTTTA ATNTTATTTT AGATTAACAG TTTTGNACTT TACATTTTTT 240
TATACAACCA NCCAGTTTCT TTNCTAGCCA ATCATCTCTG ANGAGTTGCT GTTTCTTACT 300
GACAATAAAA NNTGTNCTCT TGGTTCGAAA 330

配列番号:1550 配列の長さ:329 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01765

配列:

GATCAACATC TTTCCTTGCC TCTGTCCCCT TCTCTCATCT CTTAGCTCCC CTCCAACCTG 60
GGGGGCAGTG GTGTGGAGAA GCCACAGGCC TGAGATTTCA TCTGCTCTC TTCCTGGAGC 120
CCAGAGGAGG GCAGCAGAAG GGGGTGGTGT CTCCAACCCC CCAGCACTGA GGAAGAACGG 180
GGCTCTTCTC ATTTCACCCC TCCCTTTCTC CCCTGCCCCC AGGACTGGGC CACTTNTGGG 240
TGGGGCAGTG GGTCCCAGAT TGGCTCACAC TGAGAATGTA AGAACTACAA ACAAAATTTC 300
TATTAAAATTA AAATTTNTGT GTCTCCAAA 329

配列番号:1551 配列の長さ:334 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01766

配列:

GATCCCAACT GCTCCCTNCC CTCGCCGGTG ACTCCTGCAC CTGCGCCGGC TCCTGCAAAT 60 GCAAAGAGTG CAAATNCACC TCCTGCAAGA AAAGCTGCTG CTCCTGCTGC CCTGTGGGCT 120 GTGCCAAGTG TGCCCAGGGC TGCATCTGCA AAGGGGCGTC GGACAAGTGC AGCTGCTGCG 180 CCTGATGCTG GGACAGCCCC GCTCCCAGAT GTAAAGAACG CGACTTCCAC AAACCTGGAT 240 TTTTTATGTA CAACCNTGAC CGTGACCGTT TGCTATATTC CTTTTTCTAT GAAATAATGT 300 GAATGNTAAT AAAACAGCTT TNACTTGAAA CAAA

配列番号:1552 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01767

配列:

GATCTGTTTG GACTATGTTT TCTTTTCTTC TCCCACTTGC TCAGCAGCTT GGGCTTCCAT 60 TCTAGTTCTT TTACCAAGAT TTTTGTGTGA CCATGTTGAC TTCATTTGGA TTGCCCTCTT 120 TCAATTTCCT TGTGAAAACA CCCTTAACTT TCTCTTTACC CTTAGCTGAA ATGTTTACAT 180 AGCTTCTGGT GATATCTTTN CATGATTTTA TATCTCTTAA AATGGTGATG GATGTGACAC 240 CTCATAAAAG TGAGCTTTGA ACTGTAGATA ACTCTTAAAG AAAATGTCAT TTTAGACAAT 300 328 TAAAATATTT GTGCTCAACT GCTTGAAA

配列番号:1553 配列の長さ:327 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01768

配列:

GATCGAAATG TTAACACCGG GAGCTCTNCA GGACACTCAC CCAGCGACGC TCGTGGGGGA 60 AACATACTAA ACGGACAGAC TCCAAGANCT GCCACCGCTG GGCCTGCACT GCGGCCCCCC 120 ACGTGAACTC GGTTGTAACG GGCCNGGGAA GAAAAGCAGA GAGAGAATTG CAGAGAATCA 180 GACTCCTTTT CCAGGGCCTC AGCTCCCTCC AGTGGTGGCC GCCCTGTACT CCCTGACGAT 240 TCCACTGTAA CTACCAATCT TCTACTTGGT TAAGACAGTT TTGTATCATT TTGCTAAAAA 300 327 TTATTGGCTT AAATCTGTGT AAAGAAA

配列番号:1554 配列の長さ:326 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01769

GATCAGCAGA CCACGTATTT AAAATTCTGA ATCTTCTGGG ACAGGGTTGT AACTCAGCCT 60 TCCAAAGGGA AGAGTGCAGG GGGACGGGGC CATGATATGG GGAAATGGTG TAAACTAATG 120 TATTTNTTTA TTGGCTGTTA TTCTGTATAA CACTCATATC TTTGCCAAAG TTCAATTTTA 180 TATTTAGGCA ACTGATGGTC CTTTTGCATT TAGGATTTTN GTTGTTGTTA CCTTATACCT 240 CATGATATAA GGAATGGGCT CATGTGTCTT CCGTCTTTTG GAAGGAGGTT GACATATTTT 300 AAATAAATGC TTTTAAATAC AGTAAA 326

配列番号:1555 配列の長さ:387 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01770

配列:

GATCAAAAAG AACAGAACCC TCTCCAGCCT GCTGACCCGA ACCCAACCAC ACAATGGTTT 60 GTCTCAATCT GACCCAGCGG CTGGACCCTC CGTAAATTGT TGACGCTCTT CCCCCTTCCC 120 GAGGTCCCGC AGGAGCCTAG CGCCTGGCTG TGTGTGCGGC CGCTCCTCCA GGCCTGGCCG 180 TGCCCGCTCA GGACCTGCTC CACTGTTAA CACTAAACCA AGGTCATGAG CATTCGTGCT 240 AAGATAACAG ACTCCAGCTC CTGGTCCACC CGGCATGTCA GTCAGCACTC TGGCCTTCAT 300 CACGAGAGCT CCGCAGCCGT GGCTAGGATT CCACTTCCTG TGTCATGACC TCAGGAAATA 360 AACGTCCTTG ACTTTATAAA AGCCAAA 387

配列番号:1556 配列の長さ:325 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01771

配列.

GATCACAGAT GGATNTTGTT ATAAGCATCA ATGTGACACT TGCAGGNCAC TACAACGTGG 60
NACATTGTTT GTTTCTCCA TATTTGGAAG ATAAATTTAT GTGTAGACTT TTTTGTAAGA 120
TACGGTTAAT AACTAAAATT TATTGAAATG GTCTTGCAAT GACTCGTATT CAGATGCTTA 180
AAGAAAGCAT TGCTGCTACA AATATTTCTA TTTTAAGAAA GGGTTTTTAT GGACCAATGC 240
CCCAGTTGTC AGTCAGAGCC GTTGGTGTTT TTCATTGTTT AAAATGTCAC CTGTAAAAATG 300
GGCATTATTT ATGTTTTTTT TTTTN 325

配列番号:1557 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01772

配列:

GATCTGTAAT TCATAGTCAC ATCAAGGTCA TCAAGACCAG GAAAAACAAG AAAGACATAC 60
TCAATCCTGA TTCAAGTATG GAAACTTCAC CAGACTTTC CTTCTAAAAT CTGGATGTCA 120
TTGACGATAA TGTTTATGGN GATAAGGTCT AAGTGCCTAA NAAAATGTAC ATATACCTGG 180
TTGAAATACA ACACTATACA TACACACCAC CATATATNCT AGCTGTTAAT CCTATGGAAT 240
GGGGTATTGG GAGTNCTTTT TTAATTNCC ATAGTTTTT TTAATAAAAT GGCATATTTN 300
GCATCTACAA CTTCTATAAT TN 322

配列番号:1558 配列の長さ:319 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01773

GATCTTTCTT TAATAGTGAA CCCCTGGGCC ACTGAAGAGT AACATGGCTC CACTGGACAC 60 AAAAGAGGGA TGGAATCAAC AGGCAGGGGG CCTTTTATAA GCCTTAGGAA AAGAAAATGA 120 AACTATTTCA TCTTTGGACT TTTCAATACT ATTGGAGTGA TTTTTTTTT TCTAAACAGG 180 GAAAATAATG TTACAAAAGC ATCTTTTTTG TNATTTGTTT GCATCCCTCC CCCACACCCT 240 GGTGTTTTAA ANTGANGAAA AAAANCCATC ACCTTTTGTA CAAAANCTCT TAATGNTTAA 300 319 CAAACAAACA AANCAGAAA

配列番号:1559 配列の長さ:316 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01774

配列:

GATCTGGCTG CGCTATGACT CCGGGAGCGN CACCCACAAC ATGTACCGGG AATACCGGGA 60 CCTGACCACC GCAGCGCTGT CACCCAGTGC TACCGAGACA TGGGTGCCCG GCACGCGCCC 120 GAGCCCACTC CATTCANATC TNACAGCAGT GTTCTTGCAA TATGAGGAGA CAGTTACAGC 180 CACATTATGG CTCTCATTGA ACAGTACGCA GCACCCCTGC CCCCAGCCGT NTTTTTGGGG 240 CTTGCGCGAA AATCTACAAG CGGGAANGTG ACCTNGGATT CAAGGGCGGG GAGAGANGCT 300 316 TNAATAAATA ATCGTN

配列番号:1560 配列の長さ:390 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01775 -

配列:

GATCTAGAGG GTCGGACCCA CATATTTAAG ATTCACGNTC GTTCAATGAG TGTTGAAAGA 60 GATATCAGAT TTGAACTGTT AGCACGACTG TGNCCAAATA GCACTGGTGC TGAGATTAGA 120 AGCGTCTGCA CAGAGGCTGG TATGTTTGCC ATCAGAGCAC GGCGAAAAAT TGCTACCGAG 180 AAGGATTTCT TGGAAGCTGT AAATAAGGTC ATTAAGTCTT ATGCCAAATT CAGTGCTACT 240 CCTCGTTACA TGACATACAA CTGAACCCTG ANGGCTTTCA AGTGAAAACT TTAAATTGGA 300 ATCCTAACCN TATATAGACT TGTTAATAAC CAATTCATAA ACAAATAAAT GGCTTCAAAA 360 390 TTGAAAAAA NNNGANNNNN NNNNAGNNNN

配列番号:1561 配列の長さ:311 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01776

GATCTGCTTA GAGTGGATTT TCACTCAAGT CCTTAGTAAG TGGATTTTGG GGAAAAAAGC 60

ACCTGGGCTT CTGGTTCTTT TTGATAATAT ATAAAATTAT TCATTATGAG GTTGCAGTTG 120
TTTGCAAAGG AGAGGCACTC AAATTTGAAA GGTTATTTTA ATGTGATAAT TTGGAAGACT 180
TACTCAGATG TTGGTCATTG ACCACTCTGT GCATATATT CTGCAGAGCT CTGTGAAGGC 240
AATGAGTGTC ACTTCCCTCT GCTCTAATAA AGCAATAAAT AATAGCTAAA GGGCTGACTT 300
TCACTTCGAA A 311

配列番号:1562 配列の長さ:310 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01777

配列:

GATCTTCTA CAACATTAT CCTGGTTGTT AAGCCCTCCT TACAACATTC TTCTCTCTTT 60
GTTTTTATAG CTCCATCTC CCTGCTTCTT TAACTTGATA ATGCATACTT GATTTTCCTA 120
TTTGTNATTT CATAAACCAA TTAATACACA GATAAAATGA CTGTATATCA AACCATGTTT 186
GTATAGAAAA ANTGGATTTN GGATGCCTCT CATATGTAAT TAGTTCTATT AAACATATTA 240
ATNGTATTGT TTAATTNGTC AGGTTTTTGA CAGANTTTTG TTTACAGGTA ATAAANNTNT 300
TATCTCCAAA 310

配列番号:1563 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01778

配列:

GATCGAAAAA AAAATCCAGA ACCTTGGGAA ACTGTGGACC CTACTGTACC TCAAAAGCTT 60
ATAACAATCA ACCAACAATG GAAACCCATT GAAGAGTTGC AAAATGTCCA AAGGGTGACC 120
AAATGACGAG CCCTCGCCTC TTTCTTCTGA AGAGTACTCT ATAAATCTAG TGGAAACATT 180
TCTGCACAAA CTAGATTCTG GACACCAGTG TGCGGAAATG CTTCTGCTAC ATTTTTAGGG 240
TTTGTCTACA TTTTTNGGGC TCTGGATAAG GAATTAAAGG AGTGCAGCAA TAACTGCACT 300
GTCTAAA 307

配列番号:1564 配列の長さ:305 配列の型:核酸 トポコジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01779

配列:

GATCCTGTGG TTGGCCACTG GCCATAGCTG CTGCCCAGCT CTACCCCTCC CAGGGACCTA 60
CCCCTCCCAG GGACCGACCC CTGGCCCAAG CTCCCCTTGC TGGCGGGCG TGCGTGGGCC 120
CTGCACTTGC TGAGGTTCCC CATCATGGGC AAGGAAGGGA ATTCCCACAG CCCTCCAGTG 180
NACTGAGGGT ACTGGCCTAG CCATGTGGAA TTCCCTACNC TGACTCCTTC CCCAAACCCA 240
GGGAAAANAG CTCTCAATTT TTNATTTTTA ATTTTTGTTT GAAATAAAGT CCTTAGTTAG 300
CNAAA 305

配列番号:1565 配列の長さ:304 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01780

配列:

GATCACAGCT AGAGAATTGA GAATTAACTA TACTACTAGC CATTTTAGGG CACCAAAACT 60 TGGGATTAAA CACTTCCTAC TTCCCACTCC CAACTCCTGA AATGAAGTCT TGCTATCTGT 120 GACTAGTTTT ATTTTTGTGC TTTTAATAGT CCGAGCAGTC TTACCTTGTT TACACATGTA 180 TTGACACCAT TTGCTTCAGG CCATGGAGCA CTGTTTCTCC CNTTTTACTA TTTATAGGAT 240 TCCGTTTTTT CACAAGACTT TTAATAAAAA GAAATTGTAG AAATAAACAC ATTAAAATTT 300 304 GAAA

配列番号:1566 配列の長さ:304 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01781

配列:

GATCTGCTTT CTCGTAATTA TAGATTGGTT TGCATTTTCT AGAAATTTTT AAATAAATGG 60 AAACATATAG TGAGTACTCT TCTTGGGGTG GAAGGAAGTG TGTGTGGCTT TTTTCACTCA 120 AGCATAATTA ATTTGATACT CATCCAGATT ATGCATGTAT CAATAGTTTA TTCCTTTTTT 180 ATTGCAGAGT AGTAGTTANN NNCCTGGGTA TNCACAATTT GTTACCTGTT CATCTATTGA 240 TGGNCAATTG GGGTATTTCC AGTTTTAGCT ATTACAAATA AACCTGCTGT GACATCATGN 300 304 CAAA

配列番号:1567 配列の長さ:304 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01782

配列:

GATCTGCTAT AGCTGTCCAT CAGAGAGAAT ACACGTGGCT ATAACATCTA TAACAAAACG 60 ACGATTCCTC TACAAGAGGC TGTTTCTNAC TGCTAACGTT GGTGTTTCTG GCGTGGGAAG 120 AAATGCACAG GCGTGCATGG CATGCACGTN CAGACAGCTG CATTGTAAGA NTNCTGTCAT 180 GCAGTCTGAA AAGGGAAGAA ACAGGATGGC TTTCTGTAGC CACACCTGTG AGGCGTGATG 240 ATTGTNGTAT TATTAGATTA CTGATTTTCC TTTTCTGAAA ATACATTTGN NTTTTAATCA 300 304 CAAA

配列番号:1568 配列の長さ:304 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01783

配列:

配列番号:1569 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01784

配列:

GATCCAGGGA TGAGGATAGA GTGGCCTGAG AGCAGTGCTT GGATTCAGCC TCCTGCTGGG 60
TCCTTCTGCT GGATACAGGC ACCAAGAGGC GGGGGTGGAG CAGGGAGCTG CGCCTTCCTG 120
GGGTGCCNGG TGGTGTAG AGAAAAGCTG CTTGTTTACT CCTTAAGTCA ATGTATTGGT 180
GACTGTTGAT TTGTTGAACA ATTCAGGAAT CAAGGGCTGT GGAGAAACTC CCTCATGTTG 240
TTGGCAACAG GTGAATGAAC CTAGAGCGGT GACATGAAAA TAAAGCTCAC TGTTACTCGC 300
AAA

配列番号:1570 配列の長さ:302 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01785

配列:

GATCCCCGA CGACGTGCTC GAGTTCCTGA AGGTGTATGA GANGCACTCT GCCCAGTGAG 60
CACCTGCCCT GCCTGCATCC GGAGAATTGC CTCTACCTGG ACCTTTTGTC TCACACAGCA 120
GTACCCTGAC CTGCTGTGCA CCTTACATTC CTAGAGAGCA GAAATAAAAA GCATGACTAT 180
TTCCACCATC AAATGCTGTA GAATGCTTGG CACTCCCTAA CCAAATGCTG TCTCCATAAT 240
GCCACTGGTG TTAAGATATA TTTTGAGTGG ATGGAGGAGA AATAAACTTA TTCCTCCTTA 300
AA 302

配列番号:1571 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01786

配列:

GATCCATTTT GCTTACACTG TTGCATCACA AGGGACTCAC CCAGGGACCA TGACCTGCTG 60
GTGTGTGTGT ATATTTACAA AAACAAAACA AACAAACCAC CCATTGGGAT ATAAGGTAGC 120
AATCACAAAC TAAAGACTGC GGCTTGTTGA GGTGCAATAC CCTGACTCCC AAAGTTAGTT 180
ACAGTGGGTT TTATTGTTTT TGTGACTGAA GGATTTATTC AGACTGCTGT ACTCTTCATT 240
TGATGTAACA AAATGCTATT AATCTAAATA TTTGTAAATA AAGTACCTGT ATCTAGATTA 300
AATTAAA 307

配列番号:1572 配列の長さ:301 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01787

GATCCATTAC CTAGGGTAAA ATTCTCCTGA ATGTCAAACA AAGAGATAAA CTACATTTGG 60 GTTTTGGGAA GTCCCCTGTA ATGATGAATC AAGAATCCTC AAGTCTGTCT TGCCACCCAT 120 TTAATACGTA TTTTTGTTAA GGCTGAAGTT TAGAGTTAGA ATCAGGACAT TTTGGCCTAT 180 TGAGAGGTTC TGAATTCCAA CAGAAGATGC CATGTAAATC AGTGAATTTN ATTCTTTTAA 240 AAGCAACTTA CAAAATTTAC AAGATGTATT CAATAAAGCA GTTTAGCTTT GGTATATCAA 300 301

配列番号:1573 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01788

配列:

GATCCTCAGT GTGCTCACGG GGCTGCTGTT CGGCAGCNAT GGCTACTACG TGGCGCTGGC 60 CTGGACCTCA TCGGCGCTCA TGTACTTNAT TGTGCGCTCT TTGCGGACAG CAGCCCTGGG 120 CCCCGACAGC ATGGGGGGCC CCGTCCCCCG GNAGCGTCTC CAGCTCTACC TGACTCTGGG 180 AGCTGCAGCC TTTNCAGCCC CTCATNATAT ACTGGCTGAC TTTCCACCTG GTCCGGTGAC 240 GTCTNGCCCC AGATGGNAAT NAGTTTTTTA ATTTCATTGN AAGGATTTTG AANTTCCTTG 300 303 AAA

配列番号:1574 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01789

配列:

GATCTGTGTT CGAATCCTCC CCACCCCTTT CTTTGTGGAG TTTCCTAACC TGCTGCTGAA 60 GCACAATGTT TTGGTGCTTT CTTTTCTCNN TTGTTAAAGG CAGTGTCCAA AAGCCATTCC 120 AGATGCCAAG ACCAGGGGCT TATTTCTAGG GAAGGTAGGT CGGTTTCCAT GTTTCCCTCC 180 CGTTATTTTT ATTTTTNACT TTTTGCCTGA GACAAGCCGA GTATGAGGTG GTTTGATTTA 240 AGAAAAATCA ATGAAATTGT TTACTACTGT TTTAAAATAA AACCGTAAAC TCTGAAA

配列番号:1575 配列の長さ:299 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01790

配列:

GATCAGGCCG TINCTGAGCT CAACGGGACC CAGGTGGAGT CTGTACAGCT CAAAGTCAAC 60 ATAGCCCGAA AACAGCCCAT GCTGGATGCC GCTACTGGCA AGTTTGTNTG GGGCTCCCTC 120 GCTGTCCAGA ACAGCCCTAA GGNTTGCCAC CGGGACAAGA GGACCCAGAT TGTTTACAGT 180 GATGACGTCT ACAAGGAAAA CCTTGTGGAT GGCTTCTAGG GAACAGNGCT GGATTCCTTG 240 TGCCTCATAT GCCCCAAATG CTGGTTTTCA GTAAANCACT TGAGGGTGGA AGCTTNAAA 299

配列番号: 1576 配列の長さ:300 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01791

配列:

GATCCAAGAT AAAGAAGGCA TCCCCCCCGA CCAGCAGAGG CTCATCTTTG CAGGCAAGCA 60 GCTGGAAGAT GGCCGCACTC TTTCTGACTA CAACATCCAG AAAGAGTCGA CCCTGCACCT 120 GGTCCTGCGC CTGAGGNGGT GGCTGTTAAT TCTNCAGTCA TGGCATTCGC AGTGCCCAGT 180 GATGGCATTA CTCTGCACTA TAGCCATTTG NCCCAACTTA AGTTTAGAAA TTACAGGTTT 240 CAGTAATAGC TNGAACCTGT TCAAAATGTT AATANAGGTT TCGTTGNATG GGAGCATAAA 300

配列番号:1577 配列の長さ:295 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01792

配列:

GATCTGGCTT CTTTCCCAAG GNGGGGGTGG GGTGTNCCTN GCGTCCCTGT CCTTGANGGA 60 CCTCCTTCCC CCAGCCTCAT CACCGTGCTC TTCTCAGCGC CACCCTCAGC AGCCAGATTG 120 CAACACCAGG GAGAGGCGGA TGCAGAGCCC CACCGGTGGG AAAGTTGCCT GTGGAAGGGA 180 GCCTTTTGCT ACAATTTGTA ACTTATTTNC TAAAGTCTAT TTTGTAACAA TTTATTTAAG 240 TTTAAAAAA GGAAAACTGC TGCCCNCCAA AAAAAGAAAT TTTCAAAACA AGAAA

配列番号:1578 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01793

配列:

GATCTAAAGT TCTGGCTGTC CATTAACCTC CAACTATGGT CTTTATTTCT TGTGGTAATA 60 TGATGTGCCT TTCCTTGCCT AAATCCCTTC CTGGTGTGTA TCAACATTAT TTAATGTCTT 120 CTAATTCAGT CATTTTTTA TAAGTATGTC TATAAACATT GAACTTTAAA AAACTTATTT 180 ATTTATTCCA CTACTGTAGC AATTGACAGA TTAAAAAAAT GTAACTTCAT AATTTCTTAC 240 CATAACCTCA ATGNCTNNTT TTAAAANATA AAAATTAAAA ATGAAAAGNG NTANAAA

配列番号:1579 配列の長さ:289 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01794 配列: GATCTCTCTT GTCCNCTNCT GCTCTTTNCT TGGTGCTCTT TTTNCTCGGT GGGGTGTGGG 60 TAATAGAACA GCCGTGGGCT TTTGGGGACC TTTAACTTTT TTTNCTCTCT TTTGTTTATA 120 AAAAACACTA AACATTCAAT TCCAGAGAAC CAAAAATCCC ACCTTCCCAC CGAACACTAC 180 TAACGGCCTT GTGTTCTGCN CCATACCTTT NCTCTTTNCT TTCTGTCTTG TTAATGCTTT 240 TAAAAACAAA TGAGTTTTTT ATATAAATAA AGTTTTTAAA GTGTGTAAA 配列番号:1580 配列の長さ:287 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01795 GATCCCATCC GCATGGAGTT TGAAAATAAG GAAGACTTGT CGGGAACACA GGCAGGGCTC 60 AACGTCATTA AAGAGGCAGA GGCGCACNCC NGGTGGGCAG CCAAGGAGCT GAGAAGANCG 120 AAGAAGCTTT CAGACTACGT GGGGAAGANT GAAAAANCCA AAATTATCGC CAAGNTTCAG 180 CAAAGGGGAC AGGGAGCTCC AGCCCGAGAG CCTATTATTA GCAGTNAGGA GCAGAAGCAG 240 CTGATGCTGT ACTATCACAG AAGNCANGAG GNGCTCANGA GATTGGN 配列番号:1581 配列の長さ:285 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01796 配列: GATCTATTGG CATATTCGGG AGCTTCTTAG AGGGATGAGG TTCTTTGAAC ACAGTGAAAA 60 TTTAAATTAG TAACTTTTTT GCAAGCAGTT TATTGACTGT TATTGCTAAG AAGAAGTAAG 120 AAAGAAAAAG CCTGTTGGCA ATCTTGGTTA TTTCTTTAAG ATTTCTGGCA GTGTGGGATG 180 GATGAATGAA GTGGAATGTG AACTTTGGGC AAGTTAAATG GGACAGCCTT CCATGTTCAT 240 285 TTGTCTACCT CTTAACTGAA TAAAAAAGCC TACAGTTTTT AGAAA 配列番号:1582 配列の長さ:280 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01797 配列: GATCCTCCCC TTTTGAAATG GCCCTGCTGT GTCAGTTTCC CTGTGGCCTT TTGAACTGTA 60 CATCTCACAT GTTGGGAAAC GCTGGCCACT GGGAAATCAT TAGAAAGGAG GCTGTAGAAT 120

ATTTGCCGAG CCTCTACTGT ATACCAGGGG CTAACTCACC AAGCACATTC TAGGAATTGG 180 GCCCTGCTCA TGAGGAGCCT TAGTGGAGAT TCCAGGTGAA TATTTATGAA AAAGTCAACA 240

TTAGAACTGA AAATGGAAAT AAACTGCTTG AAAAGACAAA

配列番号:1583 配列の長さ:273 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01798

配列:

GATCAGAATG GACTTCTMCC ACTGAGCATG ACANGCACTC GAAAGGCTAA ATCAACCAGA 60
AACATCGAAA CAAAAGCTCA GGTTGTCCCC CCGGCACGCT CCACANCTGG TGACCCGACA 120
GTTCCTGGCT CCTTGTTCAG ACAGCTTGTC AGTNAAGAAG ACANCACGTC TGCACCTNCA 180
TTATTCAAAC TTGGCTGGCT CTCTAGTATG ACTACGNACA TGGAACACAT CTGTCTCCC 240
CTAAATAANT ACTACCACAT TATTNCTTCT AAA 273

配列番号:1584 配列の長さ:270 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01799

配列:

GATCCATATT TGTTTTGTGT TCTGCTTAAA TCAGCAAGAA TGATAAATTT GATGGTGTGA 60
AATTGGAAGT ATCAAGGGCT TTCTTTGGTG ATTGAGGGAA ATAATGTCTC TACTTGTAAT 120
TTATTGTGAC CCTTCTCAC TGTATATGCT TTGTATGTCT AATATTTATT TCAATGCAAA 180
TTCAATTNNC CCTTCATCTG TATTGTTATA TCTAAGATTT TATTGATGTT AAAATCTAAT 240
TGTGGAATAA AAATCTCTCT GGAATTTAAA 270

配列番号:1585 配列の長さ:270 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01800

和 利

GATCTGCTTG ACAGTGATTA AATCCTTAGC TCACATCCAT TCCCATCTTT NGGGCTCCTT 60
AGGCCCAAGG ATGGCATGTG ACTGGTCCCT GCAAGGTCCT TTCTTTGTCA CCAGCCAAGG 120
CATTGATAAC CAAGTAGCCA TTTTCCTCTT AAGGTTTCCT CTACAACCCC AAGGACTTTC 180
ATGATTATCC TCAGGGACAG GATTGGAGGC ATTGAGCGTG TTTATTAACA AATTGTTTTT 240
GGTAATAAAA TAAATGCTTG GACTCTTAAA 270

配列番号:1586 配列の長さ:269 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01801

配列:

GATCTNGTAA ACTCTCTGTA TATCTTCCTA CCTTTCAAAA TCGTTCTTAG GGTTAGTCAA 60 GTCTGGAATA TAATTGCTGA CTATAAAGTT AGCAATTATG CTTTTAAGGT GTTGTCACAT 120 CAACCTAAAG AGAACCATCT ATGGAAGGTA TGGTTGAAAC ATCTGTAGGA ACACAGAACT 180 GGGATTTCAC TGAGTTTACC ANNTCAACTG TGTGAACTGT TTCTGCACTG CTTGCTAATG 240 GCTTCATCTA ATAAATGTTT ACTTATAAA 269

配列番号:1587 配列の長さ:267 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01802

配列:

GATCTAGGGA AGTCAACACA TAGTGTAAAA TAATTACATG CCTAATGAAA AGAAGATGTC 60
ATTTCCTAAT TTTNATATCT CATTTTCGGC ATTTTTTAAA ATGTAAAAGG AAAACCTCTT 120
GTGTTCACAC AGATTGCTGA ATTGATTTCT CCATATTTGT TAATAATTTA CTATTATTTA 180
CAAAGATTCA AATGCTTTAA TGACTAATGT AAAATGAAAA GAGGCTTACA TTTTAAATGT 240
TATTAAAAATT ATGTACTTAA ATCTAAA

配列番号:1588 配列の長さ:288 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01803

配列:

配列番号:1589 配列の長さ:266 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01804

配列:

GATCTTGCCT GTTTCACAAT GTAACAAGAC TCTACCTGGG TCCCCTGGTG ATGAGTTTCA 60
GCATAGAATA ATGTTCAAGG AAAAGAAAAC GAAAACAGTT TAAATCTCTA CCACAGCCTC 120
ACAAGCAAAT GCTAAGGGGA ACATACATGT AAAANGCCAG CAAACTATCT TCAAACTCTT 180
CCGTCCTTAA TGTCTTCCAT GGCTATTGCC CCCACAATGG TCTCTTTNNT CCCTGCTCCC 240
TTATTAANGA ACTCTTTCTG AAGAAA 266

配列番号:1590 配列の長さ:266 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01805

配列:

GATCTATGAC TCCAACCGTA TGATTTTNTT GCCTCCCCAG TTTTCATCCC AGTGGTAACG 60 CCTGATTTTT GGTAGCTATG CCATCTTCTG CTGAGGATTA CCATTACTGG GTGTATCACC 120 CCAGTACTTC CAAATNCCTC TCCTCTATTG ATTCAGTTGT TATTGCAGTG TCTGCTTCAT 180 CCGTGGAACT TGAGGCTCAG ATGCCCCCTG CTCTGTAACC CTGGGGAATG TCAGAGGCAG 240 266 GTAATAAAGG TTGTTTAAAC AATAAA

配列番号:1591 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01806

配列:

GATCAGGAGA CTTTGAATTN ATATATTTTA ATCCTNATTA AGCTTAAATA GGAAAGTTTC 60 TTCAACAGGA TTACAGTGTA GCTACCTACA TGCTGAAAAA TATAGCCTTT AAATCATTTT 120 NATATTATAA CTCTGTATAA TAGAGATAAG TCCATTTTTT AAAAATGTTT TCCCCAAACC 180 ATAAAACCCT ATACAAGTTG TTCTAGTAAC AATACATGAG ANAGATGTCT ATGTAGCTGA 240 AAATAAAATG ACGTCACAGG GCAAA

配列番号:1592 配列の長さ:254 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01807

配列:

GATCTGAGAG AAGCCCTGTC CTCCACTCAC CTCACCCGCC GCTGCCACCA TCTCCTCTGT 60 GCCAACTCCT TGTGGACCGC AAGAAAGCAT GACTTTGAAA AAGGGAAGCC ATTCCGAGAT 120 TTTAAAATGT TCATGGACTA TTCCATATTA AAAGCTGTTT TTGTTGTACA AAATTCACTG 180 ATGTTCAGTT CTATTTTATT TTGCCTTCAG AAAAGAAGAA AGTCAAAAAT AAAACTTTTG 240 254 TGTATTACAG CAAA

配列番号:1593 配列の長さ:255 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01808

配列:

GATCCTGGAG GATTTCCTAC CCCCGTCCTC TTCGAGNCCC CAGTCGTGAT GTGGAGGAAG 60 AGCCACCTGC AAGATGGACA CGAGCCACAA GCTGCACTGT GAACCTGGGC ACTCCGCGCC 120 GATGCCACCG GCCTGTGGGT CTCTGAAGGG ACCCCCCCC AATCGGACTG CCAAATTCTC 180 CGGTTTGCCC CGGGATATAA TAGAAAATTA TTTNTATGAA TAATGNAAAT AAAACACACC 240 255 TNGTGGCATG GCAAA

配列番号:1594 配列の長さ:282 配列の型:核酸

トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01809

配列:

GATCCATGAA GGAGGGCTGT GTGGAGAAGA TTGGGGACTG GCTGAGGAAA AATGTGCTGG 60
TGGTAGCTGC AGCAGCCCTN GNGAATNCT TTTGTCGAGG TTTTGGGAAT TGTCTTTNCC 120
TGCTGCCTCG TGAAGAGTAT CAGAAGTGGC TACGAGGTGA TGTAGGGGTC TNGGCTCCTC 180
AGCCTNCTCA TCTGGGGGAG TGGAATAGTA TCCTCCAGGT TTTTCAATTA AACGGATTAT 240
TTTTTCAGNC CGAAAAGNGA TGGTCTGAGT TTNTCTTAGA AA 282

配列番号:1595 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS01810

配列:

GATCAAATAA ACCAGTGTAG GATATTAAGA CTATCAATTG GTGGGATTAG GCTTGACATT 60
TTATTTTTAT AAATATATAT TTNTCCTGAA TGTGTCTGAG TCCAAGAGTG GGCAAAAAAAT 120
AATTTNCTAC TTTGGACTAA TCTATAGAGG TTTTTGAAAG TCTGCATTAC TAACTTGTTG 180
AATTCATGAT ATTCTGCCTA TGGCACAAAT TGTAAACCTT TGTTTTNCTA AAATAANGTA 240
ATTGAAAACC TGNAAA 256

配列番号:1596 配列の長さ:204 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01811

配列:

GATCTGCGCT TCCAGAGCGC ACTAATNCGG TGCTTTGCAG GAGGCAAGTG AGGCCTATCT 60
GGTTGGCCTT TTTGAAGACA CCAACCTGTG TGCTATCCAT GCCAAACGTG TAACAATTAT 120
GCCAAAAGAC ATCCAGCTAG CACGCCGCAT ACGTGGAGAA CGTGCTTAAG AATCCACTAT 180
GATGGGAAAC ATTTCATTCT CAAA 204

配列番号:1597 配列の長さ:246 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01812

配列:

GATCATTATT ATATATAGGT ATTGATTGCT ACCCTGACCA CAGTGCTTTG GACTATGAGA 60
AACTTCTTAG ATTTTNATAT GTAAATNCTG TGGACCACTG GGAGCACAAT GCCCACATCA 120
TCTTAAGNNG AGTTTATGTG CAGCATTTAA ATCACTGTGT TTTCCTTGTT AACTAAAACA 180
GACATGGGCT TTGATTTTTT TCATACTATT AGACCATATC TCATAAAAACC TTTTGAATTA 240
ATGAAA 246

配列番号:1598

配列の長さ:285 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01813

配列:

GATCACGCAC ACACAATAAG TCTTTCTCTC CGAAACCGGA AGTAAATCTA TATCTGTTAG 60
AAATAATGTA GCCAAAAGAA TGTAAATTTG AGGATTTTTT TGCCAATAGT TTATAGAAAA 120
TATATGANCC AAAGTGATTT GAGTTTGTAA AAATGTAAAA TAGTATGANC AAAATTTGCA 180
CTCTACCAGA TTTGAACATC TAGTGAGGTT CACATTCATA CTAAGTTTTC AACATTGTGT 240
TCTTTTTGCA TTCATTTTT ACTTTTATTA ANGGNTCAAA CCCGN 285

配列番号:1599 配列の長さ:241 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01814

配列:

GATCTAACTA TGTTTCCCCC CTTTCAAGAA TAGAACTATT GGGGTGAGGA TAAGGGGTGG 60
GGGAGAAAAA ATCACTGTTT GTTTTTAAAA AGCAAATCTT TCTGTAAACA GAATAAAAGT 120
NCCTCTCCCT TCCCTTCCCT CACCCCTGAC ATGTACCCCC TTTNCCCTTC TGGCTGTTCC 180
CCTGCTCTGT TGCCTCTCTA AGGTAACATT TATAGAAGAN NTGGAATGAA TCTCCANGAA 240
A 241

配列番号:1600 配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01815

配列:

GATCCAGAAT ACCCTGACCT CGCCCCAGTT CCAGCAGATG TGGAAGCGTT TGCCAAAGCC 60
ATGCAGAACA ACGCCAAGCC CGAGCAGAAA GAGGGCGACA CGAAGGACAA GAAGGACGAA 120
GAGGAGGACA TGAGCCTGGA CTGAGCCACG CGCCGTCCTC CGAGGAACTG GGCGCTTGCA 180
GTGCGTTGCA CACCCTCACC TCCCACCCAC TGATTATTAA TAAAGTCTTT TCTTTTAAA 239

配列番号:1601 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01816

配列:

GATCCAAAGT AATATGTAGG TTCAATATTT TGTAGGTTTT ATAATCAAAT GTCTCCCTAA 60 AGAGATGACA TAGGGAAGAA AAGCCTAATG TATCATCTTA ATGGATTCAG TTTTTATTAT 120 GCACAAATAA CTGGGCTTGT AACCTAGGAA TATGATTAGA GCGTGATGCT GGCTTAAAAA 180 ATAAGGACTNG TGAATCACAG TTTGTNNNTA ATAAACTACT GGTTGGAAAT ATTAAA 236 配列番号:1602 配列の長さ:235 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01817

配列:

GATCTCCCCG CCGCAGCCTC CTCAGAAGAC ATCGAGCGGT CCTGAGAGCC TCCTGGGCAC 60 GTTTGTCTGT GTGCTGTAAC CTGAAGTCAA ACCTTAAGAT AATGGATAAT CTTCGGCCAA 120 GATTTTTTT TTTTGGNAAT NATTTTGAGT GGCAAANTAA NGATTAGCAN TTAAA 235

配列番号:1603 配列の長さ:324 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS01818

配列:

GATCTGCCCA GGTGCGCCAG ACTTCCTAGC ACACGTGCGC GGGAGCAGCT GCTTTGAGTG 60 CACACACTAC CAATCGTTCC TGGAATACAG GGAGGTGGTG GACGGCCTGG AGAAGGCCAT 120 CTACAAGGGC CCAGGCAGCG AAGAGGGCCC TGACTGCCCC CCCCGGCCCC CCTCTCGGGC 180 TCTCTCACCC AGCCTGGTAC TGAAGGTGCC AGACGTGNTC CTGCTGACCT TCTGCGGCTC 240 CGGGCTGTGT CCTAAATGCA AAGCACACCT CGGCCGAGGN CTGCGNCCTG ACANGGNNAC 300 CTCTCTGAAC TGCAACACTT GGAN

配列番号:1604 配列の長さ:235 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01819

配列:

GATCAAAAAG CAAGCAGAAA TGAATCCACA TTCTAGTCCT TTATGCAGTA TACAAGGAGA 60 ACTGTCCTGT AGGATATTCT CTTCCTGATG GTGCAGAACC CAGAATTAGA AGTTTGTGGT 120 TACAGCATAC TCTGTCCTTC AGAAAGGCGT GATTCTAGCT GTTGACCCCT TGCAGCTGTT 180 GGAATCTCTG CAAGAACCTC TGTATTCTTC TAATAAATTC CCTCTTTTAT TTAAA

配列番号:1605 配列の長さ:235 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01820

配列:

GATCCCAACA ATGAAGCCAT TCGAAATGCT ATGGGCTCCC TGGCCTCCNA GGCCACCAAG 60 GACGGCAAGA AGGACAAGAA GGAGGAAGAC AAGAAGTGAG ACTGGAGGGA AAGGGTAGCT 120 GAGTCTGCTT AGGGGACTGC ATGGNAAGCA CGGAATATAG GGTTAGATGT GTGTNATCTG 180 TAACCATTAC AGCCTAAATA AAGCTTGGCA ACTTTTTTCC CTTTTTTGCT TCAAA 235 配列番号:1606 配列の長さ:234 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01821

配列:

GATCAAAAAG AGAGTGGTTG TGGAACCTGT TGGCCCAGTT GGTTTCAAGC CAGAGACATT 60 CAGAAAGTTT TTAGCTCTAT ATTTGCATGG TGCTGCGTGA NGGAGGACCC CTCTGAATCC 120 TGAAACCCCT CTTGCCTCTC TTCCACGGAA GAGGGCCTGG GCCCCGTGGA GCCTCAGTGC 180 CCGTTTGGCC TGCTGCTCTC GCTGACAATA AAGAGCCCTT GCGTTGCACT GAAA 234

配列番号:1607 配列の長さ:234 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01822

配列:

GATCTGGAAC CTCAGCCTGG CCAGACACAG GCCCTCCCTG TTCCCCAGAG AAAGGGGAGC 60
CCACTGTCCT GGGCCTGCAG AATTTGGGTT CTGCCTGCCA GCTGCACTGA TGCTGCCCCT 120
CATCTCTCTG CCCAACCCTT CCCTCACCTT GGCACCAGAC ACCCAGGACT TATTTAAACT 180
CTGTTGCAAG TGCAATAAAT CTGACCCAGT GCCCCCACTG ACCAGAACTA GAAA 234

配列番号:1608 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01823

配列:

GATCACATAA AACAGATTTG CATAAAATTA CCATGATTGC TTTATGTTTA TATTTAACTT 60
GTATTTTTGT ACAAACAAGA TTGTGTAAGA TATATTTGAA GTTTCAGTGA TTTAACAGTC 120
TTTCCAACTT TTCATGATTT TNATGAGCAC AGACTTTCAA GAAAATACTT GAAAATAAAT 180
TACATTGCCT TTTGTCCATT AATCAGCAAA TAAAACATGG CCTTAACAAA GTTGTTTGTG 240
CCCTTGTAGA ATATGTATTA ATCATTCTAC ATTAAAGAAA ATAATGGGTT CTTAAA 356

配列番号:1609 配列の長さ:230 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01824

配列:

GATCACCTAT GCCAAGAAAT AACATTTGGG ATAGTCGTCT TTAAAAGACT TGGTGTTATT 60
TACAGTGTTT GTTTTGATAA CATTTGGCTG GGTCATTTTA ATAGTTAGAG ATGAGGAGGA 120
GTAAAAGTGA AATTTTTGTG AAGGACTTAA ATTATCCAGT GTTTCTTTAG CCTTGGTGAA 180

CTATGAAATA CGAAGNCCTT AATTTTGTAC AATAAACTTT TATTTGTAAA	230
配列番号:1610	
配列の長さ:227	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01825	-
配列:	
GATCTGTTGA ATATTTGCTA AAGACCAGTT CTTTAAGCTA AGACATGTAA AAAATCCCA	A 60
ATGGCAGTAC CTCATTGTTT ACTTAGCTTT TGTACTTATA TTTTTCAGAG GAAAAAACA	C 100
TACTGTAAAT TGTGAATAGC CAATACATAA CTGTATTGTA TGCAAATCTG TGATTGTTG	227
CAGTGTCATC TCTGAGAAAC AGATAAATAA AGTTTATTTA CTATAAA	LLI
£ .	
配列番号:1611	
配列の長さ: 234	·
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01826	
配列: GATCTAGCCA AGGCTGGTCT GCAGTATCAG ATGTCCAAAC TCATCTACTA TTAGCCATA	AT 60
TTTGTGAGTC GTTTGTCTAA ACTTTGTCAA AAATGCCTTT GCCATGATTT TGTTGCTA	rc 120
TGGATTTCAA ACATGGACAG TTAGGAAGAT GTGCATTGAA GTAGGAAAAT TTTGTTCAG	3A 180
TTTGCTGTTA TTTATTTTTT AAATTAAAAA TGGAAATGTA TTTTAAAGTT TAAA	234
配列番号:1612	
配列の長さ:226	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01827	
配列:	TC 60
GATCTGTTGG GTTCTCTATT AATTTATTC ATACATTATA GATTCTGGT TGATAAAT	GN 120
TGCTCAATTT GAAAAATTTT ATATTTTGTC TCAAATCTGT TACAATTTAT ATTGGTGG GCAAAAGTAA TTGCGGTTTT TGCCGTAGAC AGTAATGGCA AAAACTGACA ATTGCTTT	TG 180
GCAAAAGTAA TTGCGGTTTT TGCCGTAGAC AGTAATGGCA AAAACTGACA ATCAAA CACCACCCTA ATAATATTAA NTATAATCAT GACTTTAAAC ATCAAA	226
CACCACCCTA ATAATAITAA MIATAATCAI GACTITAAGO ATOMMI	
配列番号:1613	
配列の長さ:224	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01828	
帮利·	maa aa
GATCGGGAAC TGGCTCCGTT GTGCTGAGGT CATCTTTGGT CATCAGCCTC CAGCATN	rgg 60

AAACACCTCC AACGCAATGT GGCTTTTACA TTTCTTTCTT TCTTTCTTT TTTTTCCTGG 120 TACTGGGAAT ACACAACACC AGCTGTTTTA TTATTATTTG GGGAGGGGGT TGTGATTTTA 180

TTATTNGTTT TTTTAAAATG AAAAATAAAA NGTTATATAT TAAA

配列番号:1614 配列の長さ:222 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01829 配列: GATCAGCAGA TACATGTCAG TGCAGAGGTT CTCTGCCCTC CAGAAGCCCT CGTCTGGGAA 60 TTCGAGAGAG GAGGAGGACC CAGGGCCAAA GGAATCCTCA AACTTCCCTC CAAGGGAGAT 120 ATTGTAAGGG GAAAACAAG TGTTTATTTC CCCAAAACAA CCCAGCTTCA CCCCATGTCC 180 CTTCTACACG CTTACTCACT GAGGGTGAGT GGGAACGNTA AA 配列番号:1615 配列の長さ:222 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01830 配列: GATCAGAATA TGTATGCAGT TCTTTCTTTA ACCCTTTTTT CTCCTATGTA CTGTGAACAT 60 TTAAAAAGTA CTTTTAAATA TTCTTTGGAA ACTTAGCTTT TAGTAACTAC TTGGTTGTAT 120 CATAATTNAT TAACTANTGN NTTATTGGTA AACATTGGCT TGCCTCCCAT GACTTGCCAT 180 TATAATTAAA ACTGTGACTA CTATCTGTCT CCATTNCATA AA 配列番号:1616 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01831 配列: GATCCCNTTC CCACCCTCTC TGTTGGCCTC AGAGTCACTC CTGCCCCCTC TCCCTGACTT 60 GGTGCTCACA TGCACCTCAC TAGGGTTTGT GACCAGGGTC TGGATGAGCT TGAATTTGAA 120 TGAATTGAGT TTGTATTTNT AGAACCCTGG GTTTTTACAT GTTTGGTCTT TTTTNGTTTT 180 219 GGTTTGTCAC CNTCGATAAA GGAAGTATAT TCATCCAAA 配列番号:1617 配列の長さ:220 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01832 GATCGCGGCG GANTNGGCCC CGCCGCCTGG TACTCAAGCC CGCGGGGACA TTGGGAAGGG 60 GACCCCCGCC CCCTGCCCTC CCCTCTCTGC ACCGTACTGT GGAAAAGAAA CACGCACTTA 120

GTCTCTAAAG AGTTTATTTT AAGACGTGTT TGTGTTTGTN TGTGTTTGTN CTTTTNATTG 180

AATCTATTTA AGTAAAAAA AAAATTGGTT CTTTATTAAA

配列番号:1618 配列の長さ:216 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01833

配列:

GATCANGGCA CTTCAACTCA TTTGGAAAAT NTGAACACTG ATGACATGGT ATAGGAGTGG 60
GNGGGGTGTT GAGCCACCCA TCANACCCTC TTTAGCTGTG CAAGATAAAA GCAGCCTGGG 120
TCACCCAGGG CCACAAGGCC ATGGTTAATT NTTANCGGCA AGGCAAATCC ATNGTTGNGA 180
AGTGCANTGG GCATAGTAAA NGTGCATGAT TTTAAN 216

配列番号:1619 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01834

配列:

GATCATAGAA AATAAATAGA AGAGACAGTG AAGCAAGTAA AAAGAAAAGC ATTGTTTTAA 60 TTTGTTTGCA TTAATTTTTT TCATTTGTCA AAATGCTTCT TTTGTTGCCA CAGTAAAGAA 120 CAGTTTTTAT TGTTTTGTAA GTAAAATTAC GTAGCTGATT TTGTATGTAA AGATTAATTT 180 CCATAATAAA AATTATTGTA TGTTTACTGT GAAA 214

配列番号:1620 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01835

配列:

GATCAGAGTG GCCCACAGAC ATTGCTTTCT TATCACCTAT CATGTGAATT CTACCTGTAT 60
TCCTGGGCTG GACCACTTGA TAACTTCCAG TGTCCTGGCA GCTTTTGGAA TNACAGCAGT 120
GGTATGGGGT TTATNATGCT ATAAAACAAT GTCTGAAAAG TTGCCTAGAA TATATTTTGT 180
TACAAACTTG AAATAAACCA AATTTGATGT TAAA 214

配列番号:1621 配列の長さ:211 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01836

配列:

GATCTGTGTC ATAAGTGACT CCGGATGCAT CAGTGTCCAC CAGTTGGAAG CAATGACAAG 60
GATGGCTGGC TGGTGTTTTT CAGCCTTCCG GTTTATAGAC TGTATTTATC TAGTGGATC 120
CTGCAGGCCC CATACTGAGC CTGGACTGAA AGTATCCACT CGGACCATCT GTTATCTCTC 180
TACACTGAAA ATAAAACCTC TTCCACCCAA A 211

配列番号:1622

配列の長さ:211 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01837

配列:

GATCTGAGAT GGAAGAGTTT CATCCCAAAA CCATCTCCCC CTGACCCCCA GTCCATGGAA 60
AAATTGTCTT CCACAAAACC GGTCCCTGGT GCCAAAAAGG TTGGGGAACT GCTGGTCGGT 120
ACAAAAGTAA TTGTGGTTTT TGCACNGTTG GAATTTGTCA TNTGATATTG GAATACATTC 180
TTAAATAAAT GTGGTTATGT TATACATCAA A 211

配列番号:1623 配列の長さ:212 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01838

配列:

GATCAGCGAG GTTCTCCAGG ACCTTAGGTT TGATGCGGAA TCTGCCGAGT GATGGCGGCT 60
CCCCAGGGAT GCCGCCGAGG GAGATGGGAA ACGGGGCGGA TGGCGCCCAG CCCAGCCCTA 120
ACTGCCAGCT GGCTGGGGTC GCGCCCCACT GCGCTGCTGA CCTTCCTGCA GTTCCAGACA 180
CCTCCCACAA TAAAGAGCTC CTCCTCTGTA AA 212

配列番号:1624 配列の長さ:208 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01839

配列:

GATCTATGAC AATGTATAGT CAATAAATGA TAGCAATTAT TTTTAATTAT CAAAATAAAT 60
TGTTAGAGAT TCAAGTTAGC ATACAAAATG GAAATACATT GACAATCTAA AAACTATACT 120
AAAACATAAA CTCAAGACTT TATTCCTCTT CCTGTTCTAT CAAAATTGTG CCAAGTAAAA 180
AANTAAAANT TGTTCTTTTT ATTTCAAA 208

配列番号:1625 配列の長さ:210 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01840

配列:

GATCTAGATG GCAGATAGGA ACTTTNTTGT CACAAAAATA CTGGAGGAAA ATNTTGTAAA 60
AATAGACTTT TGGACACACA GCTGTTGGGG CTGCACTGAG CTGCAATTTT TAACATGGAT 120
TTATAAACTTA ATGTTTCTGT TTATAAAAATA CTAATGATTT GCAATGTATT TTACTGGCCA 180
ATTAAAACAG ATGTTTTATT CTTTCTGAAA 210

配列番号:1626 配列の長さ:208

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01841 配列: GATCCAGGAT TCTGGGAGGC TTCAGTTACC GCTGGCCGAG CTGAAGAACT GGGTATGAGG 60 CTGGGNCGGG GCTGGAGGTG GCGCCCCCTG GTGGGACAAC AAAGAGGACA CCATTTTCC 120 AGAGCTGCAG AGAGCACCTG GTGGGGAGGA AGAAGTGTAA CTCACCAGCC TCTGCTCTTA 180 208 TCTTTGTAAT AAATGTTAAA GCCAGAAA 配列番号:1627 配列の長さ:203 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01842 GATCTCACAG CCACGAATTT AGAACTTCCT CCTATAGCAT TTTCTATCTT TTTTATGGCA 60 TTTATTTTAT TCTATCTTGT TATGATTACA TAATCTGTTT AATCCCCAAT TATATATTGT 120 AAATACCTTG AAGGAAAGGA GTCTTTATTA TCTTTGGTGC CTGGTGTTTA GTTTTAATAT 180 203 TTTATTAAAT ACATCCAAGG AAA 配列番号:1628 配列の長さ:203 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01843 GATCCACTGT TCAATCTGCA CAAGATTNGG GNNCCAGACA TGGGAGACTT CAGCTGCCTC 60 AGAGGACCGT GGACAGGGAA GGCAGCCTCG CATCCCTCTG TCCATGCCTG GNNTGACTTT 120 AATAACCAAG AGTTTTATTT TTGAATTTGT AGCTGTCGTT CACTTTTTAC CCACCCATTC 180 203 AATAAACCTT ACAGAATTGC AAA 配列番号:1629 配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01844 配列: GATCCAAGTA ACAGTGACTG CAGTTAGGGT CGAGAGCTTC TCCGAAGCAG CGGTCATGCA 60 GGCTTTTGTG TGGCTGACGC TTCCCTTTTT CACAACAGTA AAAAGCTATC AATGGGAAAT 120 TGTGGACTTT TCCCACCAGG GACTCAATGG GGACTCAATG TGCAATATTC AGTCAACATA 180

配列番号:1630 配列の長さ:201 配列の型:核酸

AAACTCTTTA AGAACTCCAA A

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01845

配列:

GATCACAGAC CACGAGTGCC TTTCCCGGAC CTGGACGTTG CCTCCAGAGC AGGCACCANC 60
TCTTTCCCTC TCTAGACAGA AATATTTTTG TAAGGTTCTG GGGCAGGGAG GGAGCATGAA 120
GTACGAGGAA AACTTGAATT CCAGATTTTN AATGCAAAGT ATTTATCATT TCTACCAGAA 180
ATAAACGTTT TAAGTTTTAA A 201

配列番号:1631 配列の長さ:217 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01846 。

配列:

GATCTTGAGG TCACTTCGTT TAGGTCATTN TCTCAACCCA ACCTCCCCAA ACTCTGGTTT: 60
GAGCCAATAT GTGTTCTATT GTTCTCAGAG CACCAGCCGA CTGTACAACA ATTGTTATAA 120
AAATGTTTAT TGTTTACCAA AACCAGTGGA CCTCTTATCA AATGCTGCTT GGTAACAAAA 180
TCTATCACAG TTTTAATAAA AAGAAAAAAA AAGGAAA

配列番号:1632 配列の長さ:200 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01847

配列:

GATCTGTTTT NNTTAAACAC TAACAGAATA ATTCTTTATA AATAGGTAAG CCTTACACTT 60
GTTAAAGAAA TTTACCTCTA ATTTCAGTCT CACTAATGTA AAATACTGGG ACTTAAGTAT 120
ACAATTCAGT CACTAACTGT ACAGTTTTAT GTGGGGAACA ATTCATGCAG GCTACTGGAA 180
AATTAAATCT TATTACCAAA 200

配列番号:1633 配列の長さ:200 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01848

配列:

GATCCNGGGC ATTTNCTCTG GGGAGACAGG CCTGAGGCCA GCTCGGNAGC CAAGCAGATT 60
CCAAACCACT ACAACCCTTG CCAAACACAG CCCACTCCAT TTNANACCGC CTTCCTGAGG 120
AGAAAATGCA GACTCAGGGT TCCAGTAACC AGTGATGGAT TCACCCCATC TCCCAAATAA 180
TGGTTTACTT GTTTTACAAA 2000

配列番号:1634 配列の長さ:333 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS01849 配列: GATCTTCTAA GAATTTTGCA AAATTCTAAA CAAATATAGA GATGGTATAT AGAATTCATA 60 TCTAGAAAAC TTTGATTTTA ATGTGAGCTT ATCAAATTTG TNCTGGCTTT TTTGGCACTA 120 AGGCAAAAAC ATGTTAACCA GAAATAATTT ATTCTTCATG TATGTAAAAT ATTTGAGAAT 180 GTTTAGCCTT TTATTAGAAT TTTATTTGGA AAATATTTAT CTTTCTACAC ATTTTACACT 240 TATGTNCCTT TGCTTATAAC CCAATTTCTT AACTTTTTTG TTACTTAAGC AAATATCAAT 300 333 NATGTTTTAT TATCTAATAA AGTGTAAGAT TCN 配列番号:1635 配列の長さ:199 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01850 配列: GATCGAATGG CTTTTTGCAG CTAACTACTA TGTGTAGACA GGTTTTATAT TATAAAGTAT 60 GCATTCTTAT CACCTAGTAT ATAGTTAGTT TGTAGAGTGA TTTCCCCCCA GTTTCTTGAA 120 CATGGTATCT TCACATCTTG GACCTTGGTC AGTTGTGCTA TTCATTATTA AACACTAAAA 180 199 CTTTGGCGGT TCTTGCAAA 配列番号:1636 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01851 配列: GATCTGGATG TTGAAAAGAG TCTGGCACCT CCTCCNTCTC TCTTGCTCAC ACTCTCACCA 60 CGTGATATGC TGCCTCCTC TGTGCCTTCC ACCATGAGTA NAAGCTTCCT TANNCTCTTN 120 TNAGAAGCAG ATGCTGGCAG CATGATTCTT GTACAGTCTG CAGAACAGTG AGCCAAATAA 180 ACCTCTTTTC TCTAAA 配列番号:1637 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01852 配列: GATCCAAGTA TTTCTNCATC AAGCAGTTTT TAAAAGGAAA ACGATAATAA TCAGTAGGCT 60 CCATGGAAGC CTTTNCCTTA ATAGCTATGT GCCAAATACT TTNATCTNGT GTGACAGTCA 120 TGTCAGAGTG AAATCTCTCA GGAAAAGTGT AACTAGTAGT TACAAAGTAA ATAAAGGATT 180 196 TCATTTTAAG GTGAAA

配列番号:1638 配列の長さ:195 配列の型:核酸 WO 95/14772 PCT/JP94/01916

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01853

配列:

GATCCTCCTG CAGGGCTAGG CGGATTGTTC TGGATTTCCT TTTGTTTTTC CTTTTAGTTT 60
TCCATCTTTT CCCTCCCTGG TGCTCATTGG AATCTGAGTA GAGTCTGGGG GAGGGTCCCC 120
ACCTTCCTGT ACCTCCTCCC CACAGCTTGC TTTTGTTGTA CCGTCTTTCA ATAAAAAGAA 180
GCTGTTTGGT CTAAA 195

配列番号:1639 配列の長さ:194 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01854

配列:

GATCTTAGCT TTGATAAATG ACTGANGCTG GAGAAGCCGT GGTTGAAGTC AGCCTACACT 60
ACAGTGCACA GTTGAGGAGC CAGAGACTTC TTAAATCATC CTTAGAACCG TGACCATAGC 120
AGTATATATT TCCCTCTTGG AACAAAAAAC TATTTTTCCT GTATTTTTAC CATATAAAGT 180
ATTTAAAAAA CAAA 194

配列番号:1640 配列の長さ:268 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01855

配列:

GATCTGAGTA ATTAGCAGGT ATGATGCTGG GACTGGAAAA TAGAAAGTAA TAACTAAAGG 60 GTTAATGTGC AACGTTATTT TTTGGCCTTG TTCATAATTT TATGTTTTCA GTGGCNTGTG 120 TACATATAGA ATTGTTAAAG TTGTCATTTC CAATATTTAT ATTAGAAAAA TTATTTAGAT 180 ACTTTATAAT TTTAACCGGC ATTTTTAATA ATGACACTTG CATTTATTGT ATTGTAATAA 240 ATTTCACTTT TAACTTTAAA AGTTTAAA

配列番号:1641 配列の長さ:193 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01856

配列:

GATCTCTGCT CAGAGAAGTG CAGGGGGAGC CTTCCAGCTC ACTCTCCCTG AGGACTGGCT 60
TGACAGGGGC TATGGGTTTG CTTTGGTGTT GTTTTTAAAA AAAGAAAATA TATTTTTTTG 120
AAAAAACGAC TGCCCATCCC GGGTCCTTTC CCTGATGGGT TGGGGCAGTT ACCTGGTTGC 180
TGTTTTAATT AAA 193

配列番号:1642 配列の長さ:193 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01857

配列:

GATCACATCA CTCCACCCCT GCCAGGCCCC AGGTTAGGAA TAGTGGTGGG AGGAAGGGGA 60
AAGGGCTGGG CCTCACCGCT CCCAGCAACT GAAAGGACAA CACTATCTGG AGCCACCCAC 120
TGAAAGGGCT GCAGGCATGG GCTGTACCCA AGCTGATTTC TCATCTGGTC AATAAAGCTG 180
TTTAGACCAG AAA 193

配列番号:1643 配列の長さ:193 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01858

配列:

GATCCTTAGT ACAACATGTG AAAGAAGATA TGTTGTCTTT ACTCACAGTG GAGGCATTTT 60
TCTAGCTGTG TTTGATTTGG CTTCCCTATA GATTCAGGAC CCATAACTCT TGTTCTCACT 120
CATCTGCTAT GCTGCTGATA AGGACTTTCA GGTCAACAGC TGTAACTGCT AAATGAAGTT 180
AATACTCTGG AAA 193

配列番号:1644 配列の長さ:192 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01859

配列:

GATCTAGGCA AACCTTTATA AAGTTGCAGT ACCTAATCTG TTATTCCCAC TTCTCTGTTA 60
TTTTTTGTGTG TCTTTTTTAA TATATAATAT ATATCAAGAT TTTCAAATTA TTTAGAAGCA 120
GATTTNCCTG TAGAAAAACT AATTTNCTG CCTTTTACCA AAAATAAACT CTTGGGGGAA 180
GAAAAGTGGA AA 192

配列番号:1645 配列の長さ:188 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01860

配列:

GATCTGTCTG TTGCTTGTTT AATATATTC TTTTATGACA TTACTTAAAG TTTAAAAGGG 60
TTTTTNTATCC ACTGTCAATT TCAATTGGAT AACATTTTGT CAAGNTTTTT TTTTCCTGAT 120
TATTTGATGC TAGCTGGAAT TCAAGAAATG GCATTGACCT TATTCAAATA AAGAAATATT 180
TTAGTAAA 188

配列番号:1646 配列の長さ:190 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS01861 配列: GATCAAAAAC TAATTTGGGA TATGTATGGG TAGGGTAAAT CAGTAAGAGG TGTTATTTGG 60 AACCTTGTTT TGGACAGTTT ACCAGTTGCC TTTTATCCCA AAGTTGTTGT AACCTGCTGT 120 GATACGATGC TTCAAGAGAA AATGCGGTTA TAAAAAATGG TTCAGAATTA AACTTTTAAT 180 TCATTCGAAA 配列番号:1647 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01862 配列: GATCAGTTGG GTGCTATGTG CTCAGCTTTC CTACTGCAGC TTCATTTAAT GCAGAGTGGT 60 GTTTGAATTT GGCTTAGATG GGCTGGCAGG CATGATTTTA AAAAATGTAA TCATCAGTAA 120 GAAGTACTTC CATGTTAAAG ATGCAAAAAA AAAAGTCTTC ATTAAAATTN CTATTTAANG 180 配列番号:1648 配列の長さ:361 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01863 配列: GATCCAAACA AATACACATT CTGTNTTTTA GCTCAGTGTT TTCTAAAAAA AGAAACTGCC 60 ACACAGCAAA AAATTGTTTA CTTTGTTGGA CAAACCAAAT CAGTTCTCAA AAAATNACCG 120 GTGCTTATAA AAAGTTATAA ATATCGAGTA GCTCTAAAAC AAACCACCTG ACCAAGAGGG 180 AAGTGAGCTT GTGCTTAGTA TTTACATTGG ATGCCAGTTT TGTAATCACT GACTTATGTG 240 CAAACTGGTG CAGAAATTCT ATAAACTCTT TGCTGTTTTT GATACCTGCT TTTNGTTTCA 300 TTTTGTTTTG TTTTGTAAAA ATGGTAAANC TTCAGAAAAT AAAATGTCAG TGTTGNNTAA 360 361 配列番号:1649 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01864

配列番号:1650 配列の長さ:178

AAA

GATCAGGACC TGGGGGCCTA CAGTTCTGCC AGGAAGTGCC TGGCCAAACA GAGGCAGAGG 60 ATGCTGCAAG AGAGAAAAGC TGCAAAANAG GCCGCCGCTG CCACCTCCTG AGGCAGNTGT 120 GGGTGCCCCT GCTGTGTGGC TCTGTATGAC TGTTGCTGAA ATATAAAGCC CTGCAACCTG 180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01865

配列:

GATCTCAGCA CAAGCAGGGG AGCAGCTGGG GGAACACAGC TTTATGTAAT TACCTCTGTT 60
CAATATTTAG CAAGTTGCAT TGTAACATTG TAACTGTTTG TTTCTCCTTG GATGATGAGC 120
TACCCCCAAG AAGGGGTCAT ATCAGATTGG GTCTCATTAA AATGTCTGAT GAATGAAA 178

配列番号:1651 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01866

配列

GATCTATGGC TTAAAAAATT TGTTTCTGTG ACAATNTTTG TAAATCTAGC CAATAGAGTC. 60 ATTTACAGAA GAAAAATNAG CATGTAATAA TACAAGAACT GTTTCCCCCT CAAAACCTGA 120 ACCTGAATTA TTTGTAAAAA CTGAAATTTA ATGATTAAAG AGAAGCCAGA ATTGTAAA 178

配列番号:1652 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01867

配列:

GATCTGGAGC TAATAATGAC TGAGATGGAG ATATCTCGAG CAGCAGCAGA ACGCAGTTTG 60 CGGGAACACA TGGGCAACGT GGTAGAGGCG CTTATTGCCC TAACCAACTG ATGCGTGCTT 120 TCTCAAATAT ACCTACTGGA TTAATTTATG GCAATAAAAT TTTTTTTTGT CTTTTTCAGT 180 TTTATCAAA 189

配列番号:1653 配列の長さ:174 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01868

配列:

GATCTCTGCT CTGCCCTCTC CCAGATTGGT GGGGAGGGG GGCGGGAGGT AGATATAGGC 60 CTGTCCTTTT TAGCAATGTG ATTCTTGTTG TTGATTCTCT CTCTGGAGTT CATGTGCTGC 120 CTCANNNGAC TCTGATTTTA TATTTNAGAA AAATAAAGGC GTTCAATCTG CAAA 174

配列番号:1654 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01869

配列:

GATCAGGCTC ATCTCATCTG CACCAACTGC TCTACCTGTT AGATGGAGAC CTTGCNTCAT 60
GAATTTCTCG AAATGCTCCT GGAACTTATT TATATGCCTC AAAATCCTCT AAACTCATTT 120
ATAGTAACCC ATAGTTTTAA TTTTATAAAT AAACGTATTT ATTAAAATCTT AAA 173

配列番号:1655 配列の長さ:172 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01870

配列:

GATCTCTAAT TTAAAGAAAC AGTTTTTATA TACCTAGAAT GAAGATTCTG TTTAAAGCGG 60 TTTTGGTTAA CTTGGTTCTT GACATTTGCC TAAAATNTTN TTGGATTGGG ACTAAAATGT 120 NCTATTAGCC AATGAATAAC GTCCAAGTAA ATTTNTGTTT TATTTTGGGA AA 172

配列番号:1656 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01871

配列:

GATCTCAAAG GAGTCTGAAA TATCATATTT CTGTGTGTGT CTCTCTCAGC CCCTGCCCAG 60 GCTAGAGGGA AACAGCTACT GATAATCGAA AACTGCTGTT TGTGGCAGGA ACCCCTGGCT 120 GTGCAAATAA ATGGGGCTGA GGCCCCTGTG TGATATTGAA AGGGTAAGAA A 171

配列番号:1657 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01872

阿河.

GATCGNCATT ATCCCCAGNA AAAAGCTCCG CAACAAGATA GCAGNTAATG TCACGCATCT 60
GATGAAGCGA ATTCAGAGAG GCCCAGTAAG AGGTATCTCC ATCAAGCTGA NCGAGGAGGA 120
GAGAGAAAGG AGAGACAATT ATGTTCCTGA GGTCTCAGCC TTGGNNCCNN N 171

配列番号:1658 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01873

配列:

GATCAAAGAC ATCCTCATCC AGTATGACCG GACCNNCTGG TAGCTGACCC TCGTCGNTGC 60
GAGTCCAAAA AGTTNGGAGT CCTGTGCCCG AGTTCGTACC AGAATCCACC GTAAGCCATC 120
GGNCTAAAAC TTACTTNATA ATAACAGTTT TGAGGGATTT AAAAGTTCAA A 171

配列番号:1659

配列の長さ:170 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01874

配列:

GATCAAAAAT CCAAGGAGAA TGGTGCCAGT GTATGATAAA ATCCATGTAG TGATGAGGAA 60 TGGTGTTAAA TAATGTAATA TATAANANTC ATGATATANG ANTGTTTGAA GGTGATGCAT 120 GTTTGATTTT NGTAGTATAA NTGTATTTNA GTTCAAATGA TGTATAANGN 170

配列番号:1660 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01875

配列:

GATCCTCGCT CCGTTGCACG GGCGCCNTAA GTTATTGGAC TATCTAATAT CTATGTATTT 60 ATNTCGCTGG TTCTTTGTAG TCACATATTT AATAGTCTTA ATACTCTGTT TTTGCATCAC 120 TGTGCCCATT GCAAATAAAT CACTTGGCCA GTTTGCTTTT CTACAAA 167

配列番号:1661 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01876

配列:

配列番号:1662 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01877

配列:

GATCTTCCCC AAGAGGGACT GGGGTTTCTG GGGTCCATTC TCTGAGTCAG TGGTTATTTG 60
AAAATTTGAT TTTGATTTTA TTTTTTCTCT GTAAACTTCC AAGCTGGCTT TTCCCATTTC 120
AATTCCTGTG ATTTATGCCA ATAAAGTTTG CCCATGATTT TCAAA 165

配列番号:1663 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01878

配列:

•
GATCCCTNCC TTGGTGGGCA GTTCTGCCTT CCAAGGAAGA AGGGGAAGAA AAGGACCTGT 60 GGGTGGCTCA GGNCNAAGCA GACCCCGGGC TCCACCCCAG CCCCGNCCAG GNTGCTGCCA 120
GTNCACACTT TTACAAATTT AATATAAAGC AAGTCCAGTN TTAAA 165
配列番号:1664
配列の長さ:161
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS01880
配列:
GATCAGGCTG CTGAGGGAAT AAATTTAATC AAGGTCTTTG CAAAAACAGA AGCACAGAAG 60
GGAGCCTATA TAGAACTAAC ACTGCAGACT TATCAAGAAG CACTCAGTCG CCATTCTGCA 120
GCTTCCTAAA AATATTTTAA AAATACATTT ATTTTACTAA A 161
配列番号:1665
配列の長さ:158
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS01881 配列:
GATCAGTCCA TCCCAGAGGG ACCGGAGTTA TGACAAGCTT TCCAAATATT TTGCTTTATC 60
AGCCGATATC AACACTTGTA TCTGGCCTCT GTGCCCCAGC AGTGCCTTGT GCAATGTGAA 120
TGTGCGCGTC TCTGCTAAAC CACCATTTTA TTTGGAAA
知 5.1 4 1 C C C
配列番号:1666 配列の長さ:158
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGSO1882
配列: GATCGTGTAT TGAGATTTCT TAAATAATGC TTCAGATATT ATTGCTTTAT TGCTTTTTG 60
TATTGGTTAA AACTGTACAT TTAAAATTGC TATGTTACTA TTTTNTACAA TTAATAGTTT 120
GTCTATTTTA AAATAAATTA GTTGTTAAGA GTCTTAAA 158
配列番号:1667
配列の長さ:155 配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS01883
配列:
60

配列番号:1668

TGAGAAGTAA AANTAAAATA AAATGTAATA GCAAA

ATCATTATGT AATTCCCCTA TATTTATATC TTTATATTTA ANATAGGTTT CCTTAACATT 120

配列の長さ:155	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01884	
配列:	
GATCACTCTG GGCTCACTTG CCTGCCTAAT GGTCATCTCC CCAGTAGACT GTAAGCTCCT	60
TGAGGGCAAG GATTGTGTTG GAATTTTTGT ATTAACAGTG CCTGGCTTGG TGCCTGGCAC	
·	155
Olympidor Olominmii alliallimi tamm	
配列番号:1669	
配列の長さ:161	
配列の型:核酸	
44 野本	
クローン名: HUMGS01885	
·	
配列: GATCAGATGC TTGAAATTTA ACACTTTTCA CTTGGTTCTT ATACTGAATG CCGACTCTGC	60
TCTGTGTTAG AGATATGAAA TGGTGTTTGA TACTGTTTGA GACATTATGG AGAGATTTAA	161
TTATTTGTAA TAAANGNTTT GCTGCAGTCT GAAAACTGAA A	101
5774 W D 4080	
配列番号: 1670	
配列の長さ:153	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01886	
配列:	60
GATCTATTGT AATGTGTTAT TTNGGCTGAN GTATGTNAAG AAAATACTAC CTTACAAAGN	
TATGTATTNT CAAAAGGAAA TACATATCAG AAAGTTTAAC AGGGCCAGTG GGTGATACTG	153
AAGTTGTCGG GATGGATGGT GTCTATCTGG NNN	193
지하고 다. 1071	
配列番号:1671	
配列の長さ:444	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状 	
クローン名: HUMGS01887	
配列:	60
GATCTAGAAG TTTTACTTTT ATAAAGATGG TGTCCGGAAG ATGTTGCTAA TGTATTTTAC TTCAACATAG GGAACAAACT TTTTAAGTAT ATTAATAAAC CTGTATGGTT AGTTTTTAAC	
AGTITITIAA AATAAACTAT GGATATGACA AATATTCTGT GTTTTTAATATAATTAATTAATTCAAAATTTAA	
AGGCTTTCTA ATTINGTATA CGTGCTAGAG TTAATTATTG ANCATTTTA TCCAAATTTA	
GTTGTAACTC TGTTTATACT ACTGATTGCT CATTCGTTTA AATGATATTN TNNNGTAAAA	
GTCATAACCA ACATATGANC AGACAGATTT ATGTCTTTAA ACACAGATTG TNAGCTATAG	
GTTTAATCTG ATACCAGTTG CTGGAAGGTT GCCATTTGGT TTTTCTNAAA ACCTATACCN	420

配列番号:1672

CTAAAACTTT CTTTNAAGGT TAAA

配列の長さ:151		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状		
クローン名: HUMGS01888		
配列:		
GATCAGCAGC CCTCGCAATG TGCTCAGCGA GTACCAGCAG AGGCCGCAGC G	GCTGGTGAG	60
CTACTTCATC AAGAAGAACT GAGCAAGGCC TGAGCGCTGC CTGAACTCCG A		
TGATGCTTTC CATTAAAAAN NATTGTCCAA A		151
配列番号:1673		
配列の長さ:150		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状		
クローン名:HUMGS01889		
配列:	•	
GATCCAGATG ATAAACCAGT GAACTATGTC AAAAGCACTC TCAATATTAC		
AAGTTTTGTA CTTTNCACAT AGCTTGTTGC CCCGTAAAAG GGTTAACAGC		
AAAAATAAAT TAAGANGTAT TTATNGGAAA		150
配列番号:1674	_	
配列の長さ:148		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状		
クローン名: HUMGS01890		
配列:		
GATCCGNCCG TCTCTGCCTT CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC	ATCTGCCCGG	60
CTTATTTTTC TTTATGTTTT TNCTTCGTAA GAGGTTCTGT TGAGCAGTGA		
TTGCTGACGT TGCTGGGGAA GCTTTAAA		148
配列番号:1675		
配列の長さ:568		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状		
クローン名:HUMGS01891		
配列:		
GATCTACCCC AGGGAGAATC TGAGACATCT TGCCTACTTT TCTTTATTAG		
ATTCATTTCT TTTATACCTT TCCTTTTTGG GGAGTTGTTA TGCCATGATT		
ATGTAAAAGG ATTATTACTA ATTCTATTTC TCTATGTTTA TTCTAGTTAA		
AGGGCAAGCC ACCAAATTAC CTAGGCTGAG GTTAGAGAGA TTGGCCAGCA		
GAAGATGAAC TTTGTCATTA TGATTTCATT ATCACATGAT TATAGAAGGC		
CAAAAAACAT ACTTACATTT CAGACATATC CAAAGGGAAT ACTCACATTT		
TTGAACTATG ACTGGAGTAA ACCATGTATT CCCTTATCTT TTACTTTTTT		
TTATGGTCTC ATGTAATTTG CATTACTCTG GTGGATTGTN CTAGTACTGT		
TCGGTAATAG GTTATTTCCA TATACTATAA TTGGNAATAT TTTTGTACCA	ATGGTTATAA	540

568

CNCTAGGGGT NTAAAAACCA GGTTCTGN

配列番号:1676 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01892

配列

GATCTCTAAG GTATTATGTT TGCCTTCTCT TAGTTATTTC TGGGTTGTCA CAAAGCTCAG 60
TATCATGGTT TGACAGAAGC AGTTATGTGA ACTTTTATGT TAGGACATTA CTAAATAAAG 120
AATTCCCTAG CTGCTTATAA AGTAAA 146

配列番号:1677 配列の長さ:144 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01893

配列:

GATCCATTCT CCNTTTANTT CCCCCACCCT CCTCTCTNGG ATATGGTTGG NTTTGGCTCA 60
TTTCACAATC AGCCCAAGGC TGGGAAAGCT GGAATGGGAT GGGAACCCCT CCGCCGTGCA 120
TCTNAATTTN AGGGGTCATG CNCN 144

配列番号:1678 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01895

配列:

GATCGAGATG AGCTTTAAAA ACTTGAAAAA CAGTTTGTAA GCCTTTCAAC AGCAGCATCA 60 ACCTACGTGG TGGAAATAGT AAACCTATAT TTTCATAATT CTATGTGTAT TTTTATTTTG 120 AATAAACAGA AAGAAATTTT GGGTTTTTAA A 151

配列番号:1679 配列の長さ:140 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01895

配列:

GATCTTGATG GTCGCTGCAG AGTAACTTCA GCGCTGAGTT CGTTTGAAAC CTTCGGTTTG 60
TTAAGATTCA GAATAACCAA TTGCTTTGTC TGTTAAATCT CCCGATTTCT GTTAGGAAAA 120
TAAAAGCCTC ATTTCTTAAA 140

配列番号:1680 配列の長さ:139 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01897	
配列: GATCACTATG TAGGCAATGC TGGATACTGG NCTGTTATTT ACACATTTGT ATCACCTT	TT 60
ATTTCATAAG ATAGCATTGT CAGANTAATT TAGTATTTCA ACATAATCAA CAAGTAAA	AT 120
AAAATTAATG AGAATGAAA	139
AAAAIIAAIU AUAAIUAAA	
配列番号:1681	
配列の長さ:139	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01898	
配列:	rcc 60
GATCTCCACA TTCAGGTTTC CTGATGCACT TTNCGACTCT TTGGGCAACC TCTGGACT	.CC 00
TTGTNCCCAG GGTCCACATT TAGTTTTATC TTTACTGCAT TGCTTTTATG AAAAAGAA	139
AAATTGGATG AAACAGAAA	. 155
配列番号:1682	
配列の長さ:143	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01899	
配列:	AA
GATCAGTTAA TTTGTATGTA GCAGTGTATG CTCTCATATA CAATNACTGA CCTATGC	TCT 60
AAAACATGAA TGCTTTGTTA CAGACCCAAG CTGTCCATTT CTGTGATGGG TTTTGAA	TAA 120
AGTATTCCCT GTCTTAAATG AAA	143
配列番号:1683	
配列の長さ:136	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01900	
配列:	
GATCGAATCA CCTGAATGTT CTATGTANTG TAAAATATTC TTTTCTTGCT TTCTTG	CGTT 60
AAGGTATATA TTCTATTTGT ATGGAATTCT TATTCAAATA CAGTTCTATT AAAGAG	FATA 120
CTCCTATTGG ATGAAA	136
配列番号:1684	
配列の長さ:136	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01901	
配列:	
GATCTCAGCG GCATTAAGCT GTGCCTGAGC GAGTTTGTAG TGACTCACTG CACAGC	ACCN 60
CCAGACTAGC ATGTGGTTCT ATATTTGTAA AGTTATTGGG ATAAGAAACA ATTAAA	CAGT 120
TTGTAGTAAA CACAAA	130

配列番号:1685 配列の長さ:136 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01902 配列: GATCTTCTAC TTCCCTNTGG GGAGGGGAGT GACAG TGTCCTGGAT GCCTCTGAAG AGAGGGACAG ACCGT	GTCCA CACACCACAC TO CAGAA ACTGGAGAGT T	TCTATTAAA 120
GGTCATTTAA ACCAAA		136
配列番号:1686 配列の長さ:135 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01903 配列: GATCTTTAAA AAAATTTTCC ATATGTCAAA GTGTA TGTCATCTAT AGATTGAACA AAAAGTGGTA GCTGT		
配列番号:1687		
配列の長さ:135		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01904		
クローク名:NONGSUI504 配列:		
GATCAGCAGT TCCAGCCCCT ACGCTNGCTG GGGG		
GTGCTTGGNA AAGCTCCCTC CCCCTCCTTC CCCA		CCACCTTCGC 120
CCTAGGGCCA AGAAA		135

配列番号:1688 配列の長さ:136 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:MUMGSC1935

配列:

GATCTTCATC TGTAGCCAAG AAGAGAGCAT TAAACCCAAG ANCATTGTGG AGAAGATTGA 60 CTTTGACAGT GTGTCCAGCA TCATGGCCTC CTCCCAGTAA CTTCAGGTGT TTAATAAAGA 120 TGTGTTGACT CAGAAA 136

配列番号:1689 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01906 配列: GATCTTAATG TTTCAAAGGA GTGCAGCCCT TCACAGCCAT CAGATATGAG GGCACTGTTC 60 TGTCTGGTGT TGTAGCCATC TCAAGAACAA ATCAACAGCA ACAAAAGAGA AAGAATAAAT 120 134 TTTTAAAATT TAAA 配列番号:1690 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01907 GATCTGTGAC CCTGGGCGCT GAAAATGGGA CCCAGGAATC CCCCCCGTCA ATATCTTGGC 60 CTCAGATGGC TCCCCAAGGT CATTCATATC TCGGTTTGAG CTCATATCTT ATAATAACAC 120 AAAGTAGCCA CAAA 配列番号:1691 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01908 配列: GATCTCTACT ACCACAAGGA AAATAGTTTA GGAGAAACCA GCTTTTACTG TTTTTNAAAA 60 ATTACAGCTT CACCCTGTCA AGTTAACAAG GAATGCCTGT GCCAATAAAA GGTTTCTCCA 120 ACTTGAAGTC TAAA 配列番号:1692 配列の長さ:140 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01909 配列: GATCAGTGTG GAGGACCCGC CCCAGCGCAC GGCCGGCGTC AAGGTGGAGA CCACTGAGGA 60 CCTGGTGGCC AAGCTGAAGG AGATTGGGCG GATTTGAGCC CCTCCCAGAG ATGGCAATAA 120 140 AACTGACTCT CAACATCAAA 配列番号:1693 配列の長さ:133 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS01910

配列:

CCTAAAAGTT AAA

703

133

GATCTAACCT TTGANGCTTT AAAAAAGGAG AAAGAGGGTA GGGGTGGGAA ACTGGCATAC 60 TGTGTGTATA GCACTGCCGA TTGGCTAGGC CACTGTGTCT CTGCTACAAA TTAAAGAAAT 120 配列番号:1694 配列の長さ:133 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01911

配列:

GATCGCGAAT AAAAATCAAC AAATGTGAAA GCCCAGAAAA ATATATTCGT ATTTCTGGTT 60 TTGCTGGATT TTTACATTTT TATATAATAA AAATGNTATT TTGAAATAAA GATTATGCTG 120 ACTCAAATGC AAA 133

配列番号:1695 配列の長さ:131 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01912

配列:

GATCTATTGC AGATATTTGA TGTAGTTTTC TCTTTTAAAT TAATCAGAAA CCCCACTTCC 60
ATTGTATTGT CTGACACATG CTCTCAATAT ATAATAAATG GGAAATGTCG ATTTTCAATA 120
ATAGACTTAA A 131

配列番号:1696 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS01913

两一万二 •

GATCCGCCCG GCTCAGCAGA ATTCACGCTC CTGTATGCCT CAGCCCCTCG ATATAACTCC 60
ATCCGGATTCT AGCAGCCTGG TATTCTAGCA ATAAAACCCA AGGCCTGAGA AACAGGGGCC 120
ATCCTGCAAA 130

配列番号:1697 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:ATMGSO1914

配列:

GATCAGACTG TCACTTTATA GTTTTCTAT ATAAAGATTA TATAGTTGCA AACAAAGGTT 60 GTGAAATTC CCTTTTGTTG TTTTTNACTT TTAATTAATA AAAGTACATT GTTTTCATAG 120 CAAACTTAAA 130

配列番号:1698 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS01915	
配列:	
GATCGAAGCT ACCGTAATGT GTTCTTGAGG TCAACATGTT TTGTGGAAGT CACTGTATTT	60
GCCCCNTTAT GTCAATTACC TATTATAAAC CGAGAGAAAT GGGAAAATTA AAAACCTGTT	
TTGAATTAAA	130
配列番号:1699	
配列の長さ:129	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01916	
配列:	
GATCCCTTGT AAACATGAAA TCATTCCATG GATGGCTGCC TTATAATTTT GTCTCTTTCC	60
ACTITAATTG TGAATGGTTA AAAAAATGCT GTTTTCTGAT ATTAAATTTT TATTAGTGCA	
TACCTTAAA	129
配列番号:1700	
配列の長さ:82	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01917	
配列:	
GATCTGTACC TAGTACCCCT CCCATCTACT GATTTGTTTG TTTTTGTAAC CAAACACATT	
TTCAGATAGA AGGAGCCTTA AA	82
配列番号:1701	
配列の長さ:128	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01918	
配列:	
GATCCCCTAT TCCCTCCACA ATAACAGAAA CACTCCCAGG GACTCTGGGG AGAGGCTGAG	
GACAAATACC TGCTGTCACT CCAGAGGACA TTTTTTTTAG CAATAAAATT GAGTGTCAAC	
TATTTAAA	128
配列番号;1702	
配列の長さ:137	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01919	
配列:	
GATCTACAAT NAAGCCCTCA AGGGCTGAAA ATAAATAGGG AAGATGGAGA CACCCTCTGG	
GGGTCCTCTC TGAGTCAAAT CCAGTGGTGG GTAATTGTAC AATAAATTTT TTTTGGTCAA	
ATTTAAAAA AAATAAA	137

配列番号:1703 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01920

配列:

GATCTGAGGA GGAAATGTGA CGCCGGACGC TTCCNTGTNT TTGACCTTTT NAAAGGANGA 60 GGAAGTTCAC CGACANTACC CATCACCCAC AAAAGTCTCA CTTCTTGGAA GATTTGTGTT 120 AGGCTGNN 128

配列番号:1704 配列の長さ:127 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS01921

配列:

GATCTGGCGT NCTACTATGA GGCTTCTTTT GACCTCATTN NTGTGGTNGC CGGCGTAGCC 60
AGACCATCCT ATACTGTGAC TACTTCTACT NGTACATTAC AAAAGTACTC AAGGGAAAGA 120
AGCTCNN 127

配列番号:1705 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01922

配列:

GATCATAGCT ACACTGTATG TTTAGGTGGT GTGAAATNAT TTATAATCAC AGCTTGAACT 60 GTGTTTGCTT GGTACTGTCA TAGTGATTAC AAATTTCATG GAATGCGAAG AGCAACAATA 120 AATAAAAAAT ACCACTCACC CTCAAA 146

配列番号:1706 配列の長さ:240 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01923

配列:

GATCAAAAAG GACTGAACCC CCACTATCAT AATCCATACA TTCATTTCCA TGTTGTTTGA 60 CTAGCAGTGC ATATATGAAT GAATATGGTA ATTAATCTTA CCTATAAGAA CCAAATACTT 120 TAATTATATT AAGATAGTGA ATAAAGATGT ATAATATTTT NATTAATACC TTGAATATAT 180 TCAGTGGATT GAATGTGACT TCATAACTGT ACTACGATTG TATTAAAATA TTTCTGGAAA 240

配列番号:1707 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01924 配列: GATCTTATGA AGGAAGATTT GTGACCCTAC GTATATATAT ACACACACAT ACATATATAT 60 ATATATCCCG AACCAACANC GGGACTTTGT TTATATTGCA AATAAATATT ATTTTTCCTT 120 配列番号:1708 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01925 配列: GATCCCCTTT CTCTATGTCG GGACACTCAT TAGCAAGAAC TTTNCTGCTC TACTNGAGGN 60 ACATGACATT TTTGTTCCAG AGGATGATGA TGATGATGAC TAACAGGAAT TACAGAANGN 120 124 NGAN 配列番号:1709 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01926 配列: GATCCGAGCA GTCCTCTGCC CGCCTCCCGT GAAGAAGAGG AAGAGAAAAT GCCTGCTGTT 60 GTAAATGTCT CAGCCCCTCG TTCTTGGTCC TGTCCCTTGG AACCTTTGTA CGCTTTGCTC 120 AAAAAAAAC AAAAAAAAA AACAAA 配列番号:1710 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01927 配列: GATCCTGTGT AGAAGCTGTT CTCATTAAAC ACCAAACAGT TAAGTCCATT CTCTGGTACT 60 AGCTACAAAT TCGGTTTCAT ATTCTACTTA ACAATTTAAA TAAACTGAAA TATTTCTAAA 120 配列番号:17!1 配列の長さ:121 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01928

配列番号:1712 配列の長さ:125 配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01929	
配列:	·
GATCGGGGCA AGAGAAGGCT GAGTACGGAT GGGAAA	CTAT TGTGCACAAG TCTTTCCAGA 60
GGAGTTTCTT AATNAGATAT TTGTATTTAT TTCCAG	
CGAAA	125
配列番号:1713	
配列の長さ:338	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	:
クローン名: HUMGS01930	
配列: GATCAGCCCA TCTCAGCTTG CTGTTTCAAT CACAA'	rggaa acatatttgc atacgcttcc 60
AGCTACGACT GGTCAAAGGG ACATGAATTT NATAA'	
CTGCGTAATG CAGCCGAAGA GCTAAAGCCC AGGAA	
GCTCAGCCAG AGTTGTTTCT CTCCANTCTG CCTCA	
CTTGTTGGGT TGTCAGCCAT GGACATGGAT TTCAA	
TCAGCAGCTG AGNGCCCCAG GCGTCCGNGG CGNCT	
配列番号:1714	
配列の長さ:85	
配列の型:核酸	2
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGSO1931 配列:	
GATCCCATAT CTATTACCGT GTCCATAGGA ATAAT	
CCATGTAACA AAGGACACTG TTAAA	85
配列番号:1715	
配列の長さ:260	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01932 配列:	
GATCCAGCCC TGGTTCTGGC TGTGGTCAGC AGATC	CCAGT NAAGGGTTTT GTGTGTTTAG 60
GCCTCATTTC TTTGTCTTTT TCCTACTCCG TTCCT	GGCAT TTGCTGATTT CTAGTGTATA 120
CTCTGTAGTC TCAGTTCGTG TTTGATTCCA TTCCA	
ACTGCCGAAG AATTGTCTTG CAAGTNAAGG CTTCC	
AANCTTATT NATCONNAAA	260

配列番号:1716

配列の長さ:430 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01933

配列:

GATCTTGTGC TGTGCTATCC GCAGAACCGC GAGATGGTCT AGAGTCAGCT TACATCCCTG 60
AGCAGGAAAG TTTACCCATG AAGATTGGTG GGATTTTTTG TTTGTTTTTT TTTGTTTT TTTGTTTTT TTTGCTAGATA 180
AAAGCTGAAG TTACTTTATG TTTGTCTTTT AATGCTTCAT TCAATATTGA CATTTGTAGT 240
TGAGCGGGGG GTTTGGTTTG CTTTGGTTTA TATTTTTNCA GTTGTTTGTT TTTGCTTGTN 300
ATATTAAGCA GAAATCCTGC AATGAAAGGT ACTATATTTG CTAGACTCTA GACAAGATAT 360
TGTACATAAA AGAATTTTTT TGNCTTTAAA TAGATACAAA TGTCTANCAC CTTTAATCAA 420
GTTGTTACCTN 430

配列番号:1717 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01934

配列:

GATCGAGCCA CTGCGCTCCG GCCTGGGTGA CAGGAGACTC CATCTCAAAA AATAAAATTA 60 AAAAAAAAAC TACTACAATA AATTATCACC TTGGACTGTA TAAAACAACT TTNAAACTAG 120 TCTTTTNAAA AAGTACACTT AAATAAAAAT CTAANCATAA GNGANTGTAA A 171

配列番号:1718 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01935

而加

GATCGCTCAG AAAATGGGAA CCCAGGGCAA ATTGTATGTG CTCCTTACTG GGTTTATTAT 60 AAGTGTCACA TGTTTTTTAT AATAAAACAT AGGTGATTTC ACCTTAATGG ACAAA 115

配列番号:1719 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01936

配列:

GATCCTCCCA CCTCAGCCTC CTGAGTAGCT GGGACCATAG GCTCACAACA CCACACCTGG 60
CAAATTTGAT TTTTTTTTT TTTCCAGAGA NGGGGTNTTG NANCATTGCC CAGNN 115

配列番号:1720 配列の長さ:115 配列の型:核酸 WO 95/14772 PCT/JP94/01916

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01937

配列:

GATCTAGCAC TTTACAAAGT AAGTTTTCT GTNACTTAGA GCTGAAAATA AAAGCAATGT 60 AGAGTTACGC TTTTATAAGT ATTTNANGTT TCANAAATNA TGCATACAGC AATTN 115

配列番号:1721 配列の長さ:114 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01938

配列:

GATCATTTAG TTCTATCTAT TTAGAAATAT GTAAAACTGG ATTTTTTTT AAGTAATATG 60
TGACCAAAGT TAATTTTGTC CCAAAGGTCT AAATAAAGAG CAGTTTCCCA TAAA 114

配列番号:1722 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01939

配列:

GATCGCCACA GCCCTTCTTG GAAGAAAGGC GTCTGTGTTT CAGGTTCCAC GCGAGTCACC 60 TCTTTCGTCT TAATGTTCAC CGTCCACAGC TTTGGAATAA ACCATCCTGG GAAGTTAAA 119

配列番号:1723 配列の長さ:113 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01940

配列:

GATCTTTGAC TGTATCATGC ATTGTACAAT TGATTTCATA TTTTATGAAA TGCCTTAATT 60
TTCCTACTAT AACATAAAGA CAATGATGAA TAAAGTTTAT GTGTATGATT AAA 113

配列番号:1724 配列の長さ:113 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01941

配列:

GATCAGAAAC ATACATACCC TNCCTAGGGA TTTAGAAAGT GGGTTGGCAG TCTTTCCTCA 60 CGTCCATCAC GCANTTGGNA CCTACTNCAG TGTATTGTAA ACTTTTTCT CNN 113

配列番号:1725 配列の長さ:111 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01943

配列:

GATCCCAGAG GTCANGACCA AANCCAATCA GTGAAAATTC AACTNTAGCT GTGAAAACAT 60 TGCACTAACA GGAGCTATCC AACAATGGAC CAGAATGTTG ACAATAAAGT N

配列番号:1726 配列の長さ:113 配列の型′: 核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01944

配列:

GATCCCGCAG GTGGCACGTG ACAGCTAGGG TTCAAAACGT TCTCACCAAA TCCAATGCTC 60 CTCACATATT AATTTTATAA CCAGACAAAT AAATATTAGA GACAACCACC AAA 113

配列番号:1727 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01945

配列:

GATCTCAAAA TTCCAGAATT CCCTGTACAT CTNTCCACGT GCTTGTGCTC CAGGTGTGAC 60 109 TTGTAAACTG TCTAGTGTTT GCNTTAAATA AAATGGCACC GAGCATAAA

配列番号:1728 配列の長さ:329 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01946

配列:

GATCCGTATC GGTTTAAGAA GCGGACGGAG CTGTTCATTG CCGCCGAGGG CATTCACACG 60 GGCCAGTTTG TGTATTGCGG CAAGAAGGCC CAGCTCAACA TTGGCAATTT GCTCCCTGTG 120 GGCACCATGC CTGAGGGTAC AATCGTGTGC TGCCTGGAGG AGAAGCCTGG AGACCGTGGN 180 AAGCTGGCCC GGGCATCAGG GAACTATGCC ACCGTTATCT CCNACAACCC TGAGACCANG 240 ANGACCCGTG TGNAGNTGCC CTCCGANTCC AAGANGGTTA TNTCCTNAGN CATCAGNGCT 300 329 GTGGTTGGTG TGGTGGCTGG NGNTNGNCN

配列番号:1729 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01947

GATCTGTCAA TTTCTTTGTN CAGAATGATT TGAAGTATTG TATTCAGTTT ACATGCATTA 60 109 TTGGNTTATA ATNAATATCT AATGAAAATA CATGTTGTTA TATTGTAAA

配列番号:1730 配列の長さ:215 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01948

配列:

GATCAGCTGA TGGAGCTCCT GATTTGACAA AGGAGCTTNC CTCCTTTGAA TGACCTAGAG 60 CACAGGGAGG AACTTGTCCA GTAGTTTGGA ATTGTGTTCT TCGTAAAGAC TGAGGCAAGC 120 AAGTGCTGTG AAATAACATC ATCTTAGTCC CTTGGTGTGT GGGNNNTTTG TTTTTTTTT 180 ATATTTTGAG AATAAAACTT CATATAAAAT TGAAA 215

配列番号:1731 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01949

かが.

GATCGCACCG CCCCTCGCAG AGAGTGTATC ANCTGTTTTA TTTTTGTAAA AACAAAGTGC 60
TAAATAATAT TNATNACTTG GTTTGGTTNC AAAANCGGAT TAAATGN 107

配列番号:1732 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01950

配列:

GATCACTGTG GTNTTCATAT TTCTAAAATA AATGAATTAA AAANTTTAAN GNCTTAGATG 60 CTTATCTCTA TCATAGCTCA GAATGCAACT NCAATACCCC CATTCTN 107

配列番号:1733 配列の長さ:106 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01951

配列

GATCAACTGT ACGCCTTTGG TATCTGACCA TAAAGTCTTT TGCTCCGCTG ACATTTGGGT 60
GATGTCTTCA CATGGAAATA TAATAAAAAT AAAAATCTAG TTTAAA 106

配列番号:1734 配列の長さ:106 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01952

配列:

GATCGAGGCT TCAGTGAGAT ATGGCTGAGA CACTGCTCTC AGCCTGGATG ACAGAGTGAG 60 AACCTGTCTC AAACAAGAGA AAAAAATAAA TCAAANNCTA TTCAAA 106 配列番号:1735 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01953 配列: GATCTGAGGA GGCTTCGTGG GCTTTTGGGT CCTCTAACTA GGACTCCCTC ATTCCTAGAA 60 ATTTAACCTT AATGAAATCC CTAATAAAAC TCAGTGCTGT GTTATTTGTG CCTCATTTCC 120 151 CCAGGAATAG TCACTGCCTT GAGGAACCAA A 配列番号:1736 配列の長さ:106 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01954 配列: GATCCACCCA CCTNAGGCCT CCCAAAGTGC TGGGANNACA GNCGTGANAA CCACGGCTTC 60 106 GCCAACAATG GATTTTTAAA TTATTTCCAC GCTCACAAAA AACCTN 配列番号:1737 配列の長さ:106 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01955 GATCHANCCT CAACACCTAG TGCAATTCTT TTTACACATT AGGNACTTAG TAATTNGGGT 60 106 TGAATTGTGT TGAACTAACC TGGCGGTATA GGCAAAANTT GGAAGN 配列番号:1738 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01956 GATCTCCCAT TTCTAGGAAC CCCAGTCCTG CTTCTCCGCA ATGGCACATG CTTCCACTCC 60 105 ATCCATACTG GCATCCTCAA ATAAACAGAT ATGTATACAT ATAAA

配列番号:1739 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01957 配列: GATCCAAGAG ATATATTTGG CAACTTTTTC TAGAAAAGGC ACATTGGGTA TAATTCATTA 60 105 CATTCTTGAG TTTTTTTGGG TTTTTTTTTT TTTTTTTNGNG NNANN 配列番号:1740 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS01958 配列: GATCCAGCTG GAAAGCTGAA GTATTTCGAT AAACTGAATT GAGAAATACT TCTTCAAGTT 60 107 ATGATGCTTG AAAGTTCTCA ATAAAGTTCA CGGTTTCATT ACCNAAA 配列番号:1741 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01959 配列: GATCTTAAGG TATCAGTATT TCAGAATCCT GCGACGATTT TATTTCTAAA TTCATGTACT 60 GTATGTCCAT AAGTGAAAAT AAAATNTCAT ATTCTTTTCT ATNATTGGTA TCATTCAAA 119 配列番号:1742 配列の長さ:114 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01960 GATCCTTAGC TCTTTGCTCT ATGGCCCTTC CTCATCAGGG GACCGTTTCC CCCCTCTTCC 60 TTCACAGTAT TTAAGAAATA AAAGTCGGAT TTTNCTGGCT GCTTTCTCTC TAAA 配列番号:1743 配列の長さ:102 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: EUMGS01961 配列: GATCGCCCCA TTGCACTNCA ANCTGGACAG CAAGAGCAAA ACTCCGTNTC AAAAAACAAA 60 102 AACAAAANCA AACAAAAAN TTCCCCTGAG AGAAAACCTA TN

配列番号:1744 配列の長さ:101 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01962

配列:				
GATCACACAC TAAGAGAACG TTGA	TTGCCT CGGCTATTGT	GCTGGCTGGA	CACTTTGGTC	60
ACTTTTGAAG CATGTTAATA AATG	TCACTG ATTAAAACAA	A		101
配列番号:1745				
配列の長さ:100				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS01963				
配列:				
GATCCAAGTT TGAAAACAAT TTTA	GGCTAC TAGATATGAA	CAACATCTTG	ATTATGTAGT	60
TGAAGGAAAT TAAAGATGAA TGGT				100
3.	•			
配列番号:1746				
配列の長さ:99	•		•	
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS01964				
配列:				
GATCAAATTA AATAATTCAA GCC	CTGCCTT CAAAATGAAA	TTTTTTTTT	AGTATTATTT	60
AGCAAAANCA ATAAAACCCA AAT	TTTTTTA ACCATCAAA			99
配列番号:1747				
配列の長さ:97				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS01965				
配列:				
GATCACTTCA AGCAAGCCCC CAT	GATGGTT CTCAGTCCT	G CTTCTCTGT(	GGTACGTGCC	60
CCTCTGTTTA AAAATAAACT GAA				97
Olofoffili industrianis i din				
配列番号:1748				
配列の長さ:100				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS01966				
配列:				
GATCAAAATG AAAACCTGTT GAT	CTGAATT CAGTTATTG	A ACTTGTTAC	T TGTTTTTGC	60
AGAAATGTTA TTAATAAATG TC				100
INTERNITURE A STREET OF A STREET				

配列番号:1749 配列の長さ:95 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01967

配列:	
GATCTGATGT TCCTTTTATT TATAACAATG TTAAATGCAA TTGTCTTGTA CCTTGAGTTG	60
AGTATTACAC ATTAAAGTAA AGTACAAGCT GTAAA	95
配列番号:1750	
配列の長さ:94	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01968	
配列:	
GATCCAGAAG TAAATGTATC TNCAAGCTGA TTTAAATTGT AGATTTNNTC TTCATTGCAT	60
ATTTNCTGAT GTTGAATAAA GTCTGAGTAT TAAA	94
$\ell$	
配列番号:1751	•
配列の長さ:89	•
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	,
クローン名:HUMGS01969	
配列:	
GATCCAAAGT ATATTTTAC TGAGAATATA TCTGAAAAAA TTTGAATTGA GATTAAATTT	60
TTAAATGAAA TATATTTACT TTTTTTAAA	89
配列番号:1752	
配列の長さ:89	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUNGS01970	
配列:	60
GATCCTGGCC CCTCAACCTC CTGTGGAACC CAGCAGTTCT GTTATATCCC CTGCTACCCT	89
AGATGAATTA AGACGGTTAA ATACTGAAA	0.5
<b>新知典导,1759</b>	
配列番号: 1753	
配列の長さ:89 配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: KUMGSC1972	
配列:	
GATCTGTCTT GCTTATTGTT GCCCCCTGCG NCTAGCACAA TTCTGACACA CAATTGGAAC	60
TTACTAAAAA TTTNTTTTTA CTGTTTAAA	89
TINGINAAA TITRITTIIN OJUTTUUM	
配列番号:1754	
配列の長さ:87	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01973	

配列: GATCATATGG TAGTTTTGTT TTACTAATCT AAGGGTACTA GCATCTACAA TNATATAGAC AAAATAAAAT ATTTCTTTAA TGGCAAA	60 87
配列番号:1755	
配列の長さ:85	
配列の役合:60 配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01974	
から一つ名:nonusors is 配列:	
GATCTGTTTT CTCTAAAATC TTACCATATT GTCTGTATAT GGTTGTAAAT NCAAATGGAA	60
AGTA'AAACGT TTTGGCCCTG ATAAA	85
AUTHAMOUT TITUOOOTA ATMEN	
配列番号:1756	
配列の長さ:88	•
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01975	
配列:	
GATCCTGCTG GAAACCACGG CAACCTGTAT CCACTATTAG GAGGTAAAAA TCAATAAAAT	60
GGCCCATTCA TTTGTGTTGT AGCTCAAA	<b>88</b>
配列番号:1757	
配列の長さ:84	
配列の型:核酸	
トボロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01976	
配列:	60
GATCTACAAC ATATAAAATT GTGTATTTTC NTTTGGTTGT CCCTATTAAC AAAAAAGTAT	84
TTNAATAAAA ANTTGAAATG NAAA	04
配列番号:1758	
配列の長さ:82	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01977	
配列:	
GATCCCACTG TAAAATTGGA AATGGGCAGT TCTGAATTTT CACGTTTGAA ATGTAAAATA	60
TAAACTTCAG TCAATATCCA AA	82
配列番号:1759	
配列の長さ:82	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01978	

配列:	
ATCTGGACG TTCACGTGCA CTCTCTTCCT GTACAGTATT TATTGTTCCT GGCACTTTAT	60
TAAAGATAT TTGACCCTCA AA	82
配列番号:1760	
配列の長さ:81	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01979	
配列:	
SATCCTTACT CCTGCATTGT TCTTTGCCAG NGNCCTATTT AAAAATTTTA AAATTCTCAT	60
TAAAGTCAGC TTGGGTTTAA A	81
€ .	
配列番号:1761	
配列の長さ:79	,
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01981	
配列:	
GATCTAAAGA GAAAAGGGAG AAGAGGGAAA AAGGAAACAA AGGAGAAGAA AGAGGGAAAG	60
GAAAAAAAG AAAAAGAAA	79
配列番号:1762	
配列の長さ:79	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01982	
配列:	
GATCATGAAA GGTGATAAGC TCTTCTATGA TAGGGGAAGT AGCGTCTTGT AGACCTACTT	60
GCGCTGTTGT ACTCTGAAA	79
配列番号:1763	
配列の長さ:80	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: 90MGS01983	
配列:	
GATCAAATAT TTTGCCTTTN ACTNAAATCA GCCAGCCCAT NACCCCCAAT AAAGGGCAGC	
TGCCTCTGCT CCCTCTGAAA	80
配列番号:1764	
配列の長さ:79	
配列の型:核酸	
1 Him 21 I mar out the	

クローン名: HUMGS01984

配列:	
UNICAMILI CITAMOONI NOMONEMEN INTROMITIO INTERIOR	60
AGGTGTACTC TTTATCAAA	79
配列番号:1765	
配列の長さ:78	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01985	
配列:	
UNICIAUIGI CCITITIGIA CACIMBIONA GIGILLIAGIA NOTITITIGI 2101001-1111	60
AATNTCACTG AACTGAAA	78
<i>★</i>	
配列番号:1766	
配列の長さ:75	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01986	
配列: GATCTTTGTT TAGTTTCAAG TCTTTTTATA ACTAAATCTG CTGGCATTAG ACAATAAATA	60
CATTTTCAAA ATAAA	75
CATTITICAAA ATAAA	10
配列番号:1767	
配列の長さ:75	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01987	
配列:	
GATCATATAT ACTTGCATAA TATCATCCCT TCCCTTGATT TCTTTCAATC TAAAAAATAAA	60
TATGAGAAAA ACAAA	<b>7</b> 5
配列番号:1768	
配列の長さ:78	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01988	
配列:	
GATCGATATT AATGTATCCA ATGAAATAAT CGACTTGTNC TTGATAGCCT CATTAAAGCA	60
TTTGGTTTTN CACATAAA	78
配列番号:1769	
配列の長さ:74	
配列の型:核酸	

トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS01989

配列:				
GATCTGAGCC CCCAAGATGG AGAATGGGGA	GGAGCTTTTT	${\bf ATGGCGGACT}$	GATTAAAACT	60
CTTAAGCATT TAAA				74
配列番号:1770				
配列の長さ:72	•			
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS01990				
配列:				
GATCTGCTTG GCCTTGATAA GCTATGTTGT	TGCACTTTAA	ACATTTAAAT	TATACAATCA	60
TCAACCCCCA AA				72
2				
配列番号:1771				
配列の長さ:69				•
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS01991				
配列:				
GATCCTCCCC TTCAAATGAC TGTAATTAAC	AACACTTAAA	AAACTTGAAT	AAAATATTGA	60
AACCTCAAA				69
配列番号:1772				
配列の長さ:68				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS01992		•		
配列:				
GATCTATTCT GAAGCTGTTC ATTTTTAACA	AATAAAATGI	TACAGGTTTC	ACATGATTTA	60
TTCTCAAA				68
配列番号:1773				
配列の長さ:66				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状		•		
クローン名: KUNGSC1994			•	
配列:	. m. 100000000			60
GATCCGTAAC TNCGGGATAA GGATTGGCTC	TAAGGGCTGU	r AGAAGGAATG	AAIAAAAAA	60
AAGAAA	•			66
配列番号:1774				
配列の長さ:67				
記列の双C:01				

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS01995

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02000

配列:	
GATCCCATGT CTCTGCCAGG ACCAAGGCNG ATGTTTCCCC ACTAATAAAG TGCCGGGTGT	60
CAGCAAA	67
配列番号:1775	
配列の長さ:65	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS01996	
配列:	ca
GATCCTTTTT AATACCACAG CATTTGTACT GTTCCTTTTT AATATACTGA AAATATAAAA	60 cr
GGAAA	65
配列番号:1776	
配列の長さ:71	,
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01997	
配列:	
GATCCGATTA TITCTGCCAG TNTATTTTGG NCACTTTATA ATCATTAAAG CACTTTCTTG	60
GCAGGCNCAA A	71
配列番号:1777	
配列の長さ:72	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS01998	
配列:	
GATCTTACAA TAATGTTCCA CTCTGCAAAT TTTTAAGGTT CAAATAAAGT TTAATTGTTT	60
GCAAACTGTA AA	72
配列番号:1778	
配列の長さ:65	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS01999	
配列:	60
GATCATTGCA CCATGTCAGA CTTTTGTATA TNCCTTGAAA ATAAATGAAA GTNAGAATCN	<b>6</b> 5
TCAAA	UU
配列番号:1779	
配列の長さ:62	
配列の型:核酸	

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

配列: GATCCTGTCC TGATTCTCAA A AA	AATTATTTT	CTCTGTATGA	TTAAAAGTTT	ATTCCATTTA	60 62
配列番号:1780 配列の長さ:66 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02001 配列: GATCCCTTCA TTTGAATATT A		TCC ATTA A AC		тттссассаст	60
GCCAAA	MIUUUIIII	ICCATIAAAG	MIMMMIMI	IIIuunomi	66
配列番号:1781 配列の長さ:68 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02002 配列:	¥			. :	
GATCAAATTT ATAAGTTATT	TTAATTTTA	TTCTAAATTA	AATAAAAGAA	AGAATGCAAA	60
CCAGGAAA					68
配列番号:1782 配列の長さ:59 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02003 配列:		•			
GATCAATAAA GAGTAATTTC	TTGCTAAATA	AATAAAAGAA	ACCTTGTTGA	AAAACTAAA	59
配列番号:1783 配列の長さ:59 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02005 配列:	į	·		·	
GATCTGAATN ATGCACCCCA	CCCCCACCCC	AATAAAGAAA	TAACAGAAAA	CCCTCGAAA	59
配列番号:1784 配列の長さ:58 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02006 配列:					
GATCTTCATT TTTTTTTTA	AACTTGGCGT	TTTTTGAATA	AAAACCTTT:	C GTCTTAAA	58

配列番号:1785 配列の長さ:59 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02007

配列:

GATCTCAGTT GTAAATAGAA AAATCTAATT CAATAAACTC TGTATCAGCC CCCAACAAA 59

配列番号:1786 配列の長さ:52 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02010

GATCCAAAGT CATGTGTCCA CACATTCATA AATAAAAATT TTACCTATGA AA

52

配列番号:1787 配列の長さ:51 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02011

配列:

GATCCAGTGA AGCCAGAAGC CAAATAAACT CAAAAGCTGT CTCCCCACAA A 5

51

配列番号: 1788 配列の長さ: 54 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02012

配列

GATCCTAATT TATGCCTATG CAAAAAATAA ATAACGCCCA AGAGCTGTGG GAAA 54

配列番号:1789 配列の長さ:53 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02013

配列:

GATCGCCTAG TATGTTCTGT GAACACAAAT AAAATTGATT TACTGTCTGC AAA 53

配列番号:1790 配列の長さ:58 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02025

配列

GATCCGTAGT AATAAATTCT CAGAGGACTC AGCCTTTCCT GCGGGTCTGG AGCTCAAA 5

配列番号:1791 配列の長さ:597 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02039

配列:

GATCAGAGTC TCTTGGGCAT TTTATATTTT GCATTCTGAT GTACCTAGGA GTTTTGTTAA 60
ACAGATGATG TATGTNAGTA TTTATCCCAT TTTATGCAAT TAACCAAAATC AACCAAAAAA 120
AGTGACCATG AAGTCCTGTA TTTGTNTTTT TACTACATGT AGGAACTCTC ATGTGAATGA 180
GTACTGTAGT AATCCATTCT ATGGGAGCCT TATTTCAGAA ATATTTCAAA CTGGTGCAAA 240
TGGAAAAGAC TTTCTCTTTT CCTTTAAAGC TAAAGACAAG AATATCATGC TATACAGGTG 300
CAACTCAATC CCCGTTAATA AAAACCAATG TAGGTATAGG CATTCTACCC TTTGAAATAG 360
CTGTGTCCCA ACCTGTTGCC ATTGATTTTT TGGGAATGGC TTTAGGAAAT ATCCAAGTTG 420
TCCTTGGAAT TGTCTAACCA TGGNCATAAA CAGTTGTCTC CCTTCTACTT GTGTAGAATA 480
CTTTGGNCTT AATTTTCCTN CCAGATACAG GGGGGTACCT GCCTGTTTTT CNAAGGGTTT 540
ATTACTGGNG GTACCATTTG GTAGGATTGT TTTAAATAAA AAAACCTGGT TTTTAAA

配列番号:1792 配列の長さ:518 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02040

配列:

GATCCAAAAC TGGACCCTTG GAGCCGTCGA CTCACAGATG GATGACATGG ACATGGACTT 60
AGACAAGGAA AAAANNCAGG ACTTGAAGGA GCTCAAGGTG CTAGTGGCTG ACAAGGACCT 120
TCTGGACCTG CACAAGAGCC TGGTGTGCAC TGCTCTCCGG GGAAAGCTGG GCGTCTTCTC 180
TGAGATGGAA GCCAACTTCA AGAACCTGTC CCGGGGGCTG GTGAACGTGG CCGCCAAGCT 240
GACCCACAAT AANGATGTCA GAGACCTGTT TGTGGACCTC GTGGAGAAGT TTGTGGAACC 300
CTGCCGCTCC GACCACTGGC CACTCAGCGA CCGTGCGGTTC TTCCTGAATC AGTATTCAGC 360
GTCTGTCCAC TCCCTCGATG GCTTCCGACA ACAAGGCCCT CTGGGACCGC TACATGGGCA 420
CCNTTCCGNG GCTGNCTNCT GCGGCCTGTN ATCATGACTG AGGTGGCCTN CCAAANGTTN 480
CGCCCAAGGT TGACAATAAA GTTGCTCTGA GTTTGAAA 518

配列番号:1793 配列の長さ:513 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02041

配列:

GATCTGTAAT TTTAATTTTC ACCCTCTGTA CCCCATGACC TTATCCTTCC TCTCCTTCCT 60
TGTTACCCAT GAAAAACTGG CAACATTCCA AGAATAGCAT CTGTACAAAG GGGAAAGAAC 120

ATAAAGGTAA AACAAAACAA AACAACATTT TGAGAACAAA GATGACCATA ACCACTGAAG 180
GGAATCACAT CTTTTAAGAC AAATTCATAT TCTTTTATTT GTTATGGCAG ATGACAAGAT 240
GGTACAACCT TTATTCTTTT NCAAAATAAA ACAAAGGGCA CAGCATCTGT AGTCAGCCGA 300
CAACTATTNC GGCCTTTTGG GGGTNGGTCT NGCCGTACTT GTGATTTCGA TGGTACGTGA 360
CCNTNTTCTG GAAGGCTTGC CCCNTTGCCC GTGTACATAG GTGCATTGGT TNCTNTGGGA 420
GGGGCCCAAG NACTTTTNGG CNANNGTTGT ACTGGTATTG TNATGAAATT TNCGGTTGGN 480
CCTCTTGNNA NTTTTTTNTG CANGAANGNN GGN 513

配列番号:1794 配列の長さ:499 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02042 ,

配列:

GATCTCTTAA GAGATGATGG ACTCATGTAT GTCACCCGAC TTCGCAACAC TGGGGTTCAG 60
GTGACTCATA ACCATGTTGA GGATGGATTC CATGGAGCAT TTTCATTTCT GGGACTTAAA 120
ATTAGTCACA GACTTATAAA TCAGTATATT GAGTGGCTAA AGGAAAATCT ATAGTAAAAC 180
ATGTAGCTAT AACATATTT AAAAATAAAA TCTGAAAACC TCAGAAAATT TGCATTAGAA 240
ATTGGTCTTT CTTAGAATGG TCTAGTTAAG TTCCACATGT AGCATAATTC TTAAATAGGC 300
ACTTTTCTGT TTTTTTTTNC TNACTGTGGG ATTTCATNNC AATTTTCTAC ATTGTCTATC 360
TGCTTTTNCT GNGATTTTCC NCTTACACTG TTAATCTNAT TTTAAAAAAA TGTACATNCC 420
NNGNANACNT TAANTTTGGG GAGTTNGGCT ACNANTTNAC GGTTGCCAGG GGGNTTAAAT 480
GGTGGGGCCA ATTTTTAAA

配列番号:1795 配列の長さ:483 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02043

配列:

GATCAAAGCG CCACTGCCCT GCACTTCCTG GGCCGCGTGG CAACCCGCTG NGCACAGCAT 60
GAGGCCAGGG NCCCAGAACA CAGTGCCTGG CAAGGCCTCT GCCCNTGGCC TTTGAAANAA 120
AGGCCAGCAG CAGATAACAA CCCCGGACAA ATCAGCGATG TGTCACCCCC AGTCTCCCAC 180
CTTTTCTTCT AATGAGTCGA CTTTNNGCTG GAAAGCAGCC GTTTCTCCTT GGTCTAAGTG 240
TGCTGCATGG AGTGAGCAGT AGAAGCCTGC AGCGGCACAA ATGCACCTCC CAGTTTGCTG 300
GGGTTATTTT AGAGAATGGG GGTGGGGAGG CAAAGAACCA GTGTTTAGCG CGGGACTACT 360
GTTCCAAAAA GANTTNCAAC CGNCCAGNTT GTTTGTGAAA CAAAAAAGTG TTNCCTTTTT 420
CAAGTTTGAG AACAAAAATT GGGGTTTTAA AATTAAAGTA TACCATTTTT TGCATTTGNC 480
AAA

配列番号:1796 配列の長さ:481 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02044 WO 95/14772 PCT/JP94/01916

配列: GATCCAAAAC GCTTCGAGGC ACCCCAAATT ACCTGCCCAT TCGTCAGGAC ACCCACCCAC 60 CCAGTGTTAT ATTCTGCCTC GCCGGAGTGG GTGTTCCCGG GGGCACTTGC CGACCAGCCC 120 CTTGCGTCCC CAGGTNNNNA GCTCTCCCCT GGGCCACTAA CCATCCTGGC CCGGGCTGCC 180 TNGTCTGACC TCCGTGCCTA GTCGTGGCTC TCCATCTTGT CTCCTCCCCG TGTCCCCAAT 240 GTCTTCAGTG GGGGGCCCCC TCTTGGGTCC CNTCCTCTGN CATCANCTGA AGACCCCCAC 300 GGCAAACACT GAATGTCACC TGTGNCTGCN GNCTCGGTCC ACCTTGCGGG CCGTGTTTGA 360 CTAAACTTNA ACTTCTTTTA ACGGTAATAT TTCCGGCAAA AATCCAATGG TTTGGGTTTT 420 GGTCTTTTAA CNTTGTAAAC GGTTGCAAAT CCAAATAAAA GCAATTAAAA AGTCAATGAA 480 配列番号:1797 配列の長さ:462 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02045 GATCTAAAAG GGTTTTCTTA GAAAGGGCAA TATTGTCCAA TGAAGTAAGC AGAAGGACTC 60 TGGGTTAGAA GCATCTGCAC AAAAACTGGT GAGACCTACT CTCCACTGCT CTGCAGCTGG 120 ATGGCTGATG GCAGGCTGAG CAGTGGGGAA GCAGGTTTTA ACAACAGGGA GTCCTTCCAG 180 GTCACTGTAT ATTGNGAAGA AACATAAAAC TATTGTCTGT TACATTCCGA GGTCAGCCTT 240 CTNCTTAACG TTTTATAATA TGCAAATNCC AGCTTCTGGA AAGCANGTAT CATCATGTAC 300 CAAATGCTTT ATACACCATC ACATTCATGA NTTTTTNAGC ATGGTCAGAN CTTGTGTAAA 360 TATGTCTCTT AGGATGATTT TGGGGGAGGA TGTGATTTAT TTTCCATAAT TTCCAAANTN 420 GCATTTTCCA TTTCAAAATA AGGNTAATCT NTTGGGGCCA AA 配列番号:1798 配列の長さ:448 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02046 配列: GATCAGCCTG CAGCCATCCC CCGACCCTGC TGCTAGGCCA CGGTCTGCGC CCTGGGGCCT 60 CATCTCCCCC AGCCCACTTG TTTTCCCCCC TTTTATTCCC TAGGCCCTTT TCAGACTCCT 120 GGGCCCTTGG NNNCTCTTCT CCCATCTCCC TTCACAGGAT GACACCCTCC CATACCCCAT 180 AGCTGGGGCC AGCAGGTTCT GCTGAGGGTG GGGCTGGTGT AGGGACCCCC AAGAGACCCC 240 TGTCCTGTCC CTTCACCAGT CCTGGGGAGG CTGGGACTCC CCCTGCCACA AGCCTGGGCC 300 ACAGTTCACA TTCCACTGCT GGGAGAAGAA ACAGGCCGAG GCCCAANAGT GGCCTGCCCC 360 CGGGAGCCAA AGACCCNAGT GGCCACANTG GGATTAGGGT NGGGGAGGNT TGGNAGCGCT 420 448

配列番号:1799 配列の長さ:448 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

NTTTTTATAA ATATTATACA TAAGGAAA

クローン名: HUMGS02047

配列:

GATCTGGTTG GTGGATGAAC AAGTGTCACG CTGGCCATCT CAATGGNGTT TATTACCAAG 60
GTGGCACTTA CTCAAAAGCA TCTACTCCTA ATGGTTATGA TAATGGCATT ATTTGGGCCA 120
CTTGGAAAAC CCGGTGGTAT TCCATGAAGA AAACCACTAT GAAGATAATC CCATTCANCA 180
GACTCACAAT TGGAGAAGGA CAGCAACACC ACCTGGGGGG AGCCAAACAG GCTGGAGACG 240
TTTAAAAGGAC CGTTTCAAAA GAGATTTACT TTTTTTAAAGG ACTTTATCTG AACAGAGAGA 360
AAGACCCCAT GTTGGAAAAC TCCATACCAG TTTTATGCTG ATTGATAATT TATCTACATG 420
CATTTCAATA AACCTTTTGT TTCCTAAA 448

配列番号:1800 配列の長さ:432 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02048

配列:

GATCTGAATT ATCTGGCACC CTCCTGAATG GAACCCCAGA GTACCTCCTG TGTGGAAGGG 60
TCCTGGATTT TCCCTAACAC CCACCCTCTC CCCCTTCAGC CATGCTGATG GCAGAGAAGA 120
TAAGAACTTG GAGCCCATTT CTCACTGGAG AGGAAAACTT GTCATCTGGC TTTGCGGAGA 180
AGGTTCCACC TTACGCTCGT AGTACATTAT CTTTACTATG TGCTAGGATA TCATATTTAA 240
AAGGACAAAA AAATGTAAAA TACTTGAATG AGCTTGTATT ATANCATTAA TATTATNNNG 300
NGTATCTGCT TTCCAGGCTG AAGTGATTCA TTCATTATTC TAGTCCTGCT TTAGTCCTTT 360
GTAATTTGTG GTAATTATGC TTTTCTTTTT AATACAAAAA AATGTATAAA ATTAAACACT 420
TGAAAAAGGCA AA 432

配列番号:1801 配列の長さ:430 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02049

配列:

GATCCGNGCG AGGGCAACAG CGGNTCACCT ACAGCGCACT GTCGATGGCT GCACGAGTCA 60
CACCGGAGCC TGGGGCAAGA CAGTGATTGA ATACAAAACC ACCAAGACCT CCCGCCTGCC 120
CATCATCGAT GTGGCCCCCT TGGACGTTGG TGCCCCAGAC CAGGAATTCG GCTTCGACGT 180
TGGCCCTGTC TGCTTCCTGT AAACTCCCTC CATCCCAACC TGGCTCCCTN CNACCCAACC 240
AACTTTNCCC CCAACCNGGG AAACAGACAA GCAACCCAAA CTGAACCNNN TCAAAAGCCA 300
AAAANTNGGG AGACAATTTC ACATGGACTT TGGAAAAATA TTNTTTTCCT TTGCATTCAT 360
NTNTCAANCT TAGTNTTNTA TCTTTGANCA ACCGGANCAT GGCCAAAAAN CAAAAGGTGC 420
ATTCANCCTN 430

配列番号:1802 配列の長さ:428 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02050

配列:

GATCCCAAGG GAAAGATGAT TTGTATGTTA AAGTGACTGC ACAAGTAAAA GTCCAATGTT 60
GTGTGCATGA AAAGGATTCC TTGGTTATGT GCAGGGAATC ATCTCACATG CTGTTTTCC 120
TATTTGGTTT GAGAAACAGG CTGACACTAT TCTCTTTGAT TAGAAAATAA ACTCATAAAA 180
CTCATAATGT TGATATAATC AAGATGTAAC CACTATAAAT ATGTAGAAGA GGNCGTTTTA 240
AAAGACCTTA AGCTGGCATT GTGAAGGAAC ACCATGGTAG ACTCTTTTTG TAAATGTATT 300
TTGTATTTAA TGAAATGCAG TATAAAGGTT GGTGANGTGT AATATANTTG TGTAAACAAA 360
TCCTGTTAAT AGAGAGATGT ACAGAATCGT TTTTGGTACT GTATCTTGGA AACCTTTGTG 420
AAAATAAN 428

配列番号:1803 配列の長さ:401 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02051

配列:

GATCAAAACC AAACTGTTCA ATGTGACAGT CTGAAAATTA TATACTCTAC TTCATTCATG 60
TTACACTTTT TTCTACTCCT TACCTGCTTT TACTAATGCA TTTATCCCCA AGAAAACATC 120
CAACAATATG GGACTAATTT GGAACAATAT CCAGCAATTG GTATTTAAAT AATTTACTGG 180
TTACAAAACA ATATTATGAC CAGACTCCAT TTTAGAAAAA ATTAAATCTG CATCGAAAAG 240
GGCCTTAAAA AATAGATTC TAAAATCAAA ATCATGGTTG GCTCATGGGT GGGATTATTA 300
GTGTTCCTTA TAGTAGTTTG TCTGGATGTA CTTTCTGATT CTCCTGTAAT AAGCATGCAT 360
TGCTTTTGTA ATGNGGGAAT AATANACCAA TAAAAAGGAA A 401

配列番号:1804 配列の長さ:396 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02052

配列:

GATCCGGCTG CAAAATTCAT ACCAACCAAC AAATAAAGGA AGATACAAAG TCTTATAGAC 60
ATCCGGAAAA AAGATTTTA CCTGTGCTGG TCTATGATGT ATGTGGCAGT TGCTGTCTGC 120
AGTTTACAAT GTATTGTAAA TGAAGATTT TTAAATTCTA TCTTGCTGNT TNNNNTNNAA 180
ATATAAGAAA CTGGTACTTG GTAAAGAAAT CTGTCCGTAA GTACCCCCAC AATCAGTCAA 240
ACTATATTTA AAGCCAGCCT GTTTTCAGAG TATGATGTCC TTTAATGTAA ACTCAAATAT 300
CAATATTTTA AATGTCCGGA TAATATTCTA GAGGTTTAAA AAATGGAAAT ATTTGANCTT 360
TCTATTGAAG ACAATAAAGG TACACAAGTC GTTAAA 396

配列番号:1805 配列の長さ:392 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02053

配列:

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

GATCAAGAGC AGTGCTTCTC CATTTGTTTT GCAGAGAAAT GTTTTTCATT TCCCGTGTGT 60
TTCCATTTCC TTCTGAAATT CTGATTTAT CCATTTTTT AAGGCTCCTC CCCATCTCCT 120
TTCTTAAAGCC ACTGTTGCTA TGGCACTTTT CTATAACCTT TTCATTCCTG TGTACAGTAG 180
CTTAAAATTG CAGTGATTGA GCATAACCTA CTTGTTTGTA TAAATTATTG AAATCCATTT 240
GCACCCTGTA AGAATGGACT TAAAAAGTACT GCTGGACAGG CATGTGTGCT CAAAGTACAT 300
TGATTGCTCA AATATAAGGA AATGGCCCAA TGAACGTGGT TGTGGGAGGG GAAAGAGGAA 360
ACAGAGCTAG TCAGATGTGA ATTGTATCTG TN 392

配列番号:1806 配列の長さ:389 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS02054

配列:

GATCCTATTT GGTATGTTTT TGTCCACTGT TATGATTCAT CATGTATCTT ACAAGAGCCA '60
CTCAAGCAAG ACTCTGCTTC TATGTATGGT GAGGCCTTGT TGTTCTAGGC TAGAATAAAC 120
TCTTTGTATG CCTCAGTGAA TATGCCAGGT AAAATATATG CAGTCAAGAA TGAATTATTT 180
TTCTGACTAA AGTGTGTAGC AGTAAGTTCA AAATNGTGCC CTTGTTTTAA CAGTTTCTGT 240
CAACATCTTC TCATTTTTCC CTACAAAAAC ACCAGGGTGT ATTATAAGTA CTGCCTGTGA 300
GAATTTGCAC TTTATGTATT TGTGTGTGGG ATTTCTTGTG GTTTTAGCCA AATGAAGTGT 360
TATCNNTAAT AACCAGGTCT CTTCATAAA 389

配列番号:1807 配列の長さ:388 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02055

配列:

GATCCAATTG ATGTATATGT TTATATACTG GGTTCTTGTT TTATATACCT GGCTTTTACT 60
TTATTAATAT GAGTTACTGA AGGTGATGGA GGTATTTGAA AATTTTACTT CCATAGGACA 120
TACTGCATGT AAGCCAAGTC ATGGAGAATC TGCTGCATAG CTCTATTTTA AAGTAAAAGT 180
CTACCACCGA ATCCCTAGTC CCCCTGTTTT CTGTTCTTC TTGTGATTGC TGCCATAATT 240
CTAAGTTATT TACTTTTACC ACTATTTAAG TTATCAACTT TAGCTAGTAT CTTCAAACTT 300
TCACTTTGAA AAATGAGAAT TTTATATTCT AAGCCAGTTT TCATTTTGGT TTTGTGGTTT 360
TGGGTTAATA AAACAATACT CAAATAAA 388

配列番号:1808 配列の長さ:379 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02056

配列:

GATCTTTTCC ACCAGCACCC AGAGTGTCCT CTTTCTGGGC AAGGTCGTCG ACCCCACGAA 60 ACCATAGCCC TCCCAGGGCT GCTCATCTGT TCCAAGCAGG AGGATGTGGC AGGGGAGGGC 120 TGGGAGTGAG TAGCTCTGTG TTTAGAGTTG GGGACAAGGA TGACACCGAA GTCCAGGAGT 180

Part of the realism and the

CCAGGACAGC AGGTGCTGGC CGGTGGGGAG CGGGAGGGG CACTGAGATG GGCAGGGCCT 240
GGACATTCCA CACCCTGGTG CTGTGCAGCC TCTGGCAGAG CATCCGACCT CTTGGAGCAA 300
GTTTCTGCCT CTGGAAAGGG GGCGGCCCT TTTCACAACA GGCTGGTTTG TACCGAGTAA 360
ACAACACGNT GCCATGAAA 379

配列番号:1809 配列の長さ:379 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02057

配列:

GATCCTAGGG GGTTTTGTTT GGTTTTNAAT TGTGAGGAAT AAAAAATNTT CTGCCCACAC 60
TGGCATTTTA AGGTGACTGA GGTCAAACGT TGTTTCCTTA GGTTGAAATA GCAGCCAAAA 120
CATTCTTNAC GCAGGGGCTT GGGATATGGC TGCTGGCAAC ACATTTTGTT GTGGGCTCCT 180
TAATTTAATG ATAAAATTTA AGCTAAACAC AAGCCAAAAA TGAATAGGTT TTTTNAATTT 240
TNATTTTCA CTAAACAGGC AATTGAAATA CATGGTACAA AAATAAGTGG TAAGATAATT 300
GTAAAATGGA AATGGGCAGA NTATTCAATT TTCCATCTAT GNAAATTTC NCATTAAAAC 360
TCATAGNTTT CTTTGNAAA 379

配列番号:1810 配列の長さ:358 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02058

配列

GATCNGTTCA GCCCTGAAAA GTCCAAACTC CCAGGTATTG TTGCAGAAGG NCGAGATGAC 60
CTCTATAAAT CAGATGCATT CCATAAGGCA TTTNTTGAGG TAAATGAAGA AGGCAGTGAA 120
GCAGCTGCAA GTACCGCTGT TGTGATTGCT GGCCGTTCGC TAAACCCCAA CAGGGTGACT 180
TTCAAGGCCN CCNGGCTTNA AAAAGTTTTT ATAAGAGAAG TTCCTCTGAA CACTATTATC 240
TTCATGGGCA GAGTAGCCAA CCCTTGTGTT AAGTAAAATG TTCTTATTCT TTGCACCTCT 300
TCCTATTTTN GGTTTGTGAA CAGAAGTAAA AATAAATACA AACTNNTNNC ATCTCAAA 358

配列番号:1811 配列の長さ:358 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02059

配列:

GATCGTTTCT NATCTCNAAG TNCCTCATTG AGNTCGGTGC ATCTGGCCAN TGAGTCTGCT 60
GAGACTCTTG ACAGCACCTC CAGCTCTGCT GCTTTCAACA ACAGTGACTT GCTCTCCAAT 120
GGTATCCAGT GATTCGTTGA AGAGGAGGTG CTCTGTAGCA GAAACTGAGC TCCGGGTGGC 180
TGGTTCTCAG TGGTTGTCTC ATGTCTCTTT TTCTGTCTTA GGTGGTTTCA TTAAATGCAG 240
CACCTGGTAA TTTACTCTTN GAATAAATAA AAACTCGTTT GNCTTTGNCT TCTGCAAA 358

配列番号:1812 配列の長さ:344 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02060

配列:

GATCTATACT AGATAATCCT AGATGAAATG TTAGAGATGC TATATGATAC AACTGTGGCC 60
ATGACTGAGG AAAGGAGCTC ACGCCCAGAG ACTGGGCTGC TCTCCCGGAG GCCAAACCCA 120
AGAAGGTCTG GCAGNNNTCA GGCTCAGGGA GACTCTGCCC TGCTGCAGAC CTCGGTGTGG 180
ACACACGCTG CATAGAGCTC TCCTTGAAAA CAGAGGGGTC TCAAGACATT CTGCCTACCT 240
ATTAGCTTTN CTTTATTTTT TTAACTTTTT GGGGGGAAAA GTATTTTTAA GAAGTTTGCC 300
TTGCAATGTA TTTATAAATA GTAAATAAAG TTTTTACCAT TAAA 344

配列番号:1813 配列の長さ:338 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02062

配列:

GATCCAGTAG TAGAGACATC ATCGGTCCAA AAGACTTTGC ATCTCATTAG TTGTCCATAG 60
TGACTACCAG GAGGTGGCTG GCATCTATAA CGTGTGGGAC GTTTTTATGT AAAGAACTGC 120
CTGTGTTTTT TTTTTNAACC AAAGACACTG NCCATAGATT GACTTATACT TTTATAAGTC 180
TAATTGAAAT ACTTGGGGTA CTATGAAAGG NCTGTNCCTT GNGTGGCTAC GATTAGAAAA 240
TCAGGNCTAA CAAACTTTC TTTGTCTGGA NGCATATATA TTTGTGATAT AATTTNAATA 300
TGTATAATTT TGGTTTAATA AATCAAATCT ATGCCAAA 338

配列番号:1814 配列の長さ:336 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02063

配列:

GATCCATAGA ATGGATACTG GGAGACAATT AGTAGACTTT GCTACAGGTA GCCAATAGCC 60
CAGCCTGCAG AGTCACGTCA GATATGAAAT CCCAAAGTTC CTCCTGACTA TTGGCAACAA 120
CAATCACTAA CTGCTACTAC AAAAAGGTAA AACAAAAATG AACTTACACT TTCAAAATAT 180
CATTCATGTA TATTAAACAA ATACTTCTTG AGTGTCTACC CAGTGCCAGA CAGTGGTCTA 240
GGTTCTGGGA GGTACAGCAT CGTGGGCCAC ATGGTTAGAA GCTGAGTGTT CCTAACAAGG 300
AGGCTGATTT TGCTGCTCTA CTTTGCACTG GTTAAA 336

配列番号:1815 配列の長さ:335 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02064

配列:

328

GATCTGGATG '	TGGATGATGC	GCCTGGAAAC	AGTCAGCAGG	CAACTCCGAA	GACAACGAGA	60
TAAGCACCTT '	TCACAACCTC	GGGAACGTTC	ATTCCCCGCT	GAAGCTTCTC	ACCAGCATGG	120
CCATCTCGGT	GGTGTGCTTC	TTCTTCCTGG	TGCACTGACT	GCCTGGTGCC	CAGCACATGT	180
GCTGCCCTAC .	AGCACCCTGT	GGTCTTCCTC	GATAAAGGGA	ACCACTTTCT	TATTTTTTC	240
TATTTTTTTT	TTTTNGTAAN	CCGGNANACC	TCCTCCAGCC	ATGAGGNNGG	GGNNTANCCA	300
NGTGTNATGT	TTNGGAAANN	NAAATGGNAT	CTTTN			<b>33</b> 5
配列番号:1	816					
配列の長さ:						
配列の型:村						
トポロジー:						
クローン名:		5				
配列:		<i>&amp;</i> *	,			
GATCCATGTG	TAATATCACA	AGAAATTATG	GAAAAATATA	ACATAAAATT	AAAGTGGACA	60
AACCAACAAA	AGCTTTATTC	AAGAACAGGT	GACATAGTTG	AATTTGTTTG	TAAATCTGGA	120
TATCATCCAA	CAAAATCTCA	TTCATTTCGA	GCAATGTGTC	AGAATGGGAA	ACTGGTATAT	180
CCCAGTTGTG	AAGAAAAATA	GAATCAATGG	CATTACTATT	AGTAAAATGC	ACACCTTTTT	240
CTGAATTTAC	TATTATATTT	GTTTTCAATT	TCATTTTTCA	AGTACTGTTT	TACTCATTTT	300
TATTCATAAA	TAAAGTTTTG	TGTTGATTTG	TGAAA			335
配列番号:1	817					
配列の長さ						
配列の型: 村	亥酸					
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUMGS0206	6				
配列:						
				GCGTTTCAAA		
				ATCTCGGGGA		
				AAGCATCTCA		
				CCCACCCCAC		
CGAGCCCCTC	CGGNNGGAAC	ACAATCTCAA	. TCGTTGCTGA	ATCCTTTCAT	ATCCTAATAG	
GAATTAACCT	CCAÀATAAAA	CATGACTTGG	TAAA			334
配列番号:	1818			•		
配列の長さ	: 328	•				
配列の型:	核酸				•	
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUMGS0206	57				
配列:						
				TGGCAAATTI		
				TGAGTGGTGG		
				CCAAAAAGTO		
<b>ርርፕሮፕሮፕ</b> ሞልር	ATGTTCATGO	: AGAACTAGAC	: AGAATTACAC	: GAAAACCAGT	TACAGTTTCT	240

CCCACAACAC CTACATCTCC TACGGAAGGA GAAGCTTCTT GAAGATACCA AATAAAGCCA 300

TTTATTCTGT TTTCTGGGNT AATGTAAA

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

配列番号:1819 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02068

配列

GATCGGGGCT GCTTATGCCT TTCGTTTATC CTTGGGGTTT GAGAGCGCTG TATTTGGGAG 60
AGAGTTTAAA AATCATTAG GAGAGAAAA CCATTAAAAG TTTCACTGTC AGAGATATTG 120
TAGGTGCTAA TACTGGATTT CGTCTCANAT TTAATTTCTT TNATGGGTCT GTTAGTCATT 180
CANCAAATCC CATAAGTATG TGTTAATATT TNAATTGTGT AAAACTCATT TGTTACTTTA 240
CAGCCTGTAA TAGTGTGTCT GCATTTNCAA CCTGTTGCAA TAACTTTNCT GAAATATTAA 300
CACATTAATA AAACTTTTCT TAAACAAA 328

配列番号:1820 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02069

配列:

GATCAGAGAA GAGGCTACTG GGGGAGAATT CAGTGCCCCC TTCGCCCTCT AGGGNGCAGA 60
CCTCCACTGC CATTGTCCTG TNAGCCGCCA AANACCCCAC GGGGTGCCCG CATGTCCCTG 120
TCTANNNGCA GCCCAGGGCC CCCACTCCTG GCTCCTNACA CTTGCCTCC CTATGGCCGC 180
TCTCCAGACC CTCCTCTTT CTTCTCCCCA CATCCGCACC TGCTGTTCCC ACTCTGGGT 240
TCTCAAGTCC ATGAACAGAT ATTGTTGCAT TTTCCACAAT GCTGATTAAA CATAATAAAC 300
AATCCAGAAA AGCAGTTTTG CCCAGAAA 328

配列番号:1821 配列の長さ:319 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02070

配列:

GATCCAAAAG CCAGTCTCAG GAGTTTACCC CTGGGATGGG GGATGCATCT NCACCTGACT 60
TTGGGGCCAC GTGCCCTGTG GCACCCCAGC TCACTGGGAG TCTCAGGAGG GATAACCGGA 120
TTTNTGCTCT TTCCCCTGTC ACTCCCACAT CACACAGAAA AATGGCATTC CTCTCTGTCT 180
CTCCCTGGCA TGGAGAGGGC AGACTGTGCA CATTTCACTA GGGTCCAAAT ACAGAAGGGC 240
CCAGGGCCCA GGGGCTTGCA GCTTCGTGAG GGGTCTCTGG CCCAGTTTCC AATGAATAAA 300
GTTCTCTTGA CAGCTCAAA 319

配列番号:1822 配列の長さ:315 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02071 配列: GATCATCAGA TGGTCGAGTA CTCTTGGAAT GTCTCTTTGC TGTTTACTGT GGCCTCTTTA 60 CAATGGTGAG ACTTATTTCT ACCCTCTACT TTCCACTATT ATTNTTTTCC CCTATTGGAT 120 AATACTAGTC TGAGCAGCCC TAATACTAGA TGTACCTAAA CAGAGATACA AGCCAAGTCA 180 TTGTTCAGTG TAGTCATTTC TTAGTATCTG TTTATATTTT GTCACACATC AGAATGTATA 240 TTTTATAGAG CATGTGTTTG TCTACTNGTT TGTCTACTAT AATATGTCTT TAATAAAGCT 300 315 AAAANCATTC TGAAA 配列番号:1823 配列の長さ:315 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02072 デ 配列: GATCGCTTTT TTGCCGCTCA TATTTGAATG CATTGGGTTT CCTGGACCAG CTATTTGCAC 60 AAGACTAGGG GGAGGTTGAG GGTTGGCATA GCAGGCAGGG GCTGGGATAG ACATTCAACC 120 TAGCTNNNT TCATGCTCTT AAGGCTTTAT TTTTCTAGAA TGCCAAGAAA CCAACTTTCT 180 TTAAACATGA CTCATCTCTT CGATTTTCTT GTATAGGTCT TCCTCCCACC CCAAATCTAC 240 ACTTGTTAGA AACAGAATAA TTACCTTTGC TTACTCCATT ATCAACACTT GGAGATAGAG 300 315 ACTITACACT TCAGN 配列番号:1824 配列の長さ:332 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02073 配列: GATCGAAAAG GGACCCTGCT TCCAATTTCC CTCTTCCATT CCTCGAGCTA CTCCAGGGCT 60 TAGAAGAATG CTCTTGGTCT GTGGGTCCAG TGTTGTCTGT CATCCATTTA AGTGTTCCCA 120 CTTTCAAGTG ACAATCCTCT CCTTGGCCCT GCCATAGGGC AGAGCATGTN TGGCATAGCA 180 GCCTGACTTT NATGCCCTAA TCTTGAGTTG AGGAAATATA TGCACAGGAG TCAAAGAGAT 240 GTCTTTATAT CTGACTGTAT ATAAATGAAG TTTTTTNGTT TTTTTNGTTT TCCTTTTTGG 300 332 TGCAATAAAG TTTGTTTTGG CAGAAGGAGA AA 配列番号:1825 配列の長さ:311 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02074 / 配列: GATCAAGGCG CGGACGCTAT CTACGACCAC ATCAACGAGG GGAAGCTGTG GAAACACATC 60

AAGCACAAGT ATGAGAACAA GTAGTTCCTT GGAGGCCCCC ATCCAGGCCA GAAGGACCAG 120
GTCCACCCAG CAGCTGTTTG CCCAGAGCTG GAGCCTCAGC TTGAAGATGA TGCTCAAGGT 180
ACTCTTCATG GACCACCATT CGCTGTTGGC AAGAAACGGC TTTACTTACA AAACAGACTC 240
TTTACCTTCT GCTGTGTTTG AAGTATGTTT AGTCAGCATG CTCAGGAAAT AAATGTGAAT 300

TGCCCTTGAA A 311

配列番号:1826 配列の長さ:309 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02075

配列:

GATCTAGTGT TTGGAACGGA CGTTACCTGC TGGTTTGTGC ACAACAGTGG AAAAGGATTC 60
ATTGACGGGC ATTACAAGGA TTACTTCGTG CCTNAGCTCT ACAGCTTTCT CAAACGGCCT 120
TAAAGGTTTA TAGTTTGGGA AATTATATAT TATTATACAT CTTTCCCCTG TCACTTTTGC 180
AGATATTCTT CGGTNCCNAT AATTAAAATG AACCAGATAT CAGGGTGGTT AATTAAAATG 240
AACCAGATAT CAGGGTGGTT TATAAAAGCCT GTAAACACAC CTNAGAAAAT ANACATTTTA 300
CANATGAAA 309

配列番号:1827 配列の長さ:301 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02076

配列:

GATCATGAAT AACTGATTAG TAAGTCTTGC CTATATTTTC CTGATAGCAT ATGACAAATG 60
TTTCTAAGGT AACAAGATGA GAACAGATAA AGATTGTGTG GTGTTTTGGA TTTGGAGAGA 120
AATATTTTAA TTTTTAAATG CAGTTACAAA TTATAATGTA TTCATATTTG TACTTTCTGT 180
TAAAATGCAT GATTGCAGAA TTGTTTAGAT TTTGTGTTTA TTCTTGATGA AAAGCTTTGT 240
TTGTTCTTGT TTTTAAGTTT GCACTCAAAT CTTAAGAAAT AAATCCACCC ATGTTATCAA 300
A 301

配列番号:1828 配列の長さ:298 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02077

配列:

GATCAGTGAA CTCTGGTTTT AAGATAATCT GAAACAAGGT CCTTGGGAGT AATAAAATTG 60 GTCACATTCT GTAAAGCACA TTCTGTTTAG GAATCAACTT ATCTCAAATA GTAACTCGGG 120 GCCTAACTAT ATGAGATGGC TGAAAAAATA CCACATCGTC TGTTTTCACT AGGTGATGCC 180 AAAATATTTT GCTTTATGTA TATTACAGTT CTTTTTAAAA CACTGGAAGA CTCATGTTAA 240 ACTCTAATTG TGAAGGCAGA ATCTNTGCTA ATTTTTCAGA TTAAAAATTCT CTTTGAAA 298

配列番号:1829 配列の長さ:293 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02078

配列番号:1833 配列の長さ:285

## PCT/JP94/01916

配列:				
GATCCCTTAT CCAACATGGT TCTA	AACCTTC AGTACTAAAG	AAGATGCAGT	TTCCTTTGCA	60
GAAAAAATG GATGGAGCTA TGNG	CATTGAA GAGAGGAAGG	TTCCAAAACC	CAAGTCCAAG	120
TCTTATGGTG CAAACTTTTC TTG	GAACAAA AGAACAAGAG	TATCCACAAA	ATAGGTTGGC	180
ACTGACTATA TCTCTGCTTG ACTO	GTGAATA AAGTCAGCTG	TNCAGTATTT	ATAGTCCATG	240
TATAATAAAT ACATCTCTTA ATC	TCCTAAT AAATTGGACC	TTTAAACTAC	AAA	293
지되죠요 1000				
配列番号: 1830				
配列の長さ:291				
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状				
/ パロシー: 直頭(人 // グローン名: HUMGS02079				
<b>配列:</b> ・			•	
GATCANNATT TGAAAAGGNT TTC	TACAAAT TNGCCCTAAC	AACTACTACC	ΛΑΛΑΤΩΤΑΛΟ	60
TNCTAATCAA GGGTGATGCA CAG				
CCTTTGCCTT CAACTGTATA TGC				
NTTTTAACTG CAACTTTCTA TAA				
GCTCTAGGGA AACCTTCAAA NGC				291
GUICIAGGIA AACUITCAAA NGC	ANIAMAA AIGCIGINII	GAAATGCCAA	n	231
配列番号:1831				
配列の長さ:288				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02080				
配列:				
GATCTGGGCC TGAATAAGGG TTA	TCGAATG GTGGTGAATG	AAGGTTCAGA	TGGTGGACAG	60
TCTGTCTATC ACGTTCATCT CCA				120
TAAGCACGTT TTGGGGATAA TTT				
AGTATGTTAA GTAACACACT TAT				
AAAACCGCAT ACATAATAAA AGA				288
配列番号:1832				
配列の長さ:288				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02081			•	
配列:				
GATCCAGCCT TAATNTTTTT CTG				
TCAGACTTAA TACTGTNAGG AGA				
TCTCGCATCA TGTCTGCATT TTA				
ACAAAAACCC AGGACATTTT TGG	GAAATTGT ATGCTCTCTA	GCAACTTTGT	GTGAATTTTT	240
ATACAAACAC TGTTCTATGA GTT	PATATAAA ATGTTATAAA	ACTAGAAA		288

TO AND THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02082

配列:

GATCCTGAGA ACTTCAGGCT CCTGGGCAAC GTGCTGGTCT GTGTGCTGGC CNNNCACTTT 60
GGCAAAGAAT TCACCCCACC AGTGCAGGCT GCCTATNAGA AAGTGGTGGC TGGTGTGGCT 120
AATGCCCTGG CCCACAAGTA TCACTAAGCT CGCTTTCTTG CTGTCCAATT TCTATTAAAG 180
GTTCCTTTGT TCCCTAAGTC CAACTACTAA ACTGGGGGAT ATTATGAAGG GCCTTGAGCA 240
TCTGGATTCT GCCTAATAAA AAACATTTAT TTTCATTGCA AGAAA 285

配列番号:1834 配列の長さ:282 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02084

配列:

GATCTCATGG GCTTTCCCTG GAGGAAAGGT TTTTTTTGTT GTTTTTTTTT NAAGAACTTG 60

AAACTTGTAA ACAAGAGATG TCTGTAGCTT TTTTNCCCAT CTGTAGTGTA TGTNAAGATT 120

NCAAAACCTG AGAGCACTTT TCCTTTGTTT AGAATTATGA GAAAGGCACT AGATGACTTN 180

AGGATTTNCA TTTTNCCCTT TATTGCCTCA TTTCTTGTGA CGCCTTGTTG GGGAGGGAAA 240

TCTGTTTATT TTTNCCCTACA AATAAAAAGC TAAGATTCTA AA 282

配列番号:1835 配列の長さ:279 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02085

**配 50 ·** 

GATCTTAAGC TTTGATAAGA GCTGTGCTGT GGCTGAGTAT GGTGTGTATG TGAAGGTGAC 60
TTCCATCCAG GACTGGGTTC AGAAGACCAT AGCTGAGAAC TAATGCAAGG CTGGCCGGAA 120
GCCCTTGCCT GAAAGCAAGN CTTCAGCCTG GAAGAGGGCA AAGTGGACGG GAGTGGACAG 180
GAGTNGATGC GATAAGATNN GGTTTGAAGC TGATGGGTGC CAGCCCTGCA TTGCTGAGTC 240
AATCAATAAA GAGCTTTCTT TTGACCCAAA AAAANTAAA 279

配列番号:1836 配列の長さ:275 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02086

配列:

GATCCATAGT GCTACCTGCA CCTCTGGATT CTGGATTCAC AGACCAAGTC CAAGCCCGTT 60
CTTACGTCGC CATAAAGGCC CCCGAACGGC ATTCTCGGTA CTTCTGTTTG TTTTTGTACA 120
TTTNATTAGA AAGGACTGTA AAATAGCCAC TTAGACACTT TACCTCTTCA GTATGCAAAT 180
GTAAATAAAT TGTAATATAG GAAATCTTTT GTTTTAATAT AAGAATGAGC CTGTCCAATT 240
TCTGCTGTAC ATTATTAAAA GTTTTTTATTC ACAAA 275

配列番号:1837 配列の長さ:269 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02087

配列:

GATCCGAAGA GGAACTCCTG GTCATCTTTA ACAAGAAAAT CAGCAAGAAC CCTACCTTTA 60
AGTTATTAAA GGACAAAGTC AAGCTTGTGA AATGAACATT TGTGTATTTA AAANTTGAAT 120
CCATTCTGCT GACTTCTTAC TTTCACTGCT GTTTATAAAA TGTGTAATGA ATTCTAACAA 180
CTCAAATTTT GCTTTTTGAC GCNGTATTTT TANGTTANGN AAATAATTT NTGGTATAAC 240
TTTTATGCGA NAAATAAAAT ATATTCTGN 269

配列番号:1838 配列の長さ:268 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02088

配列:

GATCTCATTG TTTATTAACC TGTATTCTGT TTACATGTCT TTAAAACAGT GGTTCTTAAA 60
TTGTAAGCTC AGGTTCAAAG TGTTGGTAAT GCCTGATTCA CAACTTTGAG AAGGTAGCAC 120
TGGAGAGAAT TGGAATGGGT GGCGGTAATT GGTGATACTT CTTTGAATGT AGATTTCCAA 180
TCACATCTTT AGTGTCTGAA TATATCCAAA TGTTTTAGGA TGTATGTTAC TTCTTAGAGA 240
GAAATAAAGC ATTTTTGGGA AGAATAAA 2668

配列番号:1839 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HVMGS02089

配列:

GATCTATCTA AATATATTAA GTAAAATTAC ACCATTCACT TGTTGGGAAA ATAATCTTTG 60
GTTTGGAAGA TATTAACATA ATGGGCATCT TAGAATCATA AATCACATGA AATGAGAGAC 120
AATGCAATAT TGTATAAATTC CTGGATGATG CAATTGTTTT AATTGANTTT TCAAGTGCCA 180
TTATAAAAGTT TTAAAAAATTA TCAATATGAG TTGGTGCCTA ATTTTTNNTT TCCTAAAAAT 240
AAAATTTTTC CTTTTTATGA GTAAA 265

配列番号:1840 配列の長さ:261 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02090

配列:

GATCATAAAA CCTTCATTCC ATAGGTACCC TTTATCCTCA CAGATACAGA GACACCAAGA 60 AGAATCTGGA CAAATAGGAC TTGCTAAGTT CTCCACAGTT TATTACCATT AGATTATGTC 120

CTTTTGTNCT CTGATTATAC TTCTGCATAA GACTGTACAT AAAANTACAC AAGTTTTCCT 180 ATTTNTTTTT TGTCTTCATT TCTGAAGATT CCTGTCATGT AAAACTTACA GTAAATAAAT 240 GTGTGTGCTT TTNTCAATAA A 261

配列番号:1841 配列の長さ:263 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02091

配列

GATCAGGTTA GGGCGAGCGC TACCTCTCCA GCCTCAGCTC TCAGTTGCAG CCCTGCTNAT 60
GCCTGCTTGG ACTTGGCCCC TGCCACCTCC NGCCTCAGGT GTCCGCTATC CACCAAAAGG 120
GCTCCCTGAG GGTCTGGGCA AGGGACCTGC TTCTATTAGC CCTTCTCCAT GGCCCTGCCA 180
TGCTCTCCAA ACCACTTTTT GCAGCTTTTT CTAGTTCAAG TTCACCAGAC TCTATAAATA 240
AAACCNGACA GACCATGAAC AAA 263

配列番号:1842 配列の長さ:264 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02092

配列:

GATCAGAAAG AAACCTTTTG TAGCAATATC AAGAATCTAG TTTCATCTGA GAACTTCTGA 60
TTAGCTCTCA GTCTTCAGCT CTATTTATCT TAGGAGTTTA ATTTGCCCTT CTCTCCCCAT 120
CTTCCCTCAG TTCCCATAAA ACCTTCATTA CACATAAAGA TACACGTGGG GGTCAGTGAA 180
TCTGCTTNAN NATCCTGAAA GTTTCTGGGG CTTAAGATTC CAGACTCTGA TTCATTAAAC 240
TATAGTCACC CGTGTCCTGT GAAA 264

配列番号:1843 配列の長さ:246 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02093

配列:

GATCAAATGT CACACAGCAG TTTCCTTGCA ACACTTTCAG CTCCCCATGC TCCAGAATAC 60 CCACCCAAGA AAATAATAGG CTTTAAAACA ATATCGGCTC CTCATCCAAA GAACAACTGC 120 TGATTGAAAC ACCTCATTAG CTGAGTGTAG AGAAGTGCAT CTTATGAAAC AGTCTTAGCA 180 GTGGTAGGTT GGGAAGGAGA TAGCTGCAAC CAAAAAAGAA ATANATATTC TATAAACCTT 240 CAGAAA 246

配列番号:1844 配列の長さ:243 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02094

配列:

GATCTGTGTG CATGTNTGTG TTTGTGTATA TATACATATC TAGGGCTAGT ACTTAGTTTC 60
ACACCCGGGA GCTGGGAGAA AAAACCTGTA CAGTTGTCTT TCTCTNATTT TNAATAAAAT 120
AGAAAAATCG CGCACTTGCG GTCCCCCCC CACCCCCTT TTTAAACAAG TGTTACTNNN 180
NCCGGGAAAA TTTTNCTGTC TTTGTAATTT TAAAACTTTA AAATAAATTG GAAAAGGGAG 240
AAA 243

配列番号:1845 配列の長さ:240 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02095

配列:

GATCTAGTGA ACATTCGACC TCCATTACGG AGAGTTTCCT ATGTTTCACT GTGCAAATAT 60
ATCTGCTATT CTCCATACTC TGTAACAGTT GCATTGACTG TCACATAATG CTCATACTTA 120
TCTAATGTTG AGTTATTAAT ATGTTATTAT TAAATAGAGA AATATGATTT GTGTATTATA 180
ATTCAAAGGC ATTTCTTTC TGCATGTTCT AAATAAAAAG CATTATTATT TGCTGAGAAA 240

配列番号:1846 配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02096

配列:

GATCTAAGCA GCGTTCCCAC AGCCCCCTCT AGATTCTTGG AGTTCCGCAG AGCTTACTAT 60
ACGCGGTCTG TCCTAATCTT TGTGGTGTTC GCTATCTCTT GTGTCAAATC TGGTGAACGC 120
TACGCTTACA TATATTGTCT TTGTGCTGCT GTNTGACAAA CGCAATGCAA AAACAATCCT 180
CTTTCTCTCT CTTAATGCAT GATACAGAAT AATAATAAGA NTTTCATCTT TAAATGAAA 239

配列番号:1847 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02097

配列

GATCCATCCT CTCTCCTAGC TGAGTAAATC CGGGTCTCTA GGATGCCAGA GCAGCGCACA 60
CAAGCTGGGA AATCCTCAGG GCTCCTACCA GCAGGACTGC CTCGCTGCCC CACCTCCCGC 120
TCCTTGGCCT GTCCCCAGAT TCCTTCCCTG GTTGACTTGA CTCATGCTTG TTTCACTTTC 180
ACATGGAATT TCCCAGTTAT GAAATTAATA AAAATCAATG GTTTCCACAA A 231

配列番号:1848 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02098

配列:

GATCCAAAAT GCTGACAGGT TCAAACAAAA TTGGAATTGA AAATCAGAGT GCGTTCAAGA 60 GTATCAAACA ATACTATCTT GTTACTTGCT TATTACCTTA GTAGACTGGA AGCAACACTT 120 CACACAAAAA AAGGGTTTGG ATGTAATTTC GGATAAGAAG AGATGTTTCT GTAAAGTCTT 180 TCCTGAGANG CATATTATTT GAGAAAAACA CATATTTCTG TTTTTAGTAA A 231

配列番号:1849 配列の長さ:228 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02099

配列:

GATCTACCAT GTAAAATGTT GTAGAGATAG AGCCATATAA CGTCACGTTT CAAAACTAGC 60
TCTACAGTTT TGCTTCTCCT ATTAGCCATA TGATAATTG GCTATGTAGT ATCAATATTT 120
ACTTTAATCA CAAAGGATGG TTTCTTGAAA TAATTTGTAT TGATTGAGGC CTATGAACTG 180
ACCTGAATTG GAAAGGATGT GATTAATATA AATAATAGCA GATATAAA 228

配列番号:1850 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02100

配列:

GATCTACCGG CCCCGCTGGG GTGCCCTTGG GGACTACCTC TCCTTCACCA TACCCCTGGG 60
CACCCCCTGA CAACTTCTGC ACATACTGGG GCCCTGCTTA TTNTCCCAGG ACAGGCTCCT 120
TAAAGCAGAG GAGCCNGTNC TGGGAGCCCC TTCTCAAACT CCTAAGACTT GTTTTCATGT 180
CCCACGTTCT CTGCTGACAT CCCCCAATAA AGGACCCTAA CTTTNGGNNN TNNAAA 236

配列番号:1851 配列の長さ:227 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02101

配列:

GATCTATGGT TTCTGCCTAC CCAGGATAGT CTTGTCTCTA GACAATGTAT TGATGATGCA 60
AATGTTCTGG AACTAAATAG TGGTGATGGT GGCACAACAC TGTGAATGTA CTAAATGTCA 120
CTGATTTGTA CGTATTTAAT ATGAATTAAA TGTTAAAATG GTGAATTATA TTTATGTATA 180
TTTNACCATA ATAAAAATAT GCATTGGAAG ATGCATTTTT TGTGAAA 227

配列番号:1852 配列の長さ:229 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02102

配列:

GATCTTTGGA CCAGTTTCTA GCAAAGTTGT GTTTGAAAGA TACTCTATTA AAGAAGACTG 60
TGGAATCTTT TTATCGGTGC CCATTATATC CTTAAGTTTG GATATTTAGC TGACCTTCGC 120
TTTAACATAG GTCTAATTTA TTTGCCGTGT CATTTTCCAT ACAAATCAGT TGATTTAAAA 180
AAGTTCATTT CTCATACTGT GCATTAAAAT AAAAATTTGA ACAATTAAA 229

配列番号:1853 配列の長さ:224 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02103

配列:

GATCTCCTGT TTTTTTCAGG CTCCTAAAGT AACATCAGCC ATNTTTNAGA TTGGTTCTGT 60
TTTCGTACCT TCCCACTGGC CTCAAGTGAG CCAAGAAACA CTGCCTGCCC TCTGTCTGTC 120
TTCTCCTAAT TCTGCAGGTG GAGGTTGCTA GTCTAGTTTC CTTTTTGAGA TACTATTTTC 180
ATTTTTGTGA GCCTCTTTGT AATAAAATGG TACATTTCTA TAAA 224

配列番号:1854 配列の長さ:223 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02104

配列:

GATCAAGGCC GGACCCCACT GCCCCACTGC CCAACTGATA GCCACGCTGA NNGAATGGAA 60 GGAAAATTTG CTTGGACCTG CAAGCCCCGC TGTACAAGAA AATAATTAAG AAACTTTTGG 120 AGAGTTAGCT ACTAGCTGCC TACGTGTGTN CATTTGCTAT ATAGCATACT TCTTTTTTCC 180 AGTTTCAATC TAACTGTGAA AGAACTTCTG ATATTTTGTG TTN 223

配列番号:1855 配列の長さ:227 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02105

配列

GATCCTAGTA ATTGCCTAGA AATATCTTTC TCTTACCTGT TATTTATCAA TTTTTCCCAG 60
TATTTTTATA CGGAAAAAAT TGTATTGAAA ACACTTAGTA TGCAGTTGAT AAGAGGAATT 120
TGGTATAATT ATGGTGGGTG ATTATTTTTT ATACTGTATG TGCCAAAGCT TTACTACTGT 180
GGAAAGACAA CTGTTTTAAT AAAAGATTTA CATTCCAAAA AAACAAA 227

配列番号:1856 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02106

配列:

GATCTATACA AAGTCTTTGA GAGGTGTTAA ATATGGTTAT TTATGCACTG TGGGATGTGT 60

TCTTCTTTCT CTGTATTCCG ATACAAAGTG TTGTATCAAA GTGTGATATA CAANGTGTAC 120 CAACATAAGT GTTGGTAGCA CNTAAGACTT ATACTTGCCT TCTGATAGTA TTCCTTTATA 180 CACAGTGGAT TGATTATAAA TAAATAGATG TGTCTTAAA 219

配列番号:1857 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02107

配列:

GATCAAGAAA GACAAAAAGC CAGCCTGCAG CAAGCACTTT GGAGAGCAAA TCTGNAAAGA 60 GAGTAACGCG GAGTGTCAAG AGGTGTGCAG AAAATCCAAA GAAGGCTGAG GACAATGTGT 120 GTGTCAAGAA AATAAGAACC AGAAGTCATA GGGACAGTGA AGATATTTGA CAGAAAAATC 180 GAACTGGGAA AAATATAATA AAGTTAGTTT TGTGATAAA 219

配列番号:1858 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02108

配列:

配列番号:1859 配列の長さ:217 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02110

配列:

GATCTGAAGA AATTACCAAA CATTAAAATG AGANAAATTT GCGCTAATGA TGCAATTCCC 60
AAGACGTGCA AGAGGAAAAC TATTATAACT GTAGACCAAG ATTTGGGGGA ATTGGAACTA 120
AACGATGAAT CAAGTGATTC AGATGAGGAA ATGACTGCAG TGGCCTAATT GTCTTCACTT 180
GAATTGAAAA TAAATAATTT GAGAGCTTCA AATTAAA 217

配列番号:1860 配列の長さ:216 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02111

配列:

GATCCATTTC TTTAAAATAC TGACATATAG AGTTGTACCT TATATAGAAT ATAGTTGTAT 60 CTTGAAGTCA ACATATTAAA TTATTCTCAA AATTATGTAT TTNCAGATTG TACTTGTAAG 120

TTTCAAAGAA AAATTACCGT CTTTTCATAT TGACCTGGAA ACTAAATAGG ATGTGATTCA 180 GCTACATTAA TTTCTTAATA CAATCTAGGA AAGAAA 216

配列番号:1861 配列の長さ:213 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02112

配列:

GATCCTTTTC TTGAAAGAAT AACAGAAAAT GTGTCATCCA TTTTTCAGAA TATAACCACT 60
CAAGCTACTG GCACATAGTG AAAGATTACT TCTGACATTC CATTNCTCTT CTTTTGAAAA 120
TTAGTATNGT AATTAAATGT ACTTTTTGAA AATTAATAGA ATTATTTAAA TTACAGTATA 180
TGTNGCAAAA TATATCACTT TTGATACAAT AAA 213

配列番号:1862 配列の長さ:210 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02113

配列:

GATCTATCTC ATCAAACAAC ACAATGAAGA TATTTTAGAG TACAAAAGAA GAAATGGGCT 60 GGAATAAACT TTTGAAACAC TAATGTAGTA TGCTCCGTAT AGTGATTGTA GCTGTTCCTC 120 TGGATTCACC ATCTGTTGAG TTGTAAATGT GNGANAAAAA GTTATATGTG AATATATATC 180 AAGCCAGCAT TTGTATTTTG CATCATTAAA 210

配列番号:1863 配列の長さ:209 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02115

配列:

GATCGGGGCT GCCAGAGGGN TAGAAGCGAG GGCACCAGCA GTTGTGGGTG GGGAGCAANG 60
GAAGAGAGAA ACTCTTCAGC GAATCCTTCT AGTACTAGTG GAGAGTTTGA CTGTGAATTA 120
ATTTTATGCC ATAAAAGACC AACCCAGTTC TGTTTNNNNC TGTAGCATCT TGAAAAGAAA 180
AATTATAAATA AAGCCCCAAA ATTAAGAAA 209

配列番号:1864 配列の長さ:208 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02116

配列:

GATCTGGAGC AACAGCTAGG AAATATCATT AATTCTGCTC TTCAGAGATG TTAAAAATAA 60 ATTACACGTG GGAGCTTTCC AAAGAAATGG AAATTGATGG GAAATTATTT GTCAAGCAAA 120 TGTTTAAAAT CCAAATGAGA ACTAAATAAA GTGTTGAACA TCAACTGGGG AATTGAAGCC 180

AATAAACCTT CCTTCTTAAC CATTCAAA

208

配列番号:1865 配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02117

配列:

GATCTATACT TAGAATGCAA TGTNGACAGA GGGCAGTTAA AATATCCAAG ATGTATTCCA 60 AGACAAAGCA AACAAACAAC TGGAAGTGGT AATCAATTCA ACAGGCCTTC TGAATTNTCT 120 GAAGCNAAAG CAACGTTTGC CATNNGATAT TTGTGACACT TTGGCAAATG GAAAAATAAA 180 CCAATTTATA CGTGCAATAA A 201

配列番号:1866 配列の長さ:200 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2118

配列:

GATCATGAAG GTATCCACAC TTCCCCTTGC ATTTCCTTCT TAACTCTCTG TTACACGTCA 60
TTGAAACTAC ACTTTTTTGG TCTGTTTTTG TGCTAGACTG TAAGTTCCTT GGGGGCAGGG 120
CCTTTGTCTG TCTCATCTCT GTATTCCCAA ATGCCTAACA GTACAGAGCC ATGACTCAAT 180
AAATACATGT TAAATGGAAA 200

配列番号:1867 配列の長さ:202 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02119

配列:

GATCACATTT TGAAATGCCT AAAAGACTTT ATTGTTCTAA TTATCCAGAT GTACCTTTGT 60
AAAATAGCTC TTTTATGAAT TAGCTGATAA GGCTGTATGT TTCTGGAACA AAATATTGGT 120
CATCTAAAAN CTTTCTGTTT NCTGGGGTCT GGGAAAATAG AAAATAAGAT TTCAAATATT 180
AAATAAGCTT AANGGCACCA AA 202

配列番号: 1868 配列の長さ: 200 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02120

配列:

GATCAGGCCC TTCTTCCCAC AGCAATAGTC CCCAATACGT AGATTTTTGC TCTTCTGTAT 60
GTGACAACAT TTTTGTACAT TATGTTATTG GAATTTNCTT TCATACATTA TATTCCTCTA 120
AAACTCTCAA GCAGACGTGA GTGTGACTTT TTGAAAAAAG TATAGGATAA ATTACATTAA 180
AATAGCACAT GATTTTCAAA 200

配列番号:1869 配列の長さ:194 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02121

配列:

GATCTNTNTG TTCATTGTAT TCTTTTTNTC TCAAGAGTTC CATTTAATGG AAATAAAACG 60 GTATAATTAA TAATTGTCTA GGGGGGAAAA ATGAAGCAAA TNTCATTGGA TATTTTTAAA 120 GGTCTCCACA GAGTTTATGC CATATTGGAA TTTTGTTGTA TAATTGTCAA ATAAATATTT 180 TGGTGANGCA TAAA 194

配列番号:1870 配列の長さ:190 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02122

配列:

GATCCAATAC TATTTAGTTT ATTATTGAAA TTGGAAGGAT TCATTGAGCA GCATAGAAGT 60
TTGTTTACAT GTTACTTTGA GATGCTAGGT ATTTGTGGAA TTAAAAAGAA TCAGGCTCTT 120
TTGTACTNAN TTTTTAAATC TGTGATGCTT NTCAAATTTA ATTCATAAAT AATTGATGCA 180
ATTTCATAAA

配列番号:1871 配列の長さ:188 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02123

配列:

GATCGAACAG TTTTGAAGCT ACTGTGTGT TGAATGAACA CTCTTGCTTT ATTCCAGAAT 60 GCTGTACATC TATTTTGGAT TGTATATTGT GTTTGTGTAT TTACGCTTTG ATTCANNAGT 120 AACTTCTTAT GGAATTNATT TGCATTGAAC ACAAACTGTA AATAAAAAGA AATGGCTGAA 180 AGAGCAAA 188

配列番号:1872 配列の長さ:184 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02124

配列:

GATCCTATTT ATTTGTTTAG GCCATCTTTA ATTTCTTTCA GCAGTGTTTT GTAGTTTCCA 60
TTAGAGATTT TCCATGTCNT TTGTTAAGTT TATTCCTAGG TATTTTATTT TTTATGGTAT 120
TNTATTATAA TCCTNNGATG TCTATTATAT AGAAATATAA TTNATTTTNG TTATTGACTG 180
NNNN 184

配列番号:1873 配列の長さ:181 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02126

配列

GATCCAAGTN CTGACTTTC CCCCTGACAG CTGTGTGACC TTCGTGAAGT CGCCAAACCT 60 CAAATGAGCC CCAGTCATTG CTAGTAAGAC CTGCCTTTGA GTTGGTATGA TGTTCAAGTT 120 AGATAACAAA ATGTTTATAC CCATTAGAAC AGAGAATAAA TAGAACTACA TTTCTTGCAA 180 A 181

配列番号:1874 配列の長さ:181 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02127

配列:

GATCTTAAAT TTTCTCATCT CAAAAAAATA TGTAAAGTGA TAGATATGTT AAATAGCTNN 60
TATGTATTTC GCAATGTGTA GTGTATATAT ATAAACATCA CACAGTACAC CATAAATATA 120
TTTAATTTTT GTCAATTACT CTTTAAACCT TAATAAAGTT GATAAAACAT TCTTTTTTAA 180
A 181

配列番号:1875 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02128

配列:

配列番号:1876 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー;直鎖状 クローン名:HUMGS02129

配列:

GATCCGGGAG CACACCGTTT CCTGATTGCT CAGGGACTCA TCTTTCCCTC CTTGGTGATT 60 CCGCAGTGAG AGAGTGGCTG GGGCATGGAA GGCAAGATTG TGTCCCATTC CCCCAGTGCG 120 GCCAGCTCCG CGCCAGGATG GCGANGGAAC TCAATAAAGT GCTTTGAAAA TGCTGAAA 178

配列番号:1877 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02130

配列:

GATCATTCTC CGAAAGCAAC TCCTGACAAT TAAGCATTTT TTTCTCCAAA TACAAAGTAT 60 ATTCTCTTTA TTGGAAAATA AATTAATAAA TATATTCTGT ATTTTNNCTC TCCGTGAAAA 120 ACAAAAGAGC CTCTGACATT ACTGTCTCTC AGTGTTGGTT CAGATTGAGG CTTTN 175

THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF

配列番号:1878 配列の長さ:172 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02131

配列:

GATCAATCCT TCTTATGTTT GCTTTAATGT GTATTGAAGA AAAGCACTTT TTAAAAAGTA 60 CTCTTTAAGA GTGAAATAAT TAAAAACCAC TGAACATTTG CTTTGTTTTC TAAAGTTGTT 120 CACATATATG TAATTTAGCA GTCCAAAGAA CAAGAAATTG TTTCTTTTCA AA 172

配列番号:1879 配列の長さ:170 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02132

配列:

GATCTGATTG TTTAAAAGTA CACAGCACCT CCCTCCCCAC TCTCTCTTGC TCCTGCTTTC 60
ATCAAGTGAA AACTCCCTGA GGCCTCCTCA GAAGCTGAGT AGAGGCCAGC ACTATGCTTC 120
CTGTACAGCC TGTGGAACCA TGAGGCAATT AAACCTCTTT TCTTTATAAA 170

配列番号:1880 配列の長さ:168 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02133

配列:

GATCAGAAAA ATTCATCTTT TTTAACCCTG CCCTAATTTT TCTTGAGGAA TTAAATAGAG 60 CAAACTATTT TCAGGTTATG CTTACAATAA AATATACTTA AGAAAATGAC TGAAGATGTA 120 TGTTTTTGAA TGTTTTGATT AAATAAATGT ACACATTTAG AACACAAA 168

配列番号:1881 配列の長さ:168 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02134

配列:

GATCAGCCTC CCTGTAAGCC AGTTATCAGT ATCCAAGTGC TTTAACACAG GCTTCTCAGA 60 AGAAATCATT TTTATTCCTA CCATTATTTC ATACCAAAGC ATCATTATGT GCTACAGTTC 120

CAATTTCTTA CACAAGAATG AAAAGGGTTA CCAATGCAGC AAGTTAAA

168

配列番号:1882 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02135

配列:

配列番号:1883 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02136

配列:

GATCCTTGAT GAGCCAACAT TGCACTGTGG ATACATATCT ATGTTTACGC GCTATTAGAA 60 CAGAAGGCGC TGTATATAGA AATGTTGCTT TGAAGCAATA TTTGCAAAAC ACNCAGACTN 120 CAGNATCTGT ATTTGGAAAA AATAAAACAG GTTCTTGTTG CTAAA 165

配列番号:1884 配列の長さ:168 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02137

配列:

GATCTGACCT CCACGGAGCC GCTGTCCCCG NCCCCCTTGC TTCCCGTCTG TCTGTCCTGT 60
CTGATTCTNT TAGGTGTCAT GTTCTTTTT CTGTCTTGTC TTCAACTTT TTTAAAACTA 120
GATTGCTTTG AAAACATGAC TCAATAAAAG TTTCCTGNCC AATTTAAA 168

配列番号:1885 配列の長さ:163 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02138

配列:

GATCACGATG GCTTCACAAG CCAGCTGTTG GGTTTGCTAT GTCACTGTGG CTCAGTCACA 60
TCCCTGCGTG TATACTGTCT GCGGGGCACA TATGTATCCA TTTAGAGCTA AAGGAATCAG 120
TGTACACTAC AGCTAATCCT AATAAATCCG ATGTTTTCGG AAA 163

配列番号:1886 配列の長さ:159 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02139

配列:

GATCTAGCAG CATGCAAACA CATCACCTAA ACTACAAAAG AAAGGTCCTC ACTGTCTCTA 60 AAAAATAAAC TCATTAACTT TGAGTTATTT GCAGACAGCC AAATCACCCA GGGCAACTTT 120 AAAGAGTCAG AAAATAAAAC TTTCCCGTTG TATGACAAA 159

配列番号:1887 配列の長さ:154 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02140

配列:

GATCATGGAG GAAAAAGGTA CTGGATAAAA GTAAACTTCA AACCTTAGGG CGGGANACTA 60 AAACCAAAAT ACATGTATTA TTTATAGAAA ATATTTTCTG TTTTAATCTT TTCTNTTTAA 120 ACAAGGACTC ATACTTAAAA AAATGTTTAG CAAA 154

配列番号:1888 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02141

配列:

GATCTCTGAT GACCTAACCT AAGCAAAACC ACTGAGCTTC TGGGAAGACA ACTAGGATAC 60
TTTCTACTTT TTCTAGCTAC AATATCTTCA TACAATGACA AGTATGATGA TTTGCTATCA 120
AAATAAATTG AAATATAATG CAAACCATAA A 151

配列番号:1889 配列の長さ:150 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02142

配列:

GATCTATATT CTTCTTAATT TTTATGGCTA TATTTAATGT TTTCCATCAT TGTGCCTTTA 60
AAAAGTATAT GTACATGTAT GCATAAATTT ATGTGAAGTT ATATATANGN NTCCGTTATT 120
CCAGATTAAA GTTTATCTTT AGTAATCAAA 150

配列番号:1890 配列の長さ:149 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02143

配列:

GATCAAAAAT ATGTGACCTT AATGAGATTT TTATGATTTC TAAAGTAACA ATAAAAGCAG 60 TTTTTAGAGT TGAGTTCCAG AGAGGGCAGG GCAATGGCAG TNACATGTTT GTCATTTTAA 120

## TAATAAATAA CATCTATTGA GTNCTTAAA

149

配列番号:1891 配列の長さ:148 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02144

配列:

GATCCGCGGG GACCCTGCCG AGGGGGCTGT CATGCGGTTT CCAAGGTGCA CATTTNCCAC 60
GGAAACAGAA CTCGATGCAC TGANCTGCTC CGCCAGGANA GTGAGCGTGT AGGTNCCTGA 120
GGAATAAAAT GTTCCGATGA TGTGGAAA 148

配列番号:1892 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02145

配列:

GATCCCCGTT CTTCAAGCTT CTCTGCTCAG TGTCTACTAA CGACCGACAT TTGCTAATGT 60
AAATAATAGT AAATNATTGA GAATTCTAAT TCTTTTACAC AGTCTGTTTT TAATCTATTT 120
TAATTAAATA AAATCTATGA CTCTAAA 147

配列番号:1893 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02146

配列:

GATCTGGGAG TAAACTTAAC ATTCACTGTG TCTCTGCTCT GCATCCGCCA TTTGTGTGTG 60
TTTCTGGACT GTGGCTGTG TGTACCTTGG TTGGTGACTC AGTGAGAAGA AGCAGGAATN 120
CCAAAGATAC TGTGAATNTT CTGAAA 146

配列番号:1894 配列の長さ:144 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02147

配列:

GATCTAAATG TCTAGTTTTG TATTCTTTTG TGTGTGTTCA CTGTTTCTCA GTATTACCAC 60
TTGAATAATT CTCTGTACAG GGGGGTTTGT GCTATACACT GGGATGTCTA ATTGCAGCAA 120
TAAAGCCTTT CTTTAAAAAG GAAA 144

配列番号:1895 配列の長さ:141 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02148

配列:

GATCTTGGAA ATGCTTGAAG ACCACAAGGC TGAAAAGTGC TTTGCTGGAG TCCTGTTCTC 60
AGAGCTCCAC AGAAGACACG TGTTTTTGTA TCTTTAAAGA CTTGATGAAT AAACACTTTT 120
TCTGGTCAAT GTCAAANNAA A 141

配列番号:1896 配列の長さ:142 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02149

配列:

GATCCAGATA AACTTTCCTG TCATGTGTTA GAACTTTATT ATTATTAATA TTGTTAAACT 60
TCTGTGCTGT TCCTGTGAAT CTCCAAATTT TGTACCTTGT TCTAAGCTAA TATATAGCAA 120
TTAAAAAGAG AGAAAGAGGA AA 142

配列番号:1897 配列の長さ:133 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02150

配列:

GATCAAAGTG TGGGATGNGC TGCAAGACGT AGAACCTACC TGCCCTGCCC CCGTCCCCNC 60 CCTTCCTTAT TTATTCCTGC TGCCCCAGAA CATAGGTCTT GGAATAAAAT GGCTGGTTCT 120 TTTGTTTTCC AAA 133

配列番号:1898 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02151

配列:

GATCTAAGTT GCATCTTTAA TCCTGGTGGT CTTGCCTTCT GATTTTTAAT TTGTATCCTT 60
TTCTATTAAG ATATATTTGT CATTTTCTCT TGAATATGTA TTAAAATATC CCAAGCAATC 120
CAGTAACAAA 130

配列番号:1899 配列の長さ:247 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02152

配列:

GATCGAGGAG ATGCCCTCTG AACGCCTGTC CCGGAGCACC CGCCAGCGGG CAGCCTGTGC 60 CCAGCTCAAC GACTTCCTCC AGGAGTATGG CACTCAGGGG TGCCAGGTCN TNAGGGCTGC 120

"这一些一种一种的"一种的大学的

CCTCCCACNN CCGCTGGGAG GAACCTNAAC CTGGGAACCA TGAAGCTGGA AGCACTGCTG 180
TGTCCGCTTT NATGAACACA GCCTGGGACC AGGGCATATN AAAGGCTTTT GGCAGCAAAG 240
TGTCAAA 247

配列番号:1900 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02153

配列

GATCTTCCTG CTACCCTCTT GGATTCTAAG TGGTTCCAAG CTTAACTTGA GACCTTCCCT 60
TCAAATCTAA AATTGGCAAA AAGTCACTTA AAATAGTGGA CTTCTGTAAT AAAGGTTGCC 120
TAAAATAACA AA 132

配列番号:1901 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02154

配列:

GATCTACAGG TTNCAATTCA ACCTGTTTCT AGGTTTTTTT GTAAATTTAG TTTTGATTAA 60 GCATTATAAG CATTTGAGTC TATAAACTTT ATAGTAGCAT CTTTCAGAAT AAACATTTTT 120 AATTGAAA 128

配列番号:1902 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02155

配列:

GATCCATGAG TTTGCCCTGG TTTCACTGGC CCAAGTGGTT TGTGCTAACC ACGTCTGTCT 60
TCACAGCTCT GTGTTGCCAT GTGTGCTGAA CAAAAAATAA AAATTATTAT TGATTTTATA 120
TTTCAGGGGA AA 132

配列番号:1903 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02156

配列:

GATCCAAGAC AGAATAATGA ATGGACTCAA ACTGCCTTGG CTTCAGGGGA GTCCCGTCAG 60 GNCGTTGAGG ACTTTTCGAC CAATTCAACC CTTTGCCCCA CCTTTATTAA AATCTTAAAC 120 AACGGAAA 128

配列番号:1904

配列の長さ:126 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02157

配列:

配列番号:1905 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02158

配列:

GATCTACAGA TGAATATTTA ACTCAATAGA AAAATTATTT TAGAACACAT TGTATTGGTA 60 TTACAACCAG ATTATATTCT TGACGTTGAC TTCATTAAAA TTATCTACAA TTTCCTAATA 120 AA 122

配列番号:1906 配列の長さ:121 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02159

配列:

GATCTCATGG ATACAAACAG GTGACCTTGC CAATTGGTGC TTTTTGTGTG TTTAAGAAAA 60 GAACAGTAGT AACCTTGCTC CCTGGNTACC AATAAAAAAT CTATTATTT TTTAAAAGAA 120 A 121

配列番号:1907 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02160

配列:

GATCTGACCC CTGTCAGATG NAAATGATTC ACAGCTCTGG CAGTTCCCAA GTCTGGGGAG 60 GGGTATAGGT TTGAAAGGCT GTTTGAAAGA GGAATGTTTA ATAAAGGCTT TGATTTAAA 119

配列番号:1908 配列の長さ:121 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02161

配列:

GATCCCAGCT GGCCCCTATG TTGTGTTCTG NGACTGAGGC CTTTGCTGTG AACTGCAGTG 60

TTTCATACGA ACCATCTTTC CTAGTGCATG AGAAATAAAG ATTATTTAAG TAATGAGGAA 120

配列番号:1909 配列の長さ:116 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02162

配列:

GATCTCACTT TTCAGGAAAC TTAAAAATTTA CCCATTATTG GGAAGCTTAA ATGAATTGAA 60 GCTATGCAAG TCTTTTATAT TATTAAATAT TTAAAAGTAA ACCTGTACTA ATCAAA 116

配列番号:1910 配列の長さ:116 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02163

配列:

GATCGATATG CTCATAAAAG TGCTCAATTA TATTTNCTGT ATTTTGTATG NTGTATTTTC 60 CAAGACGTAT ATTATTTTAC TATTAAAGAA AAAAATCATT TTTTTTTCCC GAGAAA 116

配列番号:1911 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02164

配列:

配列番号:1912 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:EUMCS02165

配列:

GATCCACTTC TACTTAATGA GTAGTAAATA TATTTCNTTT TCCTTATGAT TTTCTTACTA 60 TTTNCTTTAG CTTGCTTTAT TATAAGANTA TAGCATATAA TATAAATAAA ATAAA 115

配列番号:1913 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02166

配列: GATCCAGAAA TTGTGAACAA TGTTTGATTT AGTAGCGTGA CTTGCCTTTC CCTTTAAAAA 60 CATCTTTTAC AAATCTGTCT TGGAATAAAG TCTATTTTCT GCCTTTTGGA AA 112 配列番号:1914 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02167 GATCCTAATT GCCTAGAAAT ATCTTTCTCT TACCTGTTAT TTATCAATTT TNCCCAGTAT 60 TITTATACGG AAAAAATTGT ATTGAAAACA CTTAGTATGC AGTTGANNNN GN 112 配列番号:1915 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02168 配列: GATCAACCGT GAAGCGTAAC AAATTCTGTA TTTAGTTTTT TTTTCTGTTG TGGTGGTTTT 60 TGTTTTGTTT TTTGTTTTTG TAAGATTCTA AATAAATNAA ATACGAGTCA AA 112 配列番号:1916 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02169 配列: GATCAAGACT NCAGTTTGGG AATGCATGGA CACCGGATTT GTTTCTTATT CCTTCACTTT 60 TGGGGAAAAT CTCNCCNTNT TTAAAAAGTG ATAAATTTGG TGTTAGGTCA AA 112 配列番号:1917 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クコーン名: HUNGSC2170 配列: GATCAACGCG ACTGTATTTT GAAACATTCC AGGAAGGTTA CTTCTTGTCA AACTTGCCTG 60 GCAGTGTTTG TTCAAANCTT GTATTTAATA AATGANCATC TGACTTTACA AA 112

配列番号:1918 配列の長さ:162 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02171

配列:						
GATCTATCTT	AAGAAGTGAC	CAGGAAAGAG	GTTCATTGAA	ATAATCATGC	ATGAAGCGCC	60
AAAGATGCAC	CATGTAGAAT	TTTCACTTTG	TACTGGCAGG	CTCGTTTTAC	CTGATTCTAG	120
AATATTTAAG	AATCTAAAAA	TAAAGGGCAA	CTCTGACTTA	AA		162
配列番号:	1919					
配列の長さ	: 111					
配列の型:	核酸					
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUMGS02172	2				
配列:						
<b>ØATCAGGGAA</b>	CTAAGCATTA	TGTGAATTCA	CCAGCAAGAT	GTACAGNACG	CCTGTNTTTA	60
CATTGTTTTT	ATGGAACTAG	<b>GAGAATAAAN</b>	CATCTATTTT	AAAAATGCAA	A	111
配列番号:	1920					
配列の長さ	: 275					
配列の型:	核酸					
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUMGS0217	3				
配列:	•					
GATCTGCGAG	GAAGCCGCCT	ACTCCAACCC	CAGCCTACCT	NTGGTGCACA	NATCCGTCCC	60
ATAGCAAAGC	CCCTGCACAG	ACTCCAGCCG	AGCCCACACC	TGGNTATNAG	GTGGGCCAGC	120
GGAAGCGCCT	CATCTCCTCG	GTGGAGGACT	TCACCGAGTT	TNTNTGAGGC	CGGGGCCCTC	180
	TGGCCTTGGA			ATAAATAAAG	TCCTGACCCT	240
AGTGCACAGA	CATAGAGGCA	CAGATTGCAG	TCAAA	•		275
配列番号:	1921					
配列の長さ	: 114					
配列の型:	核酸					
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUMGSO217	4				
配列:						
GATCAGGACA	GAGACTTGGG	GGCCATCCTG	CCCCTCCAAC	CCGGACATGT	GTACCTCAGC	60
TTTTTCCCTC	ACGTTGCATC	AATAAAGCTT	CTGTGTTTGG	AACAGNTAAA	CAAA	114
配列番号:	1922					
配列の長さ	: 108					
配列の型:	核酸					
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUMGS0217	5				
配列:						
GATCCCAAGC	NTCCCGTCCC	TTGGAAAGTN	CAGCCAGAAT	CTNCGTCCTG	ACCCCCGACA	60
GCCCAGCCTA	GCCCACTTGT	CATCCATAAA	GCAAGCTCAA	CCTTGAAA		108

配列番号:1923

配列の長さ:272 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02176

配列:

GATCCCCCAG GTTCAGACTG AGCTCCCCCT TCCCAGTAGC TCTTGCATCC TCCTCCCAAC 60
TCTAGCCTGA NTNCTTTNCA ATAAAAAATA CAATTCAAGT TGCTTCTCAT GGATGGCACT 120
GCTTTCCTGA GGACTCAAGG TGCCAAGATG GAGGGGCTGA CTCAGTCCAG CCAACNTTTA 180
ATGAGNACCT ANNNGGTGTA TGGAGCTCTA ACCCATGGGT CCATGGGAAT AAAGCAGTGA 240
ATAGTAACAA TAAATAATTG TAACAGCANA AA 272

配列番号:1924 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02177

配列:

配列番号:1925 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02178

配列:

GATCAACTTG TGCTTGCCAG AGGACGCCAA TGAAGTTTGA AACACCAACA ATCAGAGATT 60
TTGTTTCTGT TCCTCATTAA ATCATGAGCT TTTGTGCCGA GAAA 104

配列番号:1926 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02179

配列:

GATCGTGTGT GTAGGTGGTG TTGTGTGGTT TTCCTTTGTG AAGGAGAGAG GGAAACTATN 60 TGTAGCTTGT TTTATAAAAA ATAAAAAATG GGTAAATCTT GAAA 104

配列番号:1927 配列の長さ:103 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02180

配列:

GATCCTCCCA CTTCCACCTC CCAAGTAGCT GTGGCTACAG GTGTGTGCCA CCATGTCCAG 60

	•				
CTGATTTTNG TATTTTNAGT	AGGGACAGTA	TTTCTCCATG	AAA		103
配列番号:1928					
配列の長さ:106					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02181					
配列:					
GATCTAAATC TCATTTTATG				ACGTTTTGAT	60
TTTTGGAAAC ACATCAAAAT	AAATAATGGC	GTTTNTTGTA	TGCAAA		106
配列番号:1929					
配列の長さ:272	<i>:</i> '				
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状				•	
クローン名:HUMGS02182					
配列:					
GATCTGGACG AATGATACCA					60
TGATTGTNTT GTGTCTTGCA					
ATCTGAAATA CCTGAGATGC					
GTATCTNATT TACTGTTAGT			TGCACCTGGC	ACACAGTAGG	
CACTCAATAA ATATGTATTG	ATTAAAANCA	AA			272
配列番号:1930					
配列の長さ:171					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02183	}				
配列:					
GATCTACAGC TCCTGGATAA					
TGCCATTACC AATAAATCAT					
TCTTGACACA TGCAATTGTA	AATAAAAGIC	ACCACTTTTG	CCAAGCTTAA	Α .	171
配列番号:1931					
配列の長さ:99					
配列の型:核酸				•	
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02184	1				
配列:					
GATCATACCA CTGCACTCTA			CCCTGTCTTG	AAAAAAATAA	
ATAAAATAA ATAAAATAAA	AACTGGCACT	ACGTTTAAA			99
配列番号:1932					

配列の長さ:99 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02185

紀列:	
BATCTGTGTC TTAAAACTTA CTGGAATGGA AATCTATGAA TTATTGCAAA TT	
GGAAACAAAA AATAAATCCT TGGTTAAAGG GTTTGTAAA	99
配列番号:1933	
配列の長さ:99	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS02186	
配列:	
GATCCTGACA CTCTANCACT CGACTCTGCT GCTCATGGGA AGAACAGAAT TI	
TGCAACTAAT TCAATAAAAC TGTCTTGTGA GCTGATAAA	99
配列番号:1934	
配列の長さ:90	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGSO2187	
配列:	
GATCTTGACT TATATTCTGT ACCACATACA CTTCTGTGGA CTTTTAGCAT T	
ACTTAATAAA GCATGTATAA AAGTGGCAAA	90
配列番号:1935	
配列の長さ:91	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGSO2188	
配列:	
GATCAGGNTG CGGATAGACT TGTAAGGGTG TTTGCTGCAT ACAGTGTAAG C	
GCCAATAANC TTCAATGGTT TCTACTGNAA A	91
配列番号:1936	•
配列の長さ:91	·
配列の型:核酸	•
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS02189	
配列:	
GATCTTTCGT NTTTCTAAGC GACTCTACTT TCATTGTTTG CCAGCNTAGC T	
TGCCCAATAA AGCTNGTGTA CGTNCTGCAA A	91
配列番号:1937	
配列の長さ:86	
配列の型・核酸	

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2191 配列: GATCTTACAT CTGCAGCTCT TTCTTCTTTG AATTTCCTAT CTGTATGTCT GCCTAATTAA AAAAATATAT ATTGTATTAT GCTAAA	60 86
配列番号:1938 配列の長さ:86 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02192 配列:	
GATCATCAGT GTTCCTTTTT ACTTATAAAG TTGGATTCTT TTTTAGAATT TGTAATAAAT AAAAACTGCT GCTTTACCAC TGTAAA	60 °3
配列番号:1939 配列の長さ:91 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02193 配列:	
GATCTACCCT GCCTGTACTA CTCTAGGGAG TATGCTGGAG GCAGAGGGCA AGGGAGGGG' GGTATTAAAC AAGTCAATTC TGTGTNGTAA A	Г 60 91
配列番号:1940 配列の長さ:84 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02194 配列: GATCATGAGT GACCCAGCTG TCTCACGTTG TTTATTCTGC GTCCCCTTCT CCAATAAAA	C 60
AAGCCAGTTG GGCGTNGTTA TAAA	C 80
配列番号:1941 配列の長さ:79 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2195 配列: GATCCCCATG CCTAGCAGAG TGCTGGCACT TAGTAGGTCC TCAATAAATA TTTATTAAA	
配列番号:1942 配列の長さ:78	

配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2196				
配列: GATCCAATCC CATAGACAGC TCTGGGCCTC AGTATTTTGG AAAGCAAA	TTGCATTTGA	GTTTTTTAGA	ATTAAACTGC	60 78
配列番号:1943 配列の長さ:77 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2197 配列: GATCCACTAA GGAAATGTTT TAACAGCTAG	2. <b>ል</b> ሮልቦር ልርፕሮር	<b>ጥፕሮ</b> ቦቦፕሮል ልል	. ይይይሳይ የተገኘባ የተ	60
AAATTTGGTG CAGCAAA	Nunconcruc	THOOTUME	duodiioii	77
配列番号:1944 配列の長さ:76 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02198 配列:				
GATCCACTTC AAGAATTGCT TGCTTTCAG AATATATTGC TGCAAA	G AAGAGAGATG	TGTTTCAACA	AGCCAACTAA	60 76
配列番号:1945 配列の長さ:76 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02199 配列:				
GATCGACTTT GTGTCTCTGT TGTCTAAAA AATGGAATCA CACAAA	T AGGTTTTCC(	TGTTCTGGAC	ATTTCATATA	60 76
配列番号:1946 配列の長さ:75 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02200 配列:			·	
GATCATAGAT TTCTGATTTT ATGTAAAAT CTGTGCTGTT TCAAA	T TTGCCTAAT	A CATTAAAGCA	GTCACTTTTC	60 75
和加来号·1047				

配列の長さ:74 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS02202	
配列:	
GATCTGTCAA AGAAAACTTC CAAAAAGATT TATTAATTAA ACCAGACTCT GTTGCAATAA	60
AAATCCTACA GAAA	74
配列番号:1948	
配列の長さ:73	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS02203	
配列:	
GATCCACTTT AGCAAACCCT GCTGCAGAGG ACTGTAAAAA CAAATAACTA AAAATAAACT	60
TAGAAAATAC AAA	73
配列番号:1949	
配列の長さ:73	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS02204	
配列:	
GATCGTAATG TTTATCATGT TACTTCCCCA CCCCTACATT TTTTGAAATA AAATAAGGAA	60
TTTTATTCTC AAA	73
配列番号:1950	
配列の長さ:72	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUNGS02205	
配列:	
GATCNCTGCA ACTAAGNTTA AAGCAGTGTG ACTGTGTTGC TNAAATATCA AGTATTGTTT	60
ATAACCACCA AA	72
配列番号:1951	
配列の長さ:66	
配列の型:核酸・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS02206	
配列:	
GATCTCAGCT ATTAAGATGC AAGTCTGCCA ATGCTCCTGG CCAAATAAAC CTCTTCCTTC	60
TTTAAA	66
配列番号:1952	
配列の長さ:65	

配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2207 配列: GATCCTCTTG TACTGGGAGA GGTGCCTTTT TGAAA	GTATCCCCAA	TTAAAGGTAG	AAAACCACCC	60 65
配列番号:1953 配列の長さ:62 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02208				
配列: GATCTCGAAG AAAAAAGGGG GAGACCAAAG AA	AATAAAAGAA	GGGTTTCCCC	ACTAAAATGA	60 62
配列番号:1954 配列の長さ:62 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02209 配列:				
GATCCAGCTG TNCTTAAGAG CCAGTAATGT AA	CTTAATAAAC	ATGTGGCAGC	TTTNNTTTGA	60 62
配列番号:1955 配列の長さ:61 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2210 配列:				
GATCTCACAT TTCACCCCAG GCTCAACTGA	GGATGTGGCT	TATTAAACAC	GGAAGTGCAA	60 61
配列番号:1956 配列の長さ:59 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02211 配列:				
GATCAGCCAT GTNTATCTTT TTAAAAAATA	AACAGGTTGC	TTTATTTCTT	AGCTTCAAA	59

配列番号:1957 配列の長さ:59 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02212

配列:

GATCAGATGA GATTTAATGA AGACCCAGTG TAAAGAATAA ATGANTCTTA CTCCTTAAA

配列番号:1958 配列の長さ:57 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02213

配列:

GATCTACACC TGGACTGCCC AGGTCTATAA GCCAATAAAG CCCCTGTTTA CTTGAAA 57

配列番号:1959 配列の長さ:56 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUNGS02214

配列:

GATCGAAGAA AAAGGGGNGN CAAAGAATAA AAGAAGGGTT TCCCACTAAA ATGAAA

配列番号:1960 配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02215

配列:

GATCAGAAAT GTTGANTGTG CATTGAGTAT TAAAAAATTA GATGTATATT ATNCATTGTC 60 111 CTTTACTCAT GAGTACCTTA TAATANTANT ANTGTATTCT TTGTTAACAA A

配列番号:1961 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02216

配列:

GATCTATTCC CCATCCCAAG GCAAGCATGA ATAAAATTAG GTTAAACGTA GCATGTGGCA 60 TCGCAGTCTC TTAGAATTTG TTTCATCTAT TTNATTTTAT TGAATACTGT CTGTATCTTT 120 167 GGTTATCCTG TTTGAAGAAA AAGGACAAAT AAAACATGGC CAGCAAA

配列番号:1962 配列の長さ:516 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02237

配列:

配列番号:1963 配列の長さ:483 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02238

配列:

GATGTTTCCA GATGACTTGT CCAAGGTCAC ACAGGAGTCA GATGGCCTTT CCACTACCCC 60
ACAACACAGA TGCATAGTTA CTCTGTGGGC TAATACAATT CAGAATTCAG AGCTCTGCCC 120
ATGGTCACCG GTGGAATCCA CCAGCCATCT CCCTGACCTT GCTCTCCTCT GTTCTCCTCG 180
TCTCCAGGGT CCCATGATTC AGGGCGAGCT GGCTTCAGGA TGTGGGCAAG AGGGGTTTTA 240
GATGGAAGGG TTTTCCTCCA GGACAGAATG TTAAGCCAAG CCTGGACTTA ATTGTTCCAA 300
GATGTCGTTA GAATTGGTGG ACAATTTTTT TTTAATGATT AGCAAAGGAC AAGGCTTTTG 360
GTGGTCATTA GTATTGTTCA TCAAATATTC CAGTTCTCCA CAATTCTGGG GTACCATGGT 420
ANGGATGAAC CTTCCCTGTC TTTTCAGGGT TAAGGTTTAGC TCTNGTGATG TGCTTTTGTC 480
AAA

配列番号:1964 配列の長さ:452 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02239

配列:

GATCGCTGGA GCTGTGGTCG CTGCTGTGAT GTGGAGGAGG AAGAGCTCAG ATAGAAAAGG 60
AGGGAGCTAC TCTCAGGCTG CAAGCAGTGA CAGTGCCCAG GGCTCTGATA TGTCTCTCAC 120
AGCTTGTAAA GTGTGAGACA GCTGCCTTGT GTGGGACTGA GAGGCAAGAT TTGTTCCTGC 180
CCTTCCCTTT GTGACTTGAA GAACCCTGAC TTTGTTTCTG CAAAGGCACC TGCATGTGTC 240
TGACCCTCTT CCCACGNTGA CCTGTGCTCC CTCCCCAATC ATCTNTCCTG TTCCAGAGAG 360
GTGGGGCTGA GGTGTCTCCA TCTCTGCCTC AACTTCATGG TGCACTGAGC TGTAACTNTT 420
TCCTGNNTAT TAAAATAAGA CCTGAGTTTA AA 452

配列番号:1965 配列の長さ:433 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02240

配列:

GATCAGACAC CAGAGGGTTG GGCATTCTTG CAATACCTTA ACAGTGCTGA AATCTGCAGC 60
ATGGTACTAA GGAAGTTAAA GTTTGAATGT AACCACTTTA TTTAAAAGGT TTTTTCTTT 120
AATTTAAATG AAATGGTGGT TGAAGTGAAC ATGATTTTGT TGACCATGTT CGTGAATTAC 180
AGATGCAACA TGCATTGGTA GAATCGTGTG ATGGTCTTTT GTGATACTTA ATTTTACAT 240
ATCCCAGTCT CTGTATGTAT CTGCATAGAC AAAGAAAAAA CAAACTCCTG CTTTGCTTTT 300
ATTGAANGGG TTTCCAGGAC TGCGTGTCTG CTCCTGAGCT CTGTTTTAAG TATGTGTATC 360
CTTTTGCTTGT ATTTTGTAAT TAAAAAAATA AGGAAAAAGGA NGCCTTTATT TGTTGGNGCA 420
TGTTGGCATT GTN 433

配列番号:1966 配列の長さ:424 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02241

配列:

GATCTGCAAA GAAAGCTTTT CTTNCGTCGC TGCCTCAGNC TCCTCCCTAT GCCTCTNGCA 60
CCTGCGCAGA AGTGCTGGCT GTGCTGANGT CACCATCATC TTCCTCTCC CCAGCCTCCC 120
AGGCTGGATG GCATGGACTG TTTGCTGACC TCTGTTCTCT TAGGGCATGG GAGGTGGGAG 180
GATATCAAAT TCTNTAGCCC TTTCCTCCTA TTCTCCCAAG NAGAGAGNTT CCCATTTCTC 240
CTCGGCCATT GTACCTAGCT CTTGTCCCTA GCTGCATTTC AGTGGACCAT GGATAGAGGG 300
ACTGAGNGTT AGACGGGGAA GACTGGCAGN GAGGCACGCA GGTACTGTGA AAATCCTNNC 360
CTTTGACCTC CNCCAGTGGG AGAGGGGNGT TGGGGTTTTC AATGTGAGAA CAGNAACAAA 420
TAAN 424

配列番号:1967 配列の長さ:418 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02242

配列:

GATCNCCTGC TCTCCAAGCA TGGCATCTAT GTGCAGGCCA TCAACTACCC AACTGTCCCC 60
CGGGGTGAAG AGCTCCTGCG CTTGGCACCC TCCCCCCACC ACAGCCCTCA GATGATGGAA 120
GATTTTGTGG AGANGNTGCT GCTGGCTTGG ACTGCGGTGG GGCTGCCCCT CCAGGATGTG 180
TCTGTGGCTC CCTGCAATTT CTGTCGCCGT CCTGTACACT TTGAGCTCAT GAGTGAGTNG 240
GAACGTTCCT ACTTCGGGAA CATGGGGCCC CAGTATGTCA CCACCTATGC CTGAGAAGCC 300
AGNTGCCTAG GATTCACACC CCACCTGCGN TTAACTTGGG TCCAGGCCTA CTCCTGTCTT 360
CTGCTTTGTT GTGTGCCTCT AGCTGAATTG AGCCTAAAAA TAAAGNACAA ACCACAAA 418

配列番号:1968 配列の長さ:413 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02243

配列: GATCATTGAA TAAAACGGGT GTAGAGTACA GGAATGGGGC AGACGCGATT CAGGTGAACA 60 GCACANGNAG AATATGAGGT GGTTCCTAGG AGCAACACTT TCGACCTCCA GTTCTCCNTG 120 ATGACAGTAG CTGTCTCCNN GNGAAAAATC CTCACTTATT AACTCTCTTT TCTTGCATCT 180 CATTITIATA GAGCTACTCA TCCTTATTTG GAAAAACCAA CAACAAAAAA GGCTTTTAGA 240 AAATGGTTGT AAATCTGACT TCTTTGCAAG TAACTATGTA TATTGTAAAT AGGATATAAA 300 AAGGCCTTTT TTCTAAATAA GGCCTTAACT GCCTGTAACA TGAAACTTCA AACTAAACCA 360 CTTAACTCAN TGNACTACCT TATGGGTTTG TCTGACATCC CTCAACTTAC CAN 配列番号:1969 配列の長さ:412 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02244 配列: GATCCCACCG AGAAGAACCA TGGGTGGACC CGAACTCCCC GGTGCTCTNA GAGGACCCAN 60 NNCTTTGTGC CTTGGCAAAA AAGCACAAGC GAACCCCAGC CCTGATTGCC CTGCGCTACC 120 AGCTACAGCG TGGGGTTGTG GTCCTGGCCA AGAGCTACAA TNAGCAGCGC ATCAGACAGA 180 ACGTGCAGGT GTTTGAATTC CAGTTGACTT CAGAGGAGAT GAAAGCCATA GATGGCCTAA 240 ACAGAAATGT GCGATATTTG ACCCTTGNTA TTTTTGCTGG NCCCCCTAAT TATCCATTTT 300 CTGATGAATA TTAACATGGA GGGCATTGCA TGNGGGTCTA CCAGAAGNNC NTNGGGTNTT 360 412 GGANTGGTNG CANAAGNGGG TNGGTTCTTA TGGCTGGGGG NACTTGGGCA AN 配列番号:1970 配列の長さ:406 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02245 配列: GATCCAAAGT TCATACATTT TATGTACAAG ATACATTAGA CTTACAATAN AGTCTAATTA 60 TTAGACTTTT ATGTCAGTGG ATTGTGCTTG CAGAAATACA GAAGTAACAT ACTGACCCTA 120 GGTGAGGAGT TTCTTACATG GTTAACTGGA TTGACCCAAT TGGAGTAAAA GATTTTTGCT 180 GTTACCTCGA TGCTCCTGCA GTTGTTACCT CAGCATGCCA CTGTAGTCCT TGACTCTCAC 240 ATTAAAACTA ACTTTGGCTA GGTACTGGTG GCTCACACCT GTANGTAATC CCAGTACTTT 300 AGGAGGCTGA GACTGGAGGA TTACTTGAGT CCAGGAGTTG GAGACCAGCC TGGCCAATAT 360 406 AGACTGTCCC TACAAAGGAA AATAAANTTT GTTTCATCTT TCNAAA 配列番号:1971 配列の長さ:401 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02246 配列:

GATCAAATAT GGCATCAACA ATATCCGGGA GCTGGTGGGC CACAAGGTGA ACCTGCAGAT 60 GGTGTATGAC AGTCCCCTGT NCCGCCTGGA TGCCGAGCCG AGGCCCCCTC CCACACAGGA 120

GGCTGCGTGA CATGGGCCAC TCTAGGACAG GTCATCCTCC CCGAGTCCCT GCTGCTGCGC 180 TCCTTTGCAT CCCTGGCCAG TNACCTTGTA TTTATGAGGC CTCTGTNAGG CAGCCCCCAC 240 CTTCCTCTTT CCCACCTGTC CCAGGACCAG AATCCCAGGG ACAGAGGACT GGGTAGCAGG 300 TTCCTTCTGT TGTCCTGTGT GGTGTGTCTA CTGTGAGGGT GGGCCCTGAG GAGACCTGTG 360 401 GGCCANCTAT TGTCTAATAA AGTGGGGCAG TTGCCCCCAA A

配列番号:1972 配列の長さ:384 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02247

配列::

GATCTTTNAT GTTGTTNATT TTGGAGAGAA GCACAAGGAG TATTCTCTTT CTAGGGAAAG 60 TTGTGAACCC AACGGAAGCG TAGTTGGGAA AAAGGCCATT GGCTAATTNC ACGTGTGTAT 120 TGCAATGGGA AATAAATAAA TAATATAGCC TGGTGTGATT GATGTGAGCT TGGNCTTGCA 180 TTCCCTTATG ATGGGATGAA GATTGACCCC TGGCTGACCT TTNTTGGCTG TGGAAGAGGN 240 CAATCCTATG GCAGAGCATT CAGAATGTCA ATGCGTAATT CATTATTATC CAAAGCATAG 300 GAAGGCTCTA TGTNTGTATA TNNCCCTNTG TCGGAATACC CCCTTANCTC ATTTTCCNCT 360 TAATAAATTT CACTGGGTTG NAAA

配列番号:1973 配列の長さ:383 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02248

配列:

GATCCTGCTT CTCCCCTGGG GTCTTCTTGG TTCCCTGAAG CCCCTCTTCC GGAGTCCCTG 60 CCCTCTATCG GCTCTGCCTC CTGCTTCTTT TCTGTATTGC CATGATTTTT GCTAAGGATA 120 AAGGACAACT TCATTGGCTT CTTTGGGAAA CTTGCAATCT CCCCAAACAG GCCCCTCTGA 180 GATTTCTCCT TTTGCCACCT TCGATATTTT CTCCAGTTTC CTTGATTCCT TTGATACGTC 240 CCCATTCAGG CCACTCTGGC CTTCCATCCA ACCTGCCAGA ACTTTTTCCA CTTCAGCACT 300 TCAGTCACTT AAACATTAGG GCTCCCTGCC CTAAAGGGAC TCAAAATCCT GCAAAANCAA 360 CCACNNAAGG ATAAAAAAAT AAA

配列番号:1974 配列の長さ:375 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02249

GATCAACAGG AAGAACATGG TGGTCTCCTT TGGAGATGGG GTTACCTTCG TGGTCGTCCT 60 ACACCAGGTG TGGAAGAAAC ATCCTGTCCA CCGTGACTTT CTAGGCTTCT ACGTGGTGGA 120 CAGTCACCGG ATGTCAGCAC AGACGCATGG GCTGNTGGGG CAATTCTTCC AACCCTTTGA 180 CTTTAAAGTG TCTGACATCN GGCCAGGCTC TNACCCCACA AAGCCAGATG CCACATTGGT 240 GGTGAAGAAC CATCANGNTG ATTNTNACCA GGGGCTCCCN GAAAGANTAC AGNAAAGGNA 300

353

TGCCANGCAT CGGCACGAAN GGTTGTCTTC TTGGTTCGNN CACANCAACG GGGAATGTTG 360 375 TTGNTTGANT GGTGN 配列番号:1975 配列の長さ:370 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02250 配列: GATCTATGTG CACACCCCN CATCACATGG AATGGGCTGG TCTAGGCTGT GGCCTGNCAC 60 CTTCCTTAGA GTGAATAGGG CGGACACTCC TCTCTTTTCC TGTAGCGTGT GGACCGGTCC 120 ACGCAATTCT TTATCCTGTG AACTCATCTG AGTGGGAGGT GGTGGACACT GGGGTTTCCT 180 TCCCTCTCTC CGTAGCATCC GTTGGTETTT CTCTCCATCT CTGTTGGTTT GTCTGTCTCT 240 GTCTTCCTCC CAATCCCTAG GGGAAGGGGG CATTTGGCTA GGGGGTGCCC CTGTGAGCCT 300 NGACCTTGCC CCCTCGTCCN TCTCCCCAGT GTTTCCAGGA CCCCCAATAA ACCTTGTCCT 360 370 GTCAGTCAAA 配列番号:1976 配列の長さ:367 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02252 配列: GATCGATACA GGGGAGGGGG GAGGTGGAAA CAAACAACAA AACTGTACAT TTTTTTAAA 60 GTTTGTTGAA AAGAATATTG TCTTATTCTA TAAAACATTT CAAACCTAGT TAGAGATTTG 120 TAATCAAAAA ACATTTGCGC AGAAAGCAGC ACTTAGGGCT GCCTGTTCTA TACCCTACAG 180 TCAGACAGGA AAAGANCTGA AAATGGCACC CTTCTGACAT TCTGNGGCAG CTGGNCTNGC 240 AGCCANGTAA NGGNGAGTTT ATGAGGTGGT GTGGGGAGGG TGGGGGAGGC NGCGTGGGGG 300 NTTCTCTCCA CAGCAGGTGG GNGCAGGCAA GNNTTTGGNG GCCAGANGGN GNGCTTTGTN 360 CNTGGGN 配列番号:1977 配列の長さ:353 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HJMGS02254 配列: GATCTCCAGC CTTACCGCGG CTCGAAATGG ACCCCAACTG CTCCTGCACC ACTGGTGTCT 60 CCTGCGCCTG CACCGGCTCC TGCAAGTGCA AAGAGTGCAA ATGCACCTCC TGCAAGAAGA 120 GCTGCTGCTC CTGCTGCCCC GTGGGCTGTG CCAAGTGTGC CCACGGCTGT GTCTGCAAAG 180 GGACGTTGGA GAACTGCAGC TGCTGTGCCT GATGTGGGAA CAGCTCTTCT CCCAGATGTT 240 AATAGAACAA GCTGCACAAC CTGGATTTTT TTTTCAATAC GATACTGAGC CATTTGNNGC 300

配列番号:1978

ATTTCTTTTT ATGTTAAATA TGTGAGTGAC AATAAAACAA TTTTGACTTG AAA

配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02255 配列: GATCTNACCT GAGGTGCTGG GTGAGAAATC TTAGGGACCA GATGGAAGAG GGCCTGTNTA 60 TANNGACATT AGGAAGGAGG TTTGGGAAGG TTTGGGAGGG CAGCCTGACT TGTCTCCAGA 120 GAAAGTTAGA ACTGGTTGAC TTAGCAACCA AGGGNCACTG GGTCAAAGAC GAGGANTCAG 180 GACGTCGGTG CCTAGTGACT GAGCGCCANC CAGCCCATTT CTNTACATTG CCATGGGCTA 240 AACCCAGTGT GCTGTAAACT CTTGCAGTTC CTTGNGGTTA TGGGATTTTG NTATCTTGNC 300 351 NGTGTTTCCT CAANTAAAGG NNCTTGTTTG TAAAAATTGG GNAANAAGAA A 配列番号:1979 配列の長さ:342 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02256 配列: GATCTGTTTC CTACAGACTT CAAATTTGAC ACCCCAGTGG ACAAACTACC ACAGCTATAA 60 ATTGAGGCAG CTAACGTCAA ATTCTTGAAT ACAAAACTTT GCCTGTTGTA CATAGCCTAT 120 ACAAAATGCT GGGTTGAGCC TTTCATGAGG AAAAACAAAA GACATGGTAC GCATTCCAGG 180 GCTGAATACT ATTGCTTGGC ATNNNGTATG TATATACTAG TGAAACATAT TTAATGATTT 240 AAATTTCTTA TCAAATTTCT TTTGTAGCAA TCTAGGAAAC TGTATTTTGG AAGATATTTG 300 342 AAATTATGTA ATTCTTGAAT AAAACATTTT TCAAAACTCA AA 配列番号:1980 配列の長さ:340 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02257 配列:

GATCAGCATG ACCAGCACTC GTTGGNGGAA AGGTGTCTNT NAGGAGACGT CTGGAGCTTA 60
TGAGAAAACA GATACTGATG GGAAGTTTCT CTATCACAAA TCCAAATGGA ACATAACCAT 120
GGCGTCCTAT GTGGTCCACA CCAACTATGA TGAGTATGCC ATTTTCCTGA CCAAGAAATT 180
CAGCCGCCAT CATNGACCCA CCATTACTGC GGTGTCCCTG GTGATGGNGA TGAGGAGGTN 240
CTGCGCTTCT CCAACTGACA ACTGGCCGNT CTGCANGTCA GAGGATGGNC AGTGTCTGTC 300
CNGGGGTACT GTGGCAGNCA GCGACAAGCA ACCTGNGTCN 340

配列番号:1981 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02258

配列:

GATCHTHTCG NCTCTGAAGA AGACATGGTG ACTGTGGTGG AGGACTGGAT GANNTTCTAC 60

ATCAACTATT ACAGGCAGCA GGTGACAGGG GAGCCCCAAG AGCGAGACAA GGCTCTGCAG 120 GAGCTTCGGC AAGAGCTGAA CACTCTGGCC AACCCTTTCC TGGCCAAGTA CAGGGACTTC 180 CTGAAGTCTC ATGAGCTCCC GAGTCACCCA CCGCCCTCCT CCTAGCTCAG GGACCCAGCC 240 CCTCCTCTCT GAGAAACTCT GACCTTCATG TCCTTAGGCT GTGCTCCTGC CACTCTACCC 300 339 TGACACCTCA ATAAAGACCA GTGCTGGTTT TGTTGGAAA

配列番号:1982 配列の長さ:334 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02259

配列:

GATCCTTNCG TGCTGAATAT CTGAAAAGAG AAATTTTTCC TACAAAATCT CTTGGGTCAA 60 GAAAGTTCTA GAATTTNAAT TGATAAACAT GGTGGGTTGG CTNAGGGNAA GAGTATATGA 120 GGAACCTTTT AAACGACAAC AATACTGCTA GCTTTCAGGA TGATTTTTAA AAAATAGATT 180 CAAATGTGTT ATCCTCTCT TGAAACGCTT CCTATAACTC GAGTTTATAG GGGAAGAAAA 240 AGCTATTGTT TACAATTATA TCACCATTAA GGCAACTGCT ACACCCTGCT TTGTATTCTG 300 334 GGCTAAGATN CATTAAAAAC TAGCTGCNCT TAAA

配列番号:1983 配列の長さ:332 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02260

配列:

GATCTTGTGC CAAGCTNAGG GTGTAGCGCT GCAAACGATG AAGCAAGAGT TTCTCATTAA 60 CCTTGTGAAG CAAAAGCCAC AAATAACANA GGAACAACTT GAGGCTGTCA TTGCANATTT 120 CTCAGGCTNT TGGAGAAATG CTGCCAAGGC AGGACAGGAG TCTGCTTTGT GAGAGGGCAA 180 AAACTGATTT CAAAAACTCG CCTGCTTTGG GNTTTAAATT ACTTCAGGGN AGANAGCAAA 240 CAGNNCTTTC ATTCGGTGTN ACTTTTCTCT NNAATTTTAA CTNNTTTAAC ACTTTTTGTC 300 332 GATTAATGNA ATGATAAACG CTTTTATCGC NN

配列番号:1984 配列の長さ:331 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02261

配列:

GATCCTGTGT GTGTGTACTA CCATAGAATG GGCCCCAAGA TGCATGATNA AGTGAGGAAA 60 AAAGCCCATG GTATCCTAAT GTTTGGAATG GAGAAAGTGT GTAGATGTAT GTGTGTGCAT 120 ATGTTTTCAC ACAGACGTAT ACACGTGTAT ATCATATGTC CACCTGCATA TGCCTAGGAT 180 GTCTCTGGGA GGATATCTAG CAGCCCGGCA GCCTGAATTG CCTCTGGGAA GAGGGGTGGG 240 AATGACTTTT CAATGTACAC CTTTTGTACC TTTTGAATTT TCGTACCATG TACATGTATT 300 331 ATCTATTAAA AAATAGTTCT TAATTTTTAA A

配列番号:1985 配列の長さ:326 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02262

配列:

GATCACCCGG CAAGTTCAGG CTGAATTCTG AAGGCAAACT TGAGCAGACG GTCTCCATGG 60
CAACCCGAGC TTCAGAGGCC GAGGATGCCT CCCTTCTCAG CTTCATGCAG GGCTACATGA 120
AGCACGCCAC CAAGACCGCC AAGGATGCAC TGAGCAGCGT GCAGGAGTCC CAGGTGGCCC 180
AGCAGGCCAG GGGCTGGGTG ACCGATGGCT TCAGTTCCCT GAAAGACTAC TGGAGCACCG 240
TTAAGGACAA GTTCTCTGAG TTCTGGGATT TGGACCCTGA GGTCAGACCA ACTTCAGCCG 300
TGGCTGCCTG AGGACCTCAA TACCCN 326

配列番号:1986 配列の長さ:321 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02263

配列:

GATCCTTACA TCTGCATCTA GTTATCAGTA ATTTAGATAT TGAGCTATTT TGATTATAT 60
TTAAGAAATT AATACATTAG CACTGAAAGT TAAATAGTGT GTTTAAGGTA GTTAATTCA 120
GGTTGAATGG GTTTTTTTTA ATGAAGTGTA AATAATACCA ATGTATAAGN GTATATTATN 180
ATAATAAAATA TTATAGTAAA AAGGAATGTG TGGTATTTNC TNCAGCAAAA CTATTTTTGT 240
GATNTTTTNA TCTCANCTT TNTATTTAAA AAATGTTACA TCTGCAGAAA AGTTGAAAGT 300
ATAATAAAACT CTTCAGTTAA A 321

配列番号:1987 配列の長さ:321 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02264

配列:

GATCTGCGCT GTGGCTGTCC CTGGACGTGC TGCAGCCCTC CTGTCCCTTC CCCCCAGTCA 60
GTATTACCCT GTGAAGCCCC TTCCCTCCTT TATTATTCAG GAGGGCTGGG GGGGCTCCCT 120
GGTTCTNAGC ATCATCCTTT CCCCTCCCCT CTCTTCCTCC CCTCTGCACT TTGTTTACTT 180
GTTTTGCACA GACGTGGGCC TGGGCCTTCT CAGCAGCCGC CTTCTAGTTG GGGGCTAGTC 240
GCCGAATTCT ACAATCCCGC TGGGGCGGCC GGGGCGGGAG AGAAAGGTGG TGCTGCAGTG 300
GTGGCCCTGG GGGGCCATTC N 321

配列番号:1988 配列の長さ:315 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02266

配列:

WO 95/14772

ፐልፋር ልልልል ልጥ	TTCTATCTGG	AGAACCTCTG	CGGACAAACC	GAGTGCTTCC	TGCAATTCCA	60
TUNNAL TOUR	CACACACCAC	ACCACCAGAA	GAGAGTGAAC	ATTCTGCCAA	CCCCACCAGT	120
AGTCAACGAA	GACACAGCAC	AUCAUCAUAA	TATAL TOTAL	ATCAATATCT	ATTTTCAACT	180
GATGAAAATT	AACTGTGGGC	CACTCGCTGC	AUAAAIUIAU	AIUMMINIUI	ATTTTCAACT	240
CTCAAAGGAC	AAGATTACTC	CAGTTTGTAA	GAACGAAGAC	CAATTTAGTA	AGCTGCATTC	240
TATAAGCCAT	CAGTTTTATA	ACTCGAAATT	CTTTATTCCA	AATAAAGATA	CTCCCTAAAT	300
AAGCACTTAG						315
MMUCACIIAU	Allana					

配列番号:1989 配列の長さ:312 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS02268

配列:

GATCAAAGCT GGGGCTGGAG GGTGGAGGTG TCAAGCCAGG CCAGGCAAAG GGAGATTTGA 60 AGCCAGAGCA GGTGGGCGCA TCTCCCAGGA AACCCTGCAT CATTCTTTCC TGGTGATTCT 120 TTCCTTCTTT GTTATGGTTC ACATGAGTCT ATGGAGTGCT CATTCTACAT TCTCCGTTCT 180 TATCTTCATC CTATGCAACT TTAGACCGCT ACTGTTTTTT AAAAGTGATT TGATTTGNGG 240 CTGTAACCTT TTTTTATTGT TGTTAGCTTT GACTTTGAAA TGTGTAATAA AGATTCAAGT 300 312 GAGCATTAGA AA

配列番号:1990 配列の長さ:310 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02269

配列:

GATCTTGGGG TCCCCGACG ACGTGCTCGA GTTCCTGAAG GTGTATGAGA AGCACTCNGC 60
CCAGTGAGCA CCTGCCCTGC CTGCATCTGG AGAATTGCCT CTACCTGGAC CTTTTGTCTC 120
ACACAGCAGT ACCCTGACCT GCTGTGCACC TTACATTCCT AGAGAGCAGA AATAAAAAGC 180
ATGACTATTT CCACCATCAA ATGCTGTAGA ATGCTTGGCA CTCCCTAACC AAATGCTGTC 240
TCCATAATGC CACTGGTGTT AAGATATATT TTGAGTGGAT GGAGGAGAAA TAAACTTATT 300
CCTCCTTAAA

配列番号:1991 配列の長さ:305 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02270

. 配列:

GATCCGAGTG AATGCAGTAA ACCCCACAGT GGTGATGACG TCCATGGGCC AGGCCACCTG 60
GAGTGACCCC CACAAGGCCA AGACTATGCT GAACCGAATC CCACTTGGCA AGTTTGCTGA 120
GGTAGAGCAC GTGGTGAACG CCATCCTCTT TCTGCTGAGT GACCGAAGTG GCATGACCAC 180
GGGTTCCACT TTGCCGNTGG AAGGGGGCTT CTGGGCCTGC TGAGCTCCCT CCACACACCT 240
NAAGCCCCAT GGGCGTGCTC ATCCTACCCC CAATCCNTCC AATAAACCTG ATTCTGCTGG 300
CCAAA 305

配列番号:1992 配列の長さ:301 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02271

配列:

GATCGAGACA CGTGATGGGA AGCTGGTGTC TGAGTCCTCT GACGTCCTGC CCAAGTGAAC 60
AGCTGCGGCA GCCCTCCCAG CCTACCCCTC CTGCGCTGCC CCAGNNCTG GGAAGGAGGC 120
CGCTATGCAG GGTAGCACTG GGAACAGGAG ACCCACCTGA GGCTCAGCCC TAGCCCTCAG 180
CCCACCTGGG GAGTTTACTA CCTGGGGACC CCCCTTGCCC ATGCNTCCAG CTACAAAACA 240
ATTCAATTGC TTTTTTTTT TGGTCCAAAN TAAAACNTCA GTTAGCTNTG CCAATTTNAA 300
A 301

配列番号:1993 配列の長さ:311 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02272

配列: GATCTGAACT CCAGCTGCCC TACAAACTCC GTCACAGCTT TTNTTCTCAC TTCATGTGAA 60 AACTACCCCA GTGGCTGACT GAATTGCTGA CCCTTCAAGC TCTGTCCTTA TCCATTACCT 120 TAAAGCAGTC ATTCCTTAGT AAAGTTTCCA ACAAATAGAA ATTAATGAAT AAATGTTGAC 180 ACTITGATAG CACTGATATG GAGATTATCC TTTCATTGAG CCTTTTATCC TCTGGTCTTC 240 TTTGAAGAAC CCCTCACTGT CACCTTCCTG AGAATACTCT AAGACCAATA AATACTTCAG 300 TATTTCAGAA A 311 配列番号:1994 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02274 配列: GATCTAAAAC TNAAGAACAA ATTCTATTTA TTTATTATTG GAAAATNAAA AGCAACTCAA 60 AACAACTTCA ACCTGGAGGT GCATTTATAA TTCATTCTGC ATTTATTCTG TAAAAAGGTG 120 ACTGTTTTAT AAATNCTTTT AATTTATGTT CAATATATAT AAAAAGTGCA TCTNTTTTNT 180 TTTTCCCTTT TTTCTCCATA ATTTTAAGAA ATGAATNNGN TTGTTGTCAA CACATTTGTG 240 AAGTCTTGTG CTATAAAGGG GAACTTCCCC TAATAAAAGG GCCTTGGAAA CCTCAAA 297 配列番号:1995 配列の長さ:293 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02275 配列: GATCTAGGAG AGGCGGCTCT GAACGATTAC CTGCGGGTCA AGACAGTNAC CTTCGAATAC 60 TGAAGAAAGG TCTTTTTAAG AAGAAAGTCC CTGCCCCTCC CTCGTGGCTG GGGCCCCCTC 120 CCTNTTAAGC CTGGNTGCAC AGCACCTCCC ACCTGGGGGG CTAGTGGAAG CCCTCCTGCN 180 TGCACACCAT GTTTGCNTCT TGGACGCCCT CTTTCCAGTN ANAAGCAGCC CTTGGNTGGN 240 TNAGGTGTGC CCCTCCCAGG NAGAATAAAG CTTCTAAAGA NAGACCGTCC AAA 293 配列番号:1996 配列の長さ:290 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02276 配列: GATCAGGAGG AAGTGAGCAG TCGCCTGCCT GCAGCAGGNA GCTTTCTACT CCTGCCTCAT 60 GCGTACGTCC CACAAATGCA GGTGTCCTGA GCACCACACC CAGTGGGAAG AGTGTGGGGG 120 AGGCGCACAG TGTGAGCCCG CCCCCACGTC GTGGGTTAAC ATCTGTTATC AAACTGCTGT 180 CGTTGTTGTG GGTTTGGTCC TTGAACAAGA TGTGGGCCTT GCAAGATGGG AGAGTAAACC 240 TTGAAGGGCT TTATTAAAGA AATAAAAAG NACTTNTTGT ATCTTTTAAA 290

配列番号:1997

配列の長さ:289 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMG802277

配列:

GATCCTGAAG AGGATGGTGT GGGAATGCAC TTTGAGAAAT GNCTATCTAA CCTTTNGAAA 60 CTTAAAGTGT TCCCAGTCCC CATTATACTT TTTAAAACCA CAATAGTCAC ATAAGGAAAT 120 AATCTAGCAG CTCATCCCTT TGCATCCAAT GTTTGAACTA TTTTTAGAAA GTGCTCTNGT 180 TCTGTCAAAG AACCTTCAAC ACAGAAAAAT ACANAAATGA GGGAAATGTA TAATTCCTGC 240 AGGAGAGAAG TGTTGTTAAC ATGTCAATAN ATGTTCTTAG ANAGTTAAA 289

配列番号:1998 配列の長さ:279 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02278

配列:

GATCAGAGAA GCTAGGAGAG CTCCAGCAGG GGCACAGAGG ATTGGNNGCA GGAGGAGTCT 60
GGAACACAGC CTTCATGCCC CCTGACCCCA GGCCGACCCT CCCCACACCC TAGGGTACCC 120
CAGTCGTATC CTCTGTCCGC ATGTGTGGCC AGGTCTGACA AACACCTGTA GATGACTGNT 180
GGCCNAACCT GGGNCCTGNN CAGGAGGTTG GAGCAGNAAG GGCTCTCCCT AGGGTTGGTG 240
TNTCTCCTCT AGGGTATTGG GNTGCATGTN NTGCACTNN 279

配列番号:1999 配列の長さ:274 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02279

配列:

GATCATGAAG GAACACATAG CACCAAGAGA GGCCATGCTA AATCTCGCCC TGTCAGAGGT 60
ATCCACACTT CTCCTTTGGG GAAGNCTTCC CTGTCCCCCT TGCATTTCCT TCTTAACTCT 120
CTGTTACACG TCATTGAAAC TACACTTTTT TGGTCTNTTT TTNTGCTAGA CTGTAAGTTC 180
CTTGGGGNCA GGGCCTTTGN CTGNCTCATC TCTGTATTCC CAAATGCCTA ACAGTACAGA 240
GCCATGACTC AATAAATACA TGNTAAATGG NAAA 274

配列番号:2000 配列の長さ:280 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02280

配列:

GATCTTAACA AAATTCGTAG CAGTGGAACC TTGAAATGCA TGTGGCTAGA TTTATGCTAA 60
AATGATTCTC AGTTAGCATT TTAGTAACAC TTCAAAGGTT TTTTTTTGTT TGTTTTCTAG 120
ACTTAATAAA AGCTTAGGAT TAATTAGAAG AAGCAATCTA GTTAAATTTC CCATTTGTAT 180
TTNATTTNCT TGAATACTTT TTNCATAGTT ATTTGTTTAA AANGATTTAA AAATCATTGC 240

ACTTTGGTCA GAAAAATAAT AAATATATCT	NATAAACAAA			280
配列番号:2001 配列の長さ:271 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02281 配列:				
GATCTGCATG TTCTCTCTTT GGGTTCAAGC				
CATGGTAAA TATGTGTTGA ATTGGTAACT				
AGCAATAGGG GAACTCATTT AACTGGAGAC				
TTCTAACATT TTNANNTTGC ATACCCTCCC		GATTGATGAA	ACTAACAAAG	
AGGTTAATAA AAGCCCATCT CGTCATGTAA	. A .			271
配列番号:2002 配列の長さ:270 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGSO2282				
配列: CATCTTACCC CTGACAAAAT CTCTTCGATG		0001010110	0.1 mm 0.1.0 cm	
GATCTTACCC GTGACAAAAT GTGTTCCATG				
CACGTTGATG TCAAGACTAC CGATGGTTAC AAAAAACGCA NCAATCAGAT ACGGAAGACC				
AATNCGGGAG AAGATGATGG GNAATCATTG				
TTTGAANGNA AGGGGGGNNA ATAAATTNGN		UU I I CAAUUC	AAANIIIGCI	270
TITELLE MINISTER TO STATE TO STATE THE STATE TO STATE THE STATE TO STATE THE STATE TO STATE THE STATE TO STATE THE STATE TO STATE THE ST	l			210
配列番号:2003				
配列の長さ:265				
配列の型:核酸			•	
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02283				
配列:		•		
GATCCCAACA GAAGAACATC GGAGACCAGA				60
GTCTGGGGTC CTGGCCTGCG TGGCCTNTTG				
AGTTGTGTGC TCTCACACAG GCTTCCTTCT				
CACGAGNGTN GGCTCTACCC NACACTGGCT AAATATGCAC ATTTTATCCA TTAAA	TIGCIGIGIA	TACGCTINTT	GCCCTTAAAT	
AAATATUCAC ATTITATICA TIAAA				265
配列番号:2004				
配列の長さ:249				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02285				
配列:				
GATCCACATT GTTAGGTGCT GACCTAGACA	GAGATGAACT	GAGGTCCTTG	TTTTGTTTTG	60

TTCATAATAC AAAGGTGCTA ATTAATAGTA TTTCAGATAC TTGAAGAATG TTGATGGTGC 120
TAGAAGAATT TGAGAAGAAA TACTCCTGTA TTGAGTTGTA TCGTGTGGTG TATTTTTTAA 180
AAAATTTGAT TTAGCATTCA TATTTTCCAT CTTATTCCCA ATTAAAAGTA TGCAGATTAT 240
TTGCCCAAA 249

配列番号:2005 配列の長さ:242 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02287

配列:

GATCAGGAGC AAACAGACCC TGCAAGGTCC TCCAGGCCTG GGGACAGGAA AGCCACTGAC 60
CCAGCCCGGG AGGCAGAACC AGGCAGCCTC CNTGGCCCCA GGCAGCCCTT TTCCCTCCAG 120
TGGCACCTCC TGGAAACAGT CCACTTGGC GCAAAACCCA GTGCCTTCCA AATGAGCTGC 180
AGTCCCCAGG CCATGAGCCT CCCGGGAATG TTTAATAAAG GGCCTGGCCA CCTCTCCTCA 240
AA 242

配列番号:2006 配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:ICMG802268

配列:

GATCTAAGTT TGATAAGAGC CTGTGTGGTG AGTATGGTGT GTATGTGAAG GTGACTTCCA 60 TCCAGGACTG GGTTCAGAAG CCATAGCTGA GACTAATGCA AGGCTGGCGA AGCCTTGCTG 120 AAAGAAGATT TCAGCTGGAG AGGCAAAGTG GCGGGAGTGG CAGAGTGGTG CGTAAGTGTG 180 GTTAAGTNTG GGTCCANCCT GCATTCTGAG CAATCAATAA AGTNTTTCTT TTNCCCAAA 239

配列番号:2007 配列の長さ:238 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02289

配列:

GATCCTGAAG GTAATACAAT CAGCAACATT AAAACATTC TTTCATTTC TGTTACTGAA 60 GTAAAATAAG CATTCCACAT TTATAAACAA CAGGTTATTT CAGGAAGATA TTTTCATATC 120 TTACAGCGAA AAGTCTTTC AAACAGAAGC ACCTAATATT TAATATATTA TTTTGTAAAT 180 TATTGACTAA CAAAATGATG ACTCGACTGG CGAAATAAAA TACAGTTTTT AAATCAAA 238

配列番号:2008 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02290

配列:

GATCCTGAGA NCTTCAAGCT CCTGGNNAAT GTNCTGGTGA CCGTTTTGGC AATCCATTTC 60
GGCAAAGAAT TCACCCCTGA GGTGCAGGCT TCCTGGCAGA AGATGGTGAC TGGAGTGGCC 120
AGTNCCCTGT CCTCCAGATA CCACTGAGCT CACTGCCCAT NATGCAGAGC TTTCAAGGAT 180
AGGCTTTATT CTGCAAGCAA TCAAATAATA AATNTATTCT GCTANGNNAA AACAAA 236

配列番号:2009 配列の長さ:235 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02291

配列:

GATCATTACC ATTACAGGAA CACAGGACCA GATACAGAAT GCACAGTATT TGCTGCAGAA 60
CAGTGTGAAG CAGTATGCAG ATGTTGAAGG ATCTAATGC AAGATATTT TCCTTTTTTA 120
TAGTGTGAAG CAGTATTCTG GAAAGTTTTT CTAAGACTAG TGAAGAACTG AAGGAGTCCT 180.
GCATCTTTTN NNGTTTAANC TGCTTCTGTT NAAAANGCCA NCATTCCTCT GTTTN 235

配列番号:2010 配列の長さ:233 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02292

配列:

GATCCTGAAG AACTTCAAGC TCCTGGGAAA TATGCTGGTG ACCGTTTTGG CAANNNGTTT 60
CGGCAAAGAN TTCACCCCTG AGGTGCAGGC TTCCTGGCAG AAGATGGTGA CTGGAGTGGC 120
CAGTGCCCTG TCCTCCANAT ACCACTGAGC TCACTGCCCA TAATGCAGAG CTTTCAAGGA 180
TAGGCTTTAT NCTGCAAGCA ATACAAATAA TAANTCTNTC CTCCTAAGAG AAA 233

配列番号:2011 配列の長さ:229 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02293

配列:

GATCCTTGAC GAGGAGAGA AGCTTGAAAA GCTGTTTCAG CTGGGCCCCG CTTCACCTGT 60
GAAGATGCCC TCTCCACCAT GGGAATCCAA TCTGTTGCAG TCTCCTTCAA GCATTCTGTC 120
GACCCTGGAT GTTGAATTGC CACCTGTTTG CTGTGACATA GATATTTAAA TTTCTTAGTG 180
CTTCAGAGTT TGTGTGTATT TGTATTAATA AAGCATTCTT TAACAGAAA 229

配列番号:2012 配列の長さ:223 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02294

配列:

GATCTGGCAT AAATAAATTN AATAAATATT TTAATGCTCC ATTTTTTAAT GTTGCTTTTC 60

ATACTAAAGA ATGGTGTAGA CTTGTTTTGC AACTNTAAGG TACCCAGTTA TCAATTTAAT 120 CAATGTTTTA GAGNAGGAAA TNATTTTTTN GGTAGAAATT GTTCANGAAC CTTAATTGAA 180 TGCATTAAAT GATGGTGGCA AAATAAACCT ATTAGAAATT AAA 223

配列番号:2013 配列の長さ:221 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02295

配列:

GATCAATGCC CTCATCTGCA ATGTAGGGGC CGGTGGACCT GCTCCAGCAG CTGGTGCTGC 60
ACCANAGGAG GTCCTGCCCC CTCCACTNCT GCTGCTCCAG CTGAGGAGAA GAAAGTGGAA 120
GCAAAGAAAG AAGAATCCGA GGAGŢCTGAT GATGACATGG GCTTTGGTCT TTTTGACTAA 180
ACCTCTTTTA TAACATGTTC AATAAAAAGC TGAACTTTAA A 221

配列番号:2014 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02296

配列:

GATCTGTAGT GTCATGGGTG CTGCCGCAGA CGNAAGTTGA NCTGGGGGTG CCTGCAGCCT 60
TCCACTCCTG CCCCGCCTCA CCCCACATGC TCCCTGTTTC TAATGCTTTC TCTAACTTCC 120
TCACCCCTTA ACCAAAAAGG TGTGTTTNCT TTTGTNCATA TAGCCATTCT NAAATATNAG 180
TAATGTAAAC CTNACTTTAT TAAAAAAATTA TCCAGCAAA 219

配列番号:2015 配列の長さ:216 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02297

配列:

GATCAGGTTT GTTGAGTTTT TTAGCCTAAT TCCAAAGCAT GGAAGAGTGC TCTAGGTAGG 60
AAAGAAAGCT TTTTCTTACG ATTTGTAGCT ACCTACTGTG CCTGACTTGG TGCCTGTGTG 120
AGGATTAAGC CCTTAGTCTG CTCTTGCAAT TATTCAAATG ACAAATTAAA TTTGCTTTTG 180
TAATAACAAT AAAAGTTGTC ATCTTCCCTT TTGAAA 216

配列番号:2016 配列の長さ:210 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02298

配列:

GATCCTGCCA TCACTGCTGC AAAGAGAACA CGAGACTCAA GGAAACTCCT CCTCCACCGC 60 AGCCCAACTG TGCCTGCTAG TNTCCCCGTG CACACAGGCA GCTCCAGGGG GCTCTGGTTG 120

CCAACAAACA GCATTTGTAA ATGGTCTATT AGCCTTCATT TATACTGCCT AACAATTATT 180
TGAAGGAATA AATTGATGTC AATGGCTAAA 210

配列番号:2017 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02299

配列:

GATCTAGCCT GATTCCTGCG TGTCCGAAAG AACTTAACGT TTTAAAGGTN ATTGTNAAGT 60
AACTGTGTGG GGTTCTAATG CCAGTTTCCT AATTCCATCT CACTGGAGAT GTTTAAAGTT 120
GGCCTCTATC CTAATGACTC AAAACTTGGT TCTTAACTAC CATGATTGCT TTTNAGGGCC 180
CGGAATTATA AATATATAN ATATTTAANT TGTTTGAAA 219

配列番号:2018 配列の長さ:208 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02300

配列。

GATCCGGGGC ACAAAGAGGG TGGGGAACAT GGGGGCTATA CTGGGGAAAG CAGCCATGCT 60
CCCCCCCAACC TCCAGCCGAG CATCCTTCAT NAGCCTGCAG AACTGCTTC CTATGTTTAC 120
CCAGGGGACC TCCTTCANA TGAACTGGGA AGAGATGAAA TGTTTTTCCA TATTTAAATA 180
AATAAGAACA TTAAAAAGCA ACCCCAAA 2008

配列番号:2019 配列の長さ:202 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02301

配列:

GATCTCAAGG CTGCCGTACT GGAGGCCATG ACTGCCTTCC GCAGAGCAGG TGCTGACATC 60
ATCATCACCN ACTACACACC GCAGCTGCTG CAGTGGCTGA AGGAGGAATG ATGGAGACAG 120
TGCCAGGCCC AAGAACTAGA ACTTTAAAAC GTTCCCGGGG CCTCAGACAA GTGAAAACCA 180
AAGTAAATGC TGCTTTTAGA AA 202

配列番号:2020 配列の長さ:224 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02302

配列:

GATCTTCTTT GAGACAAGGC AGGCTGTGGC CATGTAGCCC CATCACACTG TGTTTGTNAT 60
TGTCTGTGTG TCTGTCTCCC CCACCAGACT GTGAGCTCCA TGAGGGCAGG GACCGTGTCT 120
TGTCCGTTCT CTGTATCCCC AGTGCTTGGA ACAGAGCGAG TGCTCACTGT GTATTTAATA 180

AATGGACAAA GAGAGAGGAT GACCCTCACG GGGAGACAGA GAAA	224
配列番号:2021 配列の長さ:195 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02303 配列:	
GATCGGCAAA TGCATTGGCC TCCTGGTTAA GCACGTTTTG GGGATAATTT TCTCTTCTTT	60
AGGCAATGAT TAAGTTAGGC AATTTCCAGT ATGTTAAGTA ACACACTTAT TTTTGCCTGT	120
GTATGGAGAG ATTCAAGAAA TAATTTTAAA ACCGCATACA TAATAAAAGA CATTGTTGCA	180
TGGCTTATAG TCAAA	195
配列番号:2022	
配列の長さ:193	•
配列の型:核酸	•
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS02304	
配列:	
GATCTGTGCC GTGGTCCTGA GGCAGTTGTC TCCACACAAG TACCTCTAGA ACAATCCCCT	60
TITTTCCATC AAGCTGTAGC CTGCAGAGAA TGGAAACGTG GGAAAGGAAT GGTATGTGGG	120
GGAAATGCAT COCCTCAGAG GACTGAGGCA TAGTCTCTCA TCTGCTATTG AATAAAGACC	180
TTCTATCTTG AAA	193
配列番号:2023	
配列の長さ:192	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS02305	
配列:	
GATCTNCCCT GCATCCTGAC CAAGACCCCA ACCGTGCCCC CAACAGACTC CCCCTGGGAG	60
ATTCAGCCTA TTCACTGATG AGGAAAGTGA AGCCGGGTCT CCTGTCTCCC CAAATTCATT	120
GCACCTACGA TATAGTCCAG GATTGGGTAG CAAGATTAAA CACAAGCGCT TCAAATTGAT	180
GAAAACCACA AA	192
配列番号:2024	
配列の長さ:191	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS02306	
配列:	
FATCCCTAAC TACCAACCCC CTGAAGGCAG GTACAATGAC ATCACCAAGG TGTACACACA	60
AGTGGAGTTT AAGAGATAGA CTTGCAGGCT GCTATCCTTA ACATGCTGCC CCTGAGAGTA	120
GAATGACCA GGGTTCAAGT CTGCTTTCCA CAGAATCAGG CATNCTGTTA ATAAATACTG	180
TTTAATCAA A	191

配列番号:2025 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02307

配列:

GATCGTATTT CAGTTTTTTG GGTCAATATA TGAACAATGT GTGAACCAGA ACGTATGGTA 60
TTTGACATCA AAGCTATGTC TTGGCATATG TTTATGTTGA TATACTTGAA TTCATTTAAA 120
ATGGAATGTT AATTACATCG ACTTCTTACT ATAAAAAATA AAAAGTTATT GTCCAGTGCA 180
CAGAAA 186

配列番号:2026 配列の長さ:380 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02308

配列:

GATCCATTGA GAAAGAATG ATGTAATAAA TAATTAAGAT TAGTAATAAT ATTATCAGGG 60
GTGATTATGA CCAGTTGAAT AATCTCTTC CCTTGAATTA TTTAGCTAAC AAAATTAACTC 120
TCCCAAATAT NTAAANTAAT GTAAANTCAT ATTTNACTGC CCATTATTAA CTAAAATATT 180
TNTGTNTGAC TTTGAGCACC AACTGGTAAT ACTAGTAAAT ACCCATGTCA TGCAGATGGC 240
TGGGCGAATA AGAGATGTCT AAAAATATGC ACTGGTCTTG GGAAACATGG CACAAGTAAG 300
GNTATCATAT ATGANGTCTG GTTTATTTTA TGTCTGATTT CTTTTTGANT GAGTAGTTNG 380

配列番号:2027 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02309

配列:

GATCTCTCCA CAGGGCTTGT TTTCCAAAGA AAAGTATTGT TTGGAGGAGC AAAGTTAAAA 60 GCCTACCTAA GCATATCGTA AAGCTGTTCA AAAATAACTC AGACCCAGTC TTGTGGATGG 120 AAATGTAGTG CTCGAGTCAC ATTCTGCTTA AAGTTGTAAC AAATACAGAT GAGTTAAAAG 180 AAA

配列番号:2028 配列の長さ:188 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02310

配列:

GATCTGCAGC TGCCTTGGGA CTTGAATCCA TGCAATGTTT AGAGTGTGAA GTCAGTTACT 60
TGTTGATGTT TTCTTACTGT ATCAATGAAA TACATATTGT NATGTCAGTN CTTGCCAGGA 120

ACTTCTCAAC AAAATGGAAT TTNNTTTTNC AGTATTTCAA TAAATATTGA TATGCCCAGC 180 CTGNTAAA 188

配列番号:2029 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02311

配列:

GATCCATGCT GATTTTATT GCACAAGAAT TAGGTTTGAA CTCTTGAGCT GGAACCTCAG 60 CAAACTAGAG TATATATTGT TCAGTATNNC TTTGGAAACA TTTCATTAAT GTACTTGTCT 120 TACANAAATT TCTGAACTTT AGTAAAAAAA AAATAAAGTT AAACTTTTAA AACTCAAA 178

配列番号:2030 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02312

配列:

GATCGGTATG TTTTGAAAAG AGTAATTTAA CTTTTGGGTG CCAGGAAATG GGTTTTCTCA 60
AAGTCCATTG CCGGCAATGG GCAGGCCTGC AAATACTGGC ACAGAGCATT AATCATACAC 120
CTTATTAACG GTGAGGTGAA TAACTTTGAA ATAAAGTTTT AGAGAAATGT TTCAAA 176

配列番号:2031 配列の長さ:174 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02313

配列:

GATCCGCCTG GCAGCCATTG CAGAGTCAGG GGTAGAGCGG CAAGTACTTT TGGGAGACCA 60 GATACCCAAA TTCGCCGTTG CCACTTTACC ACCCGCCTGA ATCCTGGGAT TCTAGTATGC 120 AATAAGAGAT GCCCTGTACT GATGCAAAAT TTAATAAAGT TTGTCACAGA GAAA 174

配列番号:2032 配列の長さ:172 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02314

配列:

GATCCAGAAG TTATGGTGGC TTTĆCAGGAT GTGGCTCAGA ACCCAGCAAA TATGTCAAAA 60 TACCAGAGCA ACCCAAAGGT TATGAATCTC ATCAGTAAAT TNTCAGCCAA ATTTGGAGGT 120 CAAGCGTAAT GTCCTTCTGA TAAATAAAGC CCTTNCTGAA GGAAAAGCAA CN 172

配列番号:2033 配列の長さ:170

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMG802315

配列:

GATCTCAGGA CCTCTTTACA CTTTTCAAAG TTACTTAAGA CTCTGAAGAG CTTTTCTTTA 60
TGAGGTTATA TCAATATTTA CTACATTAAA AATTAAAACA GAAAATTTAA AGTAGGTATT 120
TATTGATTTA TTTAAACAAT AAAAATAATA AAGTATTACA TGCTAACAAA 170

配列番号:2034 配列の長さ:169 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02316

配列:

GATCCGTTTG CTGTGAACCC TATGTTATTT CCATGTGTCA AGTGGGTCTT GTGTTGCCAG 60 CTTCTATTTG AAGATTGCGT TTGCACTCAG TGTAAGTTTC TGTCAGCAGT AGTTTCACCC 120 ATTTGCATGG AAAAATTTAA AGCTAATAAA GCAATTTAAA AAGCACAAA 169

配列番号:2035 配列の長さ:159 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02317

配列:

GATCCCACAG TCTCAGCCCT GCTTACTAGT GAGAAAGACT GGCAAGGTTT CCTAGAGCTC 60
TACTTACAGA ACAGCCCTGA GNCCTGTAAC TATGGGCTCT GAAGGGGGCA GGAGTCAGCA 120
ATAAAAGCTAT GTCTGATATT TTCCTTCACT AATATGAAA 159

配列番号:2036 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02318

配列:

GATCCGGGGN AGCTAGGATG GGGAACCTGC CACAGCCAGA ACTGAGGGGC TGGCCCCAGG 60 CAGCTCCCAG GGGGTAGAAC GGCCCTGTGC TTAAGACACT CCTGCTGCCC CGTCTTGAGG 120 GTGGCGATTA AAGTTGCTTC ACATCNTCAA A 151

配列番号:2037 配列の長さ:148 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02319

配列:

GATCTAACAT CAAACTAACA GCTTTCAGAA AGGAGACTNT TGNCATCTTT TCACCAAGGA 60

GTATATTTGT AGAGTAATAT TGAGGCTTAT TTAAGCTGGA		NTTTNAAATT	ATATCATTTG	ACATGATTTA	120 148
配列番号:2038 配列の長さ:143 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02323 配列:	l				
GATCTGGTCT AGTTAACCTA	GAAGTATTTT	TGTCTCTTAG	ΔΔΑΤΑΓΤΤΩΤ	ር ለ ጥጥጥጥጥ ለ ጥ ለ	60
ATACAAAAGG GTCTTGACTC					
TTACTTGAAT TTCAAACATC		1111Md/Mil1	UIIIIIUNNI	IIAAAIAAAU	143
					140
配列番号:2039	,	·			
配列の長さ:142					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状		•			
クローン名: HUMGS02322	2				
配列:					
GATCTGGAGG AGGTGAAGGC	CAAGGGACCT	GCTTCTATTA	GCCCTTCTCC	ATGGCCCTGC	60
CATGCTCTCC AAACCACTTT	TTGCAGCTTT	CTCTAGTTCA	AGTTCACCAG	ACTCTATAAA	120
TAAAACCTGA CAGACCATGA	AA				142
Tirum II			•		
配列番号:2040					
配列の長さ:156					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUNGS02323 配列:	3				
		mar a common o c	BB + 6866 + 88		
GATCGAAGA AGAACATCAT					60
GCTGAAGTCA GTTATTCATC AAGATATAAT AAATAAAAGC			IGIGAATAAA	IGATTGAATG	
AAVATATAAT AAATAAAGC	IAIAAIIAIA	UAIAAA			156
配列番号:2041					
配列の長さ:138			•		
配列の型:核酸				•	
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUNGS02324	4				
配列:					
GATCTCTCCT TCAGTCTGCT	CTGTTTAATT	CTGCTGTCTG	CTCTTCTCTA	ATGCTGCGTC	60
CCTAATTGTA CACAGTTTAG					
TCACAAAGTT GGTTTAAA					138

配列番号:2042 配列の長さ:137

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02325

配列:

GATCCACAGG CAGAGCCAAG GGAAGGTGTG ATTCTNTGAG GAAAGAGTGA TTCTGATATA 60
TGTACTTGTC ACATTGGTGT TGGACACATT TGCGCCAAAA GTATGGTAAT NCTATTATNA 120
AATAATTCTC TGAGAAA 137

配列番号:2043 配列の長さ:134 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02326

配列:

GATCCAAACT GGAANCAGCT CAAATNTCCA TCAATAGCAG AAAGATAAAC AAATGTNGGG 60.
ATGTNCAGAG CTTGAAATAT GACACANTAT AAAAGGACAA ACTATTAAAA CTCACAACAG 120
CATGGATAAN TCTN 134

配列番号:2044 配列の長さ:133 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02327

配列:

GATCCAAGCA GGCCTTGAAT GCAATNGCAA GTGGTTTATA GTCCCTTGCT CTTACAACTT 60 GCAGGGACAT GTGGTTATTT AGAAATTGTG ACTGAGCGGA CCCAAGAATN TAAATAATAT 120 TCATAAACCT AAA 133

配列番号:2045 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02328

配列:

GATCACCTGT AGGGAAATGA AGTGTNCCCT GGAACAAGGA GGTGGGGGCA NTGTGGCCCC 60
TTCCCCAACT GGGGGTGGAC AGCTGTNTCC TGGGGTGGGT TGGTATTAAA GAGGAAAGCN 120
ATTTTTTGGA AA 132

配列番号:2046 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02329

配列:

GATCCCAGGA ACTGTGGGCA CCCATTTTCT GTGTCTCCCA GCCCATTTCC ACTCCTAGTT 60

TGTCATGGAT AATNTTTGTT ACTCGTTAAA	GTTCCCTGTG	TGATTTTTGC	CATCAAAATA	AAAATTTGAG	120 130
配列番号:2047				•	
配列の長さ:130	•				
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS02330	)		• .		
配列:					
GATCCAAGGT CAAAAAAACA	AATNCATCAA	TTCAGCACAC	CACCAACTNA	NAGGCTAAGC	60
ATCTTACTGC TAATTCATTG					120
GTCAATANTN					130
•	÷'	•			
配列番号:2048					
配列の長さ:130					•
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02331	1				
配列:					
GATCAGATAT ACAAAAATAA					60
TTTGAAAATT TTTACCAAGA	AATANTTTTN	ANAAATTTTN	CTAACTTGAT	AAAGGCTTTT	120
AAGCAATAAA					130
#15U#55 . 0040					
配列番号: 2049					
配列の長さ:129 配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02332	n				
シローン名:nunusuzssz 配列:	2				
	4 TTTTTCCCTTT 4	TOTAL A 1 TOTAL	maa . a . maam	0.1.00.000.1.000	
GATCTATATT CCCTTATTGC					60
TTCAGTGTAC TCATATGTCT ATAGAGAAA	CATTICATO	TAAAATTAAA	TGGCAGGAAA	CAAGGACTGC	
ATAUAUAAA					129
配列番号:2050					
配列の長さ:129					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUNGS0233	3				
配列:					
GATCAAAAGC TTATTCNTTT	TTTTTTTTT	TTCTTTGGTG	TAAAGCCAAC	ACCCTGTTTA	60
AAANANATAA TTTTTTTAA					
TGGAAAGAN		·			129
配列番号:2051					

配列の長さ:148

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02334

配列:

GATCTGAACA CCACAGCCCC TGTACTTGGG TTGCCTCTTG TCCCTGAACT TCGTTGTACC 60
AGTGCATGGA GAGAAAATTT TGTCCTCTTG TCTTAGAGTT GTGTGTAAAT CAAGGAAGCC 120
ATCATTAAAT TGTTTTATTT CTCTCAAA 148

配列番号:2052 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02336

配列:

GATCCANCTN TNTCAACCTC CCAAGTAGGA TTACAAGCAT ACGCCGACGA TGCCCAGAAT 60
CCAGAACTTT GTCTATNACT CTCCCCAACA ACCTAGATGT GAAAACAGAA TAAACTTCAC 120
CCAGAAAACA AA 132

配列番号:2053 配列の長さ:126 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02337

配列:

配列番号:2054 配列の長さ:126 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMG802338

配列:

GATCAAAAAA GCTCACGTCG TATTTCTTCT TTTCCTTTCT CTTTTCTAGA AATTGGGTGT 60
TTGTACCAGA ATGGAATTTT GCTTCTCGGT TATCCTGTGC TTCAGATGAT TATAATCTAA 120
CCCAAA 126

配列番号:2055 配列の長さ:125 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02339

配列:

GATCAAATCT TACAGTTCAT CACAGAATCC ATGTTGGTGA TAAATNCTAT AAAAGTAATA 60

GGGGTGGTAA GAACATCAGA GANTCCACAC AGGAAAAAAA ATCTATAAAA NGATTCTTTG 120 TGAAA 125

配列番号:2056 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02340

配列:

GATCCCACAG AAATGTTTTG GAGAGCGGGA GGTTTCCCCC AATCTCCTCC AAGTTCTTCT 60 CCCTCCAACC AGAGTTGTGT CTAACTTTAG GCATCTTTTA ATAAATNTNA TTGCGACTCT 120 GAAA 124

配列番号:2057 配列の長さ:207 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02341

配列:

GATCACTTCT GAATAAGCAG TTTGCCTTTA TAAAAACTTG CTGCCTGNCT AAAGATTAAC 60
AGGTTATAGT TTAAATNTGT AATTAATGCT ACCATCTTGC AATAAAGTGA CAATTGAATG 120
NAACAGGGTT TTTCAAGTTG TATAATTCTC TGAAATACTC AGCTTTTGTC ATATGGGTAA 180
AANTTAAAGA TGTCATTGGN CTACAAA 207

配列番号:2058 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02342

配列:

GATCTTTACT CTTGAGAAAT GAATAAGCTT TCTCTCAGAA ATGCTGTCCC TATACACTAG 60 ACAAAACTGA GCCTGTATAA GGAATAAATG GGAGCGCCGA AAAGCTCCNT AAAAAGCAAA 120

配列番号:2059 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02343

配列:

GATCCAAGGT ATCCNTAACA NTGGAGCAGC CAAGTTTNTT TTCAGGCACA ATGACCCTGA 60 CCACCTAAAG AAACTTNTAG AGAAGTNTAA CCCTAAGATA CCCAAAATTT TGGCCTTTN 119

配列番号:2060 配列の長さ:127 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02345

配列:

GATCCCCTCT TCTCAGACAG CGCCAGGCCG GGGTTGGGGC CGGGCCCCA 60 CAGCTGCCCC CCTCCCNTCC CNTTTTGTAT AATTTAATAA AGAAATGGTC GCGCTTCTGT 120 TTTTAAA 127

配列番号:2061 配列の長さ:117 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02346

配列:

GATCGAGGTG GAGAAGATGC GGCGGGGGA GNCTTATNAC CGNNTAGAGA ACAGCCCACA 60 GNTGGATGGG AGCCCCCCAG GGCTCGAGGG TCTGCTGGGG GGCATTGGGG AGAAAGN 117

配列番号:2062 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02347

配列:

GATCTGCTGA GGACACATGC GCTTTTGTAG AATTTAACAT CTGGTGTTTT TCTGAAAAAA 60 TATATATACA TATATTGCTT TATTTGAAAC AAATNAAAAT ATGCTGCATT TGAAA 115

配列番号:2063 配列の長さ:114 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02348

配列:

GATCTGGAGG AGGTGAAGGC CAAGGTGCTG CCCGCTGGGC CTCCCAACGG GCCCTCCTCC 60 CCTCCTTGCA CCGGCCCTTC CTGGTCTTTG AATAAAGTCT GAGTGGGCGG CAAA 114

配列番号:2064 配列の長さ:114 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02349

配列

GATCCAAAGT ATCAGGTCTG TTAGTGGCCA TCAGCACTTT AATATTGCCT CGAGGAGGAT 60 TTCTTGGNCN CNNNAAATAA GGTCATTAAG TCTTATGCCA AATTCAGTGC TCCN 114

配列番号:2065 配列の長さ:113

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02350

配列:

GATCCTAGAT AAGCAGGTGA AATTTAGGCT TCAGAATATA TCCGAGAGGT GGGGAGGGTC 60 CCTTGGAAGC TGGTGAAGTC CTGTTCTTAT TATGAATCCA TTCATTCAAG AAA 113

配列番号:2066 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02351

配列:

GATCTACGCT GTGCCTTGGC AGGGCACAAT GACCTTNTAG ANATCCACCT GTTAGAACGC 60 CTAGGGGTCT GAACCGGGCT GGNCTGANNC TATCACCTCT TATGCACAN 109

配列番号:2067 配列の長さ:108 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02352

配列

GATCCCAAGG CCTAGCCTGT GAAGGTCTCC TATCGGAAGA NTACCCCCAT NNAATGGGAA 60 GTGGAATTCC TGGTCAANTT GGTCTTNATG CTCTGGAAGA CGTAAGAN 108

配列番号:2068 配列の長さ:108 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02353

配列:

GATCTTAAGC AAAAATACTC ACTGAAATAG TATGTGGATG AATTCACCTA CTTACAATTT 60
TATGGTTTCT TTGTAAATAA TAAATGTGAA TCTCAATTCT GCTTTAAA 108

配列番号:2069 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02354

配列:

GATCCTNGGC TCCACCTGGG TGGCCCTGAC CACGGGAGCC TTGGGCCTAG AGCTGCCCTT 60 GTCCTNCCAG GACCCCCNCC TGGCCACTGC CCGCCTACTN NCTN 104

配列番号:2070 配列の長さ:408

配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状		·	•		
クローン名: HUMGS0235	5				
配列:	, _ , _ , , , , , , , , , , , , , , , ,				
GATCAGAGCT GCTGAGTTCA	GGATGCCTGC	GTGTGGTTTA	GGTGTTAGCC	TTCTTACATG	60
GATGINAGGA GAGCIGCIGC	CCTCTTGGCG	TGAGTTGCGT	ATTCAGGCTG	CTTTTGCTGC	120
CTTTGGCCAG AGAGCTGGTT	GAAGATGTTT	GTAATCGTTT	TCAGTCTCCT	GCAGGTTTCT	180
GTGCCCCTGT GGTGGAAGAG	GGCACGACAG	TNCANGCGCA	NGTTCCTGGG	CTCCTCAGTC	240
GCAGGGTGG GATGTGAGTC	ATGCGGATTA	TCCACTCGCC	ACAGTTATCA	GCTGCCATTG	300
CTCCCTGTCC TGTTTCCCCA	CICTCTTATT	TGTGCATTCG	GTTTGGTTTC	CTGTAGTTTT	<b>36</b> 0
AATTTTTAA TAAAGTTGAN	TAAAANTATA	AAAANAAGAG	NNGGCGNN		408
和利益 3,0071					
配列番号:2071 配列の長さ:101	-5.	•			
配列の長さ:101					
トポロジー:直鎖状					•
クローン名: HUMGS02356	2	•			
シローン名:nondsozson 配列:	J.				
GATCAAAAGC TTATTCATCT	<b>ም</b> ምም የ	<b>ጥርረጥጥጥ</b> ርረጥር	******************************	A CI CI CI CI CI CI CI CI CI CI CI CI CI	
AAAANCATAA TTTCNTTAAN				ACCCTGTTTA	60
ADDUMONIAN TITCHTIANN	CHATTITUCE	TOTTTOTONI	V		101
配列番号:2072					
配列の長さ:102					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状				·	
クローン名: HUMGS0235	7				
配列:					
GATCAAAAAA AGAGTTTGAA	GCTAATTTTG	GCAAAATTCA	GGCCAAAAA	GTAAGGCCAT	60
TATTTAACCC TGTGGCACCA	TTAAATGTTG	AAGAATGACA	AA		102
配列番号:2073					
配列の長さ:95			_		
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS02358	3				
配列:					
GATCTTTTTT GTCAGTTTGT			TATTTGTTAA	TAGTTCCTGC	60
TAAAACAATG AATAAAAACT	CAAGGAGCAA	CTAAA			95

配列番号:2074 配列の長さ:92 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02359

配列:

GATCGTCTCT AGGATGATAT GCAGTAATAATAA ACATATCTGT TAT			AAAGCCGCAC	TGATGGATAT	60 92
配列番号:2075 配列の長さ:101 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02360 配列:					
GATCTAAGTT AGGAAAGACG ATC	GGAGGTGG FTGTCAAA	AATCCTTTAA ATCAGAACAA	GATTATNTCC A	AGTTATTTGC	60 101
配列番号:2076 配列の長さ:87 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02361 配列:	,			·	
GATCTTCATT TATTTTAATG GTA	AATGGTTT GCAAA	TAAAATATGT	TCCTGATTGT	ACATATTNTA	60 87
配列番号:2077 配列の長さ:88 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02362 配列:					
GATCACAAAC ATTCAACAAA AAA TCCTGTCCAT TAAAATTTTT AAA		TATGTGACTT	GGCAGTTATT	CTATACCATT	60 88
配列番号:2078 配列の長さ:85 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02363 配列:					
GATCCCATTT AATATTTAAA AAA AAATAAAATA CATTTACAGT CTA	AATCAGTA AAA	GCACAAATAT	ATNTNAATTG	TCAACTTACA	60 85
配列番号:2079 配列の長さ:82 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02364 配列・					

GATCATCAAA AAAGAGGTAA TCTACGTTAT TTCCTATTCT AATGTCTTTT CCTAATAAAAAAACTTCAACT TTCTAAGTTA AA	60 82
配列番号:2080	
配列の長さ:80	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS02365	
配列:	
GATCCTTTCG GAATTGCACT TTTACATGTT GGGCGAATTT GTGTCCGTGC TGAAGTTTAT TAAAGGAAAA TAGATGGAAA	60 80
配列番号: 2081	
配列の長さ:80	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS02366	
配列:	
GATCAAGCCT TGCTTGAGAT TGGCCTTACC TCTGGNCNTT TTTTGTTATA TGAGCTAATA	60
AATNCTGTTT ATTGTTTAAA	80
配列番号:2082	
配列の長さ:80	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS02367	•
配列:	
GATCCATGAA GTNATTCAGT GGAAANATGC ACGTTNATAC TATTTNAGAG CACAAATAAA	60
CTCACTATAC AATGGTCAAA	80
配列番号:2083	
配列の長さ:76	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS02368	
配列:	
GATCAAACCT CAAAGCAGCT TINACTIGGA ATTTAAAAAT AAACAGTICA AAGATACTCT	60
ACATTATCAC CNTAAA	76
配列番号:2084	
配列の長さ:70	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS02369	
配列:	

GATCCATTTC ATGCAGGATT GTGTTGTT. AAATTGTAAA	TT AACTGTTGTT	GAGGAAACTA	ATAAATAATT	60 <b>7</b> 0
配列番号:2085 配列の長さ:64 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:iCNGS02370 配列:				
GATCTAAGAT GTCCCAGGTC CTGGGAAGT	IT TACTCAATAA	AGCTGGCTTT	CCCCTGCCCT	60 64
配列番号:2086 配列の長さ:64 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02371 配列:				
GATCCGTTGT AATGATGTGA ACATTTTAT TAAA	TG AGTTTAAATA	AAGTCATCTT	ATGGTGTCAT	60 64
配列番号:2087 配列の長さ:61 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02372 配列: GATCTTAAAA TCAGTGATTA TCTTTTCT	TATAAAATAA AT	CACCAGAATT	CATCAGTTAA	60
A 配列番号:2088				61
配列の長さ:60 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02373 配列: GATCTAAGAT GTCCCAGGTC CAGGAAGTT	T ACTOLATAAA	OTTO COMPRESSO	·	
GATCTAAGAT GTCCCAGGTC CAGGAAGTT 配列番号:2089 配列の長さ:66 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2374 配列:	т астсаатааа	GTGGCTTTCC	CTGCCANAAA	60
GATCTCCGGG CAGCCACCAC CTCCTCGGT	C TGCCCCCTCA	TTAAAATTCA	CGTTCCCACC	60

CTGAAA	66
配列番号:2090	
配列の長さ:59	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS02375	
配列:	
GATCATGCAA AGAAAACTTC CAAAAAGATT TATTAA	CTTA AACCAGCCTC TNTNGCAAA 59
配列番号:2091	
配列の長さ:74	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS02376	
配列:	•
GATCTCAAAT TGCCTCTGAA CCTTTTATAA GACAGT	TTAT CTTCAAATAA ATTTATTTTG 60
CAATACCACG CAAA	74
配列番号:2092	
配列の長さ:56	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGSO2377	
配列:	
GATCAAAGTC TATTTTGCAT AAAATGTCCA ATAATTA	AAT ATTGTTATAA AATAAA 56
配列番号: 2093	
配列の長さ:55	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUNGS02378	
配列:	
GATCGGCAGT TGGGAGGGGC GCTCTGAGAT TAAAGAG	TTT TACCTCTGAG ATAAA 55
配列番号:2094	•
配列の長さ:54	
配列の型:核酸	·
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS02379	
配列:	
GATCCANTCT TTGACAAACT GAAAAGAACT GAAAATA	AAC ATTGCTCTTT CAAA 54
配列番号:2095	
配列の長さ:52	

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02380 GATCCCTGCC CCTCCCCACT GGGACGGAAT AAATGCTCTG CAGACCTGGA AA 配列番号:2096 配列の長さ:266 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02382 GATCTGCTTA TAGAGCAGGA AGAATAAAGC CACCAACTTT TACCTAGCCC GGCTAATCAT 60 GGAAGTGTGN CCAGGCTTCA AGTAACTTGA GTTTTAATTT TTTTTTTTC TTGGNAGAGT 120 AATGTAAAAT TTAAATGGGG AAAGATATTT AANATTTAAT ACTAAGCTTT AAAAAGAAAC 180 . CTGCTATCAT TGCTATGTAT CTTGATGCAA AGACTATGAT GTTAATAAAA GAAAGTACAG 240 ANGACACTTG GCATTCAAAG NTTAAA 266 配列番号:2097 配列の長さ:451 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02399 配列: GATCTAGAGA GTGCTCAGAA TTAGGGCCTG GCATTTGGAA TCACAGGANA TATCATCACA 60 GAAACAACTG TTTTAAGATT AGTTCCATCA CTCTCATCCT GTATTTTNAT AAGAAACACA 120 AGAGTGCATA CCAGAATTGA ATATACCATA TGGGATTGGN GAAAGACAAA TGTGGAAGAA 180 ATCANNGNGC TGGAGACTAC TTTTGTGCTT TACAAAACTG TGAAGGATTG TGGTCACCTG 240 GAACAGTCTC CAATCTATGT TAGCACTATG TGGCTCAGCC TCTGTTACCC CTTGGNTTAT 300 ATATCAACCT GTAAACATGT GCCTGTAACT TACTTCCAAA ATCAAANTCA TACTTATTNG 360 AGGAANATTC TGATTTTNTA GANAAAANNT NGAGCNAGGN GATTATANCN TGTTTGCAAG 420 TCATGTGGTT TCTTTCTCAA TNGGGGGNNA N 451 配列番号:2098 配列の長さ:441 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02400 GATCCCAAAC TGTTCCCTTT TTCATTTCTT GAAATGTTAC CACTACAGAC ATTTTTTNAA 60 GGTGAATAAA CAGTTGTNAT GTGCTGTACC TAAAATCATG TTTAATCGTA TAAGGAAACA 120 TTTCAATACA CTTATACAGG AAGAAAACTA TAGATGAAGT ACATGTGTGT GATTCAGTCT 180

GATTCACAGA ATTCTGAGAG TAATATGGAA TAAAACAACT CCACTTAGAT GATAACTGAA 240 GCATTTCCTG CCTTGTGAAA ATTTGGNTTT TAAATTGCTG TTAGAATGGG NAATTTGGAC 300 ACTTTATATC ATTGTATANT TNCAGACTTT AGNTTCTGTA TCTNTTGGGA ACCATGGTTA 360

TAGCAAAACC NTTGGNAATA ATCCTGTTTC CNANACCNCC CTNNATGTAA ACCTGGTATG 420 CTTGGCTGGT AACNCCTAAG N 配列番号:2099 配列の長さ:440 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02401 配列: GATCTATGTC THCTGCCTGG CTCCTAGATG GCTCTCCGGG CAGGTNCTGG CCAAGGACAT 60 CATCTAGGCA GGGGGAGAGC CTGGNCTGAA CAGCTGTNAC CAAAACTCCC TTCTNCCCCA 120 CCCTGCCCCC TCCACTTCCT GCCCTCTGTT CCATCTTCCC CCTTCCCAAA GGCCACAGCC 180 TTTATTCCAG GCCCAGGGAT GTAGGAGGGG GAAGGAGGAA ACAGGAAGCC CAGAGAGGGC 240 AAAGGGCCTA CCTCGGGGCG CGAACCATGC CCCANACTAT TATCTCAGGG CTTTCTGGGC 300 ACTNGCACTT CAGCGTGGCC CACCTGCCCA TGCCCTGAGG CCAGTTNGCG AGGGGTGGCT 360 CCTGAGGGTT TTTATAACCT TTGTTTGNTA ATGTTTAATT TTTGCATCAT AATTTCTACA 420 TTGTCCCTGG AGTGTAAGAN 配列番号:2100 配列の長さ:411 配列の型:核酸 トポコジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02402 配列: GATCAAAAGG CTGAAAGGTT TGCTCACCCA GCACGGCATC CCCTACACGA GGCCCACAGA 60 AACTTCCAAC TTGGAGCACT TGGGCCACGA GACGCCCAGA GCCAAGTCTC CAGAGCAGCT 120 GCGGGGTGAC CCAGGACTGC GTGGGAGTTT GTGACCTTGT GGTGGGAGAG CAGAGGTGGA 180 CGNGGCCGAG AGCCCTACAG AGAAGCTGGC TGGTAGGACC CGCAGGACCA GCTGACCAGG 240 CTTGTGCTCA GAGAAGCAGA CAAAACAAAG ATTCAAGGTT TTAATTAATT CCCATACTGA 300 TAAAAATAAC TCCATGAATT CTGTAAACCA TTGCATAAAT GCTATAGTGT AAANAAATTT 360 AACCAAGTGT TACTTTAAAC AGTTCGTACA AGTAATGNTT ATAATTCTAA A 配列番号:2101 配列の長さ:408 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02403 配列: GATCTGGAAA GCTTGAGCCT CCTTGGGTTC GTCTACAAAT TGGAAGGAAA TATGAATGAA 60 GCCCTGGAGT ACTATGAGCG GGCCCTGAGA CTGGCTGCTG ACTTTGAGAA CTCTGTGAGA 120 ATTTACTAAT CATCTTTTCT GCTTACTGTT TTCAGAAACA TTATAATTCA CTGTAATGAT 240 GTAATTCTTG AATAATAAAT CTGACAAAAT ATTAGTTGTG TTCAACAATT AGTGAAACAG 300 AATGTGTGTA TGCATGTAAG AANGAGAAAT CATTTGTATG AGTGCTATGT AGTAGAGAAA 360 AAATGTTAGT TAACTTTGTA GGAAATAAAA CATTGGACTT ACACTAAA

配列番号:2102 配列の長さ:397 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02404

配列:

GATCCGAGAG GTGGCCAACA AAGTCAAGGT CCCCCTGCTG GATTTAGGCA GCCCCCAACT 60
GGCCATGCAC TCTATCCGGN AGATGGCCTG CACCACAGGA GTCCTCCANA CCCTNACCCT 120
CTTCAAGGGC TTCTTTAAGC TGTTCCCTTC TCTAAGCCAT AATCTCTNAG TGGATTGAGC 180
CCTCTTGGAA AGACTTCTCT GCCATCCCTT TGCACCTGAN AGGGGAAGTT CTCAGCTGAG 240
CTGAAGCTGG ATTATTAAAG TGGATTGTAA CTCAGACTCT CCGTGCTACG CTTATTTGGA 300
GACTAGAGGA GTGGGAGTTG AGCCTGGCTT GAACCTTTGG AACCAGAAAA GTTGGGGAGC 360
AGGTGGAGGA GGCCACACTC CTGGGAĞCTT GATGGTN 397

配列番号:2103 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02406

配列:

GATCAGCCCT TTTTCCCATC CTGCCCTATG GTTCTCTAGC CACCTGTGCA TGCATGTGTA 60
TTTCTGCCTN GTTCTATGGT GTGTGGATGT GTGTGCATGA ATCTGTCATA TAGAGGGGGT 120
CCGAGCTGGA ATCCTAGAGC ATTGCTGCCC TGGGGCCTGA TGTTCTTGGC TTCCTCAGAG 180
CATGTAACAG GAAATTAAAT GGGATGAGTG TTTGGTAAA 219

配列番号:2104 配列の長さ:380 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02408

配列:

GATCCTACCT CCAACTCCTG ACTCTATAGG TCTCACTCTT TTTTTATTGT CCTANNNTA 60
CATAACATAA AATTTATAAA TTTAATATC TAGGGTATAG TTCAGTGGTA TTAAGTACAT 120
TCACACTGAT GTGCAACCAT CATTATCATC CATTCCCAAA ACTTTTCATC ACCGCAAATA 180
GAAAAGCTGT ACCCATGAAA CAATAACTTC CATTGCCTCC CCCTCAGCCT TTGGTAACCT 240
CTATTCTACT TCTGTTTCT ATGAATTTGA CTGTTCTAGG TACCTCATAT AAGTGGAATC 300
ACACAATATT TGTCCCTTTG TGTCTAACTT ATTTCACTTA GCATGTTTTC AAGATTTATC 360
TGTACTGTAC CATGTATCAN 380

配列番号:2105 配列の長さ:378 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02409

配列: GATCTGTGCT CTCCTAGCCC AAGAGACCCC TGGAGGGGCT GGAGTTTTAT CCAGCGNCTC 60 GTCGTATGTT TGGCTGAGCA CCTGTGGCCT GGGTGCAGGT TAACTTCTTG TTATCAGGAG 120 CCCACTATGC AGAGGCCAAA GGTCGGCAGC CAGCGAGGCT ATGAATTGGA CCTTTTTGGT 180 ATCTGTGTNA CTGNTCTGTG NCCATNCTTA GNCAACTTGC TGGCGTGACA AGTGCCCACA 240 AGTAACACAC CAGGTACCCA GAGNAGGGTG GACAGGAGAG ACCTGAATNA CAGCAGTANG 300 GAATTCCTCA ANGNTGTGNC CTCGCCCATG AANTTGTTCC AANTTGAAGG TNANNAGGGN 360 CACCAATCAG GGTTGAGN 378 配列番号:2106 配列の長さ:374 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 · クローン名:HUNGS02411 配列: GATCCAGAAG TACAAGGTGG TCCTGGCCCC GGAGACGGNG GAGTTGAAGA GTGTGGCCCG 60 CATTGTCCTG GTTCCCAATA AGAAAGTGGG CCTGCAGTTC CTGCAGAGAC AGTGCTGAGC 120 TGAGTCTCCG CCTTGCTGGG GCTTGTCCTA GAGGCTCCAG CTCTGGCACA GTGGTTCCTG 180 GCTGCTGCCA TGTCTCANAT GAGGAGGGAG AGAAGGAGGC CGCCAGACTC GAGAGGTGGG 240 AGGAACTCCT TGCACACACC CTGAGCTTTT GCCACTTCTA TCATTTTTGA GAACTCCCTC 300 TCAGCTAAAA GGCCACCCTT TTATCGAATG CTGTCCTTGG GAAGATATAA AATAAAGGGC 360 TNTTATTTCT TAAA 374 配列番号:2107 配列の長さ:369 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02412 配列: GATCCAGCCC GACCTGCGAG ANTGATGGAG ACCATGCACC GCATGAGCCA CCTCCCACCC 60 GACTTTGAGG GCCGCCAGAC GGTCAGCCAG TGGCTGCAGA CCCTGAGCGG ATGTCGGCGT 120 CAGATGAGCT GGACGACTCA CAGGTGCGTC AGATGCTGTT CGCCTGGAGT CAGCCTACAN 180 CGCCTTCANC CGCTTCCTNA TGCCTGAGCC CGGGGANTAG CCTTGNACAG CCGGGAGAGT 240 CTGAGGCNTG GTCCTGGTCC CTGTCCGCAN AGAGGCCGTG NNATCACANA GCTANTGTCT 300 GAGTGGCTGT CTGGNTCTGC TTTGGGTAAG ACTTTGGGGC CGGCCTCCCA NAATAAGGTG 360 TCTCGGAAA 369 配列番号:2108 配列の長さ:368 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02413

配列:

CTGCTATTAG AGCCCATCCT GGAGCCCCAC CTCTGAACCA CCTCCTACCA GCTGTCCCTC 180
AGGCTGGGGG AAAACAGGTG TTTNATTTGT NACCGTTGGA GCTTGGATAT GTNCGTGGCA 240
TGTGTGTGTN TGTGTNANAG TGTGAATGCA CAGGTGGGTA TTTAATCTGT ATTATTCCCC 300
GTTNTTGGAA TTGNNTTCCC CNATGGGNCT GGGGTACTTT ACATTCAATA AATACTGTTT 360
AACCCAAA 368

配列番号:2109 配列の長さ:368 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02414

配列

GATCACÁGGA AGTGGAGGAG CCAGAGGTGC CTTTGTGGAG GACAGCAGTG GCTGCTGGGA 60
GAGGGCTGTG GAGGAAGGAG CTTCTCGGAG CCCCCTCTCA GGCTTACCTG GGCCCCTCCT 120
CTAGAGAAGA GCTCAACTCT CTCCCAACCCT CACCATGGAA AGAAAATAAT TATGAATGCC 180
ACTGAGGCAC TNAGGCCCTA CCTCATGCCA AACAAAGGGT TCAAGGCTGG GTCTAGCGAG 240
GATGCTTGAA GGAAGGGAGG TATGAGACCG TAGGNANAAN GGCACCATCC TCGTACTGTT 300
GTCACTATGA GCTTAAGAAA TTTGATACCA TAAAATGGTA AAGACTTGAA AAAAGTANAA 360
NATGTTTN 368

配列番号:2110 配列の長さ:368 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02415

配列:

GATCTTGGTT TTGATGTGGA CATAGGCCCT CTTTTCCAGA CTCCTCGTGA AGTGGCCCAG 60
CAGGCTGTGG ATGCGGATGT GCATGCTGTG GGCGTAANAC CCTCGCTGCT GGTCATAAAA 120
CCCTAGTTCC TGAACTCATC AAAGAACTTA ACTCCCTTGG ACGGCCAGAT ATTCTTGTCA 180
TGTGTGGAGG GGTGATACCA CCNTCAGGAT TATNAATTTC TGTTTGAAGT TGGTGTTTCC 240
AATGTATTTG GTCCTGGGAC TCGAATTCCA AAGGCTGCCG TTCAGGTGCT TNATGATATT 300
GAGAAGTGTT TNGAAAAGAA GCAGCAATCT GTATAAAATA AAAATATCAC AAGAGAACAC 360
CTGTACTN 368

配列番号:2111 配列の長さ:365 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02416

配列:

GATCGAAAGA AATCTAAGTG ATACGGCCCA ATGAAGCTAA AATATAGCCT TCTGTTAAGC 60
AAATAGTATT TCCTTTCCCC AAGTAGTTCA TTTTCTAGAT GCTTGTCAAA TGAATTAATG 120
TCCTCTGATG AAGAGTGTCC TTCCGTTTCT AAGGTCTTCT CAATCTCAGC AATAGAGCTT 180
CCCAGCAGCG TTCAAGACAC ATCATTTATA CACAGGCACA GGGGCCTTCC TGAAATGGGT 240
GCATTTTTAC CAACTACAAT CATGTAATTT TTTTGGAAAT TTTTTAAAAT TTTCGNTNCT 300

TTACATTACA ATTGGGTGAA ACACATTTTA CAGCTCTCAA TAAATGTTTG CTGGTCGCTC 360 TGAAA 配列番号:2112 配列の長さ:363 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02417 配列: GATCAACGAT TACGTGGAGA AGGGTACTCA AGGGAAAATT GTGGATTTGG TCAAGGAGCT 60 TGACAGAGAC ACAGTTTTTN CTCTGGTGAA TTACATCTNC TTTAAAGGCA AATGGGAGAG 120 ACCCTTTGAA GTCAAGGACA CCGAGGAAGA GGACTTCCAC GTGGACCAGG TGACCACCGT 180 GAAGGTGCCT ATNATGAAGC GTTTAGGCAT GTTTAACATC CAGCACTGTA AGANGCTGTC 240 CAGCTGGGTG CTGCTGATGA AATACCTGGG CAATGCCACC GCCATCTTCT TCCTGCCTGA 300 TGAGGGGAAA CTACAGCACC TGGAAAATGA TTGACCAAAA TACCAAGTCT CCCCTTCTTC 360 ATN 363 配列番号:2113 配列の長さ:362 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02418 配列: GATCCCAGTC GCATACCAGG TGTCCTCCTC CAGGTCGTGA ACGGCAAAGG CACTGCCCGC 60 ATCGCCATAG CAGGTGTCTT CTTGGTACTT AGACATGCCA GCACAGAAGG TGTGTTCATT 120 CAGTATGGGC TGCACCCCTA CAGGGCTCTT CGGTGTCTTC CATCCAGGAC TGGGTTCAGA 180 AGACCATAGC TGAGAACTAA TGCAAGGCTG GCCGGAAGCC CTTGCCTGAA AGCAAGATTT 240 CAGCCTGGAA GAGGGCAAAG TGGACGGGAG TGGACAGGAG TNGATGCGAT AAGATGTGGT 300 GN 362 配列番号:2114 配列の長さ:362 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02419 GATCNGACAG GCACCAGCAA TGACACAGCA TAAACTGTTG GGCACAGGAA AGAGGCTTGA 60 CACCACCAGC CCACCAGGAA ATGCAGTTCA GCCACCACGA GGACACGAGG AACCTGCACC 120 ACAGCCGCAG TCAAGAGAAT GCTGGTGGTG CCAAGNTGCA GGGTGTGGCC TGCTGGAATG 180 GAAGCGCATG GTGGTNNCTA TAAAGTCAAT GNCACAGCAC ATGCCCAGCA ATCCACTGTG 240 GGATTNGNGA TGANACTANG CNCATAAAAC TGTNCGAATT TTNCTGTGCT TTTCATATCN 300 TCAATNTGAA TCAANTGCTT CATTGGGTAC TGTAACTGTG GNTACTTNAG TGAATCTCTN 360 TN 362

配列番号:2115 配列の長さ:355 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMG802420

配列:

GATCATATAG TAGGTTTAGG TTTAACTTTT TAAGAAATTG CCAAGCTTTT CCAAAGTGGC 60
TGTCCCTCTT TACATTTCCA CCAGCAATGT ATAATGAATG GTTCAGGTTC CTCCACATTC 120
TTGTCGGCAC TTGGACTTTT CTGTTTTGTT GTAGCCATTC TAGTGGATGC AAAGTGGCAT 180
CTCATTATGG TTCATTTGCA TTTCTCTGAC AACTAATGAT TTTGAGCATC TTCATGCGAT 240
TGTTAACCAT TTGTATATCT TTAGTGAAAT ATCTATTCAA TTATTGCCCA TTTTTAAATT 300
GGNTCACATG GCTNATTAAT GNATTGTAAG AAAGGTTTAC ATATTCCTGG ATACN 355

配列番号:2116 配列の長さ:350 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02421

和利 .

配列番号: 2117 配列の長さ: 375 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02422

配列:

GATCCGCAGN CAGAAGCTCT GCCCTTCTGT ATCCTATGTA TGCAGTGTNN TTTTNCTTGC 60
CAGCTTGGGC CATTCTTGCT TAGACAGTCA GCATTTGTNT CCTCCTTTAA CTGAGTCATC 120
ATCTTAGTCC AACTAATGCA GTCGATACAA TGCGTAGATA GAAGAAGCCC CACGGGAGCC 180
AGGATGGGAC TGGTCGTGTT TGTNCTTTTN TCCAAGTCAG CACCCAAAGG TCAATGCACA 240
GAGACCCCGG GTGGGTGAGC GCTGGCTTCT CAAACGGCCG AAGTTGCCTC TTTTAGGAAT 300
CTCTTTGGAA TTGGGAGCAC GNTGNNCTCT TGAGTTTGGA GCTTTTAAAA GTACTTNTT 360
TACCACATTT GGAAA

配列番号:2118 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02423

				_			
	配列:						
	GATCTCTAAC	CAGAAATAAA	CAGGAAGACT	CAGTNGTTTA	CAAAAGACAT	TTTAGTTTTA	60
			CNGGCATTAC				
			GATAAGGGAG				
	ACATACACAC	TGGACAATTT	CAAACGNTAC	AAACAAACGC	AACTGTCCTT	CTTTCTCATT	240
	CCTGTCCTTC	AGCCACCCAG	TTTCTTCTCC	CCTGAGGGAA	TCAGTTATCA	TTNGCTGGGT	300
			TGCCTATGTA				339
	•						-
	配列番号:2	2119					
	配列の長さ	: 334					
	配列の型:	<b>姟酸</b>					
	トポロジー						
	クローン名	: HUMGS0242					
•	·配列:		ê	•			
	GATCTGGGAC	GTNCACGAGT	NAGGGGCTGG	CCACCCAGCC	CACAGCCTTG	CCTGACCACC	60
	CTCCAGCAGA	TAGACGCCGG	CACCCCTTCC	TCTTCCTAGG	GTGGAAGGGG	CCCTGGTNCN	120
			CTCATCCCTT				
			CTTCCAGAAG				
			CTCCCCANCT				
			CCCATGGGTC				334
	配列番号:2	2120	-				
	配列の長さ	: 330			•		
	配列の型:	核酸					
	トポロジー						
	クローン名	: HUMGS0242	5				
	配列:						
			ATCGCTACTT				60
			GCAACAAGCT				
			TTGACTCCAG				
			ACACTGTATC				
			CTGNCCCACA	GTGAAGAAGT	TTCTACAGCC	TNGGCAGCCC	300
	AAGGAAAGCC	TCCCATTGGA	TGAGAAATCN				<b>33</b> 0
	配列番号:2						
	配列の長さ					•	
	配列の型:株	•					
	トポロジー:		_				
	クローン名:	: HUMGS02426	5				
	配列:	4.4m.a					
			GGGACTNGCT				60
			CGGAAAGAAG				
			TTTAACTAGA				
			TAGGTTGGGA				
	TAATTCAGA	GTACAGTTTG	TGCTATTTCA	TATCTGTACT	CCAGGCAGAA	ATATAACTTG	300

AAAATACTGT GTCTAAAGAA ATTTCAN

327

配列番号:2122 配列の長さ:324 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02427

配列:

GATCCTCGTC ATCAAGGATG GCTGCATCGT GGAGAGGGGA CGACACGAGG CTCTGTTGTC 60
CCGAGGTGGG GTGTATGCTG ACATGTGGCA GCTGCAGCAG GGACAGGAAG AAACCTCTGA 120
AGACACTAAG CCTCAGACCA TGGAACGGTG ACAAAAGTTT GGCCACTTCC CTCTCAAAGA 180
CTAACCCAGA AGGGAATAAG ATGTGTCTCC TTTCCCTGGC TTATTTCATC CTGGTCTTGG 240
GGTATGGTGC TAGCTATGGT AAGGGAAAAGG GACCTTTCCG AAAAACATCT TTTNGGGGAA 300
ATAAAAAATGT GGACTGGTGC GAGN 324

配列番号:2123 配列の長さ:355 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02428

配列:

GATCTGAACA TTCAAAAGAA AGCTTTGGAA AAAAAGAGCT GGCTGGCCTA AAAACCTAAA 60
TATATGATGA AGATTGTAGG ACTGTCTCC CAAGCCCCAT GTTCATGGTG GNNCNNTGGT 120
TATTTGGTTA TTTTACTCAA TTGGTTACTC TCATTTGAAA TGAGGGAGGG ACATACAGAA 180
TAGGAACAGG TGTTTGCTCT CCTAAGAGCC TTCATGCACA CCCCTGAACC ACGAGGAAAC 240
AGTACAGTCG CTAGTCAAGT GGTTTTAAA GTAAAGTATA TTCATAAGGT AACAGTTATT 300
CTGTTGTTAT AAAACTATAC CCACTGCAAA AGTAGTAGTC AAGTGTCTAG GTCTN 355

配列番号: 2124 配列の長さ: 324 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02429

配列:

GATCTCAGAA CTGAAGGCCG CCCTGACATG AAGACTGAGC TCTTTTCCAG CTCATGCCCA 60
GGTGGAATCA TGCTGAATGA GACAGGCCAG GGTTACCAGC GCTTTCTCCT CTACAATCGC 120
TCACCACATC CTCCCGAAAA GTGTGTGGAG GAATTCAAGT CCCTGACTTC CTGCCTGGAC 180
TCCAAAGCCT NCTTATTGAC TCCTAGGGAA TCAAGAGGCC TGTGAGCTGT CCAATAACTG 240
ACCTGTAACT TCATCTAAGT CCCCAGATGG GGNACANTGG GGAGNTNGAG TTGTTGGAGG 300
GAGGAAGCTT GGAGACTTCC CAGN 324

配列番号:2125 配列の長さ:324 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS02430 配列: GATCCATCTT CATCCATTGC ATTGGAAACT NCTTTATGCT GCTGCAGTCT GCAAAGTCTA 60 GAGCTTTTAT CAGGCCATGT CATACCCAAG AAAGCACCTA TTTAAAGAAA AAACAATTCC 120 CTGAGCTCTC AACTCCAAGT TGTAGATTTG GTGTCTTCCT TGTCCTTACT TTAAAAAGTC 180 ATGTGTTAAT TTTNNTCCTG CCTGTATTTG TATGCAAAAT GTCCTCTATC TGCTATNAAA 240 GAAAAGCTAC GTAAACCACT ACATTGTANC CTTCTAAGTN ATTNTTAATT AGNAGGGNAT 300 TATNITGCAG TACCANTIGG GAAA 配列番号:2126 配列の長さ:321 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02431 配列: GATCGTGAAG ACCTGCTGAG CCAGCCTGTT CTCCGGGCCT GAATGTCTGG GGTGCTTGTG 60 CCTTTTCTGA GAAGCGTTGT GACTGCTCAA CATCCCCATC AAGGTTTGAG TCCACAAAAG 120 TGGACCTCCC TATCATGCTT CCCCTTCCCT CTAGCATGTG GGAAGGGACT GCTGTGAAGA 180 ATGNCAGATG TGGGGCCTCT GCCAAGTTCT TGCATTGCTA AATAAGGGCT TCCTCTGCCT 240 TCTACCTACA GTGCATTTGA ACTGCCTTCT GAAAGAGGTC CAGGGAGGGA TTTAGGAAAT 300 AAAGNTTCTA CCTATTTGAA A 配列番号:2127 配列の長さ:319 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02432 配列: GATCCTAAGC GAAGATGGAT TTCAGTTCAT CAAATCATCA TTAATGACTT TATGTATTAT 60 TTGCACAGGG AGAATTGAAA CTGAGTATAA TCAATAAGCT AGATACGAAA TCAGTTTCTC 120 TTTGCAGAAT TAACTATAAC ANTCACTGGC TACCGAAGTA AACTGATGTA CTGAATTCCA 240 TAATACATAA CATTCAATTT TTACCACTNC TGTTTAGCGA ACTTGTATAC TTATTTCCTG 300 TTCAGNTTAA AAAAAGAAA 319 配列番号:2128 配列の長さ:315 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02433 配列: GATCACACCT GAAAGCAGTG GTCCCAGCTC TGTGCTGTGG GACATCACAG GTCCTAAACA 60 GTGATAGAGA AAGGGCTGGG GAGTGGCAGC TGGAATCTCT GCTTCCGTCT GAACATCTGG 120

ACACACATGT CAGAGAATCT TTGCATTAAA TGGACTGCCC AATCTATTTG GTGATTAAAT 180 GGCTGTGCGG TGAGGGGAGA ACCCTGGGCA GTCTGGAGAC TGAGGTGCCA TTCTCGGCTA 240

GAGACACCAC CCAAAGAAGA GATGGGCTGG CTACTAAAGA CAAGTNTCAG TTGAATAAAT 300 GTCTTTAAAC CTAAA 315

配列番号:2129 配列の長さ:311 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02434

配列:

GATCATTGTC CCTACAGACA CCCAGAACAT CTTCTTCATG AGCAAAGTCA CCAATCCCAA 60
GCAAGCCTAG AGCTTGCCAT CAAGCAGTGG GGCTCTCAGT AAGGAACTTG GAATGCAAGC 120
TGGATGCCTG GGTCTCTGGG CACAGCCTGG CCCCTGTGCA CCGAGTGGCC ATGGCATGTN 180
TGGCCCTGTC TGCTTATCCT TGGAAGGTGA CAGCGATTCC CTGTGTAGCT CTCACATGCA 240
CAGGGGCCCA TGGACTCTTC AGTCTGGAGG GTCCTGGGNC TNCTGACAGN AATAAATAAT 300
TTCGTTGGAA A 311

配列番号:2130 配列の長さ:309 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02435

配列:

GATCCCAACT GCTCCTGCGC CGCCGGTGAC TCCTGCAAAT GCAAAGAGTG CAAATGCACC 60
TCCTGCAAGA AAAGCTGCTG CTCCTGCTGC CCTGTGGGTT GTGCCAAGTG TGCCCAGGGC 120
TGCATCTGCA AAGGGGCGTC GGACAAGTGC AGCTGCTGCG CCTGATGCTG GGACAGCCCG 180
CTCCCAGATG TAAAGAACGC GACTTCCACA AACCTGGATT TTTTATGTAC AACCCTGACC 240
GTGACCTTTT GCTATATTCC TTTTTCTATG AAATAATGTG AATGATAATA AAACAGCTTT 300
GACTTGAAA 309

配列番号:2131 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02436

配列:

GATCCTGGCC TCGCAGTTCC TATCCCNTGA CCCAGAACAG CTCACCAAGG AGCTGCAGCA 60
GCATGTGAAG TCAGTGCAGC CCATACAAGT CCCAAANAAG ATAGAGTTTG TNTTGAACCT 120
GCCAAAGCTG TCACAGGGAA ATTCAACAGA CCAAACTTCG NGNCAAGGAG TGGAAGATGT 180
CCGGAAAAGC CCGTNCGAGT GAGNCGTCTA GGAGCATTCA TTTGGATTCC CTCTTCTTC 240
TCTTTCTTTT CCCTTTGGGC CTTGGCTTAC TATNATGATA TGAGTCCTTT ATGAAGACAT 300
GATGAAA 307

配列番号:2132 配列の長さ:306 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02437

配列:

GATCCTGGTG GCGACCATGG AGAGGAAACT GGAGGGCAGG GATGGAGCTG AAANCTTGGC 60
GGCCCAGAGA GAGGTCCACC CCAAGCAGCC TGAGCCCTCA GCCACCCCCC AGCTCCCTGG 120
CAGCTCCCCT CCACCTGCCA ATGTCAGCGC CACACTGGTG TCTGAAAGGA ATAAGGAGAA 180
CAGGACAGAC TAACTTTTA AATGATATGA AGAAATCAGA GGTGAAAATT GTACATTGGG 240
AATATATTTA TGCAAATTT ATTGAAATT ATTGTAAATA AAGATTTTCT CAGTGGTCTA 300
GANAAA 306

配列番号:2133 配列の長さ:306 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS02438

配列:

GATCTGGGCT GGTCCCTTC CCATAAAATN AGGTCCCTGG TTGTATGTTC CCATAGCACC 60
CCATACTTCC TCTCTNAGAA TAATCATTC CCTTGTAATG CTCAGCATCC GCATCCTGCT 120
TGACTGCAAA CTTGCTGAAG GTAGGGACTG TTTGTCTTGG ACTTCGCTGC CAGTCCTTAG 180
AACAGTGTCT GGGACACAGT GTGTTCTCAA ATATTTGTTG CTGGAATAAA TGAATGACCT 240
AAATCAGTCT TTTAGGGATT TACTGTTAAC CACCATGGGA AAATTAAATA AATGCGGGGA 300
AGGAAA 306

配列番号:2134 配列の長さ:305 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02439

配列:

GATCTGACCC CACAGCCTTT GGCCTGCTCA CCCGACCAGC CTGGGCCGCA TTCCCTGCAG 60
GACCTCCCGG GTCAGGCAGG GCGGCCCCCT GCTCCACACA CTGCTGCATC TTGGGTCTCA 120
GGGACCCAGA CAGATGGACT TACATGGAGC TGGGCACTGC CCTGCCTCAA CAGGGTCCAT 180
TGCCTCCTCG CCTCCAGAAC TTGGAGCAGG GAAGTGGGCA CCCTGAGGCC TCCAGCACCA 240
GTTCCGTCAT TCTCGTTCCT GGGGAACCCC CACTCTGACC TGTTATTAAA GTTCACATTT 300
TGAAA 305

配列番号:2135 配列の長さ:251 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02441

配列:

GATCAACCTG AGAAAAATTG CTGAGCTCAT GCCAGGAGCA TCAGGGGCTG AAGTGAAGGG 60 - CGTGTGCACA GAAGCTGGCA TGTATGCCCT GCGAGAACGG CGNGTCCATG TCACTCAGGA 120 GGACTTTGAG ATGGCAGTAG CCANGGTCAT GCAGAAGGNC AGTGAGAAAA ACATGTCCAT 180

CAAGCANTTA TGGANGTGAG TGGACAGCCT TTGTGTGTAT CTCTCCAATA CAGCTCTGTG 240 GGCCAAGTAA A 251

配列番号:2136 配列の長さ:301 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02442

配列

GATCTGCATC CCCAAAAGTA TCACTCCTTC TCGAATCCTT CAGAACATCA AGGTGTTTGA 60
CTTCACCTTT AGCCCAGAAG AGATGAAGCA GCTAAATGCC CTGAACAAAA ATTGGAGATA 120
TATTGTGCCT ATGCTTACGG TGGATGGGAA GAGAGTCCCA AGGGATGCAG GGCATCCTCT 180
GTACCCCTTT AATGACCCGT ACTGAGACCA CAGCTTCTTG GCCTCCCTTC CAGCTCTGCA 240
GCTAATGAGG TCCTGCCACA ACGGAAAGAG GNAGTTAATA ANNGCCATTG GANGCATNAA 300
A 301

配列番号:2137 配列の長さ:302 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02443

配列:

GATCCGAGAG GGCATGGCCG CCCTGCAGTC TGACCCCTGG CAGCAAGAGC TCTACCGCAA 60
CTTCAAAAGC ATCTCCAAGG CCTTGGTGGA GCGGGGTGGT GTGGTCACCA GCAACCCACT 120
TGGCTTCTGA ATACTCCCGG CCAGGGCCTG TCCCAGTTAT GTGCCTTCCC TCAAGCCAAA 180
GCCGAAGCCC CTTTCCTTAA GGCCCTGGTT TGTCCCGAAG GGCCCTAGTG TTCCCAGCAC 240
TGTGCCTGCT CTCAAGAGCA CTTACTGCCT CGNAAATAAT AAAAATTTCT AGCCAGGTCA 300
AA 302

配列番号:2138 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02444

配列

GATCATCCAG AAGGAGCCCG TTGAAGTGGC CCCAAGCCAG CTCTCTGCAT TTCGTACTCT 60
CCTGTTTTCT GCACTTGGTG AAGAGGAGAA GATGATGGTG AACAACTATC GCCCACTTCA 120
ACCCTTGATG AACCGGAAGG TCTGGGCGTC CTTCCAGGCC ACTAATGAGG GCACAAGGTC 180
CTAGAGACAT TAGGTCCACA TGAATAGCAG AACTGACTTT GAAGGAAGGA AGCGTTGTTT 240
CCCAAGTTTC ACAATGTGAT TGTACATGAC TTCTGAAATT AAAAAGAGAG CATGAAA 297

配列番号:2139 配列の長さ:295 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS02445 配列: GATCTATGCC AGCAAAACAT CATTTTGAGA CAAACATTTT TGTGGCAGAT GTTTTTCCTA 60 AAAAGTACTA TATCATCCAA GAAATATTTG AGTAAAATCC CTTGTTCTTT TGGGTGACAT 120 TAACTGACAT TTGCTTTTTT TCAAGACCTA ATAGAAAATA AGAAAGCCCA TAATGTATTT 180 AGAAACAGGA ATCCTCAGAG CAATTCTCTG TATTCTCATA TAATTTCAAT GTAAAACAGA 240 AAACATATTG ATGTGTTGGT GATAGGCTTG AATTATTAAA AACTTCAAAA ACAAA 配列番号:2140 配列の長さ:294 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02446 配列: GATCGAGGCT GCAGGATATG CTCAGACTCT AGAGGCGTGG ACCAAGGGGC ATGGAGCTTC 60 ACTCCTTGCT GGCCAGGGAG TTGGGGACTC AGAGGGACCA CTTGGGGCCA GCCAGACTGG 120 CCTCAATGGC GGACTCAGTC ACATTGACTG ACGGGGACCA GGGCTTGTTT GGGTCGAGAG 180 CGCCCTCATG GTGCTGGTNC TGTTGTGTGT AGGTCCCCTG GGGACACAAG CAGGCGCCAA 240 TGGTATCTGG GCGGANTCAC AGAGTTCTTG GAATAAAAGC AACCTCAGAN CAAA 配列番号:2141 配列の長さ:292 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02447 配列: GATCTGGTTG GTGGATGAAC AAGTGTCACG CTGGACATCT CAATGGNGTT TATTACCAAG 60 GTGGCACTTA CTCANANGCA TCTACTCCTA ATGGTTATGA TAATGGCATT ATTTGGGCCA 120 CTTGGANAAC CCGGTGGTAT TCCATGAAGA ANCCACTATG AAGATAATCC CATCAACAGA 180 CTCACAATTG GAGATGACAG CAACACCACC TGGGGGGAGC ANACAGGTGG AGACGTTAAA 240 NGCCGTTCAN TGNGTTTTCT NTTTAAAGNC TTTATCTGAC CNGGGGTANN GN 配列番号:2142 配列の長さ:280 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02448 GATCGGAAAA AAATTCTTGA ACGCAAAGCC AAGTCTCGAC AAGTTGGAAA AGAGAAAGGC 60 AAATATAAAG AAGAACTTAT TGAGAAAATG CAGGAATAAA TAGAACCTGT TGTGCAACCA 120 CGGTTTAACC GGAGATTTTG AGGCTAGGGT GTGTTTCTTT CGAACTTTTC GGAATGTCTG 180 GAACATTTCA TTTCCTGTTT TGTTACCTGT GCCTCTGTAA ATCTACTTTT GCAATTTTAA 240

配列番号:2143

GTAATAATTT TATGAATAAN AATGGGAAAT GCTTCCTAAA

280

配列の長さ:280 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02449

配列:

GATCCCATAA CAGGCTACCC CTTGGCCTCA TGCTGGAGTT GTGTGTGTCT GTCTTCATCC 60
CAGGCTGAGC TCCTTGAGGT GAGGATGTTG TGCTGTTTGC CTCCCTCACA GTGCCTTGGT 120
CTTAGTGGAT GCCCAGTTGT CTTGTGAATG ACTTTTAAGA AGTGTACTTA AGAGAAAAAT 180
CCTACCNTAT NNNNNGTAAT TACAAGTCAT GTTTTTGTNG CTTAAAGGTG ATAAATCAGT 240
GTATATNATN NGNTAATGTC CATTAAAGCC AGTTTTTAAA

配列番号:2144 配列の長さ:278 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS02450

配列:

GATCCTAGAG CCTGACGTTC AGTGAACCCA TGTTTCTGGG TGGGTGAAAG GGGCCCAACC 60 CTGCCCACTT CAGCCCAGCC CGCCCAAGGG GACTTGTGCC AGCAGAACAT GTNGGAGGAA 120 GAAGCCCCGT TTCCAGGGCA TCCGCAGCCC AGGGTAGGGA GAAATATTCT CTCCACTTTG 180 GGGGAGAGTT CTTGCTCTCG ACCTAGTGGT TTCTACTCTC ACCGACTTAT TCTGATTTCA 240 GAAATAAAAT GAAATGTCTT ATTTTTGGGA AAGTTAAA 278

配列番号: 2145 配列の長さ: 315 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02452

配列:

GATCCCACTG GGGCCTNTGG GAAGGNGACA GACTTATNAC TAGATGATTC GCTGGTGTCC 60
ATCTTTGGGA ATCGACGTCT CAAAAGGTTA TCCATGGTGG TACAGGATGG CATAGTGAAG 120
GCCCTGAATG TGGAACCAGA TGGCACAGGC CTCACCTGCA GCCTGGCACC CAATATCATC 180
TCACAGNTCT GAGGCCCTGG GCCAGATTAC TTCCTCCACC NNTCCNTATC TNACCTGCCC 240
AGCCCTGTGC TGGGGCCCTG CAATTGGAAT GTTGGCCAGA TTTCTGCAAT AAACACTTGT 300
GGTTTGCCGG TCAAA 315

配列番号:2146 配列の長さ:275 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02453

配列:

GATCCCAGGA CCATTTGGCT AGTGTGCCTA GGTGACCACA TGATTGCTGT TTTACCAGGA 60 ATGCAGCATC CCATTGACAA AACAAGTGCT CTGAGAAGGT TTAAAATACT ACAGNGAATA 120 TGGGANCACA GNCCTTGAAA TTTAGCTGAG TTGTAACAGC TGAAACTCCA AGAGGTGTCT 180

TCCTTGTTTN GAGGTGNACT AGTGTTGCTT CCAGAGGGCA GCTTGAAACC CGTAAAGCCT 240
GTTTTGGGGA ATCCTTTTTT GNCTTGCTTT GNTTN 275

配列番号:2147 配列の長さ:274 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HU/G802454

配列:

GATCATCAAT GATTTATTGG CACGTTCTAT TGGGATGGTC GAAGTTAATA CAGTAGACAA 60
ATACCAAGAT AAGGGACAAA AGTATTGTCC TAGTATCTTT TGTTAGAAGT AATAAGGATG 120
GAACTGTTGG TGAACTCTTG AAAGATTGGC GACGTCTTAA TGTTGCTATA ACCAGAGCCA 180
AACATAAACT GATTCTTCTG GGGTGTGC CCTCACTAAA TTGCTATCCT CCTTTGGAGA 240
AGCTGCTTAA TCATTTAAAC TCAGAAAAAT TAAA 274

配列番号:2148 配列の長さ:266 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02455

配列:

GATCGCAGAG AAGGCAGCTG ACATTATCAA GGGGCAGCCT GCACTCTGGG ACAAAGATGT 60
CCCTGTCTAC AAGCCCAGGA CGCTGGCCAC CCAGCGCTAA GACAGTTGCT GCTGGAGGAT 120
GACCAGGGAA GCCCCCTGAT AAGCCAAGAG GGCCAGCACA GCCCTTGCTC CCAGGCTCCT 180
GCCTGAAACT ATCTAGCACA CTAGGACCCA GGTGGTACCC TACTCAGTGG CTGAGAATTG 240
GATAAAGTCT TGGGAAATGA GACAAA 266

配列番号:2149 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02456

配列:

GATCTTTAAC AAATGTTTTA AGCAATTTTA AAAAGGCAGG ATGTTATTGA CATTATACAC 60
TGAAGTCTTA ACATTTTAAC ATTTATAGTG CTTATTTGCA AAATTGTATA ATTAGGAATT 120
ATTTCAGAGA CAATGTTTC TTTTTCAGGT GAGTAGTTGC CGCGTAATAT CATTGGAGTA 180
CATTCTTTAT ACTGTTTGTG AAATTAATAC TAGCATATTA AGTGTACAAA TAGATTTAGA 240
AAACAATAAA AAATTGCATG CTAAA 265

配列番号:2150 配列の長さ:264 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02457

配列:

GATCCTAGTG TTTTAATTAC CTGTGTGCAG CTATTTTAAA TAGCATTTTA CTTGAATAAT 60
ATGTATGTTG TCATTGTTC ATGCTATACT TTGTGGGATA AAACTTGGGA ATGAGTGTGG 120
TAAGAAATTT ATAAAGTTTT GCTTTTAAAA CGTGGACATA ACTCATTTTT CTAGTTTTTG 180
ACAATTGTGT GTTTTAGTGT CTAGTCTGCA GAGAGCTGTG TGATTAATAA ACGTGGAATT 240
AACAGAATTT CCTCTCCCTG TAAA 264

配列番号:2151 配列の長さ:259 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02458

配列:

GATCCTGGGC TCATAGGCAG TCCCTTTCAC TTCCTTGTCT TGCTCCTGC TATGCTGGAG 60
ATGAATGTGA CTAAAAGGGC CATCTTGCTG GCTTAATGTG TGGCTGGAGA GACCAGCCTG 120
GAGACAATGT GGCAAAATGG GGCGCTTCAT CCAGTCTGTC TAAGCCCTGT CGACTTGGGG 180
AGGTGATTTC TTTCCTGGTT CTATATGTNA AGCAAAATAA ATGTTTTAAA ATTAAAAGCA 240
NNAAAGCAGA ATGTGAGTN 259

配列番号:2152 配列の長さ:255 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02459

配列:

GATCAAAGCT GGACTGGAAA TTGTATCGTG TAATTATTT TGTGTTCTTA ATGTTATTTG 60 GTACTCAAGT TGTAAATAAC GTCTACTACT GTTTATNCCA GTGTCTACTA CCTCAGGTGT 120 CCTATAGATT TTCCTTCTAC CAAAGTTCAC TTTCACANTG AAATTATATT TGCTGTGTGA 180 CTATGATTCC TAAGATTTCC AGGGCTTAAG GGCTAACTTC TATTAGCACC TTACTGTGTA 240 AGCAAATGTT ACAAA 255

配列番号:2153 配列の長さ:248 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02461

配列:

GATCTGTGCA GCAAAGCACC ATGGTACATG TNNTACCTAT GTAACAAACC TGCACATCCT 60
GCACATGTAC CCTGGAACTT AATAAAAGTT GGAAATTTTT AAAAAGAATG AATAAGACCT 120
GGTATTTGAT AGCACAACAG GGAGACTATA GTCAACAGCA ATTTAATTGT ATATTTTAAT 180
ATGACTAAAA GAGTATAATG GNTTGTTTGT AACACAANTA AATGCTTGAG GGGATGGNCA 240
CCCCNAAA

配列番号:2154 配列の長さ:245 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02462

配列:

GATCTTAAGC TTTGATAAGA GCTGTCCTGT GGCTGAGTAT GGTGTGTATG TNAAGGTGCT 60
TCCATCCAGG CTGGGTTCAG AAGCCATAGC TGNGACTAAT GCAAGCTGGC CGAAGCCTTG 120
CTGAAAGAAG CTTTAGCTGG AGAGGCAAAG TGGCGGGAGT GGCAGGAGTG GATNNGATAA 180
GATGTGGTTT AAGTNATGGG TNCAGCCTGA TTCTGAGCAA TAATAAAGAN TTTCTTTTGC 240
CCAAA 245

配列番号: 2155 配列の長さ: 244 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02463

配列:

GATCCAGGAA GCTCCCAAAC CAGAGTGTGA GAAGGCACTT CTTGCCTTTC AGGAGAGTAA 60
GAACCTCTGC GAANCATGGA GAACTTTATG CAACAATTAA AGGAAAGTGG CATGACAATG 120
GAGGAGCTAA AATATTCTCT GGAGCTGAAG AAAGCTGAGT TGAAGGCAAA ATTGTTGTAA 180
CACTACAGCT GAGCAGATGT AATAGAAATA AACCTATGAA TAAATTTNCT TCTTGGTTCT 240
GAAA

配列番号:2156 配列の長さ:237 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02464

配列:

配列番号:2157 配列の長さ:234 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02465

配列:

GATCCACGCT GGGCCGAGGA TGGGACGTT TTCTTCTTGG GCCCGGTCCA CAGGTCCANT 60
GACACCCTCC CTCCAGGGTC CTCTCTCCA CAGTGGCGGG CCCACTCAGC CCCGAGACCA 120
CCCAACCTCA CCCTCCTGAC CCCCATGTAA ATATTGTTCT GCTGTCTGGG ACTCCTGTCT 180
AGGTGCCCCT GATGATGGGA TGCNCTTTAA ATAATAAAGA TGGTTTTGAT TAAA 234

配列番号:2158 配列の長さ:233

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02466

配列:

GATCCCTAAG CTGTAGAACA TTTTAACGTT GATGCCACAA CGCAGATTGA TGCCTTGTAG 60
ATGGAGCTTG CAGATGGAGC CCCGTGACCT CTCACCTACC CACCTGTTTG CCTGCCTTCT 120
TGTGCGTTTC TCGGAGAAGT TCTTAGCCTG ATGAAATAAC TTGGGGCGTT GAAGAGCTGT 180
TTAATTTTAA ATGCCTTAGA CTGGGGATAT ATTAGAGGAA GCAGATTGTC AAA 233

配列番号: 2159 配列の長さ: 229 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02467

配列:

GATCTGTGCA CACTTTCTAA ACAGCTTGTN ATGCAAGTNT GAGCCTATTG TGTTACTTGA 60
CCTTATTTTG GAAGTTTTGA ATTGGCCTAG GAGGAAACCC AGAAATGAAC CAGGGGTATG 120
TNATCACTTT TTTNATATCA AGTCCTCACC CTCCTNCCAC ATAATGCTCT ATCCGGCTAA 180
GGTTGGAACT CTGAAGTTGG AGAAGGTGGA ATAAAGTTAC ACCTGGAAA 229

配列番号: 2160 配列の長さ: 227 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02468

配列:

GATCCCTGCG AATTACGAAA ACTACTACAT CCATGATTGC CCCAACCCCC TTGGGGTGGG 60
GCAGAAGGTG AAGCATCCCA ACTGACTAGA GACTCAGGCC CTGCAGGNCC TTATAGAACC 120
TGTGGCCATC CCTGAGCACC CTGCCACCAG GTGACCTCGG CCATACTCAC TGCCCCCCTT 180
GGGCACCCAC TCACCNTAGA ATAAACTTAA CAGTGTCCCG TGGTAAA 227

配列番号:2161 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02469

配列:

GATCTTACGA TGCCCTCTGT ACTGACCTGA AGGAGACCTA AGAGTCCTTT CCCTTTTTGA 60
GTTTGAATCA TAGCCTTGAT GTGGTCTCTT GTTTTATGTC CTTGTTCCTA ATGTAAAAGT 120
GCTTAACTGC TTCTTGGTTG TATTGGGTAG CATTGGGATA AGATTTTAAC TGGGTATTCT 180
TGAATTGCTT TTACAATAAA CCAATTTTAT AATCTTTAAA TTTAAA 226

配列番号:2162 配列の長さ:224 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02471

配列:

GATCTGCCTT GCTCACTATT TGCCTATTGG CATATATGAT TACTTTGCTA AAAGACATTT 60
TGGCCAAGAC AAGCCCATNT CCAGAGCTCT AAGAATGCCT AACTACAAGA AAAAGGCCAC 120
CTAGGCAATG GAAGCCCTCA AAGAAGTCGG AATGTCATAG TCTTGAAATG AAAGGGAAAC 180
TGGGAAACTG GGTTTCTCAT TAAAGTTGTT TCCCACTCTN TAAA 224

配列番号:2163 配列の長さ:221 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02472

配列

GATCTAATTT GATAAACAAC ATGGCTTGTG TGAAAACTGA GCAGGTGTTT GTTTACCCAT 60
AGTGTTCTGT GTAGTTATTG CTTANTCTGC AGAAAATAAT GACTTAGATG AGATGTCTGA 120
CTTGCTTTCA CTTATTAAAC ATGTTCACCA TGGGATGATG TCTGTAACAT CAGATATTGT 180
TCAACTAGAC TAGGATTTAA TAAAAATTGT GAAAGCTTAA A 221

配列番号:2164 配列の長さ:210 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02473

配列:

GATCTTAATT TACAGTTCCA TGGGATTAAA ACAAGTTTGC ATTTATGTAA TTTGCATTAC 60
TTTAAAAATT ACAACAACAT AATCTCTGAA ACTTACTTCA ATCAATTCAC ATCCCTACAA 120
CTGTTAAGAT TTATTTTGTG ATTAGNATCT TATAGTGGGT ATTCTTTNA GTGCTGATAT 180
TTCTATTCAT TAAAATCCTG TGNACACAAA 210

配列番号:2165 配列の長さ:209 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02474

配列:

GATCCTGCAT TAAATTTTA TTTGTGAAAA TTTGAAAATT ATGAGCTATA ACTTATAAAG 60
TTTGCCTTCT TATGNCTAAA ATCTTTTAAA GGATTATTTG CATTTATGTA AAACTGGAAA 120
TGAAGTTATA TATGAGTGCA AAGAAATTGA CTTCTGCTCA AATATGTGTT GATACCCTAC 180
AGTAAATTGA ATTAAATTTT TATCCCAAA 209

配列番号:2166 配列の長さ:203 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS02475 配列: GATCAGTCAA TTTTCCGTCG TCCGTAACCA GCGGGCCCCT GGTCAAGTNC TGGCTCTGCT 60 GTCCTTGCCT TCCATTTCCC CTCTGCACCC AGAACAGTGG TGGCAACATT CATTGCCAAG 120 GGCCCAAAGA AAGAGCTACC TGGACCTTT GTTTTCTGTT TGACAACATG TTTAATAAAT 180 AAAAATGTCT TGATATCAGT AAA 203

配列番号:2167 配列の長さ:200 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02476

配列

GATCTGGACT TCGAAACTTT CCTCATGGAT TCTGAATAAA AGAAACACTC TACACCTCTT 60
AAATCAAGGT CATGTAGATA ATGACTTTGT TATAAATGCT ACAGCTGTGA GAGCTTGTTT 120
CTGATTTCAT TGTTCGCTTC TGTAATTCTG AAAAACTTTA AACTGGTAGA ACTTGGAATA 180
AATAATTNGT TTTAATTAAA

配列番号:2168 配列の長さ:200 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02477

配列:

GATCTTAAGT GTCTCCTTGC TCTGGTAAAA GATAGATTTG TAGCTCACTT GATGATGGTG 60 CTGGTGAATT GCTCTGCTCT GTCTGAGATT TTTAAAAAATC AGCTTAATGA GAGTAATCTG 120 CAGACAATTG ATAATAACAT TTTGAAAAATT GGAAAGATGG TATACTGTTT TTAGAGGAAT 180 AAACGTATTT GTGGTTTAAA

配列番号:2169 配列の長さ:197 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02478

两 石

GATCCAAATC CCAGCTCTAC TGTCTCGTCC GAATTAGCCT TGGGAAAATC ATTTATATGC 60
TAAATAATTT ACCTTTTAT CTAGGAGATG AAAAGAGGAT AATGTTTCCT TCCATAAAGA 120
AAGTTCTTGT AAGAATCAAA AGAAATGGTG AGCTTTAAGT GGTTTGTAAA CCATAAAACA 180
CATCATAAAA GTTCAAA 197

配列番号:2170 配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02479

クローン名: HUMGS02483

配列:

配列:					
GATCCATGNC ATCTCTCTCT	TGCCTGAGGG	GAAAGAGAGA	TGGGCCAGGC	AGAGAACAGA	60
ACTGGAGGCA GTCCATCTAG	GGAANNNAC	TGTGAGGCCA	TACTTGTGAA	ACGTCTGGAC	
TGCTATTCTA GAGCTTTTAT	TTGNGTGTGT	TCGTTGCACA	NCTTGTTTTA	AATGTTTAAT	120
AAAAGCTTTA TAAACTTTAA	A				201
i					201
配列番号:2171					
配列の長さ:218					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02480	0				
配列:					
GATCCCCCAA GTACAGGCGC	TAATTNTTGT	GATAATTTGT	AATNGTGACT	TGTACTCCCC	60
GGCTGGCAGC GTAGTGGGGC	TGCCAGGCCC	CAGCTTTGTT	CCCTGGTCCC	CCTGAAGCCT	120
GCAAACGTTG TCATTGGCAG	GGAAGGGTGG	GGGGCAGCTG	CGGTGGGGNG	CTATAAAANT	180
GACAATTAAA CGNGACANTN	GTNTTTTATT	TCCTNAAA			218
配列番号:2172					
配列の長さ:195					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: MUMGS0248	Į.				
配列:					
GATCCTTGCA GGGAGCTTGG	AACCTTAGTG	CACCTACTTC	AGTTCAGAAC	ACTTAGCACC	60
CCACTGACTC CACTGACAAT	TGACTAAAAG	ATGCAGGTGC	TCGTATCTCG	ACATTCATTC	
CCACCCCCNT CTTATTTAAA	TAGCTACCAA	AGTACTTCTT	TTTTAATAAA	AAAATAAAGA	180
TTTTTATTAG GTAAA					195
配列番号:2173				•	
配列の長さ:194	•		-		
配列の型:核酸	ſ				
トポロジー:直鎖状	-				
クローン名: HUMGS02482	2			-	
配列:	•				
GATCCGGCAA CATCAACCCG	AGTCATTCGT	TCTGTGGAGG	GACAAGTGGA	CTCAGGGCAG	60
CGCAGGCTGA CCACAGCACA	GCCAACACGC	ACCTGCCTCA	GGACTGCGAC	GAAACCGGTG	120
GGGCTGGTTC TGTAATTGTG	TGTGATGTGA	AGCCAATTCA	GACAGGCAAA	TAAAAGTGAC	180
CTTTTACACT GAAA					194
Transition in					
配列番号: 2174					
配列の長さ:192					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					

GATCAAATGG AAAGGAGGG AAAGAACTCA GTGCTGCCTA TTAGTAGTTA ATTCTGTCAC 60
TCACCACTAC ATCACTTGAG ACAAATCTAT GCCACTCAGA ATCTCCTTCT TTCCTGGACT 120
TAACTCTAAT TCTAGAGTCT CTGTTACTGC TTGGGCTATA CCTGGGCATA CTAATAAAGT 180
ATGGTATTGA AA 192

配列番号:2175 配列の長さ:192 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02484

配列:

GATCAGAACT GTTACCAAAA AACAACTGTC AGTTTTATTG AGATGGGAAA AATGTAAACT 60
CGANNNTTAT TACTTAAGAC TTTATGGGAG AGATTAGACA CTGGAGGTTT TTAACAGAAC 120
GTGTATTTAT TAATGTTCAA AACACTGGAA TTACAAATGA GAAGAGTCTA CAATAAATTA 180
AGATTTTTGA AA 192

配列番号:2176 配列の長さ:187 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02486

配列:

GATCGTCTTG GAAGGGAGTG GTTTTCAGAG ACATTTCAGA AAGTGAAGGA GAAACTCAAG 60 ATTGACTCAT GAGGACCTGA AGGGTGACAT CCCAGGAGGG GCCTCTGAAA TTTCCCACAC 120 CCCAGCGCCT GTNCTGAGGA CTCCCTCCAT GTGGCCCCAG GTGCCACCAA TAAAAATCCT 180 ACAGAAA 187

配列番号:2177 配列の長さ:187 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02487

配列:

GATCATTGAA ATGCTGAAAA TTTTAACAGT CTTCTTAAAA GTATTGAGGG GGCAAAAATT 60 ACCAATTATG GTATACAAAA ATAAGCCTAT AAATGTNTTT CACATTGCTA ACTTGAGTTT 120 CAGTTGATTC AGTTTGTAAT AACTAGTAAT GAGCTTCTGT TTACAATAAA AATNCTGTAA 180 ATTGAAA 187

配列番号:2178 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02488

配列:

GATCAGTTGC TTATAGATAA TGTTCAATGA CCTCAAGACA TATATTTTTG AGAAATTATC 60

ATTTTAAAAA ATTTGGTCTA TACTGATTGT TTTCACTGAT TCCAATATTA TTACTTATAA 120 CACTGACCTC TGGAAAATAT TTTGTNCACA AGAAATAATA AAGTATAATG ATTTGTNGCA 180 NNNAAA 186

配列番号:2179 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02489

配列:

GATCCACAAG GCCTGAGGAG CAGTGTGGGG GGACAGACAG GAGGTGGATT TGGAGACCGA 60 AGACTGGGAT GCCTGTCTTG AGTAGACTTG GACCCAAAAA ATCATCTCAC CTTGAGCCCA 120 CCCCCACCCC NTTGTCTAAT CTGTAGAAGC TAATAAATAA TCATCCNTNC TTGCCTAAA 179

配列番号:2180 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02490

配列:

GATCCAATGG AGCCTGGNGA GGTGTGCCCA GAAAGCTTGT CTGTAGCGGG TTTTNTGAGA 60 GTNAACACTT TCCACTTTTT GACACCTTAT CCTGATGTAT GGTTCCAGGA TTTGGATTTT 120 AATTTCCAA ATGTAGCTTG AAAATTCAAT AAACTTTGCT CTGTTTTTCT AAAAATAAA 179

配列番号:2181 配列の長さ:177 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02491

配列:

GATCTGTCCA CTCCTGGTCA TTGGTGGATG TTAAACCCAT ATTCCTTTCA ACTGCTGCCT 60 GCTAGGGAAA ACTGCTCCTC ATTATCATCA CTATTATTGC TCACCACTGT ATCCCCTCTA 120 CTGGGCAAGT GCTTGTCAAG TTCTAGTTGT TCAATAAATT TGTTAATAAT GCTGAAA 177

配列番号:2182 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02493

配列:

GATCAAAAAA CCACAGGGCT TTTGGGCACT GCCTCCTTGG GAAGTTAGTG GCCACAGAAG 60 AGAGATGAAA CCTGTAAGAA GTCTGGAGTC TTTTGGAACT TCAGCCATTT CCCCAGGTTG 120 TTACTTTCTT AGTATGTACA GTCTTCTCAG GATGAGCAGT AAAACCTTTG AACAAA 176

配列番号:2183

配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02494

配列:

GATCCTAAAC TCTCTAGCTT AAGTGTAAAT GAAGTACAGT AGTTTCCCTA CTGAACCCTA 60 CCTCTTGTGT CCCTGGAACC TTCTAGAACA CCTGCCTTCT ACCCTCTGGT TGGGAGATGC 120 AGCCACCACA TCCCTTCATA TCATACTGTT TTGAATAAAT TTTCAAAATCC TTAAA 175

配列番号:2184 配列の長さ:166 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02495

配列:

GATCCGGAGG GCCCAGGAGA ACCGGAGCGT GCTTCAGGGT GCCCGCAGAA CAGGAGCTGC 60
TCAGCCAAGA ACTGTGGCGG CGGCTGCTGC CAGGATGCCG AAGATACCCC ACTAGCACCC 120
CTNAGGGGGT CATGTGGTCA ATAAAAGTCC TTAGCTGCTG CCTAAA 166

配列番号:2185 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02496

配列:

GATCAAAATC AAGAAATCCG GGCATCACAG AGAAGTTGGG TTTAGGACAG CAGGTGCTGT 60
TCCGAGACTC AGTCCTAAAG GGTTTTTTT CCCACTAAGC AAGGGGCCCT GACCTCGGGA 120
TGAGATAACA AATTGTAATA AAGTAACTTC TCTTTTCTTC TAAA 164

配列番号:2186 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02497

配列:

GATCAGCCCC TTAAAATNAG TTCTAGAGCA GGTCTTCTGT TCCAGAAGGG GAGAAGCATA 60 GAGGGCCTGT GAGCTCACGT GTGTTCTTTG TCATAGGGGT GAAAAACTAA CTTCAAGTGT 120 CCCTTGTTTG AAATAAACTT AGCAGAGTCA CTTTCTATCT TAAA 164

配列番号:2187 配列の長さ:163 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02498

配列:

: 配列番号:2192

AAGATGTACC	TTTGCTACTC	NAAAGTTCCC ATTCACCTTC ACCTCTTTCC	TGTCATGATG	TCTCTTGCCT GTGAGGCCTT	GCCACCATGT CCCAGCAATG	60 120 163
配列番号:			TIMINATI	nnn		163
配列の長さ	: 162					
配列の型:						
トポロジー	· · · ·					
	: HUMGS0249	9				
配列:	ACCTA ACCTC	CTCCTTTC.	MMC comm .	<b></b>		
CTAGAAATAC	CTAAATAGAA	TACCATCCTC	TIGAAGCTTA	TCATATACCC ATAGATAGTN	AAAGCCTTGA	60
TTATTTNAAT	AAATCCTAAA	GTNTGTCTNT	CTTCTCCTCA	ATAGATAGTN	TTNTAAAGTA	
	THE TOUTH OF	grandicini §	CITCICCICA	. AA		162
配列番号:	2189					
配列の長さ	: 154					
配列の型:	核酸					
トポロジー						
クローン名	: HUMGS02500	0				
配列:	•			•		
GATCCTGGCC	ATGAATGAAA	AGGATAAGAA	GAAAGAGAAG	AAATGAAGTG	ACCATCCAGC	60
CTTTCCCAAT	NAGACTTCCT	CTCCTTCCAC	CCCTCATTTC	CTTTTTGCAC	ACATTACAGG	120
IGGIGIGITC	TGTGATAATG	AAAAGCATCA	GAAA			154
配列番号:2	2190					
配列の長さ						
配列の型:						
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUNGS02501	l		•		
配列:						
GATCAAAGCC	AGCNACCCCC	ACCCCAACAC	ACTCGGTGTC	CCANTCATAC	TAGGGCCTGT	60
GTAAATCCCA	GCCTGGCCAT	ACCCTCAACC	TCAGTGGGCT	GGAAATNACA	GTGGGCCCTA	120
TAGCAGTGGC	AGAATAAACT	CAGNTGTGTT	CAAA			154
配列番号:2	2101					
配列の長さ						
配列の型:村					•	
トポロジー						
	: HUNGS02502					
配列:						
GATCGCCCCA	CTGCAATCCA	GCCTGGGAGA	CATAATTCAA	ATCTATTTTG	GTCTTATATC	60
TTCTTATGTT	TGTGTTATTT	CATGTGTGCC	AGTTTCTCTT	TTTTTCACAA	CAATTTATCA	
ATTTGTGGCA	ATAAAAATNA	TTTACCTTTT	AAA			153

配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02503

配列:

GATCATGGTG ATTTTACTGC TGCTTGTGGC TATCGTGGTT GTTGCAGTCT GGCCGACCAC 60
CAGCAGTNAC ACCTGCCAAT NACAGATGCA AGCCCAACAC CCTTTTGGTA CGCAAAACCT 120
GCTCTCAATA AATTCCCCCA AAGCTCTGAA A 151

配列番号: 2193 配列の長さ: 371 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02504

配列:

GATCCCAGGA ACCTTCCTNC TCCAGGGCAG CACAGGACTC AGCCATGTNT GGACCGGCCC 60
TGCTGAGGCT ACAGTCACTC TGGAAGCTCT GCGCTTCATC AGGNGGCAGG ACTGTGGCGG 120
GAGGGGTCCT TGAAGATGGG TGTGGGGAGC AGTGGGTCAG GAAGTGGGAG CCAGAGGTTT 180
GACTCACTTT GCTTTATTTT TCAGGCTACA ATACAGGTCA GAGACAATGG CTTATAAAGG 240
TTTAGTGTGG TCTCAGGATG TGACAGGCAG TCCAGCCTGA CCTTCTGCA CACTCCAGAC 300
AAACTTCCCA GACAAGCTCC TTTGTGCCTC TACGTGGAGA GGGTGTGGGA AAGTTATCAC 360
ATTAAAAGGT N 371

配列番号:2194 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02505

耐利 .

GATCAAGAAA GAGATGGAGG AGGAGGACTG AGCCCAGAAT TCACTAGGTT CGAATCCAGA 60
NAGCAGTGTG GAAAAAAAAA ACCAAAAANC AACTGNCCAG TTGTTGATAA CCACTAAGAG 120
TCTCTATTAA AATTACTGAT GCAGAAA 147

配列番号:2195 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02506

配列:

GATCTGTGTC ATTNCCCATG AGGGGCCGGG GCAGGTGGCT GGGTGGGGGC ACAGGCTGGA 60 GTATTCTNAG TTCTACTGGT TCTACACTGT GAGGTGGCAA TGGGATTTGC TCAGATGCCA 120 CCCAATAAAA TGCCTGTAAC TTAAA 145

配列番号:2196 配列の長さ:144

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02507

配列:

GATCGCTACT CTTAAGAATA TACATGTATG TATTCATAGG AACATTTTTT CTCAATATTT 60
GTATGATTCG CTTACTGTTA TTGTGCTGAG TGAGCTCCTG TGTGCTTCAG ACAAAAATAA 120
ATGAGACTTT GTGTTTACGT TAAA 144

配列番号:2197 配列の長さ:143 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02508

配列:

GATCAGCTGG AAGCTCACTA GTCATCTCCT GCCCAATCCC CAGAAACCCT GATTCAGGTC 60 :
TGCAGGCTCC TGCGGGCTCA CCACGGCTGC TGGCTCCGGT ACCATGTAAN NCCTAGGAAG 120
GTAAAGGNGC AGGCAACCTC AAA 143

配列番号: 2198 配列の長さ: 141 配列の型: 核酸 「ポコジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02509

配列:

GATCCAGTGA GATAGAATAC ATGTAAGTNT GGTTTTGTAA TTTAAAAAGT GCTATACTAA 60 GGGAAAGAAT TGAGGAATTA ACTGCATACG TTTTGGTGTT GCTTTTCAAA TGTTTGAAAA 120 TAAAAAAAAAT GTTANGANAA A 141

配列番号:2199 配列の長さ:137 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02510

配列:

GATCCCTTGT GGCTATGCAG ATACCTACCT CACAGAGTTG TTGTAGAAGA CTGGTGGTTT 60 GGTTCAAACC TTGTGATTAA AGAGTTTGTC AAGCATTTTA TTCTTTTGAA TAAAAGCAAC 120 ATATCNAAAA CATTAAA 137

配列番号:2200 配列の長さ:135 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02511

配列:

GATCCCTGTT TAACTCCAAA TTACAGTCGG ACTTGGATAC ATCATTTGTA ACATTGTAGG 60

				•	
AAAGAAAAAA GTCTTGGTT CTTTTGTTCT GTAAA	N TGAAAAACGA	TTTGCATTTG	GGTAAAATAA	AGTGACCATG	120 135
配列番号:2201 配列の長さ:135 配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS025	12				
配列: GATCCAGCTC AAGTGCCAT	C CTGCCAGTGG	CCCCCAGACT	GTGGGGTTGG	GACGCCTGGC	60
CTCTGTGTCC TAGAAGGGA GCTATCCCCG CCAAA	C CCTCCTGTGG	TCTTTGTCTT	GATTTTNCTT	AATAAACGGT	120 135
配列番号:2202	\$	•			
配列の長さ:133 配列の型:核酸					•
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS025	13				
配列:					
GATCACTACT GCTCTTGGACCCCATAAAAT CTGGCTCGT					60 120
GCCCTGCATT AAA					133
配列番号:2203					
配列の長さ:138 配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS025	1.4				
配列:					
GATCCTCCCG CTGGCTTCC TTCCTGCGGA GACCCTCAG					60 120
TGCTTTTGTT GGAATAAA		orroomac.	TOOOTGORMI	mmitomico	138
配列番号:2204					
配列の長さ:130 配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS025 配列:	15				
GATCATTTCA CCTGATGTT					60
TTTGTTAATT GTACACTGA GTGAATGAAA	A TAATGCCTTT	AAAAAATCAA	AATAAAATTA	ACAAATAATG	120 130

配列番号:2205 配列の長さ:176 THE REPORT OF THE PROPERTY OF

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02516

配列:

GATCTCCTAT GTTACCAATG TGTATCGTCT CCTTCTCCCT AAAGTGTACT TAATCTTTGC 60
TTTCTTTGCA CAATGTCTTT GGTTGCAAGT CATAAGCCTG AGGCAAATAA AATTCCAGTA 120
ATTTCGAAGA ATGTGGTGTT GGTGCTTTCC TAATAAAGAA ATAATTTAGC TTGAAA 176

配列番号:2206 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クロニン名:HUMGS02517

配列

GATCATGTTA TGAATTTGTA ACATTCACAC AACACCTCAC TTTTNAATCT ATAAAAGAAT 60
TGCACGTATG ANAAACCTAT ATTTNAATAC TGCTGAAACA GACATGAAAT AAAGAATTTA 120
AAGAATGAAA 130

配列番号:2207 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02518

配列

GATCTAGCTT CTGGCTCTGT GTGTTTATTG ACCAGTGGTG TGCCTTGAGA AACCAGAACT 60 CTCTGAATTT CAGTTTTGTC TCTNTNTAAA TGAAGAAGGT TGTAATAAAA AAAATCTCAA 120 GTTTCAAA 128

配列番号:2208 配列の長さ:349 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02519

配列

GATCCGTCAT GGNCAACGAG AAGCACAGCA AGAACATCAC CCAGCGCGGC ATACGTCGCC 60
AAGACCTCGA GAAATGCCCC CGAAGAGAAG GCGTCTGTAG GCCCTGGTTA TTGGCTCTCT 120
TCACTTTTGT NGTCTGTGGT TCTGCAATTT TCCAGATTAT TCAAAGTATC AGGATGGGCA 180
NNTGAAGTGA CTGACCTTAA NTGTTTCCAT TCTNCTNTGA ATTTAACTTA ACTCATTCCT 240
GATGTTTGAN CCCTGGTTNA ACAATTCAGT AAANATCTGC TAGAATNCTT NCTATCATNT 300
TCATGTGCAT TCAAGNTTCT CATNGCATCC ANGTTCTAGN CAACACAGN 349

配列番号:2209 配列の長さ:127 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS02520 配列: GATCACCAGG CAGCGACCTC CGCNCACCCC AGCAGTCGCG AGCCTCGGCC CAGCCANAGG 60 AAGCGNTGCC GNCGGACCTG ACTGACTTCC CAGTGGAACT GCCTTCTTNG GCTGGGACAG 120 CCNTTTN 配列番号: 2210 配列の長さ: 1.26 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02521 配列: GATCTGGGCC ACTTCCCTCC TTCCAGTCAT GAGTAATCAT CAAGGAGCAA GTTGGAGTGT 60 TTCAGGTGTA TATTTTGTAG AACCCAAAAG ATTGGAGCCT TAACAATAAA CATCAGCACT 120 AAGAAA 126 配列番号:2211 配列の長さ:126 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02522 GATCTTTCAT AAAGCAGAAT GGTACGTATC GGATTGTTTT AATGTTATAT ATTGGATTGT 60 ATTCGTTGTT ACAAAACCAA TATTCTATGG AGAATGAAAA AAATAAAGGA CTAAATTAAC 120 TGGAAA 126 配列番号: 2212 配列の長さ:127 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02523 配列: GATCTCGCAA AGTTATTCTT CCACCATGGC CAACAACGAA GGACTTTTCT CCCTGGTGGC 60 GAGGAAGCTG AGCAGACCCC TGTGATGCCT GTNACCTCAA TNAAAGCAAT TCCTTTGACC 120 TGTCAAA 127 配列番号: 2213 配列の長さ:125 配列の型:核酸

GATCAATGTA CTTTTATAA ACTTGCCATA GATATCTCAG ATTTGAAACC TCAAGACAGA 60 TTTATTATTC TTAAATGCTG TATGATAATG AAGAAAAATA AAAATTTATT TCTTGCAAAG 120 TTAAA

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02524

配列番号:2214 配列の長さ:121 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS02525

配列:

GATCAGTTTG GAGAGTAGGG GGCCACTCAT ATTCTGGGCT CCTGGAACCA ATCCCGTGAA 60
AGAATTATTT TTGTGTTTCT AAAACTATGG TTCCCAATAA AAGTGACTCT CAGCGAGCAA 120
A 121

配列番号:2215 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02526

配列:

GATCCCCGCA TGGTGTTGGG GGTGCTGGTG TGTCTTGGTG CCTGGACTTG AGTCTCACCC 60
TACAGATGAG AGGTGGCTGA GGCACCAGGG CTAAGCAATT AAACCAGTTA AGTCTCCCAG 120
GAAA 124

配列番号:2216 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02527

配列:

GATCAAAAAG GGGTCTGAGG TTGCATCAGG GAGACAACTG TAATGATATA AGCAATAGTT 60 GAGAACCTGA CAGCAAGTAA TAAGACAGGA AGAATAAAAC TAGAAGAAGT CAGAATGAAA 120

配列番号:2217 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02528

配列:

GATCTGAGTT CTGAGCAAGT CAGACTCCTT CCTTTTGGCC TCCAAAGCCA CAGATGTTGG 60 CCGGCCCACC TGTTTAACTC TGTATTTATT TCCCAATAAA GAAGGGCTTC CAAAGGCAAA 120

配列番号:2218 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02529

配列:

GATCGGAACT GTAAAGCTAT AATCCCCAGA ATTAAAGTTT TTATTATTTT TTATACATTG 60
TAAAACATAG ACGTTTATTT ATGTGATTAA NTTCTATTAA AATTTACATG CTAAANTAAA 120

配列番号:2219 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02531

配列:

GATCCAGTTT TTCTTGGGAG GTTGTATCTG GTCATAAGGT AAACATTCTA TATATTCTAT 60 GCCTGCTCTA GAATTGAAAG ACTTCAGCAG TATTAAAGCA TTTTTTAATC TTAAA 115

配列番号:2220 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02532

配列:

GATCTGTATT TGTATATGCT GATGCAATGA TAAAAATCAC TGTAATAGNT TCATTGTGTT 60 GTACTGGATG CAAAGCTAGA AAATATTGCA ATANNTGAGA CCGATGAAAG ACTTCTCTGA 120 AA 122

配列番号:2221 配列の長さ:110 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02534

配列:

GATCTTGGGC AAGTTAATCT CTGGGAACTT TGGGTTTCTT ATCCTCAAAA AAGGCGATGG 60 AAGGNCTGGG NCNCGTGATT AAATAAAGC AACGCAAGAA AAATGCCAAA 110

配列番号:2222 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02535

配列:

GATCGATGGT ACTITITGAA AATGCTITAT TGCAAAAAAG TGGCTAGGGT TTTACAAGGN 60 CTATGAAGAA ACATATTAAG GTTAATAAAG CTTITITATTG AGTGTTAAA 109

配列番号:2223 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02537

配列:				
GATCCTCCCT TAGAGCATTT GGAAGAGTG	T GGCCCTGCCA	ACACCTTGAC	TTCAAACTTC	60
TGGCCTCCAT AACTATGAAA TAAATNCTT				105
·				
配列番号:2224				
配列の長さ:108				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS02538				
配列:				
GATCTGTCCA CTTCTGGTGT CAAAGATTT			CTATGTATTT	60
NATATGTATA ATTTTATACA ATTAAAAAT	A GATTTINGTC	TAGTGAAA		108
配列番号: 2225				
配列の長さ:102				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS02540			•	
配列:				
GATCTTATAT CATTACAGTA GCCTTTTTG	ጥ ልርልልፕሮሮልፕሮ	<b>ሮፓል</b> ሞሞፕሮርል	CATGGATAAT	60
CATGTCATGA AGAATAAAGA CAGTTTTAC			CHIGONIANI	102
Oscilland	1 1011100111	1111		102
配列番号: 2226				
配列の長さ:100				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02542				
配列:				
GATCCCAGGG GAGGGGTCTC TCCTCCCAC			CCCTGCACTC	60
AATAAACCCT CAATAAATAT TCTCATTGG	T CAATCAGAAA			100
TITIME				
配列番号: 2227				
配列の長さ:97				
配列の型:核酸				
トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02543				
クローン名:HUMGSU2543 配列:			•	
GATCTGCTGC TTCCAAGTTG TGTGACCTT	'G -	<b>ጥጥል ል</b> ቦ <b>ሶ</b> ጥጥጥ	ጥር <b>አጥጥር</b> ጥር ልጥ	60
TTCGCTTTTT AATAAAGTGG GTCTGGTGA		IIMMOUIIIU	TAVITATONI	60 97
	a vanvaan			31
配列番号:2228				
配列の長さ:97				
配列の型・核酸				

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02544

配列:				
	<b>ጥር እ</b> ርጥር ር ለጥር	C + CDCCCCCC	TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT	
GATCCCACTG TATGGCTATA CGGTATTTTA TGTGGACTAT TATGAATAGT GGACGCTTGT		CACTGTCGGG	TITTTCCCCT	
TOTAL TRIBANIAN WORLDCITAL	UIUCAAA			97
配列番号:2229				
配列の長さ:94				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS02545				
配列:				
GATCAGGTGA GCTGTGTCCA GAAAACCAAC	GAGAAGGAGT	GGAAGGAGGA	<b>ለጥር ል ል</b> ረገርጥጥጥ	en
CATTCTCGTT AATAAAGGCA TTATCCTAAT		UUAAUUAUUA	AIGAACGIII	60
/ MINIMAGON TINICCIANI	IAAA			94
配列番号: 2230		•		
配列の長さ:102				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02546				
配列:				
GATCTAATCT ATTCCTGGGG CCATAACTCA	TGGGAAAACA	GAATTATCCC	CTAGGACTCC	60
TTTCTAAGCC CCTAATAAAA TGTCTGAGGG				102
配列番号:2231				
配列の長さ:93				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02547				
配列:				
GATCATATAT TTGTGGCATA CAGTGTGATG		NATATAATTT	TGTATACAAT	<b>6</b> 0
GTGGAATGAT TAAAACAAGC TAATTAACAT	AAA			93
제되므로 . 0000				
配列番号: 2232				
配列の長さ:92				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2548				
シローン名:NUNUSUZ548 配列:			•	
GATCTGCACT TCCTCCCCTT TCACCTACCT	GTACACCT! 4	CCTCCCCCTT.	ር ለ ርምር ለ ሶርሞም	co
TATTTAAGAA TAAAATCGTG GTGGTGGTCA		COTUUCCITA	UACTUAGCIT	60
THE THEORY INDICATE STREET	ww			92
配列番号: 2233				
配列の長さ:91				

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02549

配列: GATCAGTGGC TGCTGGGTGG CG ATTCATAAAG ACCTCGTGTT GA			CCTGGCAGGN	CTGGNTGGCG	60
配列番号:2234 配列の長さ:89 配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02551					
配列:	ምርም <b>አ</b> ርምርር	MAG LAMAMAA	10000001001		
GATCTAACCC CTTACCCATC TN ATGCTGGAAA TAAAACAGCT GC		TGGACTGTGG	AGGGTCACCA		60 89
配列番号:2235	\$				
配列の長さ:88					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02552					
配列:					
GATCTTTTG AGAGAAACAA AT	GAGGATTG	TAAAGTTTGG	GGACTTACCT	CTGTAGCATT	60
GTGAAAATAA ACTTTGATTA AG				o i d i i i doi i i i	88
配列番号:2236					
配列の長さ:88					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02553					
配列:					
GATCACCTCG GCGTCTGTTT TG	TATGCTCT	TTACCTATGG	ACTAGTTTGT	GGACGGCTAA	60
GAAATACAGC CTCAGCATTG AT				441104401121	88
配列番号: 2237					
配列の長さ:88					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02554 配列:				•	
GATCTTAAGG AGTGTAATTT GCA	ል ል <b>ጥ</b> ቦፕል ልጥ	<b>ጥ</b> ጥ ለጥ ር ጥር ጥ	<b>T ለ</b> ርፕርፕርፕርፕ	<b>ጥር ጥጥ</b> ል ል ልርርር ል	60
TATACAATAA ACGGTGTTTA TGG		IIIMICOICI	inciciului	INTINANUA	60 88
配列番号:2238					
配列の長さ:96					
配列の型:核酸			•		
トポロジー:直鎖状					

クローン名: HUMGS02555

配列:				
GATCTGGCTG TGAGGCCCTC AGGGCA	GGGA TACAAAGCGG	GGAGAGGGTA	CACAATGGGT	60
ATCTAATAAA TACTTAAGAG GTGGAA				96
配列番号:2239				
配列の長さ:86				
配列の型:核酸		•		
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02556				
配列:				
GATCCGGGGA CCAGGGGCTG ACCTCCA	ATTC GTACCCCACT	GCTTTGGAGN	TGATGGGACT	60
ATCAATAAGA ACTCTGTTCA CGCAAA				86
7	•	•		00
配列番号: 2240	3			
配列の長さ:90				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02557				
配列:				
GATCAAACCA TTTNACCTGG AGTTTG	GTAC TGGTTTTAAC	TTCTCTNAAT	CTGTATAAGA	60
AAAATGAAGA CAATTGAACT TTCAAAG				90
配列番号:2241				
配列の長さ:85		-	•	
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGS02559				
配列:				
GATCCAAGTT TTGCGGGGTC TAAAGC	IGTG TGTGTTGAGG	GGGATACTAA	GTTTATGAAA	60
AAGAATAAAA AACACAACCA CGAAA		•		85
配列番号:2242			,	
配列の長さ:84				
配列の型:核酸		•		
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02560			•	
配列:				
GATCTCGCCA CTNTTCTCCA ACCTGG	CAA TAAAGCAAGA	NCCTGTCTTC	AAACAAGCAA	60
ATAAAAACTT CCTTATCCTG CAAA				84
Tiring II				
配列番号: 2243				
配列の長さ:80				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02562				

配列:				
GATCCTGTTA GCTTTCTGAA TGTTCTGTGG	TTGAATGTGT	TTTTGCTTAA	ATAAAGCTTT	60
TGGTATTTGT TTAAATTAAA				80
配列番号:2244				
配列の長さ:79				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状		٠		
クローン名:HUMGSO2563				
配列:	•			
GATCCCAACC GTTTGGCACA GCTTTGGCCA	CAGCCAGGCC	CCTCTGGAAT	TGTCCTTATT	60
AAACCAGTTT CCCGAGAAA				<b>7</b> 9
			•	
配列番号: 2245	•			
配列の長さ:78				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGS02564				
配列:				
GATCCGGGTC AATGCTTCGT TTTCTAAAGG	ATGCTGCTGT	TGAAGCTTTG	AATTTTACAA	60
TAAACTTTTT GAAACAAA				78
配列番号:2246				
配列の長さ:76		•		
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS02565				•
配列:				,
GATCTTGGTT TTCCATGAAT ACAGCATGTA	TAATAAAAT	TTTAAGAAAT	AAATGTTATT	60
CTACTTTATT AACAAA				76
配列番号:2247				
配列の長さ:74				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状			•	
クローン名: HUMGS02567				
配列:				
GATCTTCTGC CGGGCGTGCC CCAGAGGACA	GTGGGTGGAG	TGGTCCTACT	TATTAAATGT	60
CTCAGCCCCT CAAA				74
				1 1
配列番号:2248				
配列の長さ:73				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS02568				

配列:				•	
GATCTCACCT TTGCAAAGTT	CCATACTCAA	ጥጥጥ (ነጥጥጥጥጥ •	G100111711	4.4.0.4.00m.4.mm	
CTGTGATTTT AAA	GUATAGICAA	IIIGIIIIIA	GAGGAAATAA	AACACTTATT	60
CIGIGATITI AAA					73
配列番号:2249					
配列の長さ:73					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS0256	0				
シローン名・nond30250 配列:	9				
		G1460181G11			
GATCTGGAGA GAAAAACATT GGATTATAGC AAA	CAAACCAIIG	CAICAIACAA	AAAAAAGGCT	ATTAAAAATT	60
duntining MA					73
配列番号:2250	57				
配列の長さ:72					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS0257	0 .				
配列:	O .				
GATCAGAGTA AGAATGTCTT	AAGAAGAGGT	<b>ም</b> ቸርጥል ልርርጥር	<b>ጥጥብ ጥ ል ልጥ ል ል</b>	*	co
GTTATTTACA AA	AAGAAGAGGI	TIGIAAGGIC	IICAIAACAA	AGIGGIGIII	60
diminion in					72
配列番号:2251					
配列の長さ:74	•				
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUNGS0257	1				
配列:					
GATCAAATCT GTACAGTTTC	TATTGTTCCA	GATTTTTTA	AGTTTGTATT	AAAAGCATGA	60
TACATAATAG TAAA					74
					••
配列番号:2252					
配列の長さ:71					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0257	2				
配列:		-			
GATCTTTTCA GTGTTTTTTC	ACTTTAGCTA	TGTGGATTAG	CTAGAATGCA	CACCAAAAAA	60
ATACTTGAGC N					71
配列番号:2253					
配列の長さ:71					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					

クローン名: HUMGS02573

配列: GATCCAGGAG GGAGCCACCC CCAAGGACCC ATGGAAACAA A	TGCCAGCCAC	AGACCTCCAA	TAAAGACAGC	60 71
配列番号:2254				
配列の長さ:71				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状 クローンタ・UIIVCSOOE74				
クローン名:HUMGS02574 配列:		-		
GATCTGATGT GAATTCAGAT TTCCAATCTT	CTCCT LCCC L		maa i i miri i i	
AATTCAGTAA A	CICCIAGCCA	ACCATTTICC	TGGAATNAAA	60
i				71
配列番号: 2255	•			
配列の長さ:69				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02575				
配列:				
GATCCAGAAG TTCTAAATCC AGGATTTTAA	TTAGTAACTC	AAATAAAATG	CCACACATTT	60
TCATACAAA				69
Tirum Co.				
配列番号:2256				
配列の長さ:69				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02576				
シローン名:nunusuzs76 配列:				
GATCATAGTA GTGCCGCTGT TGAGTGATAA	40044 <i>0</i> 77707	C488444C48	amamamua. a	
ACATGGAAA	AGCAACIIGI	CATTAAAGAT	GTGTGTNCAG	60 69
				09
配列番号:2257				
配列の長さ:69				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02577			•	
配列:		-		
GATCCCAGCC CAAATNNGCC CATTCACACA	ATCAGGAGCN	${\tt AAATAAATTA}$	CTGTTGTCTT	60
AACACTAAA				69
配列番号:2258				
配列の長さ:68				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02578				

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02585

配列:

配列:			
GATOTTCAGO TGTTTGCCCG TNCTTATTAC ATAAACTGAA AA	ACAGGATAA	AAACGGAGTG 6	50
CAATGAAA		(	86
配列番号:2259			
配列の長さ:63			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名:HUNGS02580			
配列:			
GATCTGTCAA AGATATGAAC ATGAAAGAAC AGCTTATTTC A	ATAAACCCA	CTTTACATAC (	60
AAA		(	63
<i>;</i>			
配列番号:2260			
配列の長さ:63			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名:HUNGS02581			
配列:			
GATCAAAAGT AAATGTTCTC TTTGCCATTT TAGATGGAAA A	AAAAAATA	ATTAAAAAGT	60
AAA		•	63
配列番号:2261			
配列の長さ:86			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名: HUMGS02582	•		
配列:			
GATCTACATG AAGGAACTGT AGATGATGTA TTTTTTTCAT C	TTTTTTGTT		60
CAATAAAAAT GATACTGATG GTGAAA			86
ETEL ST. D. OOOO			
配列番号:2262			
配列の長さ:60 配列の型:###			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状 クローン名・UIMCCO2502			
クローン名: HUMGS02583			
配列: GATCCCTTTT TTATTTTGTG GTTTTTTAAT ATAGTATAAA A	ኒ <i>አጥርጓር</i> ማጥጥጥ ል	***	60
UNICOCITI IINITITUTU UTITITIANI AIAUTATAAA A	WILCIIIIW	AAAAAAAAA	οU
和列录号,9969			
配列番号:2263	•		
配列の長さ:67			

- Carles and Carles an

GATCAAAACA GGATTCCATT GACCTAATT TTTGAAA	A TATTAAGCTA	ATAAACTAAT	TTTTTGAATT	60 67
配列番号:2264 配列の長さ:58 配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02586				
シローン名 . nond302300 配列 :	•			
GATCAATATT TATTGACTTG TAGTAACTG	C CACCAATAAA	GCAGTCTTTA	CCATGAAA	58
配列番号: 2265				
配列が長さ:55				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02588 配列:				
GATCAATAGA CTGTACTTAT TTTCCAATA	ላል ለአጥጥጥጥላል	       	ጥተልልል	55
UNIONATION CIGINCITAL TITCONALI	IN ANTITIONAL	CILITATACIO	IIAAA	JJ
配列番号: 2266				-
配列の長さ:53/				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02589				
配列:				
GATCATTCTC AGTATCCACT GTCTATGTA	AC AATAAAGGA?	r gtttataago	: AAA	53
新和亚县,9927				
配列番号:2267 配列の長さ:53				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS02590			•	
配列:				
GATCCATTIN TITTGTGAAT GTGCTAAA	TA AAAAGTGTT.	A · TNAATTGCT(	G AAA	53
配列番号: 2268			•	
配列の長さ:52				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGSO2591				
配列:				
GATCCTGCAT CCCACTCCCT GGGAGCCA	AT AAAGTGCAT	T TTCACAGGC	A AA	52
77 F.J. # C . 0000				
<b>初別来号・9960</b>				

配列の長さ:50

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 ーーン名:HUMGS02592

配列:

GATCACAAAG TCAAAAACCC ATAAGAAAAA TTGAAAAAGC TACAAGCAAA

50

配列番号:2270 配列の長さ:50 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02593

配列:

GATCATATTT TCTATTAAAG TGGCTAACAC CTGGCTACTC TTACTGTAAA

50

配列番号:2271 配列の長さ:290 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02612

配列:

GATCTGTAAA TAAAATCAGT GCACTGTGAA TCACACCCAG CCCCTTTCCC TGCTGTGTGG 60
ATTAGGTGTC AAGACACCTA GTTCTTTCTG GGGCCACCCG GCTGGCCTCA CTGCTTATAT 120
TAAGGCTCCT CCCAACTCTC ATTTTCCTTT GGAAAACAAG ACTTTTTTCC CCATGGTTAC 180
CGCTGAGATA CTGGGGCTGT AGTAGTATAA AAGCTCACAG TTCCTTCTGA GTGCTGAAAA 240
GAGTGCATGA GTTGCTTCGA AATAAAAGGG TCAAGCATTC CTACCTGAAA 290

配列番号:2272 配列の長さ:556 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02627

和 列

GATCTGTGCT TCCNACTCAC ATGTNAGGCC ACGCCATCCT CTTGCTGAAN CCCTATTGAT 60
GCTTTCTAAC AGGTTCTCGT GTCTCCCT GACCAGGCC TCTTACAGAC TGCAGAATTA 120
CCATCCACAG TGTACATTGG ATGAGAATGT GTCACCACCA TGCTTAGAAC CACTCCTATC 180
ACTGACAGGT CAATATCTGA GCTCCTTGGC ACAACACACA TGTCCAGGGA GTGGCCAGTA 240
ATTAGTTGTG CCTGGAGTAT TGAGAGCATC AGTGGCCGGG AACATCAGGC AAGATGTGAT 300
GTTTTAAAGA GCCTTGAATG CCATGCTAAG GACTTNGAAC TGCATTGCAC AGCCCATGGG 360
GAGCTCTGGA AGGTTTAAAA GCAGNGAAGA NCCTTGCCTT TGTCTAAATT CTGTAAGTCT 420
CAAGCACTTC TGCTTTCCTT CATAGNACTT TGTAAATTAT TTCAATTGGC TTGGTTNATT 480
TTTTNCNNNA TTTTCCCCTT AAATTTCAAN GTTTTTGGGC GGGATTAAAT NNTGGCTTTT 540
TTGNTCNCNT TTTAAA

配列番号:2273 配列の長さ:527 WO 95/14772

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02628 配列: GATCTGAACA TCTGGCCCAA GTGAAGCATG GCATATAGTG CCCTTGGAAG AAAATTAGGC 60 CTCAAATGAC AGTAGCATTG AAGTGTTTGC TGCAGAGTTG AGGGAAACCC CCAGCCACCC 120 TCCCGGAATC CGAGATAGGG TGGCACATCT GTCCTGACAG ACGAGGAGTG TAACTNAACC 180 AGGAATATTT CCTCCATTCC TGCTCTCCCA CTGCACACAG GGTGGTGGCA CATTATCCCT 240 CTGGGGGGTG GGGACGCCTG TTGTTTTGGC TCAATTTGGG TTTGTTGGTC ACATGGAGCT 300 CTTCCATTTC GTTTAGCTGA ATAATGAGTT GTTCCTAGAG GAGACAGCCT GTCTCTCCTT 360 GTTNNCCNCA AAGCCCATGN CCTGNCGTGG TGGANCTGGG GCTTTTGGNT GGGGAGGGGN 420 CCCAACAATG GATNTTNTTN CCTTNCTCCG AATTCCAACG GANTNNAATG TNCAAAGGCC 480 CTTTNGAAAC TTGGNGGGAA ANTTAATTNC TNTNCCCTNG NNGTGGN 527 配列番号:2274 配列の長さ:458 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02629 配列: GATCAGCAGC CAATATGGGT TTGTTTGGTT TTTTTAATTC TTAAAAACAN CCTNTAGAGG 60 AATAGAAACA AATTTTTATG AGCATAACCC TATATAAAGA CAAAATGAAT TTCTGACCTT 120 ACCATATATA CCATTAGGCC TTGCCATTGC TTTAATGTAG ACTCATAGTT GAANTTAGTG 180 CAGAAAGANC TCAGATGTAC TAGATTTTCA TTGTTCATTG ATATGCTCAG TATGCTGCCA 240 CATAAGATGA ATTTAATNNN NNNCAGCCAA AGCAATATAC TCTTACATGA TTTCTAGGCC 300 CCATGACCCA GTGTCTAGAG ACATTAATTC TAACCAGTTG TTTTGCTTNT AAATGAGTGA 360 TTTCCATTTT GGGGAACAGG TTTCAAATGG ANTATATNTA CATGGGTAAA ATTCCCCTGT 420 GCTAGTGTAG GNCTTTCCTN GGGGAATGTT TTATGGGN 458 配列番号:2275 配列の長さ:452 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02630 配列: GATCGACTAC AAGCCAGCCC CTANGCACCT GCTGCTACAT CATGAAGNTA NCTCCAGAGA 60 GCATCCCCAG TCTTGAGGNT CTCAATAGAA AAGTCCACAA CTTCCAGGCC AAGCCCGCAG 120 TGCCTACGTC TAAGCTGGGC CAGGCAGAGG GNCGAGATGC AGGCTCAGCA CCCTCCGGAG 180

GGGACCCGGC CTTCCTGGGN NTNGCCGTNA NCACCCTGTG TGGCGAGGTG CCGCTCTACT 240
ACATCTAGGA CGNCTCCGGT GAGCAGGGTC AGTGGAAGCC CCAACGGGAA AGGAAACGCC 300
CCGGGCAAAG GGTCTTTGC AGCTTTTGCA GACGNGCAAG AAGCTGCTTT CTTCCCACAA 360
CCGNAGGACC AAAACCCTTG GAGAAANTGN GNAGNTTGGN GGAGATGGAT TTGGGAGTTT 420

配列番号:2276

GGCAANAGGG TTGGACCCNA NGNGGGCCCG GN

452

WO 95/14772

配列の長さ:451 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02631 配列: GATCTTGTTT ACTTTTGGAC

GATCTTGTTT ACTTTTGGAC ATCAAGCCCA TCACTGCCAG CCAGTNAAGA AGGATTCCAG 60
CCTATGCCCT CAATCACAAT AAGACCACCA GATGACCAAC ATCTTCCTAC TGCAAATACT 120
TGCATTTCTC GACTTTACGT CCCACTCTAT TCCTCTAAAC AGATTCTCAA ACAGAAATTG 180
TTACTCGCCA TTAAGACCAA GAATNTTGGC NNNGTGTAGA GTATAAAAAG TGTGTATTGC 240
TGTGTAATAT TACTAGCAAA TTTTGTAGAT TTTTNTCCAT TTGTCTATAA AAGTTTATGG 300
AAGTTAATGC TGTCATACCC CCCTGGTGGT ACCTTAAAGA GATAAANTGC AGACATTCCT 360
TGCTGAGTTT ATAGCTTAAA AGGCCTAAGG GAGCACTAGC AANCATTTTG GGCTATATTT 420
GGGTTTGCTA GGTCACCAAC TTTCCTGGGG N 451

配列番号:2277 配列の長さ:446 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02632

配列:

GATCCAGCCA GGCATCTCGG CGCTTTGGCA CCATGAGTTC TATGTCTGGG GCCGACGACA 60
CTGTGTACAT GGAGTACCAC TCATCGCGGA NAAGGCGCCC AGCAAACATG TACACCCGCT 120
CTTCAAGCGC TTTAGGAAAT NATNCTTAGG CAGGGTACTT CGTTCAAGAC CGGCGCTTGG 180
CACCCTTGTT GGAAAGGGNT TTTCAGCATA ACATTTTCCT TCCACCTCTT TGACCTTCCC 240
TCCAGCGTTG GCCAAATTGT GCTGAGGAAG ATGCATCAAG NGNTTGGCTG TGCCTTCATA 300
GGTCATCTAG GGTTTTATAA AGGAGGAGGA GACAATATTT NTTCAAACTT TTTTGGGAGT 360
GGGGTCATTT TCTGTATATA AANAATGTTA ATATTTAAGG TGTAGTTTAT GTTACCGTTC 420
TGAATAAACA GATTNGGCCA TTNAAA 446

配列番号:2278 配列の長さ:425 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02633

配列:

GATCCACACC TGACCCTGTT GGGTCGAGTT AGGNTGGGCC TTGGTCTGCA CTGTAGCACC 60
TNTGTTCTTT GAGTTCACAT CATGAATGTG GTGACTTNCC AGNTACCATA TCAGGCTTAA 120
CCTAGCACAT CCTATTCTT TNCTTCTATG ATATCCAAAT TGGACTGACC TCACTTCAAA 180
GTTGCTGTCC CATTTTGTCA CCCTATCTTA TCTCGGGGAA ATTGCAGACT GATGGCCAGA 240
CCAACTCTGT TGAAATTCTT GCATAGAGCA AACCTGTGCT CATTTTTAAG TGGCATGGGA 300
GAGGCCCCCA GCCTAGTAAA GCCTAGTCTG TGTCTTCACA GTGCTGGTAG NATGNGTTTT 360
GTGTGTATAA ATATATGATA TAGGATTGAT AATATGTTNN CTAACGGCCA TATTATTGAA 420
GGGCN 425

配列番号:2279

配列の長さ:414 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02634

配列:

GATCTGCCTT AACTCCAACT TACATGTTTT GGTCACTATT ACAAACTGTC ATCCCAGAAT 60
GATGCTGCAG AGGCTAGGGC TAGGACACAG ACCAGTGTTT CCATGTGGGA ATTCCCTCC 120
AGTATTTCTT AGGAANNNTA TGTTTTTTGA ATCCATAATC CCTAGAAAAA TCAGTTGAGG 180
AAATGAGAAG TATTGTAATT ATNCTGTGAA TAGTAACACT TACCATTATG GAGACATCAC 240
TAGTTTGAAA GANTCCAACT TCATCAAATN TTAACGTACC GAGTTGAAGG NTACAAGANC 300
TGAGACAGGA GCATAGCAGA GGAGAAACGG TCACCATCTC ATTAGCCCTA TTTTTTGGNT 360
TGNTGTGATG CCATTACATC TGNAATAATC TGGGCCATNT CAGCTGCTAA TGGN 414

"大学"的一致60年16年大学学院是国际政治的

配列番号:2280 配列の長さ:293 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02635

配列:

GATCTCACCT TCCTTCGAAT TCGCTCCAAG AAAAATGAAA TTATGGTTGC ACCAGATAAA 60
GACTATTCC TGATTGTAAT TCAGAATCCA ACCGAATAAG CCACTCTCTT GGCTCCCTGT 120
GTCATTCCTT AATTTAATGC CCCCCAAGAA TGTTAATGTC ANNNNNGTCA GTGGACTAGC 180
ACATGGCAGT CGCTTGGAAC CCACTCACAC CAATCCAGTG ACCGTGTGTG GGCTGGNGGC 240
TCTNTNTCCC NCNCCAACGG AACCCCNGTG TGCACCAACC TTTNNCNCAG AGN 293

配列番号:2281 配列の長さ:400 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02637

配列:

GATCTGGCAG GGCACCACAG CGCCCCCTAC TGAACCATCA GCATGTCAGT GGCATTTAAA 60
GCCATGCAGC TGGAGGGGCC ACTGAGATTG TCTCTGAGTA TTACTGAGAA GCAACAGAAA 120
AGAGCCATGG ATGGAGCCCT TGGGCTCTCT GGGAAATGGG AAATCAGCCA AAGGACTGAG 180
AAGGAGTTAC CTTAAGGTCA GAGAAAACCA AGAGAGTGTG GTGTTCTGGA AGCTGAGCTT 240
TCTTTATTCA ACCTCATTCC CTTCTCCAAA TAAGCCACTT GTGTAGTTGG GCCCCTCCAG 300
GGTTGAAGGC AAGAGGAGAA AGGCACAGCG TTTGGGAAAC AAGACTTTC CTGCAATAGC 360
CTGGGGAAGG AATAAAANGG ATAGAGGTGT TTGGGGGAAA 400

配列番号:2282 配列の長さ:400 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02638

配列:

GATCTGTCCA ACGCCTGCAG CGTGGATGTG GAGGCGGACT AATCAACNAG TGCTCTGTTA 60
TTATTTCTAC CCATCCTTT TCTCCATGCT AATTTGCTTA GAACTTTAAC ATTGAATGGA 120
CAGCAAATGT CATGTTCTGT TTAATTATCA CTCCTTGACC ATTATGTTAA TTTCTTTCCC 180
TAACAAGGTG ACGCATTGTT TTAAGTAACA ATGACCAACT CATCTACTCT TCTTCCAAAT 240
TGTGTAAATT GAANGGGTAA AATGTGGGAA AACGCTAAAT TTGAATGCTA AATTTGAACA 300
TTTCACACAA CCAATAATTT TGAAATGCTT CTTNGCAATA TTATNGCGGT TTCGGNACCA 360
GGTTAAAAAAT NNCTTTCATT TTCAGGNCAT TTTGGTCAAA 400

配列番号: 2283 配列の長さ: 386 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02639

配列:

GATCGATAAT ATAATTTATA ATGAAATTGC TTTATCAGCT ATTAATGTTA ACTACATCAT 60 CTTCATATAG CNTTATAACT CATTTGTGCT ATTCCATTTT CCTCTGTTCC TTTTATTTTC 120 ACTTCCCTTG TAATGTTAGT CTCTTTGTAC TGATTTCTGA AGAGTTCATT TATGATTAAA 180 CATGTTAACA TTTTGTCTAG AATTGCAAAT ATGTTTTCC TCATTCATTT TACTATGGTG 240 TTTTATTTTT GGGTTATACA GAAGTNGTAT ATTGAAATAT AATCTNGTNC TGTTTTATGA 300 CTTTGGAGTT TTGTGGTTTT TTNAAACCAN GTTTACAGTG GNATCCNTNN ATTNGGTATT 360 GCCGTCNTAN TNCCNGCAGT TAGGTN 386

配列番号:2284 配列の長さ:384 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02640

配列:

GATCTNNTCA AACAGCAAAC GCCCACAGAN GGCCCAGAGG NGGTGGTAAT CAGGGTGTGT 60
GGGTGNTTTT AGGGTTCTTT AGTGTTGTTT CTTTCACCCA GGCGGTGGTG GTCCCAGCCA 120
GTTTGGTGCT GACGGTGAGA GGAAATNAGA ATCTGTTTGC AAATTGTCCA ACCCACCCC 180
TCAACATGAG GGGCTTCCAT TTTNTGTGTT TTGTAAGGGA ACTGTTTCCT TCATGCCGCC 240
ATGTTCCTGA TATTAGTTCT GATTTCTTTT TAACAAATGT TATCATGATT ANGAAAATTT 300
CCAGCACTTT AATGGCCAAT TAACTGAGAA TGTAAGAAAA TTGATGCTGT ACAAGGCAAA 360
TAAAGCTGTT TATTAACCTT GAAA

配列番号:2285 配列の長さ:383 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02641

配列:

GATCTTTTCT ATAATATCCT ACTACTTTGG TTTTCCTAGC TCCATACCAC ACACCTAAAC 60 CTGTATTATG AATTACATAT TACAAAGTCA TAAATNTGCC ATATGGATAT ACAGTACATT 120 CTAGTTGGAA TCGTTTACTC TGCTAGAATT TAGGTGTGAG ATTTTTTGTT TCCCAGGTAT 180

AGCAGGCTTA TGTTTGGTGG CATTAAATTG GTTTCTTTAA AATGCTTTGG TGGCACTTT 240
GTAAACAGAT TGCTTCTAGA TTGTTACAAA CCAAGCCTAA GACACATCTG TGAATACTTA 300
GGATTTGTAG CTTAATCACA TTCTAGACTT GTGAGTTGAA TGACAAAGCA GTTGGACCAA 360
AAANTTTATG GGCATTTAAA GGN 383

配列番号:2286 配列の長さ:424 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02642

配列:

GATCTAAAAT ACCTGGTGGC TTTTNACAAA AAGCAGATTT TNTTCATGTA CTGTNATGTC 60
TGATGCAÁTG CATCCTAGAA CAAACTGGCC ATTTGCNAGT TTACTCTAAA GACTAAACAT 120
AGTCTTGGTG TGTGTGGTCT TACTCATCTN CTAGTACCTT TAAGGACAAA TCCTAAGGAC 180
TTGGACACTT GCAATAAAGA AATTTTATTT TANACCCAAG TCTCCCTGGA TTGATAATAT 240
ATACACATTT GTCAGCATTT CCGGTCGTGG TGAGAGGCAG CTGTTTGAGC TCCAATGTGT 300
GCAGCTTTGA ACTAGGGCTG GGGTTGTGGG TGCCTCTTCT GAAAGGTCTA ACCATTATTG 360
GATAACTGGC TTTTTCTTC CTCTTTGGAA TGTACCATTA NAAATAATTT TTTGAACCAT 420
CAAA

配列番号:2287 配列の長さ:378 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02643

配列:

GATCCGAAGA GGAAGGCCGG TCCGGGCTCC ACACTTAGCT TCGTGGGCAA ACGCAGAGGC 60
GGGAACAAAC TAGCCCTNAA GACGGGAATA GTAGCCAAGA AGCAGAAGNC GGAGGATGAG 120
GTATTAACAA GTAAAGGTGA CGCGTGGGCC AAGTNCNNGG CAGAAGTGAA AAAGTACAAA 180
GCTCACCAGT GCGTGACGA TGATAAAACT CGGCCCCTGG TGAAATNACG CCCCTCCCCC 240
ACCTGCCCAT GGCCTGGGAC TCTCTGCGAT GTACATAACT ATTTAATGCA GCGGCANGTC 300
GACAGCTTTC CCTGAGAGGA CTTAAAAGCA GAAGGAAACC GAGATGCTTC CCGNAAGCCG 360
TGGACGATTC TCCAAGGN 378

配列番号:2288 配列の長さ:370 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02644

配列:

GATCTTCTTG ACTATGCCAG TTGTAGTACC AGCTTCTGTA TCTGCACTGA ATTCTGNCTC 60
AGTAATATGC CTTTGTTTAA AATTTAAATA TTTTTTCATT TTTTTAACCT AGAAAATAAT 120
TATAATGAAN NNNNTAAGTA TCTCATTTTA GGATTCTGAT TTACATAGGT ATCACTGTAA 180
CTTGTGCTGT TTGCATAGGT ATACTCTATC TTGTGCTATC TGCATAAAAT ATCCAAGTAA 240
ACACATTGTG ATTTTACATC CGTGCATAGA AAAAAAAATC ATCTGAACTC AAATCAATCT 300

GTTGATACTG ACTAGATTGG TGACGTGTTT ATGTGTACCA CTAGTGATAA TGCACGGTCC 360
TGTACAAGCN 370

配列番号:2289 配列の長さ:370 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02645

配列:

GATCACAGGA ACAGCAGGTG ACAGGCCTAG CTATAGTTAG GAATACACAA GCCGTAAAAT 60
CGAGTCCTTA CAGCCATACC ACAAGGTACG TCCANNTGGA CTACAAGAAG AGCTTCCTTT 120
AAAGTTCCTA TTTCAGCATA AAGAGGCTGT CCTTTTTTTT NAGGAATAGT TTGGACCTTG 180
TGCCTCCTGT GGGAGGCTGA GGACTGCAAG AGGAGAGCTA GCAGATATGC CTGTTCACCC 240
CTCTCTGGTA CTTGTGGCTT GCTAGTÄTGT TTNATGATA ATCTCGGGCA TTGTTTGCAT 300
TTGTGTTTAT TAATAGGGTT TTTGTTTTTT GTTGTTTCCT NTTTNACAG TAANGGCTGA 360 370

配列番号:2290 配列の長さ:367 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:WW.GS02646

配列:

GATCTGAAAG GAATGCTAGA AGTGTTTAGA GAGCTGACAG ATGTCCGACG CTACTGGGGG 60
CATGCNACAG GGGGAATGGC TCGCTTCAGT GCCCTGCTGC TCAAAGCTCT AGGGNAGAAT 120
GCAGTCGGGT AGNCTGTGGG GCTCTAACCC CACAGCAACC TCTAGGGATG ACGTCACTAA 180
AAACCGATGA AGCCTCCATA ACATTGGTTC CTTACTGACG CTGAGGAGCA NGGCAATCTT 240
CACACCTTAA CCAATGCTAT TCATGTAGGA TGACCAAGAA ATGAATGTTT CTTACTGAAA 300
TAATACATAT TTTTGGCATC TTTTGGTTAC CCATAGACTA ATTAAANCTA ATCCNNGGNT 360
TTATAAAA

配列番号:2291 配列の長さ:359 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02648

配列:

GATCCTGACA GAGCCCTGAA CAGATTATAT CACTCGGCTA GAGGCACTGC AAAGACGACT 60
TGGAACTATA CAGTCAGGTT CAACTACTCA ATTTCATGCT GGCATGAGAA GATAATCCTT 120
TGAAACATCA TTAATTGAAG TGATTTTAAA TAGATTTCCT TTTGTAAATC AATGGTTCTT 180
TTGTGCTTTN GNNNNNCGA ATATTCAATG GGACCAATAT GAACACAGCT TATGATTGTA 240
TACAAATCCC TTGCCAGCAC ATGAAANCAA ACTGGANTTT GTATATATAA GCATTGTGA 300
TGTATTCATG CACAATAATT ATNGANTTAC CTGTATATTT GTGGGAATGC TAATTTAAN 359

配列番号:2292

· 2000年中央中央公司 中央政治的企業

配列の長さ:357 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02650

配列:

GATCTGTGGG TCCGGCTGNA GGAGAGTGAC ATAGTCCCGC AACTCCANNT TGCCTGTCCT 60
GGACAGGCAC ATCTCCACTG AACTGCGGCT CCNTCGCCGT GGGCATTCCC ACCACAGCCA 120
GATGGTGGCC AGCAGTGCCT GCCTGTNTCT CTGGACTCCT GTGTTCTGGG TGCTGGTGCT 180
GGCTTTCCAA ACAGAGACAC CGCTCCTGTA ACGACTGGAA GCACCAGGCT AAGNACCTNA 240
CCCCTCGNAC TTNGAAGGAA TGGGCATTNC NGTACTTCAA CATTCTGGGT CTAGGCCTTG 300
TTGGGGCCAA TTCAAGAAGN GGCCTTGTTN TTNGAAAAAAA GTGGGCCNNG TTTTNAN 357

配列番号:2293 配列の長さ:355 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02651

配列:

GATCCTTCTT TTTGGTTTTG GAAATATAAT CATTGTTAAT GTTTTCCCTC CAAATAGAAT 60
ACTGTTTTAT CCATACAAAT CATAACAGCA TCTATCCCAT GCTAGGGTTG GAAACTGATA 120
TTGGTATTAC TTGTGTTTTT CCTTAGTGTG TTTTATTTCC CAGTTTCATC TNCTTTTAAA 180
AATGAAAATA TGGTGCCTTC CCTCCCTCCA GGAAGACTGG CAAATATTNC CTTTTATTTA 240
CTGCTGCTGT GGAGTGATGA GATATGCACT TTACTCTTTA AGATTCAGCA AAAAGCTTTT 300
CACTTCTCAG TATATCCAGA ATACATCATA TCTGGGGACTT AGGAAAATTT GCCAN 355

配列番号:2294 配列の長さ:330 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02652

配列:

GATCTTTAC ACCACATCAC AGTGANCACA CTGGGGAGAC GTGCTTTTTT GGNAAACTCA 60
AAGGTGCTAG CTCCCTGATT CAAAGAAATA TTTCTCATGT TTGTTCATTC TAGTTTATAT 120
TTNCATTTAA AATCCTTTAG GTTAAGTTTA AGCTTTTTAA AAGTTAGTTT TGAGAATTGA 180
GACACAATAC TAATACTGTA GGAATTGGTG AGCCTTGACT TAAAACTTTC TTTGTACTGT 240
GATTTCCTTT TGGGTGTATT TTGCTAAGTG AACCTTGTTA AATNTTTNGT TAACTAAATN 300
TTTTCCTTAA AATAAAGACT TTTTCACAAA 330

配列番号:2295 配列の長さ:352 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02653

配列:

GATCCTATGG ATTTTCCCGG CTGGTTGCCA CTACTNTACA ACATTCANAG CCCACATCCA 60

TCTGTGCCAT TAAGCTTTTT TGAGACATGA GAGATGCCTC TTCCCTGCTG TATGACATGC 120
ATTTGGGAAG TTGGAAAGAA ATGACAAAAT CAGGGAGAAA ACATCCAAGC TTCTTACCTG 180
TAGATAGAAT CAGCCCTCAC TTGGTGCTTA TTACCAGTTA TTCANGGACA ATAACAACAA 240
CAAAATTAGT AGACATNCAT GANGCACATN TTTAGGNCCA AAGGNTAGCA TCAACTTGTA 300
TTTNGAAGGG ACTGTAGTTT TCGGCATTTT ATGGCNATTT TTTATNAAAG TN 352

配列番号:2296 配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02654

两万1

GATCGCAGCC GCTTCGCACG CCGCATCACC CAGGCCCAGG AGGAGCTGAG CCCCTGCCTC 60
ACCCCTGCTG CCCGGGCCAG AGCCTGGGCA CGCCTCAGGA ACCCACCTTT AGCCCCCATC 120
CCTGCCCTCA CCCAGACCTT GNCTTCCTCC TCTGTCCCTT CGTCCCCAGT NCAGACCACG 180
CCCTTGAGCC AAGCTGTGGC CACACCTTCC CGCTCGTNTG CTGCTGCAGC GGCTGCCCTG 240
GACCTCAGTG GGAGGCGTGG CTGAGACCAA CTGGTTTGCC TATAATTTAT TAACTATTTA 300
TTTTTTCTAA GTGTGGGTTT ATATAAGGAA TAAAGGCTTT TGATTTGTAA A 351

配列番号:2297 配列の長さ:357 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02656

配列:

GATCCCCGTT CCTGACATCA CAGCAGCCTC CAACACAAGG CTCCAAGACC TAGGCTCATG 60
GACGAGATGG GAAGGCACAG GGAGAAGGGA TAACCCTACA CCCAGACCCC AGGCTGGACA 120
TGCTGACTGT CCTNTCGNGT NCAGCCNGTG GCCTTGGCTT TTCTAGCCTA TTTACCTGCA 180
GGCTGAGCCA CTNTCTTCCC TTTCCCCAGC ATCACTCCCC AAGGAAGAGC CAATGTTTTN 240
CACCNATAAT NCTNTCTGCC GANCCCTAGT TCCCTCTGCT CAGCCAAGGT TTGTTATCAG 300
GTTTTCAGGG GCCATGGGTT CACATTAAGG ATTTAAAAGG GTAGTAATTT GGGGAAA 357

配列番号:2298 配列の長さ:344 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02657

配列:

GATCAAATTT NAGTGGCTTT GGACAGAAAA GAAGGCTCTG GATTTAAGCG GGTGGTCACC 60
TGTGAGACCA GGTCTACCTT GGGACTGTTA TTTAACTGAA TCAGTTATTT CCTTGAAATT 120
TCACAGTAGT GGGTGGGCCT GTTTTAAGGC TCTGACAGAT ACCACGAAAC ATGANGCNCG 180
NNGAACTACA AGACCCCCGG GGTCTTTCTG AGTGCAAGGC TGAAATGGAC AAGGGCTCCT 240
CACAGGGGGTG GAGGGAGCCG GAGCCTGCCT TGTGTTCCTT TTTTGACTTG TGACATTTTT 300
CAAACACATA ATTAAAAGGA CTTATGCTCT GCTGTCTCAG GAAA 344

配列番号:2299 配列の長さ:462 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02658

配列:

GATCTGGTCC CTGAGAAACA TATTGTGATG AAGTGGAGGT TTAAATCTTG GCCAGAGGGA 60
CACTTTGCCA CCATCACCTT GACCTTCATC GACAAGAACG GAGAGACTNA GCTGTGCATG 120
GANGGTCGAG GCATCCCTGC TCCTGAGGAA GAGCGGACAC GACAGGGCTG GCAGCGGTAC 180
TACTTTGAGG GCATTAAACA GACCTTTGGC TATGGCGCAC GCTTATTTTA GGGCCAGCGG 240
CAGGGGACTC CAGCCTGCTG GACACTTCAN GTCCAGCTCT CTCCTGACTG GGGCTTNCGA 300
CTCACAGGAT TGCATCGNCC CAGCTGCTAA CTTNGGGCCG GGGCCCNTC CCTTNCACAA 360
TATACCTTGG GTTTNTGCAT GTTTTCCTNN CTGGGTTGGG GTTCAGAGGG GCAATTTCNN 420
CTTTTAATGG TGTACATATN NCTANATANN CATAATTTTA AA 462

配列番号:2300 配列の長さ:341 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02659

配列:

GATCAACTTC CCACAAACTG AGGAATGAAT TCCACGAGCC TGTTCTGAAA ATNTGGACGT 60
AAGACAAACA CGTGCTCGTC CTTTAATGGA GTTCACCAGC ACACTTGTTA ACCAGTCCTG 120
TTTGCTTTCG TCTTTTTTTG TGCGTAATAA AGTCAACTGA CCAAGTGACC ATGAAAAGGG 180
GCTGTCTGGG GCTCCTGTTT TTNAGCTGCT GTTCTTCAGC TCCGACCATG TTGCTGTGTG 240
ATTATCTCAA TTGGNTTTAA TTGAGGCAGA AACTGAAGCT CTACCAATGA ACTGTTAGAA 300
ACAAGACACA CTNTNGTATT AAAATTGCTT GCAGTAACAA A 341

配列番号:2301 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02660

配列:

GATCNGTGGC AAAACCAAGT GTGGTCTTTC AGCTTCAGTG TGTTAGCATC CCAGCACCTG 60
GGATGGGGTT TGTGGGCAAG TTGATTTTGC CACACTGTAG GGCCCAGGTN NNCCCATTGC 120
CACCGTGAAG CCAAATNCTA GCCCAAGTCT GGTAGAGCAG TCGGGCAGCT AGTTTTCCGG 180
GGAGGATGAT GTGGTGGGAC AGAGGACCTC AGTGGCCTAT TACGGAGCCC TCTTCCCAGA 240
CTAAATTCAT AGCCGAGAGC TCGGGGGGAT GGTAGAGTTA AAATTTAAAA TAATTTTCTA 300
AATTCTGTAT TTGGATATTA GTGTTTAAGT GGTAATTTN 339

配列番号:2302 配列の長さ:441 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

配列:

クローン名:HUMGS02661 配列: AGAGGAGTGT CACCTCCCAC CTTTGGAGAG GAATCCTTCC CTCCCCTGGA CAAAGTTGCT 120 GACAAGCCCC TGAAGTGGCC TCTCCATATT CCAGCTGAGC CTGAATCTGA CTCTTGAGGG 180 TTGGGGCTGC ACTTATTTAT TGCGGGGAGA CAGCTCTCTC TCCCACCTNC TCCCCAGATG 240 GGAGGAGAGC CTGAGGCCCA AGCAGGACCC GGGGGTTCCA GCCCCTAGCT GCTCTGGAGT 300 GGGGGAGGTT GGTGGACCAT GGGAGTNCCT GGTGCTGCCC CTNAAGGTGG GACCCAGGCG 360 TTNTCAAGCT GTACCCTTTT NCCGATGGAA TTTGTGTTTT TGAANATNNG TGTCTNNTAC 420 TANTINTITI AAATAAAAA N 配列番号:2303 配列の長さ:336 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02662 配列: GATCATGGCA TCCAAGACCA GAGTCTCAGA ACTCATTAAG AAACAGTTTA CTTGGAATGG 60 AGAATACCCA TCTGTAATAC AGGTCCTGTC ATTTCATTCA TCTCAAATTA TTTTGAATTC 120 TTCCCAAATG GCTGCTGGAT TTAGGTGGTA ATAGGGGCCTG TGGGCCATAA ATCTGAAGCC 180 TTGAGGAACC TTGGGTCTGG AGAGCCATGA AGAGGGAAGG AAAAGAGGGC AAGTCCTGAA 240 CCTAACCAAT GACCTGATGG ATTGCTCGAC CAAGNCACAG AAGTGAAGTC TGTGTCTGTG 300 CACTTTCCAC AGACTGGNGT TTTTGGTNCT GAATAN 336 配列番号:2304 配列の長さ:363 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02663 配列: GATCAAGTNA CTTCTGCCCA CCTGGACACA ACACCAAAAA GGCTTCTAAA NACGGGTGTN 60 AGTCTTTTNA GCAACCCGGT CCAGTACTGG GAGATACAGC CATCCACCTT CANATGTGTC 120 TACGTGCGCT CTGCCATTCA ACTCGGAAAC TATAAGTAAT TCTNAAGAAA GCCCTCATTT 180 TTATAACCTG GCAAAATCTT GTTAATGTCA TTGCTAAAAA ATAAATAAAA GCTAGATACT 240 GGNAACCTAA CTGCAATGTG GATGTTTTAC CCACATGGCT TTATTATGCA TAANGCCAAT 300 ATTTCCTGTT TTAAGTAATN GCCTTCAATT NNNAAGNTAA TTTTGGCCTG NCCCANAAAT 360 AAA 363 配列番号:2305 配列の長さ:232 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02664

GATCAGAGTT CCTCCTACTT ACAACCCAGG GTGTGAACAT GTNCTCCATT TTCAAGCTGG 60

AAGAAGTGAG CAGTGTTGGA GTGAGGGCTG TAAGGCAGGC CCATTCAGAG CTATGGTGCT 120 TGCTGGTGNC TGCCACCTTC AAGTTCTGGA CCTGGGCATG ACATCCTTTN TTTTAATGAT 180 GCCATGGCAA CTTAGAGATT GCATTTTAT TAAAGCATTT CCTACCAGCA AA 配列番号:2306 配列の長さ:330 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02665 配列: GATCTTAAGT ATAATTACAA GGAAGAAGTG AAGAAGAATA TTCTCTTAGA AGAGAAGGTA 60 AAAAAACTTT CAGAACAATT GGGAGTTGAA TTAACTAGCC CTGTTGCTGC TTCTGAAGAG 120 TTTGAAGATG AAGAAGAAAG NNCTGTTAAT TTCCCCATTT ACTAAAGGTC ACCTATAAAC 180 TTTGTTTCAT TTAACTATTT ATTAACTTTA TAAGTTAAAT ATACTTGGAA ATAAGCAGTT 240 CTCCGAACTG TAGTATTTCC TTCTCACTAC CTTGGTACCT TTATACTTAG ATTGGAATTC 300 TTAATAAATA GAATTATATG AAATTTTCAN 330 配列番号:2307 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: TLMG302666 配列: GATCGACTTA CTCAACATGA GACAATTCAT ACTGGTGTGA ACCACANAAA TGCAAAGAAT 60 GTGGTAAGGC CTTTAGTCAT TGCTATCAAC TTAGTCAACA TCAAAGATTT CACCATGGTG 120 AGAGACTETT AATGTAATGA GAGGGAAAGE CTTTAGECAT GGAACATTTT TACTGTTGTE 180 ACTATTATNA TGCTATAGTG AAGATTAAAC TAGTTAATAT AGAATATAAA TACTTGGAAA 240 GGCATCTGGC ACATCGTATT TGCTTACTAA ATACATTATT TTTATGATAA TTGTTAGAAT 300 TACTAAAAAT AAATCTTATA GAAGGAAA 配列番号:2308 配列の長さ:327 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02667 配列: GATCTCAGGT ATCAGACCAC TGAGCAACCC ACCGCCAGNC TGCAGGCTTT CAGAGGCCCA 60 CCTGGGCCCA GCGTGGCCTG CCCCAGGGTG GGCTCCCAGC GCAACTGCAG GCATCCTCTA 120 GTGGGGCCTC TGGTAACCCT AGCAGATGGT GGTGACCCCC CTGAGATGAG GAAGCTGGTG 180 ACCINNGACT GAGCAGCAGC CTATGGGCTC CGGGTCAAGT GCTATTCCCA GCGGATGCCC 240 TTCCCCTTGC GNCAGTCCCT CCTTTNCTGA GTGTCCAGGC GCNANTGNAA AACAGNAACC 300

配列番号:2309 配列の長さ:326

CTAGGGTCTG GAAACTACTT TTTTTTN

327

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02668

配列:

GATCCAGTTG TTATAGTGAA CTCATGGTAA TGGTTTGTGA GAACAATAGA GATTTTNATT 60
TCTATGTAGA TGAGTTGGTA TGAGAATATA TGGAATTTT AAGGGACTGT TTAAATCTTT 120
GATTTGTAGA CTATTAAATA TACCGTATGC ATAAAGTAAG CCTTTAGCTC TAAGGTAAAG 180
ACGACACGTT TTCGGTTTGT GACTACAAAT AGGTTAAAAA TAGATTTTAA TTTTATTAAA 240
AATATAATTT AATGCAGGTT GTTTGAAGCA TCTGTCTTCA TATGATGGCA TTAGAACACC 300
TTGGTATAAT AAAAAGTTAC CGTAAA 326

配列番号:2310 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02669

配列:

GATCAAGAAG GAGCTAGAGA CCATTTCAAA GAAAAAAAAT GCTTTATAGA GTTTTAAGTA 60
TGACTTAGAT GGGTCCAGGC AAATAAACTA AAAAGAAGTG AAGGCAACAT GTATCGTCTG 120
GCAGAACTAA ATCTTGGAGT GGGGTGAGGG ATGAAAGACT ACATATTGGG TACAGTGTAC 180
ACTGCTCGGG TGATGGGTGC GCTAAAGTCG CAGAAATCAC TAAAGAACTC ATCCATGTAA 240
CCAAACACCA CCTGTACCCC AAAAACGAAA TAAAAAAACA AAACCTTGGG GCCCATTCCC 300
CCTAGGAATG GACTACTGTA AA 322

配列番号:2311 配列の長さ:321 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02670

配列:

GATCTAAATT ACCTTGGGTT TCGCATATGT CTATGAAATN CTGTGATAAN GTTTTCAAT 60
ACATTGNTTC ACTGGCGTCT GTTTTCANTT TATACTTTTA ATAACTCATC ACTGGTGGTA 120
CTTTATCTTG AAAAGTAATA TTTTTNATAT TTTANCATTG GACAGTGTTA GCCAGTTGTA 180
ATGATGTATC AGANGTAAAG AAAAACCCAT TAAAGTTATA GCTAATAGAT GCTGTTGGGG 240
GTTAAATTAA TAGTAAANTA ATCCAATATA GCACTNTNNA TGATTTNTTA TATAAANGTC 300
AACTGGTACA TTTCATTCAG N 321

配列番号:2312 配列の長さ:319 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02672

配列:

GATCGAAGGG TTTTTAGAGA ATGTNTTTCA AAACCATGCC TGGTATTTTC AACCATAAAA 60 GAAGTTTCAG TTGTCCTTAA ATTTGTATAA CGGTTTAATT CTGTCTTGTT CATTTTGAGT 120

ATTITTAAAA AATATGTCGT AGAATTCCTT CGAAAGGCCT TCAGACACAT GCTATGTCT 180 GTCTTCCCAA ACCCAGTCTC CTCTCCATTT TAGCCCAGTG TTTTCTTTGA GGACCCCTTA 240 ATCTTGCTTT CTTTAGAATT TTTACCCAAT TGGATTGGAA TGCAGAGGTC TCCAAACTGA 300 TTAAATATTT GAAGGGAAA 319  配列番号: 2313 配列の長さ: 327 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02673 配列: GATCGACCAAA ACTTTGAACG AGCTGACTG TGCCACCGTC CCGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60 CTGATGAGCA AAGATGTGGT GATGACAGAN TCAGCTTTTG TAATTATGTA TAATAGCTCA 120 TGCATGTTC CATGTCATAA CTGTNTTCAT ACGCTTCTC ACTCTGGGA AGAAGGAGTA 180 CATTGAAGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGACCTTGCC ACTCTGGGGA AGAAGGAGTA 180 CATTGAAGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGACCTTGCC ACTCTGGGGA AGAAGGAGTA 180 CATTGAAGG AGATTAGACAA CTGTTTCTT ATCTTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327 配列命号: 2314 配列の長さ: 313 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCCATGGATT TATATATAAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 GTAGAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTTN TTAAATATCA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTN TAAAATACA 240 ACAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTAAAT TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313  配列命長: 2315 配列の長さ: 365						
GTCTTCCCAA ACCCAGTCTC CTCTCCATTT TAGCCCAGTG TTTTCTTTGA GGACCCCTTA 240 ATCTTCCTTT CTTTAGAATT TTTACCCAAT TGGATTGGAA TGCAGAGGTC TCCAAACTGA 300 319 配列番号: 2313 配列の長さ: 327 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02673 配列: CATGCACCAA ACATTGAACG AGGCTGACTG TGCCACCGTC CCGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60 CTGATGAGCA AGATGTGGT GATGACAGAN TCAGCTTTTG TAATTATGTA TAATAGCTCA 120 TGCATGTTC CATGTCATAA CTGTNTTCAT ACGCTTCTGC ACTCTGGGGA AGAAGGAGTA 180 CATGAGAGA AGATGGGAC CTAGTGGCT GGAGCTTGCC AGGAACCCAG TGGCCAGGA 240 GCGTGCACT TACCKGNGGT CCCTTGCTC ATCCTTGCA ACTCTTGGA GATGATAAAA CTGTGGTC ATCCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327 配列番号: 2314 配列の長さ: 313 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02675 配列: GATCAACCAC ATGCACACC TTACTACAGA ACATTTAGC ACTTTTTATATATAA AATATATATA AATATCACTA 120 GACCTGTGTT TNATATATAA ACGTTTATACA ACATTTATA AATATCACAT AGAACCAC ATGCACACC TTACTACAGA ACATTTAGC ATGATTATAA ACGTTATATA AATATATATA AATATCACAT AANACATTAA AAGTTAACATA 120 GACCTGTGTT TNATATATAA ACGTGTTTC TGTGAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCCACGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCACAT TATGCCTCT CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120 GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCCACAT TATGCCTCT CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120 GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGCCCACAC AGCCCTTACAT TATGCCTCT CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120 CATCGAGGAC ATAAGGAACT AGCCCTACAT TATGCCTCT CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120 CATCGAGGAC ATAAGGAACT AGCCCTACAT TATGCCTCT CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120 CATCGAGGAC ATAAGGAACT AGCCCTACAT TATGCCTCT CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120 CATCGAGGAC ATAAGGAACT AGCCCTACAT TATGCCTCT CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120 CATCGAGGAC ATAAGGAACT AGCCCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120 CATCGAGGAC ATAAGGAACT AGCCCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120 CATCGAGGAC ATAAGGACAAC AGCCTTACAT TAT	<b>ልሞሞሞሞ</b> ለልልል ልልጥልሞሮሞሮሮጥ ለ	<b>ልሮል ልጥጥ</b> በረነውው	00111000m	Marara		
ATCTTGCTTT CTTTAGAATT TTTACCCAAT TGGATTGGAA TGCAGAGGTC TCCAAACTGA 300 319 記列番号: 2313 配列金号: 327 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGS02673 配列: CATTGAACG AGGCTGACTG TGCCACCGTC CCGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60 CTGATGAACA ACATTGGACG AGGCTGACTG TGCCACCGTC CCGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60 CTGATGAACA ACATTGGACG AGGCTGACTG TACCAGGACAAA ACTTGGCACCAT ACCGCTTTCT AATAAGCTCA 120 TGCATGGTC AGGAACCCAG TGGCCAGGGA 240 CCTGGCACT TACCNGNGGT CCCTTGCTTC ATCTTGGA GATGAAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTAAAATA AAATAAAAT GANCAAA 327 配列命号: 2314 配列の長さ: 313 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGS02675 配列: GATCAACCAC ATGCACCAC TACTACAGA ACATTTAGC ACATTATATA AAATATATATA AATTATATA AATTATATA AATTATATA AATTATATA AATTATATA AATTATATA AATTACATA AAGCATTGA TATTACAAAA CGTGCTTAAAATA CATATTTTGAA CATATTATAA AAGCATTGA GATCAACTA TATTACAAAA GCTGCTTAAAA AAAGCATTGA GTTAATTTT TAAATATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATTACAAAAA GCTGCTTAAAA AAAGCATTGA GTTAATTTT TAAATATAA AATTATATAA AAAGCATTGA GTTAATTTT TAAATATAC 240 ACTAAAAATA CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCCACGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCT CCTGTAAGTT TCTGGGTATT 120 GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGCCCACAC AGCCCTACAT TATGCCTCT CCTGTAAGTT TCTGGGTATT 120	GTCTTCCCAA ACCCAGTCTC	CTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT	TACCCCACTC	TUAGACACAT	GCTATGTTCT	180
配列番号: 2313 配列の長さ: 327 配列の長さ: 327 配列の長さ: 327 配列の長さ: 327 配列の長さ: 327 配列の長さ: 直鎖状 クローン名: HUMGS02673 配列: GATCGACAAA ACTTTGAACG AGGCTGACTG TGCCACCGTC CCGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60 CTGATGAGAC AAGATGTGGT GATGACAGAN TCAGCTTTTG TAATTATGTA TAATAGCTCA 120 CCATGTAGGCA GAGTTGGCAC CTAGTGGCTG GGAGCTTCTGC ACTCTGGGGA AGAAGAGGATA 180 CATTGAAGGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGAGCTTGCC AGGAACCCAG TGGCCAGGGA 240 GCGTGGCACT TACCNGNGGT CCCTTGCTTC ATTCTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327 配列番号: 2314 配列の長さ: 313 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTT TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	ATCTTGCTTT CTTTAGAATT	TTT&CCC A A T	TCCATTCCAA	TOCACACOTO	GGACCCCTTA	240
配列番号: 2313 配列の長さ: 327 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSO2673 配列: CATTGAAGG AGGCTGACTG TGCCACCGTC CCGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60 CTGATGAGCA AAGATGTGGT GATGACAGAN TCAGCTTTTG TAATTATGTA TAATAGCTCA 120 TGCATGTTC CATGTCATAA CTGTNTTCÁT ACGCTTCTGC ACTCTGGGGA AGAAGGAGTA 180 CATTGAAGGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGACCTTGCC AGGAACCCAG TGGCCAGGGA 240 GCGTGGCACT TACCNGNGGT CCCTTGCTTC ATTCTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327 配列番号: 2314 配列の長さ: 313 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSO2675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	TTAAATATTT GAAGGGAAA	IIINOOONNI	IUUNIIUUNN	TUCHUNUUIC	ICCAAACIGA	
配列の長さ:327 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2673 配列: GATCGACAAA ACTTTGAACG AGGCTGACTG TGCCACCGTC CCGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60 CTGATGGAC AAGATGTGGT GATGACAGAN TCAGCTTTTG TAATTATGTA TAATAGCTCA 120 TGCATGTTTC CATGTCATAA CTGTNTTCAT ACGCTTCTGC ACTCTGGGGA AGAAGAGGATA 180 CATTGAAGGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGAGCTTGCC AGGAACCCAG TGGCCAGGGA 240 GCCTGGCACT TACCNGNGGT CCCTTGCTTC ATTCTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327 配列番号:2314 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTA TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号:2315 配列の長さ:365 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTG 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						319
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2673 配列: GATCGACAAA ACTTTGAACG AGGCTGACTG TGCCACCGTC CCGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60 CTGATGAGCA AAGATGTGGT GATGACAGAN TCAGCTTTTG TAATTATGTA TAATAGCTCA 120 TGCATGTTTC CATGCATAA CTGTNTTCAT ACGCTTCTGC ACTCTGGGGA AGAAGGAGTA 180 CATTGAAGGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGAGCTTGCC AGGAACCCAG TGGCCAGGGA 240 GCGTGGCACT TACCNGNGGT CCCTTGCTTC ATTCTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327 配列番号:2314 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTCTCT 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTTN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号:2315 配列の長さ:365 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	配列番号:2313					
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2673 配列: GATCGACAAA ACTTTGAACG AGGCTGACTG TGCCACCGTC CCGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60 CTGATGAGAC AAGATGTGGT GATGACAGAN TCAGCTTTTG TAATTATGTA TAATAGCTCA 120 TGCATGTTTC CATGTCATAA CTGTNTTCAT ACGCTTCTGC ACTCTGGGGA AGAAGGAGTA 180 CATTGAAGGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGAGCTTGCC AGGAACCCAG TGGCCAGGGA 240 GCGTGGCACT TACCNGNGGT CCCTTGCTTC ATTCTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327 配列番号:2314 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGSO2675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTIN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号:2315 配列の長さ:365 配列の長さ:365 配列のとは核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2676 配列: GATCGAGGGC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTCACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	配列の長さ:327	v.				
を記する。 HUMGS02673 を対している。 HUMGS02673 を対している。 AGATGACAAA ACTTTGAACG AGGCTGACTG TGCCACCGTC CCGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60 CTGATGAGACA AAGATGTGGT GATGACAGAN TCAGCTTTTG TAATTATGTA TAATAGCTCA 120 TGCATGTTTC CATGTCATAA CTGTNTTCÅT ACGCTTCTGC ACTCTGGGGA AGAAGGAGTA 180 CATTGAAGGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGAGCTTGCC AGGAACCCAG TGGCCAGGGA 240 GCGTGGCACT TACCNCNGGT CCCTTGCTTC ATTCTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327 を記列 できまままままままままままままままままままままままままままままままままままま						
配列: GATCGACAAA ACTTGAACG AGGCTGACTG TGCCACCGTC CCGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60 CTGATGAGAC AAGATGTGGT GATGACAGAN TCAGCTTTTG TAATATGTA TAATAGCTCA 120 TGCATGTTTC CATGTCATAA CTGTNTTCAT ACGCTTCTGC ACTCTGGGGA AGAAGGAGTA 180 CATTGAAGGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGAGCTTGCC AGGAACCCAG TGGCCAGGGA 240 GCGTGGCACT TACCNGNGGT CCCTTGCTTC ATTCTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTTAAATA AAATATAAAAT GANCAAA 327 配列番号: 2314 配列の長さ: 313 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AACTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCC 180 GACCTGTGTT ATNTACAAAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTTN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の長さ: 365 配列の長さ: 365 配列の長さ: 400 NAGGACAATG AAGGCCAACC AGCTCACAT TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAC AGCTCACATT TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAAGGCCAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	トポロジー:直鎖状					
GATCGACAAA ACTTTGAACG AGGCTGACTG TGCCACCGTC CCGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60 CTGATGAGAC AAGATGTGGT GATGACAGAN TCAGCTTTTG TAATTATGTA TAATAGCTCA 120 TGCATGTTTC CATGTCATAA CTGTNTTCAT ACGCTTCTGC ACTCTGGGGA AGAAGGAGTA 180 CATTGAAGGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGAGCTTGCC AGGAACCCAG TGGCCAGGGA 240 GCGTGGCACT TACCNGNGGT CCCTTGCTTC ATTCTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327 配列番号: 2314 配列の長さ: 313 配列の型: 核酸トボロジー: 直鎖状クローン名: HUMGS02675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAAA AAAGCATTGA GTTAATTTTN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸トボロジー: 直鎖状クローン名: HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCCACAGT TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCACATT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						
CTGATGAGAC AAGATGTGGT GATGACAGAN TCAGCTTTTG TAATTATGTA TAATAGCTCA 120 TGCATGTTTC CATGTCATAA CTGTNTTCAT ACGCTTCTGC ACTCTGGGGA AGAAGGAGTA 180 CATTGAAGGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGAGCTTGCC AGGAACCCAG TGGCCAGGGA 240 GCGTGGCACT TACCNGNGGT CCCTTGCTTC ATTCTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327 配列番号: 2314 配列の長さ: 313 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGS02675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATATTATATA AATATCACAT AAAGCATTTT TNATATATAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAAA AAAGCATTGA GTTAATTTTN TTAAATATCA 240 ACTAAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTCACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						
TGCATGTTTC CATGTCATAA CTGTNTTCÂT ACGCTTCTGC ACTCTGGGGA AGAAGGAGTA 180 CATTGAAGGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGAGCTTGCC AGGAACCCAG TGGCCAGGGA 240 GCGTGGCACT TACCNGNGGT CCCTTGCTTC ATTCTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327 配列番号: 2314 配列の長さ: 313 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGS02675 配列: GATCAACCAC ATGCACACCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAAA AAAGCATTGA GTTAATTTN TTAAATATCA 240 ACTAAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGT TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						
CATTGAAGGG AGATTGGCAC CTAGTGGCTG GGAGCTTGCC AGGAACCCAG TGGCCAGGGA 240 GCGTGGCACT TACCNGNGGT CCCTTGCTTC ATTCTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327 配列番号: 2314 配列の長さ: 313 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: BUMGSO2675 配列: GATCAACCAC ATGCACACC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTTN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	TOGATGAGAC AAGATGTGGT G	JATGACAGAN	TCAGCTTTTG	TAATTATGTA	TAATAGCTCA	120
GCGTGGCACT TACCNGNGGT CCCTTGCTTC ATTCTTGTGA GATGATAAAA CTGGGCACAG 300 CTCTTAAATA AAATATAAAT GANCAAA 327 配列番号: 2314 配列の長さ: 313 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSO2675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AAATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTTN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	CATTCAAGGG AGATTGGGAG	CTGTNTTCAT	ACGCTTCTGC	ACTCTGGGGA	AGAAGGAGTA	180
配列番号: 2314 配列の長さ: 313 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSO2675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTTN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						
配列番号: 2314 配列の長さ: 313 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: BUMGS02675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTTN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313  配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	CTCTTALATI ALATIMAAT C	CCCTTGCTTC	ATTCTTGTGA	GATGATAAAA	CTGGGCACAG	300
配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTIN TTAAATATCA 240 ACTAAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号:2315 配列の長さ:365 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	CICITAANIA AAAIAIAAAI U	JANCAAA				327
配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTIN TTAAATATCA 240 ACTAAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号:2315 配列の長さ:365 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	配列番号:2314					
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGSO2675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTIN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						
トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSO2675 配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTTN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						
配列: GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTTN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						
GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60 GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTIN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号:2315 配列の長さ:365 配列の型:核酸トポロジー:直鎖状クローン名:HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						
GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTIN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	配列:				•	
GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT AANACATTAA AAGTTAACTA 120 TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTIN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	GATCAACCAC ATGCACATCC T	TTACTACAGA	ATCCGTCCTT	TCATTTCAAC	ATTATAGCAA	60
TGTAAGATAT TATNTCTGAA ACAATTTAGC TATATCCACT ATGATTATAA ACTGTGTCTC 180 GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTN TTAAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	GCTATGATTT TNATATATAA A	ATATATATA	AATNANGTAT	AANACATTAA	AAGTTAACTA	
GACCTGTGTT ATNTACANAA GCTGCTTAAA AAAGCATTGA GTTAATTTTN TTAAATATCA 240 ACTAAAATAT CATAGTTCTG TGGNNGACAT TGTGTTATAA TGANATAACT GCAACTAGAG 300 AAANCTGTAT AAN 313 配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸トポロジー: 直鎖状クローン名: HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	TGTAAGATAT TATNTCTGAA A	CAATTTAGC	TATATCCACT	ATGATTATAA	ACTGTGTCTC	180
AAANCTGTAT AAN  配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	GACCTGTGTT ATNTACANAA G	CTGCTTAAA	AAAGCATTGA	GTTAATTTTN	TTAAATATCA	240
配列番号: 2315 配列の長さ: 365 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120		<b>TGGNNGACAT</b>	TGTGTTATAA	TGANATAACT	GCAACTAGAG	300
配列の長さ:365 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	AAANCTGTAT AAN					<b>31</b> 3
配列の長さ:365 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120	和利安县,001年					
配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						
トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						
クローン名: HUMGS02676 配列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						
图2列: GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						
GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60 NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120						•
NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG CCTGTAAGTT TCTGGATATT 120		GTCACAGTG	<b>ፐፐርርፕር</b> ርልልር	ATAGAGCTGA	ር ልጥፒ ል አርጥርጥ	60
100 Manocount Tarian conference and the factor of the fact						
CCAGAGGAGG TGACAGGCTG CAAAACAGTT TCTTTGGTGC TGCAGCGGCA CACAACTGGC 240	CCAGAGGAGG TGACAGGCTG C	CAAAACAGTT	TCTTTGGTGC	TGCAGCGGCA	CACAACTGGC	240
AAGGCTTAAT CAAAAGACTG GAAAACTGCA GTCTGTAATA GCATAAGGCT TCCATTATGA 300	AAGGCTTAAT CAAAAGACTG G	AAAACTGCA	GTCTGTAATA	GCATAAGGCT	TCCATTATGA	300

AAGAAAACTA CAGAAATAAT ACTTCTTTTC CACCCGTCTT TGGTATGTAT TGGCTTATAA 360

AATTN

配列番号:2316 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02677

配列:

GATCCTGGAG CTGGCTGCA ACGCGTGCGT NACAACAAGA AGACCAGGAT AATTCCCCGC 60
CACCTGCAGC TCGCCATCCG CAACGACGAG GAGTTAAACA AGCTGCTGGG CAAAGTGACC 120
ATCGCTTAGG GCGGCGTCCT GCCCAACATC CAGGCCGTGC TGCTGCCCAA GAAGACGGAG 180
AGTCAGAAGA CGAAGAGCAA ATNACCCTGA CGCCGNCCTC AGGGAGCTGN CTNCGNCANA 240
TAAGGCCCTT TTNATGGTCG TCCCGCAATG CTTTTGAATG TGCTGGNTGT CATGGAGGGC 300
CGGTGACN 308

配列番号:2317 配列の長さ:306 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02678

配列:

GATCTAGATA ACTCATGACA TTTTATTGA CCAACATAGC ACATGATGAG ATATCAAGGT 60
AATTAAAATA GCATGCTTGA AAAAAAAATA CGTAATCTGT TTCACCTGTA ACTGTTTAAG 120
CCAATAAACT TTTCAAAATT TATGTAATGT GGGGCTTTTA TGTAGCACTT TACGTTTTCA 180
TGCTGCTTAT TGTTTTATTC TACTGAAAAA AATGANNTTC AAGATTCTCA ACTTTNTTAA 240
TTTCAAAAAT NGTTTATGGT TTTGACTATA GGAATACAAA ANTTCCTATT TNGGGNGAAT 300
AAGAAA

配列番号:2318 配列の長さ:305 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02679

配列:

配列番号:2319 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02680

配列:

GATCGAAATC ACTATAATTT TAACCCTNGT GATTGGAATG AATATGGTTT GTGCTGGAAG 60 CTCCGAGGTG GAAGAGACTC GTGCAATGGA GATTCTGGAA GCCCTTTGTT GTGCGAGGGT 120 GTTTTCCGAG GGGTCACTTC CTTTGGCCTT GAAAATAAAT GCGGAGACCC TCGTGGGCCT 180 GGTGTCTATA TTCTTCTCTC AAAGAAACAC CTCAACTGGA TAATTATGAC TATCAAGGGA 240 GCAGTTTAAA TAACCGTTTC CTNTCATTTA CTGTGGCTTC TTAATCTTTT CACAAATAAA 300 ATN 303 配列番号:2320 配列の長さ:302 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02681 配列: GATCCCTGCT GAATCCACAG GCCAAAATÂG TCAATGTAAC TGCAAATCTA ATTTCATCCT 60 CCTTTCCTGA GGCCAACTCA GGAAATNAAA GGACGATTCT AATTTCCACT GCGGTTACTT 120 TTGTGGATGT GTCTGCACCT GCAGAGGCAG GCTTCANAGC TCCACCAGCC ATCAATGCCA 180 GGCTGCCCTT TAACTTCTTC TTCCCGTTTG TTTGACAATG CTCAGATGCA TCAGTTCCTT 240 AATATACACG TGAAATTTGA AAACTGTACA TTCGGTGAGA TTAAATTTTA TATACAACTA 300 AA 302 配列番号:2321 配列の長さ:301 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02682 配列: CTACTTGAGT TAGCATAATA CAGAAGTCCC CTCTACTTNA ACTTTTACAA AAAAGTAACC 120 TGANCTAATC TGATGTNAAC CAATGTATTN ATTTCTGTGG TTCTGTTTCC TTGTNCCAAT 180 TTGACAAAAC CCACTGTTCT TGTATTGTAT TGCCCAGGGG GAGCTATCAC TGTACTTGTA 240 GAGTGGTGCT GCTTTAATTC ATAAATCACA ANTAAAAGCC AATTAGCTCT ATAACTANAA 300 A 301 配列番号:2322 配列の長さ:345 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02684 配列: GATCAAGCGG AAAGAGTTTA AGTGTCTAAC AAACTTAAAG CTACTGTAGT ACCTAAAAAG 60 TCAGTGTTGT ACATAGCATA AAAACTCTGC AGAGAAGTAT TCCCAATAAG GAAATAGCAT 120 TGAAATGTTA AATACAATTN CTGAAAGTAA TGTTTTTTTN CTATCATCTG GTATACCATT 180 GCTTTATTTT NATAAATNAT TTCCTCATTG CCATTGGAAT AGATATCTCA GATTGTGTAG 240 ATATGCTATT TAAATAATTT ANCAGGAAAT ACTGCCTGTA GAGTTAGTAT TTCTATTTNN 300

ATATAANGTT TGCACACTGA ATTGAAGAAT TGTTGGTTTT TTCCN

345

配列番号:2323 配列の長さ:299 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02685

配列:

GATCTTTCT AATATGGTAT TACAATGAAA AGAATAAAGA GAAGATTTGA ATTTNCAGTT 60
TCATTTTCAA AAACTATTTA CCAAAACAAA TGGAGAAGAA ACATCCAAAA GCACATTTCA 120
TTTCTCCAAA CTGTGTGTTT TAAATTATAG TTATAAATNG TAAGGTAATT TTAAATTGTC 180
CCTCGTATTA TTNCTCCACG CCTGTTTTAG TNTNNGGTCT CCTAAGCTTT TCTCTCATAG 240
CGTAGACCTA GGGAAGGGAT GGGAAGATTG CCCAGTCCCC GATGGCTGCG CACACAGGN 299

配列番号:2324 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02686

配列:

GATCCCTCTG
TACAGGCTGG
ATGGAAGGGG
CCCTCCACAC
TTCCTGGGAG
GTCAGAGACA
60
AACTGTTTCA
GAGAGTCAGA
TGGACTTCCC
AAGACTTGTT
GAGAGATGTG
ACATGGTTCT
120
TGGATTTCCT
CTGTAGCAGC
CTCCTGGACT
TCCTGAGGAC
TCGACATTGT
CCACAGATGT
180
ACTGGCCATT
ACATGAAACA
AGAAACCAAG
CATCTTTGCT
GTTGTTAATT
ATTATATGTG
240
CCATTGTTAC
AGGAGATTAT
AGGCTAGTCT
GTAATAAATT
ATCTTATAGC
AGCCAAA
297

配列番号:2325 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02687

配列:

GATCAGCAGC CGAGAAAAGT ACATCAACAA TCAGCTTGAG AATTTGGTTC AAGAATATCG 60
TGCAGCTCAA GCCCAGCTGA GTGAGGCAAA GNAGCGATAC CAGCAGGGAA ATGGAGGNGT 120
GACGGAAAGA ACCAGACTCC TCTCTGAGGT TNNGGAAGAA TTAGAAAAGG TAAAACAAGA 180
AATGGAAGAA AAGGGCAGCA GCATGACTGA TGGTGCTCCT TTGGTGAAGA TTAANCNNNG 240
CTTNNCANAA CTGAAGCAAG AANCTGTAGN GATGGACATT AGANTTGGCA TTGTGGN 297

配列番号:2326 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02688

配列:

GATCCNACTT TAGAAGCCTA CTTTNTAACC AAGGAGCTCA ATTTTTTTT TAAAGCTTTA 60 CTAATCTACC ANAGCATTGT AGATATTTTT TTTTAACATC TATTGTTTAA AATAGATNAT 120

配列番号:2327 配列の長さ:324 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02689

配列:

GATCCTATGT CTGTCTGTCC ACCACGAGAT GGGAGGAGGA GAAAAAGCGG TACGATGCCT 60
TCCTGACCTC ACCGGCCTCC CCAAGGGTGC CGGCACTCTG GGTGGACTCA CGGCTGCTGG 120
GCCCCACGTC AAAGGTCAAG TAAGACGTAG GTCAAGTCCT ACGTCGGGGC CCAGACATCC 180
TGGGGTCCTG GTCTGTNAGA CAGGCTGCCC TAGAGCCCCA CCCAGTCCGG GGGGGNTGGN 240
GAGCAGTTCC AAGACCACCN CACCNCTTTT TGTAAATNTT GTTCATTNTA ANTCAAATAC 300 324

配列番号:2328 配列の長さ:291 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02690

配列:

GATCTGCAGG GGTCTGGGAG TCAGGCCCGG CCTATTGCTT GGGTCTCTCT CTATTTATAT 60
ATCTAAGTTC ACAGTGTTC TTATTCCCCC TAAGCTTCTA GAGGCTCATG GCCCTGTAGT 120
TAGGCCTGGC TCATTCTGCA CCTTTCCAGG GAGGTGGAAG GACCCTGTGC CCTCCTTCCC 180
AATCTTCTTT TTCAGGCTCG CCAAGGCCTA GGACCTATGT TGTAATTTTA CTTTTTATTT 240
CTAAAGTTGT AGTGAAGCTC TCACCCATAA TAAAGGTTGT GAATGTTCAA A 291

配列番号:2329 配列の長さ:290 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02691

配列:

GATCTAGAAT CTCTTTATGT TCTCCAGAGG AAGGTGGAAG AAACCATGGG CAGGAGTAGG 60
AATTGAGTGA TAAACAATTG GGCTAATGAA GAAAACTTCT CTTATTGTTC AGTTCATCCA 120
GATTATAACT TCAATGGGAC ACTTTAGACC ATTAGACAAT TGACACTGGA TTAAACAAAT 180
TCACATAATG CCAAATACAC AATGTATTTA TAGCAACGTA TANTTTGCAA AGATGGNCTT 240
TANAAGATGC TGTGTAGCTA ANCTGAANTA ATTCATTTAC TTATTATTTN 290

配列番号:2330 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS02692 配列: GATCACTCCG CCTTNTCCTG GGCTCCCGTA GCACACTATA ACATCTGCTG AAGTGTTGCT 60 GTTGCACCAT ACTTTCTTGT ACATTTGTGT CTCCCTTCCC AACTAGACTG TAAGTGCCTT 120 GCGGTCAGGG ACTGAATCTT GCCCGTTTAT GTATGCTCCA TGNNNGGNCC ATCATCCTGC 180 TTGGNGCAAG TAGGCAGGNG CTCAATAAAT GTTTGTTGCA TGNNGGGNAA A 231 配列番号:2331 配列の長さ:285 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02693 配列: GATCGCCTAC AAGCCAGCCC CTGGCACCTG CTGCTACATC ATGAAGATAG CTGCAGAGAG 60 CATCCCCAGT CTTGAGGCTC TCAATAGAAA AGNCCACAAC TTCCAGATNG AATGCTCTCT 120 GCAGGCCAAG CCCGCAGTGC CTACGTCTAA GCTGGGCCAG GCAGAGGGGC GAGATGCAGG 180 CTCAGCACCC TCCGGAGGGG ACCCGGNCTT CCTGGGCATG GCCGTGAACA CCCTGTNTGG 240 CGAGGTGCCG CTCTACTACA TCTAGGACGN CTCCGGGTCA TGTGN 配列番号:2332 配列の長さ:285 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02694 配列: GATCTAGAGG TTCCANTGCT ATNCTCTCTT CTTGTCTGAG AGCCAGGACC CTGGGGGAAA 60 TAACGGGCAA AAAAGCACTT TNAAGACAGA TATAGTGGGA ATTNATAAAC GACTTGATAG 120 AAACAGAAAT GAACTGTTTT ATTTNATNCT CTGAGGACTC TGCTCATCAC CCANTAGTAC 180 CATTTCTTTT CTCAGAATGG ATTCTTTCCC CTATCTATCT AATCATTAGA GATGTAGCTA 240 NGAAATTACA TGTATGCATA TGTNTAATAT GTATATGTNT ATGTN 285 配列番号:2333 配列の長さ:283 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02695 GATCTTAAAG CTTTGAGCAC CTGCCATTTT GCCTTGCATC GTTTCCCTCG TCATGCATTT 60 CCACATATCC ACAAACACAG AACGACTTTA GACAAGCACA TGTTACACCT GTGTTGCCAC 120 AAGCAGTCAT TCTTGACGGC TCCAGTTTTT ATTTGACACT TGAGTTTAGT TTTCTCTTTT 180 ATAAACCCAG TGAACTCCTG CACTGGCATT TGGATGTGTG TTAATGCTAT TTGTTTTGTC 240 TTAAAAGTAA AACCTTTCTC AGTTTGAACT TGTATTCTCT AAA 283

配列番号:2334 配列の長さ:283 一、《《祖祖》中述,《多数》是国际影響。

## PCT/JP94/01916

配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状	<u>.</u>				
クローン名:HUMGSO	)2696			•	
配列:					
GATCTATTAA AAAGGTT	MAG AGGCCA	GGTT ACCCAC	CANT CCTTGCACT	G TNCTGACACT	6
TTCCCCAGGA GGAAAAC	CAAG TACAAA	GTT ACGGTG	GAGG CATAAGTAG	A AGAGATTGTN	120
AAGAAGGGTA ATTCATO	STNT CTTTGC	CCTT NCTGCT	TTAT GCCTCANTT	T GGTTTAAAAA	18
CTTCTNTACT GGCAAAT	GGT GGTATT	CAGT GTGGGA	TAGT GTCATAACT	A ATTTGACAAT	24
TTATTAATGA TAAAATA	LACA ATAAAT	GTCT AGCTTT	TACA AAA		28
配列番号:2335					
配列の長さ:283					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状		₹.	•		
クローン名:HUMGSO	)2697				
配列:					
GATCACAAAA AAATCAC	STCT TTAAGC	ATTT GCTTGG	TAAG GTTTCTTAA	N ATNAGGTTTA	6
TAATACAACC ATCTGTA	AATG TATCTN	rcgn ttganc	TTGT GGGCCATAC	A ATTCATTAAC	12
TAGATGNATA CATTGTO	GAC AGCATC	CTCA CTACCO	CTCT CTACTCACT	C ACAAAGAACC	18
ATGATACACT GGAATG	ITTT TNTNTG	GAAT CCTCTI	TCTA CTCTTGTAT	T AAAATTTTNC	24
CCCACTTCAT GATTATA	ATNC AAAATA	AACA ACTACA	TCAT AAA		28
配列番号:2336					
配列の長さ:282					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状	Ċ				
クローン名:HUMGS(	02698	•			
配列:					
GATCAGCTTG CAGAGTO					
TAAATCCAGC AAAAAA					
ATATTCAGAA GAAAAC					
CAAAATTGGT CAAAAT				C CTTTTATGTG	24
CTGATTTCTT TGTATTC	CTGT TCTCTG	CATT CATCAT	TCAG GN		28
配列番号:2337				•	
配列の長さ:284				٠	
配列の型:核酸	•				
トポロジー:直鎖状	Ċ				
クローン名:HUMGS	02699				
配列:					
GATCTGTACC ACACCT					
GCCTTTGTTA TGGAGAG					
GCCCGAGCAG TGGTAA					
GTCAATGTGC ACTCCT				T CCCTGNCTCG	24
NTCCAGGTTT TTAGTG	AAGT AAACAG	GTAT TTTGGA	AAGT TAAA		28

配列番号:2338 配列の長さ:280 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02700

配列:

GATCAACGAC AGCCTCCAGT TTCCACTTNG TGAGAGAACA AAGGAACCGG GGCATGCTCA 60
NCTATGGCTG CAAGCCNTTC AAGTGAAGCT GGGCACTTAC CCCCTTNATT CCATTCTCCT 120
CAGGATAACA GATTAAAATT CCAGAAGTGT GCACCTGTNG TNTATTCAGG AGATTNTCGT 180
TNTGCATAAA GAGACCACTT GAGGCCCTGT AAGCAAAGAC TAATTNGGTC TNAGTCAAAA 240
TCTTGGGAAT CTGATNAACT AACACACTCA AATGAAACTN 280

配列番号:2339 配列の長さ:285 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02701

配列:

GATCTGGAGC AGGAAGGCCT CGAGGCACAC AGGGGCTGCT GGCCCGAGG TGGGCCCCAC 60
CCCTCTGGGA GCTGGGCAGC CTCTTCCAGG CCTTCGTGAA GAGGGAGAGC CAGGCTTATG 120
CGTAANTTCA TAGCTTCTNC TGGCCTGGGG TGGACCCAGG ACCCCTGGGG CCTGGGTGCC 180
CTGAGTGGTG GTAAAGTGGA GCAATCCCTT NACGCTCCTT GNCCATGTTC TNAGCGGNCA 240
GNTTGGNTTT NNCCTTNAAT AAATNTGCTT TATTTNCTCT TCAAA 285

配列番号:2340 配列の長さ:320 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02702

配列:

GATCGTAAAC TTGTTGATAA AGAAGATATC GACACTAGCA GCAAAGNAGG CTGTGTCCAA 60
CAGGCTACTG GCTGGAGGAA AGGGACAGGC CTGGNATATG GCCATCCTGG ATTGGCTTCA 120
TCAGAGGAGG CTGAAGGCCG GATGAGGGGC CCCAGTGTTG GAGCCTCAGG AAGAACCAGC 180
AAAAGAACAGT CCAACGAGAC TTATCGAGAT GCTGTTCGAA GAGTCATGTT TNCTCGATAT 240
AAAGAACTCG ATTAAGNAAG GNGNCAAGTT CCATGGGATA CAACCTACCT CTTGTTTTGT 300
TTGTCTCTCC TTTTCTTTN 320

配列番号:2341 配列の長さ:519 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02703

配列:

GATCTGAAAG GAGCAAGGAA CAGCAAGGAA TTATTTTCCA GAATGACACC CGCAGCAGAA 60

TGTTGGAGTG	GAAATGATGG	CTGGCTATGA	AGAGGAGGTC	<b>ል ል</b> ሮርምርምርምር	ርጥርጥር ሲኖ	10
TCTCTGTCAG	AGGGGTGGGG	AGGTGGGAAA	CAGGAATCCT	CTGCAAAGCC	CAATCTCCAG	10
AGTCGAGACC	CCTGGTGCTC	TCTGCCCCGC	TGCCTGGCAC	TGGTCCTTTG	CAGCCAGCCA	24
CCAACGGCCC	CCTTGCCCTT	NCAGAGGCAG	AAGCCTNCGT	CTNAACCTGC	ACCTCTGACC	30
GTTTNAGCAC	CNTTGGGTTN	TTACCANGTC	CTANAACTCT	GANATTTNTT	NGTTCTAAAA	36
GGGGTTTCTA	TTTCAACTTG	NTGAGTTTGT	NTTTTGGGNC	CTTCCAATTT	GGGNTACCTT	42
GNTATNTTTN	ATGGTTTTAT	AAATCCTTNA	CTCTTGGNAN	GTTTTAATTN	TTTACAAAAT	48
CAGGGATAAC	TTTNGTTTNA	ANACTGGTTT	GAAGGAATN		11110/111111	51
配列番号:2	2342	•				
配列の長さ	_					
配列の型:		•				
トポロジー						
	: HUMGS02704	4	•			
配列:		-				
GATCCCAACT	AATTTTACCG	AACCTAAAAC	CCACAAAGAG	GTTGTTTGTG	<b>ፐ</b> ፐል ፐፐር ፐፐር ላ	61
ATCTTCAGTT	GTAAGAGTAA	TTCTCTATTT	TNATATTGAA	ACATAATTAC	TTGATACCTC	120
AGGGTCTACA	TTTCATTCAA	CTTTTTACAC	CAAATTCTGC	AGAGTGGTCA	AAATGGAATA	120
TTGGGGGCTG	TTGTAAACAG	AGGCTTAATT	TTATTAGAAG	TAGCCAGTTA	TTTATTAAAC	240
CATGATGTTA	ATAAAATAGG	CATATTCTGA	AA	2MGOOMG 1 IN	TITATIAAA	272
配列番号:2						
配列の長さ						
配列の型: 株						
トポロジー						
クローン名	: HUNGS02708	5 ·				
配列:						
GATCTGACAT	GATTCCTTCC	TGTTCTGAAC	TGTGGGGTGT	GCACATCTCT	ACTTGAGTCA	60
GGTTTNAGTA	GAGGCTTAGA	GACAGTTAGG	TGAGAACAAC	CAAAATCTTA	TCATGGTCTC	120
AGTCANNATC	ATTAGGGGGA	ACTCTAGCCA	AATNGTTTAA	CTTCTGCCTG	TGGAACTGGG	180
GATTGGGTGG	GCAGGAAAAG	GTGATATCCA	TTCTTTCTGA	TAACTAGATG	GTGCTGAGAA	240
GUTTTTGAAT	AAAAACTTTG	CTAAATGAGA	AA			272
配列番号:2	344					
配列の長さ:	<b>: 27</b> 3				-	
配列の型:核						
トポロジー:						
クローン名:	HUMGS02706	5				
配列:						
GATCTTTCCC	AGGCCGCACC	ATTTCTNTCA	CTCACATGGA	CCCAAGATAN	AAGAATGGCC	60
AAACCCTCAC .	AACCCCTGAT	GTTTGAAGAG	TTCCAAGTTG	AAGGGAAACA	AAGAAGTGTT	120
TGATGGTGCC	AGAGAGGGGC	TGCTCTCCAG	AAAGCTAAAA	TTTAATTTCT	TTTTTCCTCT	180
GAGTTCTGTA	CTTCAACCAG	CCTACAACCT	CCCACTMCON	AACAAATOAO	4.4.W.1.W.0.4.C.4	

ATTTAATGAT TAAAGACTGT GATTGCCACC AAA

配列番号:2345 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02707

配列:

GATCCATGAA GCTGCCCTGC CCACGCCTCC CCTCCCTGTA GCAACACCTC TGGGTGTTTG 60
GAGTTTAGCT TTTGTGGGTT TGCTCTCCCT ATCCCATCTC CTGTACTACA CAGTTCATGG 120
CAGGGTGGGG AGNNGTGGGG TTGGTTCGGG TGGGTGAGGG TCTTTTTCCT CTGTGTGCGA 180
TGTTGTTATC TGACAGNTCT CCGTCCCTAC TGGCCTTTCT CCTCGTCTTC ATATTTGTAC 240
GGTACAAGCA ATAAAGACAC TCATTTCAGA CCAGAAA 277

、. 配列番号:2346配列の長さ:431配列の型:核酸トポロジー:直鎖状クローン名:HUMGS02708

配列 .

GATCTTNCTA GGAGGGAGAC ACTGGCCCCT CAAATCGTCC AGCGACCTTC CTCATCCACC 60
CCATCCNTCC CCANTTCATT GCACTTNAT TAGCAGCGGA ACAAGGAGTC AGACATTTNA 120
AGATGGTGGC AGTAGAGGCT ATGGACAGGG CATGCCACGT GGGCTCATAT GGGGCTGGGA 180
GTAGTTGTTT TTCCTGGCAC TAACGTTGAG CCCCTGGAGG CACTGAAGTG CTTAGTGTAC 240
TTGGAGTATT GGGCTCCCCA TGTNGTCCTG GTNNCGGTTT TNTCCACCTA NGACTGTAAA 360
CCTCTTCGAG GGCAAGGGAC CACACCCTGT AACTGTTCTG TGNCTTTTAA CAGGTTCCTN 420
CCATTAATGC N

配列番号:2347 配列の長さ:268 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02709

配列:

GATCTTTTGT GTCTGGTTCC TTTCACGTTG AACGCTATTT TTAAGGTTCG TGCCTGTTGT 60
AGACCACAGT CACACACTGC TGTAGTCTTA CCCCATCCTC ATTCCCAGCT GCCTCCTCCT 120
ACTGTTTCCC TCTATCANNN NGCCTCCTTG GCGCAGGTTC CCTGAGCTGT GGGATTCTGC 180
ACTGGTGCTT TGGATTCCCT GATATGTTCC TTCAAATCCA CTGAGNATTA AATAAACATC 240
GNTAAAAGAA TGACCTTCCC AAGGNAAA 2668

配列番号:2348 配列の長さ:268 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02710

配列:

GATCAGAAAC CAGTCTCCTT CCCCGTAGTC TGGACTGGT ATCCCCTCTT AAATNTTTCC 60 CCTTGCCATC TTCCTCAATN AGCTGGAAGC CCATTGGCAG CAGGGACTGT TTCTTGTTCA 180 CAGCTGCACC TCAGTGCTAA GCATAGTGCC TGGTAGGTAA TAGACTCCTT AAGTATTTGT 240 TGAATTAATA AAGGATGNNT TTTTTAAA 配列番号:2349 配列の長さ:268 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02711 配列: GATCAGAÂGC CATTINATIT GGTAGGTGIG TCAGAAGGGA GAATGATGGN AGACGAACTG 60 CTGGAAGAGG TCAGAAGATA GCCATGCTAA AATGCAATTA TATCCTCATG TTTATCCCAA 120 ACTAATCTTG GACTTTTCCA CTCATTAGCT TTGTTNTGCC CTTGTTTCCC TTGAAGGTTT 180 AAGTTCAACC ATATTCTGTC AACTGTTCAG TTTCAGTGGA ATCTTGTATT TCTGGTTCAT 240 TATAACAAAC TGTTCGCTTA AATCCAAA 268 配列番号:2350 配列の長さ:398 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02712 配列: GATCCGAGAA CGCTCTAAGC CTGTCCACGA GCTCAATAGG GAAGCCTGTA ATGACTACAG 60 ACTITGCGAA CGCTACGCCA TGGTTTATGG ATACAATNCT GCCTATAATC GCTACTTCAG 120 GAAGCGCCGA GGGGCCAAAT NAGACTGAGG GAAGAAAAA AATCTCTTTT TTTCTGGAGG 180 CTGGCACCTG ATTTTGTATC CCCCTGTAGC AGCATTACTG AAATACATAG GCTTATATAC 240 AATGCTTCTT TCCTGTATAT TCTCTTGTCT GGCTGCACCC CTTTTTCCNG NCCCCAGATT 300 GNTAAGTAAT NGAAAGTGCA CTGCAGTGAG GGTCAAAGGN GAGGCAACAT ATTNTNNTTT 360 TCCATAATAA AACTITCTTG GGGGNNATAC TTTTCAAA 配列番号:2351 配列の長さ:381 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02713 配列: GATCTGCAAG CATTTGCTCT TGTTTCCACA TCACCTCTGG GATATTTCAG CTGTTGTTTC 60 CAAATGGCAA ATCATCAACT AAANGCACTT GTTTCAAGTT TTGTTCTGCA CTCCCACGAC 120 TGAAGTTGTA GATTGAGCTG AATAACCATG GGAAGTGANC AAGCAAAGAC ACTCGATTGG 180 AGTCAGTTGA ATATTTGTAC CCTCAGTGGA GCCCTTCTGG TCTTTTCTTC CACTTCTGCA 240 GAATTTCCTC TAGCAAATAC TTCTTTCTCC TTGCTTGCCT CCACCATGAT ATTTGAATAA 300 GAGATGGCCA GAGGATAACA CTTGTCTCTT AAAAACTAAG CTAAAAAGGA CCTAGGAACC 360

THE REPORT OF SECTION AND ADDRESS OF THE PROPERTY OF THE PARTY OF THE

381

TTCAATTTGA GCAGTTGGTT N

配列番号:2352 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02714

配列:

GATCTGCCCG CCTTGGCCTC TCAAAGTGTT GGGATTGCAG GCGTGACACG TGCTCCTGGC 60
TTGAATTTC TTATAATCCC ATGAAACCAT CATCAGAGTC ACAATAATNA ATTTATCTAA 120
TCTATCACCT TTGTATTCAC CTGGAGCCTT TATAAAGTTT TTNTCTATGC AGACAACCAT 180
TGATTTACTC TGCTGTATAA TACTTTCCAT TTTCTAGAAT TTTCTGACTG ATGTAATAAA 240
GTGTTTCCTC TTATAATCCC TGAAA

配列番号:2353 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02715

配列:

GATCGGGGGC TTGAACCCAG GTGGTCAGGC TCTGGAGCCC ACAATTGTNT TACCCACTAT 60
GCCCCTCTCT AGTCATGGTC CCCAAGAGGG GCTTGGAGAC CCACTTAGCA GGTGAAAGCA 120
ATGGCAGCCT TCCTTATTTG ATTATGCACC TAAGAATAAA TGGTATTTGG GCATGTATTC 180
CCAATATGTG TATATTTATT TATAAATATA TACAGATACT ATNATCTGTA TGTNAGTAAT 240
AAAGCTTAAA TTATTCCATT TTAAA

配列番号:2354 配列の長さ:379 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02716

配列:

配列番号:2355 配列の長さ:261 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02717

配列:

GATCACAAAA CAATTCTAAA ACCTAACTGT TTTTACCATT GAAATTTAAA TTGTGATAAT 60
AGGTTTTAAA TGTCTAGAAT GCAACTGATA GGCTTTTCTT GAACTGTTAG TTTTTTTGAA 120
GTAGTTTTTT CATGTTTANN NNGTATTTGT AAAAAAACAA AAAGCAAAAA AATTCCCAAA 180
ACCCAGATAA CAACCAGAGC AAAACTGTTG TGCCTTCTAT TTATCTTTGA TTTCAGTCTT 240
GGCAATTGTT TAAAAAAAAA N

配列番号:2356 配列の長さ:259 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:MUMGS02718

配列:

GATCATTGGA GAGAGAATTG CACAGAAAGT CCTGAAGTTT AAAACACTTT ATGACCAGCT 60
TTGGCTCGGG AGAGTGGGC TGCTTGTAĞA ACTGGAAGTG AATAACTTTT TCAAGCAATA 120
TCAGTGAGTG GGTCCCATCG ACAGGGTTCC AGGACCTGGA ACACTTTAAC AGAAGGAAAT 180
GCCGAAGCAG CTTGCACAGT NGCTTGACAG ACTTCCAAGN NGGCTGATTC TGGCTTCAAG 240
ATGGAGCCTT GGAGTTGGN 259

配列番号:2357 配列の長さ:296 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02719

配列:

GATCTGGGAG TACACCAGGC AGCAGCTGCT CTCGNACGGA GATACCAAGC CATGATGTGC 60
CNNNNTTAGT GAACTGCTGC TGCTGTTCAG ACTTTTTTAA AAAAAACTAT TTGGACTAAA 120
GAAACAGATT CTGAAATTTA TTGTGATAAT TTGTATTTCT TTTTTCTTGC AATTTAATGC 180
CAAAAGTTTG CCATGTGCCT TAAACATATT ACTATATATT TNCCCCTTTA ATAAACACTT 240
TTNGTTAAAT TGTATTCTTC CTTTAATAAA ATATTTTAAG CAATTGTGGA AATAAA 296

配列番号:2358 配列の長さ:254 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02721

配列:

GATCAGAATA CATGATGGAT GAAATTCTTT ACATGTTTTA GCAGAATNAA TTTGTTTAAT 60
ATAATAAAGT TTGCTACTTA TCTGTATGTA GGTTGCTAAA AANGATTTTC TTAACTCAGA 120
TTTTAAGCCA AATAACCATT TAACACTAGT ATTTGTTAAA TGGGTTATTT TNCTGTATTT 180
GTATGTTTCA CTATAATAAG GGAATTAAGG ATAATGTGCA TTGAGAATAT TTTGAAAANT 240
AATTGACTCA AATN

配列番号:2359 配列の長さ:253 配列の型:核酸

CTCATTTTAA A

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02722 配列: GATCAGTTAT AAGTAGCAGG CCAAGTCAGG CCCTTATTTT CAAGAAACTG AGGAATTTTC 60 TTTGTGTAGC TTTGCTCTTT GGTAGAAAAG GCTAGGTACA CAGCTCTAGA CACTGCCACA 120 CAGGGTCTGC AAGGTCTTTG GTTCAGCTAA GCTAGGAATG AAATCCTGCT TCAGTGTATG 180 GNAATAAATG TATCATAGNA ATGTAACTTT TTGTAAGNCA AAGGTTTTCC TCTTCTATTT 240 TGTAAACTCA AAN 253 配列番号:2360 配列の長さ:253 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02723 配列: GATCAATCCC AAGAATCCAT CAGCAACCTC AGACCAACCC AAGAAGATAA TTTAAATCTA 60 TACTGCTTAT TGGTCAATAT ATTTGGTTCT AGTATTAATA AAGAAAAATG TTATTAAAAT 120 AGCATACATA GTAGTAAAAT AAANTACANA AAGTGTGTTG ATTTATAGCT GTTTGAGATG 180 ATAAAAGTGN AGCAAAGCCT GTTAAATCAT TGGAAGACTT GGANANTTAT TTTAAATAAN 240 CAATTACATG TAN 253 配列番号:2361 配列の長さ:252 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02724 GATCTGCATA AACAGGGTTC CTGACCTCAC CGAAAAGACT AATGTGCCTT AGAACAAGCA 60 TTTGCTGTGT TTTGTTAGCA CCTGGTTCCA GGACAGACCC TCAGCTTCCC AAGAGGATAC 120 TGCTGCCAAG AAGTTGCTCT GAAGTCAGTT TCTATCGTTC TGCTCTTTGA TTCAAAGCAC 180 TGTTTCTNTC ACTGGGCCTC CAACCATGTT CCCTTCTTCT TAGCACCACA AATAATCAAA 240 ACCCNACATA AA 配列番号:2362 配列の長さ:251 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02725 配列: GATCTTCTCA GCCAGGAGAA GAGGGTGGTG TTTTCACGCG GGCAACTGCT CGCCGGCCTA 60 CATGGGGTTA ATTCAAGTCT GCTGCGAGCA CGACTCCGCC CTTGGCACTG GCCTCCAGCA 120 AGCCCTGTTC TCTTTGGGGT ACAGGGGAAC GGGATGGTTT AGACTTTCCT GCTCAGTGTG 180 TAAAAAATGT AGCTAAAGCC ACTATTTTTG CTCTCCTTAA GCTGTTCAAT AAACCGGTTC 240

251

क्ष्मात्रकारम् । <del>व्यक्तिकार्यः । व्यक्तिमा १९ वटः व्यक्तिकार्यः ।</del>

配列番号:2363 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02727

西河

GATCTGGAAC ACTCCCCTGA CCCCTTCACA CCTGGCCCTC CCTGGGCTTA AAGCTCCTGA 60
TATTCCTCAT CCCCTTCCTT GTTTTCCAGA ATCGGTCGAG GTGGACGGTT TGGCCGTAAA 120
GGTGTGGCTA TTAACATGGT GACAGAAGAA GACAAGAGGA CTCTTCGAGA CATTGAGACC 180
TTCTACAACA CCTCCATTGA GGAAATGCCC CTCAATGTTG CTGACCTCAT CTGAGGGGCT 240
GTNCTGCCAC CNAGCCNCAG NCAGGGCTCA ATCTCTGGGG GGCTGAGGGA GCAGCAGGGA 300
GGGGTGGN 308

配列番号:2364 配列の長さ:245 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02728

配列

GATCGTAGAT TTTTAACAAT CTGTATCTTT AACAATTCTG GGTGCNAGTG TNAGAGTGTG 60
AGCAGGGCTT GCTCCTGCCA ACCACAATTC AATGAATCCC CGACCCCCCT ACCCCATGCT 120
GTACTTGTGG TTCTCTTTTT GTATTTTGCA TCTNACCCCG GGGGGCTGGG ACAGATTGGC 180
AATGGGCCGT CCCCTCTCCC CTTGGTTCTG CACTGTTGCC AATAAAAAGC TCTTAAAAAC 240
GCAAA 245

配列番号:2365 配列の長さ:249 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02729

配列:

GATCTAACCA ACTCAACTGA TAGAAAGCTG AATTGTTCCC AGTGGACAAG TGGTATTTGA 60
TGTTTAGCAG GTTTTTTGT TGTTATTTTT TTGGTAAACT CTGTGGTAAA ATCTAAAAATA 120
ATGTTAAAAC CCTAAAAGTA ACTATTGANT ATNCTGTAAT CTTAGACATG TATTTTTCAA 180
GCTAACCCTT TGAAGAAATG TGTTCAAGGT AGGAAAATAT AAAATTTTTT GGTTATTTGT 240
AAATTTAAA

配列番号:2366 配列の長さ:240 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02730

配列:

GATCATGCAT TGTTGAGGTG GTCTGAATGT TCTGACATTA ACAGTTTTCC ATGAAAACGT 60 TTTATTGTGT TTTTAATTTA TTTATTAAGA TGGATTCTCA GATATTTATA TTTTAATTTN 120

ATTTTTTCT ACCTTGAGGT CTTTTGACAT GTGGAAAGTG AATTTGAATG AAAAATTTAA 180 GCATTGTTTG CTTATTGTTC CAAGACATTG TCAATAAAAG CATTTAAGTT GAATGCGAAA 240

配列番号:2367 配列の長さ:251 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02731

配列:

GATCTATACT GTGTGGTCAT GAGTTGTGTA TAGTTCCATA ACACTGTATT TTNCTNCTGT 60
CAGTACCCTT AGGATACACT NTAAAACACC TTAAGGTCTG ATGTTATGGC AACAAACTAC 120
TTNTTCAAAC CTAAATAGGA ACCATGTAAT TNCTCAAAAG TGATTGAACA GTTTGCCCAC 180
ACTTAGTTTG TTGGTCTTAT GTAAAACATT GGCTCAAAAT AAAGNNCACA CTGATTTATT 240
TNACTGNNAA A

配列番号:2368 配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02732

配列:

GAAGTATTAT TTTACTACC CCAGCTTCA CAATTAAGTC TGTATAAAAT GTGGTACCTT 60
TTNGTACCTA TCCAGAGAAA CCTGTACATA TTCAATGTTA TCTAGATGTG ATTGGATAAT 120
GGAGAAAATN TATTTATAAT GATTTTNCAA TGGCATCAAT AACATTAAA TGATTTTGAA 180
GAAGTATTAT TTTACTACCC TATAAAATGA ATCGAAAATA ATAAAGTTCT TAACATAAA 239

配列番号:2369 配列の長さ:239 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02733

配列:

GATCAAATTA TCTTCAGCAT GTATATCTGG GGAAAAAAGG TCCGAATTTT CACATTTATA 60
TTTAAANTTC AATTTTTAT ATTTAAANTT CAATTTTTTA GCAACAGCTG AATAGCTTTG 120
CGGAGGAGTT TAATAGTTAC ACATTCATGC TAATATACAT TNCCTTTAAA CATCCACAAA 180
TTCTTAAAAA GATTGAATCA GTANATTTCA TTTCAGCTAA AAATGGAGTC TAATATATN 239

配列番号:2370 配列の長さ:237 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02734

配列:

GATCCACCCG CCTTGGCCTC CCAGAGTGCT GTGATTACAG CTGTGAGCCT CCGTGCCCAG 60 GCCAGTGTTC TCTCTTAAAT GTGTTTCAAT ATGGTGGACA TTTATTGAGC ACTTGTGTTG 120

GGCGTTTCAA CAGGAGGCAC TGGTACGAAA AGTAGCTTGT TCTAGTTCAT ATATCATTTG 180
CACTTTGCTT AACTTGTATA AGTACTTTTT ACTGTTTAAT AAATATTTTA TTAGAAA 237

配列番号:2371 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02735

配列:

GATCAAAAGA GCAAACAATA CTTTCTATGG CTTATCAGCA GGAGTGTTTA CCAAAGACAT 60
TGATAAANCC ATAACAATCT CCTCTGCTCT GCAGGCAGGA ACANTNTGGG NGAATTGCTA 120
TGGCGTGGTA AGTNCCCAGT GCCCCTTTGG TGGATTCAAG ATGTCTGGAA ATGGNAGAGA 180
ACTGGGAGAG TACGGTTTCC ATGAATAŢAC AGNGGTCAAA ACAGTCACAG TGAAAN 236

配列番号:2372 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02736

配列:

GATCCNATTC CCGTTGCCTC AAAGCACCAG CTCTCTCGCT CCATCCTCC AAGAGCCTCC 60
AAGGCGCCAT TGGCTTCCTG GGACTCTGAG TCTGCCGGCC TCTTTTCCTG ACTCCAGTTT 120
CTTCTGGCCT GAGCCAATGG GGCATGTTCT GTGACTGCAT TTGCATCTCG GATTGTGTTT 180
TTAAACCCAT TTTCTCCCAT ATTTGCCTGA AAAATATATA GAAACTGATA TACAAA 236

配列番号:2373 配列の長さ:245 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02737

配列:

GATCAGGCTG GTACAGGATG CCTTAAGGTG ATGAGAGGTG AGGGTGCATG AAGAATAATG 60
AGCACAGGGA AGAGAGAAGC AGGACAAAGT AGCAGATAAA ATGCCGGCAA AGCACAGATG 120
ANTGTTTTCA AGAAGCTCTT GTATTTNTNT GCACAGTGTA AATATCCTTG CTATTTCAGG 180
ATGGCGGCTG GCCTGCTCAG TAACATACAT GTTCCAAATA AAGATTTTGC ATGAAAGTAC 240
CTAAA

配列番号:2374 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02738

配列:

 TGGTTTTAAA GCCAGAATTA CGGCTAGCAC CTAGCATTC AGCAGAGGGA CCATTTTAGA 180 CCAAAATGTA CTGTTAATGG GTTTTTTTT AAAATTAAAN GATTAAATAA A 231

配列番号:2375 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02739

配列:

GATCCACTGT GAGCACCAAC CTGCTGCAGT CTCTTGGGCC CCTGCTGGCA GCTCTGCCAC 60 GTCACCGNCT GCCTGGCTCC CACACAGCCA TGCATTGTCA CTCTGCCTCC GGGACCCNAG 120 CTTNGGAGCN NNTGGGTCTG CCAGGTCCCA CCTCCTCTGT CCCCNATGCC ACAACCTGGG 180 CTCCTGGCTA CAGCAGGGNT CCAGGGACTN CAAATAAATG TTCAGTGACT GGCAAA 236

配列番号:2376 配列の長さ:235 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02740

配列:

GATCGGTCAC ACAAGCTGTT CCACGATAAT TNTTGTNTCA NAAGGGGAGN CTGACTACCA 60
GGACCACTGG CCCCACTTCC AGCCCCTCCA TTCTNAGTAC ACTTCAGAGG GCTCTGGCAG 120
GGTGAGGGGG TCTTGNCCGT GCCACAGAGA GTAAAGGTCT AGCACACCCA TTGTGGAGAT 180
ATTTCATGGG GACANCCCAG TGACTTCACT TTGAAGTAAA GTGGGATTTT CCAAA 235

配列番号:2377 配列の長さ:253 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02741

配列:

GATCGNAGGC TACCCTGGCT CAGTNACCAG CTGCTCACTG TGTCCTTCTG TGGTCTCAGG 60
AGCTGCAGTT GTTGCTGTTG TATGAATAGA CGATAGTNAA TTAGACTGGA TGTGTCTGTA 120
CTGGCAGTNA TTTTCCAACT NCCTCTGTAT AAGCAATACA TTTGTAAATC ATGGGAATGT 180
ATTTAATGGT AATTGCCTGT GGTGGTTGTA TCATGATTTA NTNNTATNAT GAGCTTTTGG 240
CTTTNTNTAT NTN 253

配列番号:2378 配列の長さ:232 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02742

配列:

GATCTGGGGT CCCAGTGTCA TTGGTGAAGG CCTTGGGATT CGAGGCAGCT GAGTCCTCAC 60
TGACCAAGGA TGCCCTTGTG CTTACTCCAG CCTCCTTGTG GAAACCCAGC TCTCCTGTCT 120

THE THE STREET OF THE STREET

CCCAGTGAAG ACTTGGATGG CAGCCATCAG GGAAGGCTGG GTCCCAGCTG GGAGTATGGG 180
TGTGAGCTCT ATAGACCATC CCTCTCTGCA ATCAATAAAC ACTTGCCTGA AA 232

配列番号:2379 配列の長さ:232 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02743

配列:

GATCTCTGAA AAGNAGGTTT CAGCCACGAG GCAGCTGNTC CCAGGACACT GAGGCCAAGA 60
GAAATGTAAC AGAGCCACAG CTCCACAGGC CTGCACTCG AGTCTGGGGC CTCTGCAGAG 120
CCAGCAAGGG GAAAAGTATA ATCTGGGGGA CCTTCAACCA CTAAGCCTCT TGTCAGAGCC 180
CTCAGGCAGG CAGATGTGTC ACCCAAATAA ACAGTGATAT TGTCTCCAGA AA 232

配列番号:2380 配列の長さ:232 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02744

配列:

GATCTNAGCT GGACAGAGGA GGAGGAAGAG GAGGAAGCAA TGGGGGGAATA GTGACACCAG 60
ACAGTTGATG TCTAGATAGG ACCTCAATNA TTCCNTTAGA ATCTNAGATA CCAGGATATT 120
GTTGGCCATG TGGCATCATT GAGCAGCAGG AGGCTGAAGG AGGNGAGAAC AAAATTGTCC 180
AAACCATGCT GTTTTTTCC CTTAAATAAA TCTTGTATTC TTCAGTTTCA AA 232

配列番号:2381 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02745

配列:

GATCTANGGA ACCAAACGGA AGGTTTTGAG GTGATGTAGG TCTTTCACAG TTAGCTTTGG 60 GGAATACAGA ATACTCAAAT AAAGTGCTTT GTTATTATTT CAGAGGGAAT GGCGATTGAA 120 ATGTTACAAC AGAGATTTCT TGGTGGTAGC TATTTNGGTA AAGGGTATAT GGNTATTTTT 180 CTGTACATGT GAAATTATAT AGANNTAAAA GTTATATANA TTACATTGGC CAGAAA 236

配列番号:2382 配列の長さ:229 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02746

配列:

GATCAAGTTT AAGTCAGTCA GTTAAGGGGA GGAGAAGGAG AGGTTATACN TTCAGGGGGC 60
TACCAGACAG TGTTCTCAAC TTGGTTAAGG AGGAAGAAAA CCCAGTCAAT GAAATTCAAT 120
GAAATTCTTG GAAACTTCCA TTAAGTGTGT AGATTGAGCA GGTAGTAATT GCATGCAGTT 180

TGTACATTAG TGCATTAAAA GATGAATTA	T TGAGTNCTTA	AAGATTAAA		229
配列番号:2383				
配列の長さ:227				
配列の型:核酸			•	
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02747				
シローン名:NONGSO2747 配列:		٠.		
GATCTGATTT CAGATTTTTC CTGTATCTT	T TITACATACA	TCAGAAAAAG	AAATGTTTAC	60
TATATTTTTG GTTCCATTNA TGATTGTTT	T AAGCATTTGA	CGNATAAGGA	AAACTAACAA	120
TTAANTCAAT TAGAAAAGCA ACATAAAAT	I AANTGATATI	TAGGAAATCA	GTTATATGTG	180
AGCTTGGGTA TTCAAATGTC ACAANTAAA	A GGCNTANACC	CATNAAA		227
配列番号:2384				
配列の長さ:223				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS02749				
配列:				
GATCAAATNA CCTGTGAAGG AATATTTTG	C CTTCATCCTA	CCTCCTCCCC	A A C C C C C C A C	60
AGGGGTCAGG NAGGCTAATG GTTGCTTTC	TGAATGTTTC	TGGGGTACCA	ATACCACTNO	60
CCATAGGGNC TGCTCCCTCA AAAAGGGAG	G GGACAGATGG	CNACCTTTTW	AIACUAUINC	120
AAGGAATACG TGCCTTTTCC TTAAANNCT	T TCATTGATTG	AAA	INACCIATIC	223
	· 10MIIUMIIU	nnn		223
配列番号:2385				
配列の長さ:221				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02750				
配列:				
GATCAGGGTT TNGGGTCTGT GTTCTTTCT	A CCGTCAGCAC	CTGTGTGGTC	AATTCTGGAC	60
ACTTCCCAGA GAAGTCTTTG AGTAGAGAA	CCTACTCAAA	TTTCACTGTA	TATNTTAAGC	120
ATTCCTCTCC TNTCCCNTTG CCTNCCCTG	TGCCTTNTCT	TCCCCTGATT	TCTCCTCTGG	180
TCATCTNCTC TCCCTNCTGC GTGTAAGCCA	TGGGAAAGGG	N		221
配列番号: 2386			•	
配列の長さ:220				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUNGS02751				
配列:				
GATCATGAAA ACAATGTAGG TAAAGTAAAG	TATGTATTTG	TCTGTGCTTG	AAAAATATTG	60
TAAAATGTTA TGTATTTGGA ATATATTTTC	TGGTTTGTCT	ATATTTATAA	AACACAACTC	120
GGGGTGAATT CACANTGAGT TTATTTCATT	GAAATACTAG	AGATATGGGG	GCCATGTTAC	180
TGTGCTTGGN GCCTTACCNT TTGTATAGTG	AAATTTGCAN			220

配列番号: 2387	•
配列の長さ:220	
配列の型:核酸	,
トポロジー:直鎖状	•
クローン名:HUNGS02752	
配列:	
GATCCGCCTG CCTTGGCCTC CCGAAGTGCT GGAATTACAG GCAT	GAGCCA CTGCTCCTGG 60
CCTAAGATGT TTTTTAAATA ATGTTTTTAA CTAAATTTTA AGAA	TGTTTT TAACTAAAGT 120
TATTTATATT TGGAATAATT CGTTAATGAT TTGTGTCATT TCCC	CAACCC CTTTTTAAAT 190
TTGTGAATTT GAGGACTGGA TTAAAAGATA AAAAGTTAAA	220
配列番号:2388	
配列の長さ:339	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS02753	
配列:	
GATCTAATTA ATAGCTGACC TCCCAAATCT GACAGGATAG ACAC	TGCCAC GTGCAAGGCC 60
TGCCAGCCCC TCAGACGCAC AAAATGCGTA AAACAAATGC ATCC	TTTCCT GGCTAAGCGA 120
GTATTACTCT CTTAGCCCTG CACCAAACCT CCAATCTAGC CACA	TTTAAC TNTTCATTTC 180
TTAGACCCGC AGAGTGTCTT CCTGCCTCTG AGCTGTGAGT GTTC	TTCCCT TTGCCCGGGA 240
TGCTCTTGTT TTTAATACCA GTTCAAGTCC CACTCTCTCA GTGA	AGCACT CCCTTCCCCA 300
CTNATAGCCT TTAGTGAACC CTCGTTTCTT GCTTCTTTN	339
	000
配列番号:2389	
配列の長さ:219	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	

クローン名:HUMGS02754 配列:

GATCCATGTG CAGTAATGCC TGGTGGCTCC AGGTCTGCCC CGCCGTCCTG TGGGGCTGTG 60
AGCTTTCCCA GCCTCCTGCC CGTGTTTGTG AATATCATTC TGTCCTCAGC TGCATTTCCA 120
GCCCAGGCTG TTTGGCGCTG CCCAGGAATG GTATNAATTC CCCTGTTTCT CTTGTAGCCA 180
GTTACTAGAA TAAAATCATC TACTTTAAAA TCTTTCAAA 219

配列番号:2390 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02755

配列:

GATCTTGACC GGGAAAAGGG ACTTGAGAGA ACCTTCTAGG ATAATTINAT TTCTTGATTA 60 GGTGGTGGTT ACATTTGTAA AAATCATCGA CCTCTAAATT TAGGGTTTGT GCCCTTCACA 120 TACCTTGTTG TATGCATTTT GCCACTTGTT TTTTCAAAGC AATGAAAAAG TATCACTGCA 180 WO 95/14772

ATTAGGTTTT AAATAAATTT GTTTCGTTAA CATGTCAAA

## PCT/JP94/01916

219

配列番号:2391 配列の長さ:218 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02756 配列:	6				
GATCTGGAAT CGGGGTCAGC	GGGGCTACAG	<b>ፕሮሮ</b> ፕፕሮሮ አርር	GGCTNTGGGG	CACCTCCCAC	6.0
CCTCTTCCCA TGCTGGTGGC					60
TCCGTCTTCC AGTGGCCGCT					
CCAAGTCCAG AATGACCTCG			CATIVAATII	AAUUCCCACC	218
配列番号:2392	Ž.				
配列の長さ:217					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02758	3				
配列:					
GATCCATTTT TAATGGTTCA					
GGGGAAAATA AATGAAAATT					
GAAGAAGTTA TCCAAAGTAC			ATTTAATGTT	TTCTAAAATA	180
AAAAATGTTA GTGGTTTTCC	AAATGGCCTA	ATAAAAN			217
配列番号:2393			•		
配列の長さ:216					
配列の型:核酸			*		
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02760	) <sub>.</sub>				
配列:					
GATCAGAGGA ACTTTNAGGT					60
ACACGTCCCC TGCCTCAACA					
GTTGTGTTGT ACTTCATGGC	ACTCTGATGC	CTGCTGTCTC	AGTGTTTGGT	TATTATGCAA	180
ACAAGTAATG TTTGAAATAT	ATAATAGCAC	TGGAAA			216
配列番号:2394				•	
配列の長さ:215					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02761	Į.				
配列:					
GATCCATTTC TACCTGCATT					60
GTTCCCAAGC CAGCGCCTGG					
CTAACCCACT AGAGATTGCC			TTGTAGAATG	CAGCTCTGGC	180
CCTCAATAAA TACTTCCTGC	ATTCNNCTGN	NNAAA			215

配列番号:2395 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02762 配列: GATCTAAATG TAAAAGCAAA TGAAAAATGC ATGTNTTTTT NCCTGTCAAA CATGTATACC 60 CTTATGTATA GAGACCAGTA GTCACGTATG GTGACTGAAA CAGGATTATG TAATCCCTAA 120 AAAGCAGAAT ATGTAAAANT CACATGTATG CGTTTGGTTT AGGAATGTNC TTTTGTACTT 180 CCACTTGAAT AAAGGTGTGT TTGGTATTCT GAAA 214 配列番号:2396 配列の長さ:212 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02764 配列: GATCCAGAAA TTCAAACTTC GAGAGCAGAT GGAACGACAT CTAAATCTNT GAATAAAGCA 60 GCAGGCCTGT CCTGGCCGGT TGGCTTGACT CTCTCCTGTC AGAATGCAAC CTGGCTTTAT 120 GCACCTAGAT GTCCCCAGCA CCCAGTTCTG AGCCAGGCAC ATCAAATGTC AAGGAATTGA 180 CTGAACGAAC TAAGAGCTCC TGGATGGGTC CN 212 配列番号:2397 配列の長さ:212 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02765 配列: GATCTATTAA AGTGTCAACT TTGCATTATA GAACTGAACA TGAAGTAAAT TGAGTGTTTC 60 TGAGTTTNCT ATAGAAAATT TATGCTACCT CTCATCTTTT CACATACAAA TAAGCAACTT 120 TTAATGAAGG CTTAGGGTGN AAATTTTAAT TTTAGCACTT TACATTACAT GATGAATGGT 180 GAATATTAAA GGACTTTGAA CATTTTAATA AA 212

配列番号:2398 配列の長さ:213 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02767

配列

GATCGAGAAG CTGCTCAATT ATGCACCCCT GGAGAAGTGA CCACGCTGAA ACCCACCCAC 60 CCGCTGTGCT GACCATGGGC CCTGAGCGTC CTACCCCGAA TTCACGAGGC TGAGGCATCC 120 GGGAGCTGGC GTAATGCCTG GCCGCAGTGT GTGTGTATCC CATACCCCAC TCTGGAAGGA 180 ACCATCCAGT AAAGGTCTTT CAGAACCACT AAA 213

配列番号:2399 配列の長さ:211 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02768

配列:

GATCAGAGAT GCACCACAA GCCAAGGGAA CCTGTGTCCG GTATTCGATA CTGCGACTTT 60 CTGCCTGGAG TGTATGACTG CACATGACTC GGGGGTGGGG AAAGGGGTCG GCTGACCATG 120 CTCATCTGCT GGTCCGTGGG ACGGTGCCCA AAGCCAGAGG CTGGGTTCAT TTGTGTAACG 180 ACAATAAACG GTACTTGTCA TTTCGGGCAA A 211

配列番号:2400 配列の長さ:211 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02769

配列:

GATCAGACAC CCCTTCACGT GTATCCCCAC ACAAATGCAA GCTCACCAAG GTCCCCTCTC 60
AGTCCCCTTC CCTACACCCT GACCTGGCCA CTGCCGNACA CCCACCCAGA GCACGCCACC 120
CGCCATGGGA GTGTGCTCAG GAGTCGCGGG CAGCGTGGAC ATCTGTCCCA GAGGGGGCAG 180
AATCTCCAAT AGAGGACTGA GNACTGCTAA A 2 211

配列番号:2401 配列の長さ:206 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02770

配列:

GATCACCTAC TTACTGTATT CTACATTATT ATATGNCATA GTATAATGAG ACAATATCAA 60
AAGTAAACAT GTAATGACAA TACATACTAA CATTCTTGTA GGAGTGGTTA GAGAAGCTGA 120
TGCCTNGNTT CTACATTCTG TCATTAGCTA TTATCNTCTA ACGGTTCAGT GTATCCTTAC 180
AGGAATAAAA GCAGCATNTG GNTAAA 206

配列番号:2402 配列の長さ:205 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02771

配列:

GATCGAATGA AGGATTCAAA ATTAACCACT CCAAGGGGG ATTGAAGGAA GAACCACTCT 60
TAATGGACAA AAAGAAAGAA AGGGGAGGGA GTAACAGGGA TATNAGCTCT AGCCGCCCAA 120
GCTAGCAATG GCAACCCTTC TGGGTCCCCT TCCAGCATGT GGAAGCTTTC CTTTCGCTTC 180
ATTCAATAAA CAGCTGCTGC TCAAA 205

配列番号:2403

配列の長さ:228 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02772

配列:

GATCTATAGA CATNAGGAAG GGAGTNAGAC GGCTCCTCCA CCATCCTCAG CCAGTGCAAC 60 CACCATCTTT NTTGGCCTCT CTNAGGGTCT CTCTGTGCAT CTNTTTAGGA ATCTNGCTCT 180 CACTCTCTAC GTAGCCACTC TCCTTCCCCN ATTTNTGNGT CCACCCNN

配列番号:2404 配列の長さ:273 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02773

配列:

GATCTAGCTA GGGCTTTGTC TNTTCATCTT TGTGCATAAC TTACCTGTTA CCAGTATAGG 60 TGGGATATAC ATNTATCTTG CAGGAAATTC CCCAAAGCTC AGAGTCCAGT TCCTTCCATA 120 AAACAGGCTG GACAAATGAC CACTATGTTA GACCCCCCGG NTCGACTTCA GGGGTCAGTG 180 TTCCTGTCCC AAACCCNCAC ACAGAATNCT CTGNCTGNGG TTCATGTNGA AACTGAGCAA 240 AAACTANAGT ATCTNTCAAN ANGTGTAACN TGN

配列番号:2405 配列の長さ:203 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02774

配列:

GATCCACCTC ATATGTGAGT CCGTCCAAAA GATGTTACTG CTCTGGGTGG GCCAGTGTTC 60 TATATCGGTT ATACTAACTT TCATTTAAAG TATTTATTCT AAAATGCCTC TGAGAAACAG 120 TAAAAAATAA AAACAACAAG TTGTCTAAAA TGCAACAGCT TTTATAGTAA ATGTACATTT 180 ATAAATAAAA TACTCAAATC AAA 203

配列番号:2406 配列の長さ:203 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02775

配列:

GATCTCTGAT GGATTTGTTG ACTCCTCTGT GGGAGAAAGG CTTGGTCTAC TGCAGGTGTT 60 AACGCTAAGC CAGGCTGGAG CTGCGGACGT NAGTTTCCTC AGCNCCCCGC TGTTCGCTTC 120 GAACGTNACC TCGACGTCTG CTCTCCCCTT CCCTTTAGCT GACAATGTGA CAGTNCTTGA 180 ATAAAAGTNA GTCTGACAGG AAA 203

配列番号:2407

配列の長さ:205 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02776

配列:

GATCTGAATG TGAATTTCTA ATTGTATCAG ACGTTAATGT TTTAAAGCTA TAACAAAGTT 60
TAAAATTTCT ACTTTTGTT TTTNATTTAT TTTAACTGTT CTTTTATCTA TTAAATTGTT 120
GTATGTGGAT GGGGAAGTTT TGTTTCTCCT CTTAGCATTT GTTTCTATAA CCAGAAATAA 180
AATTCTATAT TAAAGAAATG ACAAA 205

配列番号:2408 配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02777

配列:

GATCCCAATC TGAGAAAAGG CAAAAGAATG GCTACTTTTT TCTATGCTGG NGTATTTCT 60
AATAATCCTG CTTGACCCTT ATCTGACCTC TTTGGAAACT ATAACATAGC TGTCACAGTA 120
TAGTCACAAT CCACAAATGA TGCAGGTGCA AATGGTTTAT AGCCCTGTGA AGTTCTTAAA 180
GTTTAGAGGC TAACTTACAG N 201

配列番号:24C9 配列の長さ:200 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02778

配列:

GATCTTTAAC TGCCTGCTGA TAAGATATTG GGCCAACTGA AAATAGAAAT TGTTCTTTCT 60
TAGAAATATT TTAATGCTAA CTTGTTAGTT TTCCTCAGAA AGCTAGTATT TGAAGCCATT 120
CGAGTTTAAG ATNCTCTAAT TTCAATAAAA TAGCTTCCAA ATATTTAAAA TGTAATAAAA 180
TATATGTTTG ACACTCTAAA

配列番号:2410 配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02779

配列:

GATCAAAACG CTCCATCTTT TTACAGTGGC ATAGGAAGAC GGCAAAAATT TCCTAAAGTG 60 CAATAGATTT TCAAGTGTAT TGTGCCTTGT TCTAAAACTT TTATTAAGTA GGTGCACTTG 120 ACAGTATTGA GGTCANNNNN TATGGTGCTA TTTCANTNAG TCTAGGTTTA GGCCCTTGTA 180 CATNTTGCCC ATAACTNN 198

配列番号:2411 配列の長さ:198 THE STATE OF THE PARTY OF THE P

حاطيق الرئيس المحوم أردن الوادر المعاومة والأالس برارات المعاد

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02780 配列: GATCTGCCCA TTGCTGAAAC TTCAGTACTT AAGTCCCCTA TTATNATTGT ATGGCAATCT 60 ATCTGTCCAC TCAGAAGTTA TTATATTTGT TTTATATGAT TGAGCACTTC TGTTTTGGGT 120 ATATATGTAT TTACAATNAC TATAACCTCT TGCTGAATTA ACCCCTNTTA CCATTATGTA 180 ATAAACTTAT TTCCCAAA 配列番号:2412 配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02781 配列: GATCTTGAAT CACTTGACAG TGTTTGTTNG AATTGTGTTN GTTTTTNCCT TTGATGGGCT 60 TAAAAGAAAT NATCCAAAGG GAGAAAGAGC AGTATGCCAC TTCTTAAAAC AGAACAAAAC 12D AAAAAAAGAA AATTGGGCTC TNTTCTAATC CAAAGGGTAT ATTTNCAGCA TGCTTGACTT 180 TACCAATNCT GATGACAN 198 配列番号:2413 配列の長さ:359 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02782 配列: GATCCAAAGT AACTAAACAG GAGCCCACAA GACGGTCTGC CAGATTGTCA GCGAAACCTG 60 CTCCACCAAA ACCTGAACCC AAACCAAGAA AAACATCTGC TAAGAAAGAA CCTGGAGCAA 120 AGATTAGCAG AGGTGCTAAA GGGAAGAAGG AGGAAAAGCA GGAAGCTGGA AAGGANGGCA 180 CAGAAAACTG NTTCTGTAGA TAACGTGGGA GAATGANTTG TCATGAAAAT TTGGTGGTTG 240 ATTTTTTGT NTGTCTTGGG ACAACTTTTA AANGCTATTT TTNCCANGTN TTTTTNGTNN 300 TTGGTTTTTT TTTTAGGGNT CTNCTTGTTG GCATNCGGNA GTTTTTTANG GTTTGGNCN 359 配列番号:2414 配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02783 配列: GATCCCAGGG GTGCACATGG GCCCCTTGGG TGTCTGAACA GAAGGGCATG GNAGGAAGGG 60 CTGCACCGCG GGCTCCTNAG TCGGCAGATT AAGCATTTNA TAAATTGTAT TTTAAATACA 180 TGTTTTAAAC TTGTCAAA 198

配列番号:2415

配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02785

配列:

GATCCCATCC ATCAGCTCCC TTTTCTTTT CCCTTGAACT GTTCTGGCCT CAGACCAACT 60 CTCTCCNNNN NTAATCTCTC TCCTGTATAA CCCCACCTTG CCAAGCTTTC TTCTACAACC 120 AGAGCCCCCC ACAATGATGA TTAAACACCT GACACATCTT GCANAAA 167

配列番号:2416 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02786

配列:

GATCTGTGAT TGGNTGGTTA ATGGGAAACG GTTTTTTNCT TTGGCTGCAG GTGTTCTGCT 60
GATATCAACA GCTTCCCTAT TTTNAATGCA GAAAACAGGG TCTGGGACAT TAGTCGTTAT 120
ATTTNACTTG AAAAGAAAGA AACCAAGTGC GCTTTGCAAT ATTTATTACA CAAAGAACTT 180
GCTGCTGCAT TCTAAA 196

配列番号:2417 配列の長さ:194 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02787

配列

GATCACAGAT TTCCCTGCCA GGGTGTCTGT GGTTATCAGC TGCAGGCTCA GCTNGGGTCG 60
GCCGNTTCAC ACAAGCCACT CTGTACCACG TGCCCTACCT TAGTGACGGG AGTAAGGAGC 120
TTCCTTCCCC TCCATGTCAT TCCTNCCTGT TCCNTNCATT CCCCAACAGC AAATAAAACT 180
GTTGAATGCT CAAA

配列番号:2418 配列の長さ:193 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02788

配列:

GATCTTCCTA CGCACAACAC AAACGTCAGT TAATGTTCCA TCCATGCTGC TTAAAGAGCA 60 TTCCTGTCCT AGTAAAATGG GCAAGTCCCT CTACCCCCCA CCCTCACCTG GTATGCTTAC 120 ATTAATAGCT AAAGTCAATC CTGTAATGAA ATAAAGCAAG TGGTAGCTGT CTGGTAGCCT 180 CCACTACTGC AAA

配列番号:2419 配列の長さ:193 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02789

配列:

GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGTATGTGGA CTTGAGGATA 60
ACCTGCACTG GTCTACCTTC TGCTTCCCTG GAAAGGATGA ATTTACATCA TTTGACAAGC 120
CTATTTTCAA GTTATTTGTT GTTTGTTTGC TTGTTTTNT TTTTGCAGCT AAAATAAAAA 180
TTTCAAATAC AAA

配列番号:2420 配列の長さ:192 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02790

配列:

GATCAGACCT CAATAATTT ATACTGTAAT AAGCTCTTTG AATGTNTATA TTATTATTTT 60 TNACAATCAT TTCATTTTGT ATTTAATATC AATGGACTGA GTCTGATTCA GAAAATAATT 120 GTAATGTTCA TATTCAATAT CTTACAGTGA TACAGTTTTG TATTTACATA TAAATATACC 180 GACATGACCA AA 192

配列番号:2421 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02791

配列:

GATCAGGGTT TCAAGAATGA CTGCAGTGGG TTTTGGAAAC AGACTTATCA TTATTGATTT 60
GAGGTTTCCC AGAGATATAG TTCACAGTTA ATTGTTGCGC TCTAATACAA CTGACCATTT 120
AAAATTGAAC AAGTTTATTG TTTTGTAACA ATGTCAGTTG TTAAACCTTG NCATTTCAAT 180
TAAAACATGA NTTGTAGTTA TAACTCANTG CAANTNCAAC AGTTGTATTT GGNGTTAANT 240
TATTTTCACA CGTNNCTTTN TTTCATGGAN NNCCCN 276

配列番号:2422 配列の長さ:191 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02792

配列:

配列番号:2423 配列の長さ:189 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02793

配列:

GATCGGAATG CGGGGTCGAG AGCTGATGGG CGGCATTGGG AAAACCATGA TGCAGAGTGG 60 CGGCACCTTT GGCACATTCA TGGCCATTGG GATGGGCATC CGATGCTAAC CATGGTTGCC 120 AACTACATCT GTCCCTNCCC ATCAATCCCA GCCCATGTAC TAATAAAAGA AAGTCTTTGA 180 GTAGTCAAA 189

配列番号:2424 配列の長さ:187 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02794

配列:

配列番号:2425 配列の長さ:187 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02795

配列:

GATCAATCGT GCATCCTNAG TGAACTTCTG TTGTCCTCAA GCATGGTCTN NNTACTTGTG 60
AACTATGGTG TTCAGTTTTG CCTCTGTTAG AAATTCACAC TGTTGTTGTA ATNATGTGGA 120
ACTCCTCTAA AANTTACAGT ATTGTCTGTG AAGGTATCTA TACTAATAAA AAAGCATGTG 180
TAGNAAA 187

配列番号:2426 配列の長さ:185 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02796

配列:

GATCNCGTTT TNAACCCGNT CCTGCCCCAC CTGCCCTATA GTTATGGCCT GTGTTCTGCT 60 CTCCTGGTCC CAGTGCACCG TCTGCTCTGT GAACTCCTCC CACCAGGCCC TTCTTACCCC 120 ACGCGTGTCT GTCCCCNTCG TTCTGTAGCG GGNGGTACAT AATAAAACAA TGGNGTGGNG 180 ACAAA 185

配列番号:2427 配列の長さ:181 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

THE REPORT OF THE PROPERTY OF

クローン名:HUMGS02797

配列:

GATCTATGTT TTCTGAAAAT AATTGGTTAA TGGAAGTTAT CTAATATAT TNAACTGTTC 60 CTGTTAAAAA CAATAGGCTT CAAGATGACA TAACACCAAA TCAAAAATNA CCAAAGGAAT 120 CATTTTGTTT GTTAGATTTG TAATTTAGCA TCATTGGCAA TAAATCTACT CAAACGTTAA 180 A 181

配列番号:2428 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02798

配列:

GATCCCAAAG GGGTTGGAGG CAGGGAATAT TTGAAAATTC AGACTGGAAT TCCAGGCCAA 60 AAGCTCAAGA CCACCAGCCT CTCCTCCTGC CTGGAAAAAT AAGCCTTTGT GAAAGACTGA 120 1 TTTACCATGT ACAATTGTGA TTGTGAACGT TGTTGAGTAA ACCTCCAGAC TTTCTCTAAA 180

配列番号:2429 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02788

配列:

GATCATAAGT NAAAAATGTA TTTAATATAC CTAACCTACC AAACATCATA GCTTAGCCTA 60 GCCTGCCTTA AACATGCTCA GAACACTTAC ATTAGCCTAC AGTGGGCAAA ACTATCCAAC 120 ACAAAATCTA TATTGTAATA AAGTTATAAA GANTTTTGAA TAAAANTTCA ATATTTGANG 180 TACAAA

配列番号:2430 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02800

配列:

GATCTGGTGG AGGGAACTGA AGATGAAGGC CTCTCAGGCA CCATGGATGG NATGGGTGTG 60 TGTNAAGGGG GCAGGGTCCC CAGGAGCTGC CCCAGGTCTG GCTNGACAGT TGCACGGNAA 120 GTCCTGTTTG TAAACTCAAC GTTTCCACGN CTTTTCCATT AAACTTTACC CCAAATCAAA 180

配列番号:2431 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02801

配列:

GATCTATTTT TCCTAAAACA TTCCCCTCCC CACTCCTCTC CCACAGAGTG CTNNNNTGTT 60

CCAGGCCCTC CAGTGGGCTG ATGCTGGGAC CCTTAGGATG GGGCTCCCAG CTCCTTTCTC 120 CTGTGAATNG AGGCAGAGAC CTCCAATAAA GTGCCTTCTG GGCTTTTNCT AACCTTTAAA 180

配列番号:2432 配列の長さ:179 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02802

配列:

GATCTTCACC AATGGCAAGT GGAATGACAG GGCTTGTGGA GAAAAGCNNN TTGTGGTCTG 60 CGAGTTCTGA GCCAACTGGG GTGGGTGGGG CAGTGCTTGG CCCAGGAGTT TGGCCAGAAG 120 TCAAGGCTTA GACCCTCATG CTGCCAATAT CCTAATAAAA AGGTGACCAT CTGTGCAAA 179

配列番号:2433 配列の長さ:273 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02803

配列:

GATCTAAAAA TTCAATGCAA ATATCTTTA TTTGGTAGTT TTGTCTACAT ATTTNATGCT 60
CTAGCATGTG CAATATATCT TTGTAAAGCA CGATGATACA AATCTGGTGC CAGTGTTATA 120
TTTNGCATAA CATATTTGTA ACAGCATAAA ATATTGTTTG ATGATTCAG TGGGATTTTG 180
TCTATAATGT TTTCTTATGT AAATNGGAGT TGAATGACTC TGGTAAATGT CATGACTGTA 240
AAANTGGGGA AANTGACTTT NAGTTCAGTG AAN 273

配列番号:2434 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02804

配列:

GATCCAAACT AATTTACAT TTAAAAAAAA AGTTAAACTA AACTTCTTTA CTGCTGATAT 60 GTTTCCTGTA TTCTAGAAAA ATTTTNACAC TTTCACATTA TTTTTGTACA CTTTCCCCAT 120 GTTAAGGGAT GATGGCTTTT ATAAATNTGT ATTCATTAAA TGTTACTTTA AAAATAAA 178

配列番号:2435 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02805

配列:

GATCTAAAAT AAATATTGTT AAAAGCATTA CCTCTAGGGA ATGGGATTTA GATTTAAAAA 60 GGGTGGGATG GGAAACTGTG TTTTTCATTT TAAGTCCTTC TGTACTANNT AATTTGTNAC 120 CTTGTGCATG TATTACTTTG AAAAAATTTT TAATAAACCC AAATAAAANT CTTAAA 176 配列番号:2436 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02806

配列:

GATCANCCCT CAAGGGCACA TGCCAAGGGC AGAGCAGCCC ATNTAGACAG CTTCGNAGGG 60 CATGGGGGTG TAGGGAGTTC GGGGTAGCTC CTCATTAACT ATTTGTNGGN TGAGTAAAGG 120 GGTGAGGCTC AGTGGCAGGT ACCTCTNCAA TNACAAGCTG CCNCCCCTCT ATGTN 175

配列番号:2437 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02807

配列:

GATCGGCAGC AAGAGTAAAG ACACAGCTCC AGAGGCCCAC ACTGTGGGGT CTGGGCCCTG 60 CCTTAGGCAG CCCCCCTCTT TGGCCCCCTC CTGTCAGGCC CAGGGCTTGG AGTGAAAGTN 120 ACTCTCAGGT GGTGGGGTGG GGAATGTGAA TAAACATGAT TTCTTGCCGG GCAAA 175

配列番号:2438 配列の長さ:174 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02808

配列:

GATCCCTTCA CTGGCCCCCT CGGGAGNCCT GGGTTGGACT CAGGGNCTCC NCCAGCTGGG 60 GNGGNGGACC GCAGCACCTA TCTGAGCAGT TAGAGCGTCT TTTTTTCAG ATTGTGTACA 120 GTAGATTATT TATTTTGTNA TTTTGGAATA AAATTTATTT TATGGCTTAG GAAA 174

配列番号:2439 配列の長さ:172 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02809

配列:

GATCTTGTCT GAAATGCTAG TTTCTGACTA CAAAAACTAC AGGACATAGT AGATATGCTC 60
AGTAGAGCTG CTTAAAATAA TTCCCCTTTTT TTTTCTGTTG AATTCTGTTA CAAAACCAGG 120
TCTGTGTTAT AATAGAAANC ACACTTATGA ATAAAAATCT TTAAAAATTA AA 172

配列番号:2440 配列の長さ:171 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02810

GATCAATGTC CCTGGTTACC TATGTGTTTG AATTATCTTC GTGTTACAGG TGTTTAATGA 60 TTTTNCTCCT TCTAGCTTAT TTGTATTTCA CCTGTTTTTC TTTAAATNAA CATGGTTACA 120 CTNTGTTTCA GCAACTGTAT AAATTAAACA CAGATNATTA CTACTGCTAA A 配列番号:2441 配列の長さ:170 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02811 配列: GATCGTAAAA TTTTAAGCAC TAAAAATTTT TTCATAACCT TTCATAATAA AGTTTAATAA 60 CATATACAAA TACAACATTT ACAATAÃATA AAATACTTGA AATTCTCAAA 配列番号:2442 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02812 GATCTACTTT GAATTCCACA CTCTCATTAA TAAATTGANT AAAAGGGAAT ATTTTGGCAC 60 CTGATATAAT CTGCCAGGCT ATGTGACAGT AGGAAGGAAT GGTTTCCCCT AACANGCCCA 120 ATGCACTGGT CTGACTTTAT AAATNATTTA ATAAAATGAA CTATTATCAA ATAAAACGTA 180 TGATTCAGTC CTTAAA 196 配列番号:2443 配列の長さ:216 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02813 配列: GATCAAATTT TTTTCTTGCA ATNATGTGAT GAGTTGCCAA ATAATTGANA TTATTTTAAA 60 ATGTTTTGTT CATATTCTTG TTTTATAATT AAAATTTACA TTCAGTGTGT ATGGGTTTTT 120 TTTTNATTTT NACTCTTAAT GTAAGGTGGA TATTNCTGTN ATTTTACATG GTTTCTTACT 180 GAGATTTTAT ATATAANTNA TAAAANGTTT ACCAAA 配列番号:2444 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02814 配列: GATCGTTAAT GCCCTTGAAG TGGTTTTTGT GGGTGTGAAC AAATGGTGAG AATTTGAATT 60

GGTCCCTCCT ATNATAGTAT TGAAATAAAG TCTACTTAAT TTATCAAGTC ATGTTCATGC 120

CCTGATTTTA TATACTTGTA TCTATCAATA AACATTGTGA TACTTGATGT AAA

173

配列番号:2445			
配列の長さ:223			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名: HUMGS02815			
配列:			
GATCAGCTCC GTGGGGCTGG TTTTGGTCCA CAGCATAACA	GGCACTGCCT	CCTTACCTGT	60
GAGGAATGCA AAATAAAGCA TGGATTAAGT GAGAAGGGAG	ACTCTCAGCC	ቸር ልር ር ተገርር ር	190
TAAATTCTGT GTCTGTGACT TTCGAAGTTT TTTAAACCTC	TGAATTTGTA	CACATTTAAA	180
ATTICAAGTG TACTTTAAAA TAAAATACTT CTAATGGAAC	AAA	OHOHIITAA	223
配列番号:2446			
配列の長さ:168			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名:HUMGSO2816			
配列:			
GATCTGTCAC TTTGTATAAA AACAAGAAAC GATTAGTTCA	TTAAACTTTT	TCTTTACCTT	60
CTGGTAGTAA AAATAGATAA AATAATTCCG TNTCAACTAC	TGTGTGTAAA	AAGCCTGTAT	120
CATATGTANC TEGGACTITT GTAAATAAAT NTTTTTGCGC	TCTGCAAA		168
配列番号:2447			
配列の長さ:168			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名: HUMGS02817			
配列:			
GATCATAAAA TGTATCTTTT CCATGGCCAA CAAGGNGCAT (	CTNTTATAAA	TGCATAATAA	60
CCCAGTINGT ATCAAAGGGT ATCGACTTAA GTGAAATTTC A	AACATGCTGT	TACTTTTTCC	120
TTTTAATGTA ATNCTGTTTT CCAAATAAAT GGGGGAGACA A	AATGGAAA		168
配列番号:2448			
配列の長さ:135			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名:HUMGSO2818			
配列:			
GATCTGTGCA ATAAAGTGTT TGCAGTCTTA TTATTCTCTA A	GAAATTCCT	TATGGACGTC	60
ATAATTGTTG TATATTGAAC AAAATATTTA TACTTATGCA G	TTGCATAAC .	ATTGAAATAA	120
AAATTTAGCA TGAAA			135
配列番号:2449			
配列の長さ:167			

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02819

配列:

GATCCTGCCA GAAAATTTCA AAGACAGTAG ATTGAAAAGG AAAGGCTTGG TAAAAAAGGT 60
TCAGGCATTC CTAGCCGAGT GTGACACAGT GGAGCAGAAC ATCTGCCAGG AGACTGNGCG 120
GCTGCAGTCT ACAAACTTTG CCCTGGCCGA GTGAGGTGTA GCAGCAN 167

配列番号:2450 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02820

配列:

GATCAGNAGG CATCACTGAG GCCAGGAGCT CTGCCCATGA ACCTGTATCC CACGTACTCC 60
AACTTCCATT CCTCGCCCTG CCCCCGGAGC CGAGTCCTGT ATCAGCCCTT TATCCTCACA 120
CGCTTTTCTA CAATGGCATT CAATAAAGTG CACGTGTTC TGGTAAA 167

配列番号:2451 配列の長さ:413 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02821

配列:

GATCCGGTTT CTTTTGCTC GCCCCTGTTT TTTGTAGAAT CTCTTCATGC TTGACATACC 60
TACCAGTATT ATTCCCGACG ACACATATAC ATATGAGAAT ATACCTTATT TATTTTTGTG 120
TAGGTGTCTG CCTTCACAAA TGTCATTGTC TACTCCTAGA AGAACCAAAT ACCTCAATTT 180
TTGTTTTTGA GTACTGTACT ATCCTGTAAA TATATCTTAA GCAGGTTTGT TTTCAGCACT 240
GATGGAAAAT ACCAGTGTTG GGTTTTTTTT TAGTTGCCAA CAGTTGTATG TTTGCTGATT 300
ATTTATGACC TGAAATAATA TATTTNGTNC TTCTAAGANG ACATTTTGTT ACATAAGGGG 360
ATGGCCTTTT TTATACAANG GGAATAANAT TNTGGGCATT TCCTATGGAA AAA 413

配列番号:2452 配列の長さ:166 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02822

配列:

GATCTGTNAT TGGCATCTTG GTTCTACCTT TTATCAGATG TTGTTGCCTT GTGCAAATNA 60 CATTTTCTCT GAGTCTCCAT TTTCTCATTT ATAACATGCG GAGAATAATA CTTATATTTG 120 TGGTAGTAGT GTGAACATTA AAAAGATAAT GTATGTGAAG TACAAA 166

配列番号:2453 配列の長さ:165 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02823

配列:

GATCCATGCT AATATTGTAT TTTTTNTTAA AACATAGCTT TCCTGTAATT TAAAGTGCTT 60
TTATGAAAAT ATTTGTAATT AATTATATAT AGTTGGAAAT AGCAGTAAGC TTTCCCATTA 120
TAATATATTT TGNTATACAA ATAAAATTTG AACTGAAGTC TGAAA 165

配列番号:2454 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02824

配列:

GATCTTGTTA GAAGGCAGTA GGTCTĞGGGT GGGGCCTGAG ATTCTGCATT TCTAACCAGG 60 TCCTGGGAGA TGCTGATGCT ATCGAGCCAC AACCACACTT TGAGTAGCAA GCCTCTGGCC 120 TATCCTTANN NNTTGTAATA TTAAAATGCT GCCTCTCAGT CAAA 164

配列番号:2455 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:FUMGS02825

配列:

GATCAATGCC AGATTTTNTT NTTGGGGTAA GTTAGCTGAA GTCATTTAAA GATGGAAAGG 60 TGGGAAAATN CTTTGATATT TGATGTCATT GTATCCACAT TTNTTGTAAG ACATATTGCA 120 TACCANTTAT AATNATATCA ATTAAAGTTG ATAAAAGCTT CAAA 164

配列番号:2456 配列の長さ:164 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02826

配列:

GATCCCTTCT GCCCTGGCAG AATGGCAGGG GTAATCTNAG CCTTCTNCAN TCCTTTACCC 60
TAGCTGACCC CTTCACCTCT CCCCCTCCCT TTNCCTTTGT NTTGGGATTC AGAAAACTGC 120
TTGTAAGAGA CTGTTTATNT TTAATNAAAA ATATAAGGCT TAAA 164

配列番号:2457 配列の長さ:162 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02827

配列:

GATCCAGAAT ATTTTCATTT AAAGCTCAAC CATTAATTGG AACATGGTGA AACATTGTAC 60 ACATTGTAAA AGTAGGGAAC AGTACAAAAG AATGGAATCA AATACTATAT TATGTGAATA 120

ANCTAGAGTG ATTTTGGA	AT TTCACTCTCT	TCACCCCTTA	AA		162
配列番号:2458					
配列の長さ:161					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS028	328				
配列:			-		
GATCAAAAAC CTCTATAG1	TA GCCACTAGGG	CAAAAACTGT	GTGTATGTGT	GTGTGTAAGT	60
GTGTGTACAC TGTTCAATA	T GGTTCAATAT	GGTACCAATA	GCCACATGTG	ACTATTTAAA	120
TTCATTGCAA TGNAATAAA	A TTAAAGGTAT	ACTAGCTCAA	A	noint indu	161
配列番号:2459					
配列の長さ:159					
配列の型:核酸					. <b>:</b>
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS028	329				
配列:					
GATCTTCACC TCTCTGCCT	C CCTACTGCCC	CAACATAGCC	TTGAGGAGGN	TTCTCAGCCA	60
CCAAAGGGTT CTGGCCCCT	TT CTCACTCTCC	TCTCCTCTCA			
GGTGTTAGTT ATCGAATAA	AACGACTTCA	GAATGCAAA			159
配列番号:2460					
配列の長さ:159					
配列の型:核酸	À				
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS028	330				
配列:					
GATCAATTTA AAATATTTI					60
CCTTCTCCTT TCATGGGAC	GA GACAGGTAGT	TACCTGAATA	TAGGTTGAAA	AGGTTATGTA	120
AAAAGAAATT ATAATAAA	AG GGATACTTTG	CTTTTCAAA			159
配列番号:2461		· .			
配列の長さ:158					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS028	331				
配列:					
GATCTATTTA ATTTGAGGT	TT GATGTTCTAT	CCAATGGCCG	AAGATAGCAG	CAGGTTTTTT	60
TTTTCATATG TTGATTTGT	TT TCATTTGGAT	TTTTTTTTA	TNATNCTTNA	TTGTCTTTTT	120
TTTNCCCCAT CCCTGTCTT	IG NGATTTNCNG	GCATGTTN			158
配列番号:2462					

配列の長さ:256 配列の型:核酸 化二十年 医牙下上 医经常性神经性

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02832

配列:

GATCTGAAAT GTGATGATTA TTGGAATGCA TAAACATTGA CGTATTTTGG AATGTATTAA 60
AACTGAAATG GATAAAAATT AGTATATATG TTTATTTTGT TCTATCTCCT TTGGTTGTAT 120
TTTCTCTCTGC AGTATTAAAC ATTTGGAAGA GACTAAAGGT ATGCAAAANT AATGTCTTAT 180
TTTCATTATG TGTGCTTCCA TTTGACACAT GGGAAATTAG ATTAATTTCA CTATTAANTA 240
GNACTTTATA CAGAAA

配列番号:2463 配列の長さ:156 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02833

配列:

GATCTTGTGT CTACTCTAGG ACTGGGCCCG AGGGTGGTTT ACCTGCACCG TTGACTCAGT 60
ATAGTTTAAA AATCTGCCAC CTGCACAGGT ATTTTTGAAA GCAAAATAAG GTTTTCTTTT 120
TTCCCCTTTC TTGTAATAAA TGATAAAATT CCGAAA 156

配列番号:2464 配列の長さ:156 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02834

配列:

GATCTTCTCC TTTGTGAAGC ATCCCTCACC ACTACTACTG TGATGGGTCG GGGCCTTTCA 60
TCTGTTTTTC CACAGCATCT ATGCTTCTNT NCACTGTATC ATTTATCAAA TTGATNNTTN 120
CTGCGTCCTG TAAAAAACAN NGAGTACCTT AAGAAA 156

配列番号:2465 配列の長さ:191 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02835

配列:

GATCTGCATT TATCATGAGT TCCTTTTTT TTTAAACTTT ATTTTTGGGA AAGTAACACA 60
TGANGTAGTT CAGTCATGTC AGGTTTGTCT GGGGTGGANT GGACCAGTCA GGTAGTTGAA 120
AGTTTTTTTT TAGNGATGAA AAGCTTGTGA NCNCCTGTAA ANCATGCTGN ATTTGAAATN 180
CATCTGTTNA N 191

配列番号:2466 配列の長さ:155 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02836

配列:
GATECACCCC CTGCCCACAA AARAIIGGIC CIAACICCAC COCCIAICOO MINOCIMENTA
GAACTAATGA TAATCCCACC ACCCTTTGCT GACTCTTTTT GGACTCAGCC CACCTGCACC 120
CAGGTGATTA AAAAGCTTTA TTGTTCACAC ANAAA
配列番号:2467
配列の長さ:154
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUNGS02837
配列:
GATCCTAGCA AATTTGCCCA ACCANCIIIA CIAAAGGGGG AGGAAGGGAG
TGAGAAGACA AGTTTCCCAG AAGTGCCTGG TTCTTTTTAC TTTTCCCTTT GTTGTCGTTN 120
TTGTAGTTAA AGGAATTTAA TTTTTAAAAA GAAA
配列番号:2468
配列の長さ:154
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS02838
配列:
GATCGGGCCT AGCCCGGCAA CACIAAIGIA GAAACCIIII IIIIACAGAG GOIMIIII
AACTTAATGA CTGTNTACAT AGCAATGTGT GTGTATGTAT ATGTCTGTGA GCTATTAATG 120
TTATTAATTT TCATAAAAGC TGGAAAGCAG CAAA
配列番号:2469
配列の長さ:153
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUNGS02839
配列:
GATCACCGG GGCTGTCTGC ATACAGACTI CICAGGGGAG IICICAGCTI GGAGGGTATI
CTCCCCAGAA TCCTGGAACC TGCTCCTTCT GCTCTCGTGA CTGACTGTGT TCTCTATGCA 120
ACTTCCAATA AAACCTCTTC ATTTGAAAGG AAA
配列番号:2470
配列の長さ:154
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS02840
配列:
GATCTTAAGC CCAGCTCTGT TCTGCCCCCG CTTTCCTCTG TTTGATACTA TAAACTTTCT 6
GGTTCCCTTG GATTTAGGGA TAGTGTCCCT CTCCATGTCC AGGAAACTTG TAACCACCCT 12
TOTAL ACAC CAATAAAGAG GTGTNCTTGT CAAA

配列番号: 2471 配列の長さ: 152 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02843

配列:

GATCACAGGC CTTGCTTTTG TAACAATGAT GACCCCGGCC TGTCTCATAT TCTGAAGAGG 60
AAAAGTCAAA GTGTTGCTGN GGCTCCATAT TTCAACTAAA AATATATCTG TTGGAGAAAG 120
AAATTAACAA TAAAGAATTT TCATAGGTTA AA 152

配列番号:2472 配列の長さ:151 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02844

配列:

GATCGTATTC CCTGCTTTAA GGAACTGNTA GNCTTGTTTG GGTGATGAGA CAAAGTTCTT 60 GAGACATTTA AACTGTATTT ACCAGTGTGA AAAATGTCAT TTATGGAGAT TAATTCATTA 120 TGGAAATAAA ACATTGCCTA AGCCCTTGAA A 151

配列番号:2473 配列の長さ:150 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02845

配列:

GATCCAATCA GCTGTAAGTN TTAAGCACAG GGCTGAGGCT CCCTCCAAGT ACCCACTGGG 60
AACAGCAGCT TCAACCTGAG CCCTGNGTCC CAGCCAGCCC CCACAATCAC CTATGCCCAT 120
TCTTCAGAAT ACATTGGATG CATGTGCAAA 150

配列番号:2474 配列の長さ:149 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02846

配列:

GATCCAGAGA GTCTGAAGAC ATTTCTNATG CCTTTATATA TTGGAGAACC CTTCCCCATT 60
TTNATATCCT TTCTTCAAAA ATCTAAATNA TGTGCCTAAA AATAAGACAT GGCATAATAA 120
GGTATAATTA AAGAGATAAT AGAATGAAA 149

配列番号:2475 配列の長さ:153 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02847

配列:		·			
GATCCAGTAC CTGAAAG					60
CCCCTAGTTG AGGATAG	TCA GGAGCGTCAA	TGTGCTTGTA	CATAGAGTGC	TGTAGCTGTG	
TGTTCCAATA AATTATT	TTG TAGGGAAAGT	AAA			153
配列番号:2476					
配列の長さ:147					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGSO	2848				
配列:					
GATCCTTTTG GAGTCAG					60
TTTCTCATTT GCCAATA	. 3	TAGAAGTTTG	TTGTGAGGAT	TAAATAATGT	
AAATAAAGAA CTAGCAT	AAC ACTCAAA				147
配列番号:2477					•
配列の長さ:207					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状	<u>.</u>				
クローン名:HUMGS	)2849				
配列:					
GATCTCCAGT GATTGG	CGAT TTGACCTGGT	TTCTNCCTGG	ACTATTTGAA	TGGGTGGATT	60
TGTTGGTGCA TCTCTT					
CTTGTATGCA ACTNTG		CATGTAACAT	TNTAATTTGA	NGGGTGGTCT	
GCGTGTNCAC TGGAAA	ACAT ATNTATN				207
配列番号:2478					
配列の長さ:146					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖セ					
クローン名:HUMGS	02850				
配列:			,		
GATCGAGCTC ACAGGG					
TTGGATTCCT CTGTTG		C TGCTGAGGG(	TTTCTGGGG	TTTGTTTTTA	
ATAAATAACT CCTTTG	TAGC CTTAAA			•	146
配列番号:2479					
配列の長さ:144					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖	犬				
クローン名:HUMGS					
ACT Tell .					

144

GATCCCGGCC AGCCAGGTGA CCCCCACGCT CTGGATGTCT CTGCTCTGTT CCTTCCCCGA 60 GCCCCTGCCC CGGCTCCCCG CCAAAGCACC CCTGCCCACT CGGGCTTCAT CCTGCACAAT 120

AAACTCCGGA AGCAAGTCAG TAAA

143

配列番号:2480 配列の長さ:143 配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02852	
配列:	
GATCCAGGCA AATTCATGTT CTTTCTTTGT AACTCACTTT CTTCGTCAAC ATTTCTGTGA	60
CTCAATGGAT AGCATATTTC CATCAAGTAG CACGTATAAC GTGATGCTTT CATGTTTCTG	120

配列番号:2481 配列の長さ:290 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02853

CCTTAAATAA AATAACCCTC AAA

配列:

GATCTCTTTG ACTGCTGTAG TACTAAAGTG TACTTAATGT TACTANGTTN AATGCCTGGC 60
CATTTTCCAT TTATATATAT TTTTTAAGAG GCTAGAGTGC TTTTAGCCTT TTTTAAAAAC 120
TCCATTTATA TTACATTTGT AACCATGATA CTTTAATCAG AAGCTTAGCC TTGAAATTGT 180
GAACTCTTGG AAATGTTATT AGTGAAGTTC GCAACTAAAC TAAACCTGTA AAATTATGAT 240
GATTGTATTC AAAAGNTTAA TGAAAANTAN ACATTTCTGT CCCCCTGAAA 290

配列番号:2482 配列の長さ:143 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02854

配列:

GATCTGATTG AGATGTACAT AGTTTTTTT TTTACCATAA CTGAATTATT TNATCTCTTA 60
TGTTAACATG AGAAATGTAT GCCAAATNAT TAGTTGATGT ATGTTTTTNA ATTTAATATT 120
TAAATAAAAT ATTTGGAAGG AAA 143

配列番号:2483 配列の長さ:269 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02855

配列:

GATCCTTATC AGGGAGAGCA GGAATCCTTA TTCCCGGTGT CGCTAGTACT CATCTCTGCC 60
GCCTCCTGTC TGCCCCCAGG CTGCTGCTNC TGCTGCCCTG TGGGTTGTGC CAAGTGTGCC 120
CAGGGCTGCA TCTGCAAAGG GGCGTCGGAC AAGTGCAGCT GCTGCGCCTG ATGCTGGGAC 180
AGCNCGCTCC NAGATGTAAA GAACGCGACT TCCACAAACC TGGNNTTNNT TATGANCAAC 240
CCTGACNGTN ACCGTTTGCN ATATTNCNN 269

配列番号:2484 配列の長さ:140 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02856

配列:

GATCATACAT TTTATATGGT TGGGACTTCT CTCTTCGGGA GATGATATCT TGTTTAAGGA 60
GACCTCTTTT CAGTTCATCA AGTTCATCAG ATATTTGAGT GCCCACTCTG TGCCCAAATA 120
AATATGAGCT GGGGATTAAA 140

配列番号:2485 配列の長さ:139 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS02857

配列:

GATCCAACCC CACCCTCCTG GGTGCGGCCA GAGGCAAGGC AGTCGCCCGA GCTCCTGAAT 60 CCCAAGAATG GTTCTGGCAA GTACTGCTGT TTGTTTGTAG GGGCAAAGAG TTAAAATAAA 120 ACGAGGTTCT GCCATGAAA 139

配列番号:2486 配列の長さ:139 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02858

配列:

GATCTGCCGG CTCCCGTCCA GCCTGTGTGG AAAGGAGGCC CACGGGCACT AGGGANNCNG 60
AATTCTACAA TCCCGCTGGG GCGGCCGGGT CGGGAGAGAA AGGTGGTGCT NCAGTNGTGN 120
CCCTGGGGGG TCATTCGAN 139

配列番号:2487 配列の長さ:138 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02859

配列:

GATCTTCAAT GCCTCTGAGT CATTGTTATA AAAAATCAGT TATCACTATA CCATGCTATA 60
GGAGACTGGG CAAAACCTGT ACAATGACAA CCCTGGAAGT TGCTTTTTT AAAAAAAATAA 120
TAAATTTCTT AAATCAAA 138

配列番号:2488 配列の長さ:231 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02860

配列: GATCATGGTT CTCTTTGTAC GATAGTTGGG CATCTGTATT TCCACTTGTG TGAATTTGCC 60 TTTAAATTTT GGTTATGGGT TTCACCTTTT AAAATAATCA AACATATTTA TCTTTTCCTG 120 TGTGATAGGT TTTTTNCTGT ATCTTTTCCT GTTAAACACA CAGACCCCTC CCCAATCTGG 180 ACATTGAATA CNTATTCATT TTCCTTTGCN NNAATANNCC NNANACANAC N 配列番号:2489 配列の長さ:137 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02861 配列: GATCTGCCCC TGCATTGTAG CTTGCTTAAC GGAGCACTTC TCCTTTTTCC AAAGGTCTAC 60 ATTCTAGGGT GTGGGCTGAG TTCTTĈTGTA AAGAGATGAA CGCAATGCCA ATAAAATTGA 120 ACAAGAACAA TGATAAA 配列番号:2490 配列の長さ:135 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02862 GATCTTTAAA TTTTGAGACA GTATAAGGAA AATCTGGTTG GTGTCTTACA AGTGAGCTGA 60 CACCATTTT TATTCTGTGT ATTTAGAATG AAGTCTTGAA AAAAACTTTA TAAAGACATC 120 TTTAATCATT CCAAA 135 配列番号:2491 配列の長さ:286 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02863 配列: GATCCAAATA TTTTCAAGCC ATGTAATCCA TTGGTTTTGT GGGCAGTTTA ATAAACCTGA 60 ACCTTTGTGT GTTTTCTAAT TGTACCTGAG TTGACCATCC TTTCTTTTTA NAGTATATTT 120 CTNGTATGAT ATTNTGTAAA GCTCTCACCT GGTTCTTTTA TGGGGACTTT TCGTTTTTGG 180 GCAACTGCAG TGTATTTATG TGAANCTTTA TANGAGAATT ANTITTTCCA TGTGCATATT 240 AATATGGTNC CTCCACACAT GGNNAGGGCA CAGTGGCTTC GTGTTN 286 配列番号:2492 配列の長さ:135 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS02864

配列:

GATCATGCCT CTTTCCAACA CGTGTTCACA ATCTCCAAAG GGACTGTATT TNTNCTCTGT 60

配列の長さ:133

GCTTAATNTG ATTTGAAATA GATAATAGCC TTAAA	TGTTGAATCA	AAGTGAAATA	TTTATNTTTT	GAATAAAGGA	120 135
配列番号:2493 配列の長さ:135					
配列の型:核酸				•	
トポロジー:直鎖状	•				
クローン名: HUMGS02869	5				
配列:					
GATCGAAAAC AAACGNTAGA					60
AAGAAAGAGA TGCAACCCAC TTTNACTATG AGATN	ACACCCAATC	CGCCTGGGGN	TTGCTCTTAA	CTTTCCNGTA	
IIIMACIAIU AUAIN		•			135
配列番号:2494	3				
配列の長さ:135					
配列の型:核酸					٠
トポロジー:直鎖状		٠,			
クローン名: HUMGS02866	3				
配列:					
GATCATGCCA CTNCACTCAC					
AAAACAAACA AAAAAAATCA MCTTCATTTG ACAAN	CAGNCTCATT	TTAAAGGAGC	AGCAACCNAA	CCAAATACAA	
POLICKILIU ACAAN					135
配列番号:2495					
配列の長さ:134					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0286	7				
配列:		-			
GATCATTAAC ATGCCAGGGC					
GGAGGCTTGA AACATTAATG AACAAAACCA ACAN	GTTTAGTCTT	GTGAATTTTA	ACAGTTCTCT	GTCATCGTTT	
ANCHANACCA ACAIT			,		134
配列番号:2496					
配列の長さ:134		•			
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS02868	3				
配列:	Ma ama				
GATCATGCCA CTGGACTCTG					
ATAAACAAAT AAACAGTAAA TAACTTGTGT GAAA	AAAAIGTATA	GIICAATUUT	TATUTGTATT	AAAUTTCCTT	
	•				134
配列番号:2497					

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02869

配列:

GATCACATGT GGGCCCGTGT CTGGCCGCCG CCGCCCNGCC CCGTCCCTGC GGNCACCACC 60
TAATTTATTG CCGTGCGTCC TGCTGCTGTG ACTGCTTTTG TACCTTTGCA ATAAAGAATT 120
TTCTGGTTTC AAA 133

配列番号:2498 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02870

配列:

GATCCTGGAC ATATTTTATA TTTATACCAA ATATTTTATA TATTTNCTAC TGTTGTCAAT 60 GGTAGTGGTT TTTAAATTTT CAAACATTCA TTACTAGTAT ATAGAAATAN AATCACTTTT 120 TAAAAATGTA AA 132

配列番号:2499 配列の長さ:131 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02872

配列:

GATCCTGTTT TTTCTTAACA AGTTGAGGCG TGGGTAGAGC AGGAATTGGT TTTCCAGCAT 60
TGTGTCCGTA AACCTGAGTT AGAATAAGAT GTAACGGAAG CCACGATAAA GACTCGGTCA 120
AATCCTGCAA A 131

配列番号:2500 配列の長さ:133 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02873

配列:

GATCCTGGAT GGAACTGGCT TCTTTATCGA GAAGAATATA ATTCTCCATG AGGACTTAAT 60
GAATCCAAAC CTGTGTCATG CCTGGTTTGC ATACCCAATT AAACACTNGA AATAAAAATT 120
NTTNGGGTNN AAA 133

配列番号:2501 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02874

配列:

GATCTCTGCT CTTTGTCAGA GATTTGCAAA GACTCACGTT TTTNTTGTTT TCTCATCATT 60

CCATTGTGAT ACTAAGAAAC GTTCTAGAAA	TAAGAAGCTT	AATGAAAAGA	AATAAAATGC	CTATGTTGTT	120 130
配列番号:2502 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS0287 配列:	5				
GATCAAAAAA GGCAGATGNA TTTGTTGGTT GGCTGGTTTG NATTTNAATN					60 120 130
配列番号:2503 配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS0287 配列:	6	:			
GATCCCCCAC CTGGCAGAGG TTTGGAAGGG CAAACATATT ACTTTTAAA					60 120 129
配列番号:2504 配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS0287 配列:					
GATCTTCTCC GAGGCCCACC GGAGGGCCAG AGTGTGTATA AGTCTCAAA					60 120 129
配列番号:2505 配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS0287 配列:	8				
GATCTAAATA AGTGTTTCAA GCATCATTAC TCTGTTAATT AAAAACAAA					60 120

配列番号:2506 配列の長さ:128 129

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02879

配列:

GATCGTGCCC CGGGGCGCCG GCCCCTGNAG GGGCTCACCT GGATGGGGCC TGCAGTGCGT 60
TCCCGCTTTG CTTCCTTCCC TGGACGGCCC GCTCCCNGAA ACGCGCGCAA TAAAGTGATT 120
CGCAGAAA 128

配列番号:2507 配列の長さ:127 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02880

配列:

GATCACTCTT GTGGTTTTGG GGGATGGCAT TATAAGAGAG GAGACTGGAN ACAGGGGGGC 60.

TATTGTNATG CAGATTTGTT GGATGTCCAC CCAGCATTCA CTTTTNCCAT CTTTTGCCAG 120
GGGNNNN 127

配列番号:2508 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02881

配列:

GATCCCACGC AGCGCTGAAC CGAACCGAGT AGGAAGCCTT TCTCCCCANG GCACGTGGCT 60
TCAGGGCGTT TCCCATTGAC CAAGTTTGAC CCTGNTTTGA ATAAAGAGAA GTGCGTTTGG 120
ATTAGAAA 128

配列番号:2509 配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02882

配列:

GATCGAGCTT CTCCTCTGAG TTCTAACAAA ATGGTGCTTT GAGGGTCAGC CNTTAGGAAG 60 GTGCAGCTTT GTTGTCCTTT GAGCTTTCTG TTATGTGCCT ATCCTAATAA ACTCTTAAAC 120 ACATTGAAA 129

配列番号:2510 配列の長さ:125 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02883

配列:

GATCTCTGAT TTAACCGTGT ACTATCCACA TGCATTACAA ACATTTCGCA GAGCTGCTTA 60

GTATATAAGC GTACAATGTA TGTAATAACC ACAAA	ATCTCATATT	TAATTAAATG	GTATAGAAGA	120 125
配列番号:2511 配列の長さ:124 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02884				
配列:				
GATCTTCCAT CTCCTCAGCA AAAAAATAGG	AGCCCTGGCC	CCCCAACTTT	TTNCANAGTA	60
ATAGCCTTAN TTCCTTCCCT ATCTCCTTAC	CAAAGTACAN	GTNACATCTT	TCCCACCTTT	
CNTN				124
配列番号:2512				
配列の長さ:124				-
配列の型:核酸				•
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGSO2885				
配列:				
GATCTACAGA TTCAATGCAA TTNCTATTAA				
CAAAGGAAAA ANTAAGACAT CAAAATTTNA NGAN	AGANCTITIG	TCCTACAAAC	AATATCATGA	
. JAM				124
配列番号:2513				
配列の長さ:343				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02886				
配列:	=.=			
GATCAGAAAA TTCATATTTA AGCAAAGTGA				
TTTACAATGC AATACTTAAA TTTTAATACT AATGTAGAGT GACTTTCTGC AATATTTCAA				
NCTACCATTG TAATAAGTGT AGCAAAATCT				
GAATCTGTAG GAAACGGTTC TATTTTGAGG				
AATTCAGAAA ATGTTATAAA TAANTCTTTT			11111111111	343
			•	
配列番号:2514				
配列の長さ:123				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUNGS02887				
配列:			000000000000000000000000000000000000000	^^
GATCTNTACC CCACCCCTAT CTAACACCAC ATATAACCTG TNAGGCTGGC TTGGTTAGGT				
ATN	IINACIUUUU	CHURUURIAU	GUAATUININ	120
				140

配列番号:2515 配列の長さ:121 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02888

配列:

GATCCAAAAT TACCTTCCTA TTGCATTTCC TACTCCTTTG CTACGNGTAT TGGACCTCTG 60
GCCAAATNAC AAAAGATGTA CTCTTTGTNC TCTAAAACCA CACTAAAGTT TTCTNACTNN 120
N 121

配列番号:2516 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02889

配列:

GATCAACCAA CCTTAAATAT ATGTATGTAT ATATGTATAT GTGAAAAACA GTTTGTATAG 60 TTGGAATATT TGTNTTTGTA ATTACTTGTG ATGTTTTAAA ATAAAANTTT TATTCAGTTA 120 AA 122

配列番号:2517 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02890

配列:

GATCTGGCAC CCCCTGGGTG GAGTGTCCCT CGGGGGCTTT GGGAAAGCAT GGCACCCTCA 60
GACCACACAG TAGCCAAGTT CTGGAGCAAA TAAAAGGCCT GTGTTATNTC TTGTNCTTGA 120
AA 122

配列番号:2518 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02891

配列:

GATCTCAAAG ATATGCACCA GTTTGAATAA ATGCTTGTTT AAAGATTAAA TTTTACAATT 60 CATTTTAAAT TNTCATTTTG TGACAATATT TCTAAACAAC GNCCATTTTA ATNACCAAA 119

配列番号:2519 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02893

配列:

GATCATAGGA TAGCTGACTT TGACAGTCAC ATTTATAAAG TAATTCACTT AAAGATATAT 60 ATTTTTTTCA AACAAGTTTT GCTACTTTTG AAAATAAATC TTTCTTTATA TTGCTAAA 118

配列番号:2520 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02894

配列:

GATCCAAACC CATCTTCCTG GACCTGAAGC TTATGCTTCC AGGCACCCCA CTCCTGAGCT 60
GAATAAAGAT GATTTAAGCT TAATAAATCG TGAATGTGTT CACATGAGTT TCCATAAA 118

配列番号:2521 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02895

配列:

GATCTGCACA GTGTTATGGC ACCCTACTTC CTGCAGCAAC GGGACACNCT GCGGCGCCAT 60 GTNCAGAAAC AGGAGGCCGA GANCCAGCAG CTGGCAGATG CCGTCCTNNC AGGGCGGN 118

配列番号:2522 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02896

配列:

GATCCTATCT TTNCTGGCAG GACTGGNAGC CATGGTGGGC TACGTTNTGN TCAGCGGCAT 60
TNTTTCCATC CAGCGGCAA CGCTGCTCGG GCCCCAGGCA CCCGGACCCT GGGCATGN 118

配列番号:2523 配列の長さ:117 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02897

配列:

GATCTAGTCC GGACTTGCTG TGTATATTGT AACGTTAAAT GAAAAAAGAA CCCCCCTTTG 60
TATTATAGTC ATGCGGTCTT ATGTATGATN AACAGTTGAA TAATTTGTCC TCAGAAA 117

配列番号:2524 配列の長さ:116 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02898 配列:

GATCGTNATT NAGAATCCAT GTGAATAGAC CTGCGATGGC CAAGGCTGTT TAAGCNACAC 60 TGGGTTGGAA ACACTTGGGC TCTCTCATNA TTATTAAAAT TCTATTTCAA TCTAAA 116

配列番号:2525 配列の長さ:116 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02899

配列:

GATCCTTTGC NTTCAAGACT AAGTTAATAG AGAAGATGTT TGTAACTNTG GCCCAAGCTT 60
GGNCTCCCAG TGTATTGAAG CTAACTCCTT TNAGAAGCAC CACTCTCATA TATNAN 116

配列番号:2526 配列の長さ:117 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02900

配列:

GATCTCTGGG TAAAGAGGCC GTTTATCTTT GTAAACACGA AACATTTTC CTTTCTCCAG 60 TTTTCTGTTA ATGGCGAAAG AATGGAAGCG AATAAAGTTT TACTGATTTT TGAGAAA 117

配列番号:2527 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02901

配列:

GATCTAGGAA GACTTTGGAA AGAGTAGGAA GACTTTGGAA AGACTTTTCC AACCCTCATC 60 ACCAACGTCT GTGCCATTTT NTATTTTACT AATAAAATTT AAAAGTNTTG TGAATCAAA 119

配列番号:2528 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMG802902

配列:

GATCCCCAGG AGGCCTGGNC CGCCCAGAGG CTCCTCTCAG GCTGGGCCCC GACGTTTGCG 60 NCAGTGTTCC TTGTGCCCGT GGGGCCGGGA GCNAGTAAAG TCTGGGCCAG GCAAA 115

配列番号:2529 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02903 WO 95/14772

配列:

GATCACGTTT CA	GGGTCCTC	CAAAANGCTA	GCCCGGCACT	ACACTAGGGA	ATTTCNCCCT	60
CTCCTGTCAC TT	GTCATGGT	CTTCCTTGGT	ATTAAAGGCC	ACCATTTGCA	CAAAACAAA	119
配列番号:2530	0	•				
配列の長さ:1	14					
配列の型:核酸	ę X					
トポロジー:直	鎖状	·				
クローン名:H	UMGS02904	Į				
配列:						
GATCCCAGAA AT	GTAGCTTG	TTTCATATTT	TAGTCTTCTT	ATTTTTGTAA	AATGTGTAGA	60
ATTTGCTGTT TT	INTTITTC	TTTTGACAAC	TCAGGAAGAA	ACTGACCTCA	GAAA	114
配列番号:253	1	ž.				
配列の長さ:1	19					• ;
配列の型:核酸						
トポロジー:直	<b>運鎖状</b>					
クローン名:H	UMGS02905	5				
配列:						
GATCAGCCCC CA						
TTCCAGGGCA AA	AAGGGCCC	AGGGTTATAA	TAAGTAAATA	ACTTGTNTGT	ACAGCCAAA	119
配列番号:253	2	•				
配列の長さ:1						
配列の型:核酸						
トポロジー:直						
クローン名:H	UMGS02906	5				
配列:	==				•	
GATCTTGGCT TC						
TCACATNCTG CT	TAAGGGAG	CACAAATAAA	GGTATTCGAT	TTTTAAAGAT	AAA	113
配列番号:253						
配列の長さ:3						
配列の型:核配						
トポロジー:直		_				
クローン名:H	UMGS0290	<u>{</u>				
配列:	TO 1 1 0 1 1 1		WWW.			
GATCAAAATG TT						
GAGATATTTC AA						
TAGCAGTTTA TG						
CATTGAATGC AA						
TTGCCGCTAA GT					CTTGTAAGTC	•
TTTTCACCAT TC	HIUMAIAA	IANIANATAT	GIACIGCIGG	CATGNAAA		348
配列番号:253	4					

TO STORE SERVICE - MINISTER AND SERVICE

and the same of th

配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02908

配列:

GATCTGATGG TTTTAAAAAT GGGAGCTTCC CTNCACAGAC TCTNTCTCTC GTGCCGCTGC 60 CATGGCCATG TAAGNAGTGC CTTTNACCTT CCCCCGTGAT TGTNAGGCCT N 111

配列番号:2535 配列の長さ:110 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02909

配列:

GATCCCAACA GGACAAATCT GTGTACCTAT CTTTCTATCC TCCCTGAGCC TGTACCAACT 60: AGATTCTTCA TATGTATTTG TAACAGATTA AATTGGAAAG CAAACACAAA 110

配列番号:2536 配列の長さ:110 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02910

配列:

GATCCCCAAC TGCTCCAGCC TCTGCCCAAC TGAATCTTCA GCATGTTCTC ATCGGCGGAC 60
TNTCTTGTGT AATGTAAACT GTGCCATGTT ATTAAAAAAT GTGAACTAAA 110

配列番号: 2537 配列の長さ:110 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02911

配列:

GATCTGTTTG GAAAACATAG ATTGTTTTCC CCTCAAATAA GGGGAAAAAA AAANACCCTT 60 TNTNCAAATN GNTTCTTTTG TAAAAAATTA TTTTAAAAGG AAATCACAAN 110

配列番号:2538 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02912

配列:

GATCTTTTTA ACTCTACTGT GTCATTAAGA TGCTTTGTAC AATGCCAAAC CATAGTTGGA 60
GAAACTAAGT TTAATAAATA TCAAATAGAT TTTCTGTATT AAAGTTAAA 109

配列番号:2539

配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02913

配列:

GATCTCCCCC ACCCTTGGAT TAGAGTTCCT GCTCTACCTT ACCCACAGAT AACACATGTT 60
GTTTCTACTT GTAAATGTAA AGTNTTTAAA ATAAACTATT ACAGATAAA 109

配列番号:2540 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02914

配列:

GATCTCCTNT CCCTCACTCA GTGCACGGGA CAGCTNCTCC TCCGTCACAG CTTTGGNATG 60
AAAGACAGAA GACAGCATGA TTGGCCTCAC CCACGTGCAG GNCAAATNN 109

配列番号:2541 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:YUMGSC2915

配列:

GATCTGTCAC TCAACTTGCT GCGTNACCTG AACACGTCAC TTTACCTCTC TGTGCCTCAG 60
TTTTCCCATG CATGAAAAAT AAAATAAAAT AAAACGGGGA TTCTAAA 107

配列番号:2542 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02916

配列:

GATCAGTAAG GATTTCACCT CTGTTTGTAA CTAAAACCAT CTACTATATG TTAGACATGA 60 CATTCTTTTT CTCTCCTTCC TGAAAAATAA AGTGTGGGAA GAGACAAATA AA 112

配列番号:2543 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02917

配列:

GATCATAGAA GGTTGGGGTT CCAGAAAGGC ATCTGTGTGA TGGTTCCATT GATGTGGGAT 60 TTCCCTACTT GCTGTATTCT CAGTTTCTAA TAAAAAGAAC CAAATNAAA 109

配列番号: 2544

配列の長さ:108 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02919

配列:

GATCCAGGAG ATANTTTTT CATTCATCCT GACCAAGACT GAGCCAGCTT AGCAACTNCT 60
GGGGAGACAA ATNTNAGAAC CTTGTCCCAG CCAGTNAGGA TGACAGTN 108

配列番号:2545 配列の長さ:343 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02920

配列:

GATCGAGCCC AGCGTACAAC TTCCTCAAGT CGCCCAAAGA CAACGTGGAC GACCCCACGG 60
GGAACTTCCG CAGCGGGCCC CTGACGGGGT GGCGGGTGTT CCTGCTGCNN NNGTGCGCTC 120
TCCTGGGCAT CGTTGTCTGC GCCGTGGTGG GGGCCGTGGT GTTCCAGAAG CGGCAGGAGC 180
GGAACAAGCG CTTCTACTGA GTGGCGCCTC CGGCGGTGGC CTGTCCCTGG GCCCAGGAGC 240
CAATGTGAAC TTTTTTGGNT ACCGGGATTA TAAAAGAACA ACAAGATGAC CTTATTTCTT 300
AACTGTTTCA AATAAAATGA TTAAAAGTAT TTTCAAAAAAA AGN 343

配列番号:2546 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02921

配列:

GATCCTGCCG TGCCCCCATC CTGGCTGTTG GGGGTGTCCT GAGCCCACCT NNNTNCGCCT 60 GTTCCCTTCA GCCAACCCGT TTCTGCAGTA AAATTAAGCC TGTCAAA 107

配列番号:2547 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02922

配列:

GATCACTGAA CCAGACACAG CATTGCTGAC ACATGAGACT AACACGTGCA ATTATTTAAA 60 AAGATTTCAA TAAAACTNCC TGGCTGGCTC CGGGCCGCCC CTAAA 105

配列番号:2548 配列の長さ:103 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02923

配列:

GATCCTGTGG GTTTAGTATC ATTATCTTCA GCTCTTTGAT ACNCTGTGTT AGAGTAATAG 60 CTAAAGGAAG TTCATGTCAA TAAATTCATA CTTATATCAC AAA 103 配列番号:2549 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02924 配列: GATCCAGAGC TGGGGTGGAA GGAGAGCCAT TCTGAACGNC ACGNCTGGCC CGGTCAGTGC 60 TGCATGCACT GCATATNAAA TAAAATCTGC TACACGCCAG GAAA 104 配列备号:2550 配列の長さ:103 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02925 配列: GATCCCNAGG CTCTGTTCCA TGAGCCTGTT GCANGTTTTG GTACTTTAGA AATGTAACTT 60 TTTGCTCTTA TAATTTTATT TTATTAAATT AAATTACTGC AAA 103 配列番号:2551 配列の長さ:102 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02926 配列: GATCGATGAG GCAGGTCAGT TGTAAGTGAG TCACATTGTA GCATTAAATT CTAGTATTTT 60 TGTAGTTTGA AACAGTAACT TAATAAAAGA GCAAAAGCTA AA 102 配列番号:2552 配列の長さ:102 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02927 ... 配列: GATCATATCT AGTNTTNAAA TCTCTAGGAA CAATAGAGAT TATATCATAA CTCTGAAGAT 60 GGACTCTAAA CTTTGGTTTA CCTCCATGGA AAATAANCGN NN 102 配列番号:2553 配列の長さ:101 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS02928

配列:

THE STREET WAS AND THE PROPERTY OF THE PROPERT

GATCGAATGA GGGTTAAATG AATTATTTCA TGTAAAGCTC TTAGCCCTGT GCCTGGTACA 60
TAGTAAATNC TAAATAAATA GTGGTATTCT TACTGTTTAA A 101

配列番号:2554 配列の長さ:390 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02929

配列:

GATCCAGCTT ATTCTTTAT TTTCAAGTCC ATTCTTGGG CTGGTGGGA GGCAGGAGAA 60
TACCCCTCCC TAAGCCCTTA GTGTGTGCCG AGCTTGCTTT NTGATGTTGG CAGGGGAGGG 120
GAGACCTGGG TGGTGNCTGA GTTCCCTTTA TCAAACCCTT CAATGGGCAC AAAATTGAGT 180
GCTTNNTNN TAGGTTTAT TTNNNNATGA ATGTCCAAAT CTGTGTTTCC CCCTGCCANA 240
ACAGACTGTG TGGCCAGTTG AAAGTĞTCTT GGTTTGTGGT TCATCTCTCC CTCATTTCT 300
TGGAGGCAGG GCCTGAGANC CCTGNCANAA TCTCCTATGG TTNTGAATCC ACGGCTTCTT 360
TTTGGACATT AAAGGTTGAT TTGATGCAAA 390

配列番号:2555 配列の長さ:227 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02930

配列:

GATCTATCCT CAGCACTGCT GAGTGTGCAG TCACACTTTC CTACCAACCC NCTTCTTACC 60
ATCTCTAGCT GCCATTTGTG GGGGGAACAA AACAAGGGAA TCCTGATTGT GTACAGTATA 120
AATTGTATTA TATTTTTTGT ACTTATGTTT TATGTAAATA GTTTGTCTCA TTCAATTGTA 180
TGTGAGCATT GAAATAAATC CTACCATTTA GGGGAAAAAA ATNNAAA 227

配列番号:2556 配列の長さ:106 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02931

配列:

GATCTTCAAA AATAATGCCT CTGTCTAGCA TGCCAACAAG AATGCATTGA TATTGTGAAC 60 ATTTGTGATA TATGTATTAA TAAATAGAGC AATTACAAGC AGCAAA 106

配列番号:2557 配列の長さ:99 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02932

配列:

GATCTTTCTT ACACAGTGAT TCATTCCTCT ATTTGTACAG TGGCTTTATG AAATATTGTG 60
AATTGATACT GTAATCAATA AAGTGCTTTT AACCAGAAA 99

配列番号:2558 配列の長さ:98 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02933 配列:					
GATCCTGGTT CCCTGTTTGG AACACGCTGT TGGTAATCTT			CCTCACTGTT	CTTTGTAATT	60 98
配列番号: 2559 配列の長さ: 97 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS02934 配列:	<i>f</i>	·			•
GATCTGGGGA CCCTGACTGC GGTGAATTAC ATCTTAATAA			CAGACCACCG	ACCGCCCGAG	60 97
配列番号:2560 配列の長さ:93 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02935 配列:	5				
GATCGCCGCC AACATCCAGG CCTGCTGCCC AATAAAACCA			CGCCCCACCG	GCCCGCAGCC	60 93
配列番号:2561 配列の長さ:92 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02936 配列:					
GATCATCCCT TGACAGTAGT TATTTAATAA AGTCCCCCCC			ATTTGTCCCA	AANNCACCTA .	60 92
配列番号:2562 配列の長さ:91 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS0293' 配列:	7				
GATCCACAAA ATGAGACAAT AGGAGCCTAA TAAACTTCCT			ATGTTCTAAA	CATGGAAACT	60 91

配列番号: 2563 配列の長さ: 96 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02938 配列: GATCGTATTT TTATATCATA TTCACATATT TNTTTTTTTA ATTGGTGTTA GATGACATT	
TITONUM TITONU	96
配列番号:2564 配列の長さ:88 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS02940 配列:	
•	
GATCGCGCCA TCGCACTCTC AGCCTGGGCA ACAAGAGTGN AACTCCATCT CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA	06 AT 88
配列番号:2565 配列の長さ:87 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2942 配列: GATCTAATAT ATATCATCAG AAAATATATA TTGTATGTTT ACTCTTATTT TCAGAAAGA	AG 60 87
配列番号:2566 配列の長さ:87	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS02944	
配列:	
GATCGCTTGA NCCCAGGAGT TTAAAACCAG CCCGAGGAAC ATGGCGAAAC CCCATCTTT CAAAAAATAC AGAAATNAGC CAAGAAA	A 60 87
配列番号:2567 配列の長さ:86 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02946 配列:	·
GATCTAAGGG GTTGCCATGG TGTTGAACAA TGCAACTTTT TATTTAAAAA AGCTCTGCA IGCCATGTAT GAAAGTNTCT TTATGN	C 60 86

配列番号:2568

配列の長さ:86					
配列の型:核酸	•				
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGSO2947	7				
配列:					
GATCCNGGAT TGCTGGGAAT	GGAAGCCAGG	TGGGGTCATG	GCACAAGTTC	TGTAATCTTC	60
AAAATAAAAC TTTTTTTTTG	TACAAA				86
配列番号:2569					
配列の長さ:85					
配列の型:核酸	<u></u> é				
トポロジー:直鎖状		•			
クローン名:HUMGS02948	3				•
配列:					
GATCCTGGCC ACTATGCCAG	TTCTGACCTC	GCATCCCCCT	ACCCCGAGCC	CATGCAGTCT	60
GGGAACATGC CGCCTTCTCT	CCAAA				85
配列番号:2570					
配列の長さ:85					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02949	)				
配列:					
GATCAAATTG TACTAGTGTC	TGCAGGGTTT	GTCAGTACTC	GTCAAAGCCA	AGTCCAATTA	60
AAAAAAAAG TCTTTGCCCT	CCAAA				85
配列番号:2571					
配列の長さ:85					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02950	) .				
配列:					
GATCTTTTCT TTAAAATTTC		CAGGACTTCT	CATTTTCCAA	TAAATGGGTG	60
TACTCTGCCC CAATTTCTAG	GGAAA			•	<b>8</b> 5
配列番号:2572					
配列の長さ:85					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02951					
配列:				4	
GATCTTTTAC CCCTTTCACT		TTATGTTGCT	TTCATGAATG	GAATNGAAAA	60
AAGATGACTC AGTTAAGGCA					85

配列番号:2573

配列の長さ:84				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02953				
配列:				
GATCTGCCTG ATGGGAGGGC TCCTGTCGAG GG	GAGACAGAC	ATATCCCCAC	TGAAAAATTA	60
ATAAAATTGG TTTTACATAT CAAA				84
配列番号:2574				
配列の長さ:84				
配列の型:核酸	•			
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGSO2955	·			٠.
配列:				
GATCTGACTG GAAAACAATC CTGTATCCCC TC	CCCAAAGAA	TCATGGGCTT	TTTTTTTNAN	60
TTAAAAAGCA GACAAATAGA CAAA				84
				•
配列番号:2575			-	
配列の長さ:82				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状		•		
クローン名:HUMGS02957				
配列:				
GATCAAAAGA AACTTAAAAA GTGGAATGGG AT	TATGGCTTT	TGGTACCTGA	AAATAAATNC	60
TTTAATAATT GTAAGCCAGA AA				82
配列番号:2576				
配列の長さ:82				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGSO2958				
配列:				
GATCAAAAAT ATAGTTATAA TTTTNTAAAT TT	TNAAAAATG	TGATTGCNCT	AATAAAGAAT	60
AAAANCTATG CTTTTAAACA AA			•	82
配列番号: 2577				
配列の長さ:85				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGS02959				
配列:				
GATCACTGCA GNTTCTAGGA CCCGGTTTCT TT	TTACTGATT	TAAAAACAAA	АСААААААА	60
ATAAAAAGT TGTGCCTGNN ACAAA			•	85

ा । वहन्त्रको **स्टा**नको औं स्टीकेशको क्रिकेश करन

配列番号: 2578 配列の長さ: 81 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02960 配列:	
GATCTCCCAT AATTTGAAAT TGAAATCGTA TTGTGTGGCT CTGTATATTC TGTTAAAAAA TNAAAGGACA GAAACCTTAA A	60 81
配列番号: 2579 配列の長さ: 79 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02962 配列:	
GATCCACCAT CTTATCTTGG TGCCATCCCT GACTTGGCTT CTGTTCATAA ATGCCTATTA AATGTTTCTT TCTGAGAAA	60 79
配列番号: 2580 配列の長さ: 79 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02963 配列:	
GATCCAATTG CTGGTTACAT TTTGGGAAGC TCTCATTTTA GTGCTATGTA GTTTCATTGA ATAAACTGTT TAATATAAA	60 <b>7</b> 9
配列番号: 2581 配列の長さ: 75 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02964 配列:	
GATCTAAGAG GAAAGTGGTT ATCGGTTGCN NTTTATTTAT AAAGGATGCA AACATAAAAT TAGATTTTTG GCAAA	60 75
配列番号: 2582 配列の長さ: 73 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02965 配列:	
GATCAGCCTT TTTGTTTCAA TGAGGTGTCC AACTGGCCCT ATTTAGATGA TAAAGAGACA GTGATATTGG AAA	60 73

配列番号:2583					
配列の長さ:72					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状				,	
クローン名:HUNGS02966	•				
配列:					
GATCCCAGAG TGGCCTGCCT ATCAC	AACCA	CATCCCTTCC	CCCCACAAGG	CAATAAATCT	60
CATTTCTTTA AA					72
配列番号:2584					
配列の長さ:72					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状	*	•			
クローン名:HUMGS02967					•
配列:		•			•
GATCAACGAC AAAATGCACT TCTCC	CTCAA	GNAGTGAGGC	TTGGTCCAAT	ACATGGCTCT	60
GCCCCCAGA AA		-4			72
配列番号: 2585					
配列の長さ:72					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02968					
配列:					
GATCAATCTT GTATTTTCTG ACCAC	ATAAA	GGCTTCTTCT	CTTTGTAATA	AAGTAGAAAA	60
GCTCTCCTCA AA					72
配列番号:2586					
配列の長さ:166					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02969					
配列:					
GATCTTGTTT CTGAAGATGG TTTAA	GTTAT	AGCTTCTTAA	ACGAAAGAAT	AAAATACTGC	60
AAAATGTTTT TATATTTGGC CCTTC					120
CATCACTGGT TCCTCCTTAA AAATT	<b>CAAA</b> A	GTAACTTCTG	TGTAAA		166
配列番号:2587					
配列の長さ:71					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS02970					
配列:					
GATCATAGGA GAGACCCATT NGCTA	AGCTAC	TTCATTCGTT	CTGACCTAAT	AATAAAAGTT	60

AGAACCATAA A				71
配列番号:2588				
配列の長さ:72				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状	_			
クローン名: HUMGS02971				
配列:	•	-		
GATCTGACGT TCCTTGTGAC TTAAGGGTCC	<u> </u>	TT 4 4 4 CTTTT	######################################	
TTAGCCTACA AA	UUCI I UUUAA	IIAAAGIIIG	TITCTGGCCT	60
IIIdooinon na				<b>7</b> 2
配列番号:2589				
配列の長さ:70				
配列の型:核酸	-			
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS02972				•
		•		
配列:				
GATCTGGCCA GTCAAGGGTC CACAGGGTGC	CAGCCTCTCA	CCCTCAGAAT	AAAGACATCA	60
GCCATTCAAA				70
配列番号:2590				
配列番号:2590 配列の長さ:69				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS02973				
配列:			•	
GATCATCTAA ACTGAGTCCA GCTGCCTAAT	TCTGAATATA	TATATATA	TATATCTTTT	60
CACCATAAA				69
<b>和利亚</b> 乌,0501				
配列番号: 2591				
配列の長さ:68				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02974				
配列:				
GATCCTTATT ACAGGAAAAG CATGAGTGGT	GGCTAACCTG	ACCAATAAAG	TTATTTTATG	60
ATTGCAAA			•	68
新见 <del>平</del> 号,0700				
配列番号: 2592				
配列の長さ:68				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02975				
配列:				
GATCTTAGAT TTTATGTAGT ATTAAGTGAA	AAAATACGAA	*****	ATTC	60

AAAATAAA	68
配列番号:2593 配列の長さ:75 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02976 配列:	
GATCACATTT TCTGTTGGTT AACATTNTTC CTAGCTTATA TGATGGAATT AAATATATTC TGTGTAAAAA GGAAA	60 75
配列番号:2594 配列の長さ:67 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02978 配列:	
GATCCACCTA ACAAGAAACC TAAAGTGTAG AGATTGCCAT TTTNATTTGT AATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT	60 67
配列番号:2595 配列の長さ:66 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO2980 配列: GATCACACAC CGGCTGTATT TAATATGTAA CATTTTCACA NATATTAAAG ANACAGAAGT	60 66
配列番号: 2596 配列の長さ: 65 配列の型:核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS02981 配列:	
GATCAGCATG GGCCACGTAG NCGNGACTCC ATCTCTACAC ATAAATAAAA AATTAGCTGG GCAAA	60 65
配列番号:2597 配列の長さ:63 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02982 配列:	
GATCCAATTT ATGTTTTTC TTTNTTTATA TTTTGGGGAA AATTAAAATT TTTTTAAGGT	60

配列番号:2603

AAA	63
配列番号:2598	
配列の長さ:61	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS02983	
配列:	
GATCACGCAA TAATGACTAT GTAATCTCAA AAAACAAATA AAATATTCTT AACATGGCAA	
A A A A A A A A A A A A A A A A A A A	60
	61
配列番号:2599	
配列の長さ:60	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	:
クローン名:HUMGSO2984	
配列:	
GATCCAAGCA GTGTGTCACT ATATAACTGA TAAAAGCACT TGGTCTTNGA TTATCAGAAA	60·
配列番号:2600	
配列の長さ:58	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGSO2985	
配列:	
GATCATTTTG CACATAGCTT TATCAACTTT TAAACATTAA TAAACTGATT TTTTTAAA	58
配列番号:2601	
配列の長さ:58	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS02986	
配列:	
GATCTTTGCA GTTTTGNGAC AATTACAAGT AAAGCTGCTA TAAACATTTG TATGCAAA	58
配列番号:2602	
配列の長さ:74	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS02987	
配列:	
GATCGACACG CAGCTAGCCT CCTGCATTGT ATGGTTATAA ATAGCACCCT AGTGAGTNCT	
STCGTCCAGT CAAA	60
·	74

配列の長さ:58 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02988

配列:

GATCCTGGGG CAACCCATCT GGTCTCTTGA ATAAAGGTCA AAGCTGGATT CTCGCAAA 58

配列番号:2604 配列の長さ:56 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02989

配列:

GATCACGTTT CGTGTTCATA CTCAACGTTA ATAAAAGGAG AGAGTTTGTA GTGAAA 56

配列番号:2605 配列の長さ:55 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02990

配列:

GATCCCTGTG CCTGGCATAT AGTAGGTGTT\_CAATAAATGC CCTGTGACTC TCAAA 55

配列番号:2606 配列の長さ:59 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02991

配列:

GATCTATCCT CAACAACAAC AGAAAAAAGG AATAAAATAT CCTTTGTTTC CTAGTGAAA 59

配列番号:2607 配列の長さ:54 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02992

配列:

配列番号:2608 配列の長さ:53 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02993

配列:

GATCTTGTAT TCAGTCAGGT TAAAACAACG	GACAATAAAA	GAATGAACAC	AAA	53
配列番号:2609 配列の長さ:52 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS02994				
配列:				
GATCTGGGGT GGGAGTAACA GGGCAGAAAT	GATTAAAATG	TTTGAGCACA	AA	52
配列番号:2610				
配列の長さ:52				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状	•			
クローン名: HUMGS02995				
配列: CATCCTTTT TTTTTCAGA AAAMMMMAG	4 4 4 PM 4 4 4 4 4 4 4			
GATCCTTTTT TTTTTCCACA AAATTTTTAC	AAATAAAAA	TGTTCCCCTA	AA	<b>5</b> 2
配列番号:2611				
配列の長さ:52				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUNGS02996				
配列:				
GATCTCAAAG TGCCTTCTGA AGCATCAGAG	ATTAAATATT	GTTCAAACTA	AA	52
配列番号:2612				
配列の長さ:53				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02997				
配列:				
GATCTGAATG GGGCTTNCCT GATGTTGGTA	TCTAAGGCTT	AGGCCTATAG	ATN	53
配列番号:2613				
配列の長さ:50				
配列の型:核酸			•	
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS02999				
配列:				
GATCTTGAAT GTATTTTCTT AAGTTTATTA	ATAGACATTT	TCACAATAAA		50
配列番号:2614				
配列の長さ:50				
配列の型:核酸				

トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS03002				
配列:				
GATCTATCTG GAAAATGNAG GACTCCGAAT	AAAAAGCTAT	TACTA ATA A A		EO
distribute distribute distributes	AMAMAGCIAI	IACIAAIAAA		50
配列番号:2615				
配列の長さ:51				
配列の型:核酸			•	
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS03005				
配列:				
GATCAGGGGA AATNTTTAAG CTAAATAAAT	<b>ርፕሮሮሮሮሮ</b> ሮፕፕ	ጥጥጥ ለጥጥር <b>ለ</b> ለ	٨	51
i commitment	Cladadaall	IIIIAIICAA	Α	91
配列番号:2616				
配列の長さ:165				
配列の型:核酸		•		•
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS03028				
配列:				
<del></del>	<b>MOTION 4 1 MM</b>	* * * * * * * * * * * * * * * * * * *		
GATCGAATGG TATATATTAG AAATTACATC				
ACATGGTTGA NTTTTTCAAG CAAAAATCAG			TCTAGGCTAA	
ATGGCAATCT CTGAAAGATG AATAAAGCTA	TATTTATTTA	GCAAA		165
配列番号:2617				
配列の長さ:254				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS03030		r		
配列:				
GATCACATTT TAAGCATCTN TCTCTCCTAC	TCCATTTAGA	AAAATAAGTA	ACAGGTGAAA	60
TGTGGTCTCA GTGTTAACGG GATAATTCTG				
ACACTACTGA ACGAGCTCTG GCTGGTCCTT				
AATTCCTTGA NGTCCAGGTT GGAAAGATGT				
CCGTCGTGGC CAAA				254
配列番号:2618				
配列の長さ:271				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS03031				
配列:				
GATCAACCCC AGACTGGGCC AGAATGTTAG	ТСААССТТТТ	ATTGTGCCCG	GTTGGAGGAT	£Ω
AACGTTCTTT GGGTACTTTT TGTGGGTTGC				
TGGTGTAAAT CAAGCTTGAC TTAATGTGAT				
GCAGCTGCTC ATACTGCAGT CAATTACTGG				
TOTAL TRANSPORT OF THE PROPERTY OF THE PROPERT	VVACAAVIVI	MILIOCIAIG	CAAAAACTGT	<b>44</b> 0

TTAAACAATA AAATGAGCTA TGCTACAGAA A 271 配列番号:2619 配列の長さ:489 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03053 配列: GATCCACAGC TTAAAGATGG GAATTCAGGT ATGAAAGAAA ACAGGCAAGG AGGCACTGAG 60 GGAGAAAGAC ACAGACTITA TCGCTCTGTG GCTCATTGTT ACTGGAATAT NCTAAAACTC 120 TTGTNCACAT GCTATTATGA CTTATAAAGC AGCAACAGCT GAGGCGCACC AGGACACAGC 180 TTCCATTTCT TTAACGTCTG TNCCCTTAAC ATCGCTGAAA TNATTTACTG TTGAAGAGAT 240 GCCTTGCGGT GTGGCCAGCT GTGAGGAGAA AGCAGCTGGC AGTGTTAGGA CATTAGTCCA 300 CCTTCAGCGC AGGGTCTCTG GCCGGGTCTG ACTCAGAAAC CTTGGTACTC GNCCCTTGGN 360 CACAGTGCCC AGACCCATGT AACCNACING NICCTGCATT AACCNAGAAA TACCTCGGTT 420 CTATNTGTGC ACTTAGCTGG GGACTTACCC ACTGTAATCA CCTNAATNAA NGGGTTNTAA 480 ACATGGAAA 配列番号:2620 配列の長さ:471 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03055 配列: GATCCAAAAC GCTTCGAGGC ACCCCAAATN ACCTGCCCAT TCGTNAGGAN GACCCACCCA 60 CCCAGTGTTA TATTCTGCCT CGCCGGAGTG GGTGTNCCCG GGGGCACTTG CCGACCAGCC 120 CCTTGCGTCC CCAGGTTTGC AGCTCTCCCC TGGGCCACTA ACCATCCTGG CCCGGGCTGC 180 CTGTNTGACC TCCGTGCCTA GTCGTGGCTC TCCATCTTGT CTCCTCCCCG TGTCCCCAAT 240 GTNTTCAGTG GGGGGCCCCC TCTTGGGTCC CCTCCTCTGC CATCACCTGA AGACCNCCAC 300 GGCAAANACT GAATGTAANC TGTGNCTGNN GNCTCGGTCC AACTTGCGGN CCGTGTTTNA 360 CTNAACTNAG CTCCTTTAAC GGTAATATTT CNGGGAAAAT CCCATGNTTG GGTTTTGGTC 420 TTTAACCTTG GTAACGGTTG AAATCCAATT AAAGNTTTAA AAGTCATGAA A 471 配列番号:2621 配列の長さ:435 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03056 配列: GATCACCATT AAATCTGAAA GTACCTTTAA AAATACTGAG ATTNCCTTCA TACTGGGCCA 60 GGNATTTNAC GAAGNACCTG CAGATGACAG GAAAGTCAAG AGCACCATAA CCTTAGATGG 120

GGGTGTCCTG GTACATGTNC AGAAATGGGA TGGAAAATCA ACCACCATAA AGAGAAAACG 180
AGAGGNTGAT AAACTGGTGG TGGAATGCNT CATGAAAGGC GTCACTTCCA CGAGAGTTTA 240
TGAGAGAGCA TAAGCCAAGG GACGTTGACC TGGACTGAAG TTCGCATTGA ACTCTACAAC 300
ATTNTGTGGG NTATATTGTT CAAAAAGNTA TTGTNGTTTT CCATGGATTT AGCAAGCAAC 360

TAATTTTNTC CCAAGCTNGN TTTTTTTCAA TANTGGTNAC GTTGGNTAAA TAAANNTTTT 420 TTTAGGNTTT TNAAA 配列番号:2622 配列の長さ:411 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03058 GATCTCATCA GGGGAAGGCT CTGTGATGCT GCAGGTTGAT GTAGACACAG TAAAAGGAGG 60 GCTGAAGTTG AACCCCAACT NNCTGGTGGA CTTCGGGAAG GAGCCCCTTG GCCCAGCCCT 120 TGCCCATGAG CTCCGCTACC CTGGGGGCGA TTGTAGCTCT GACATCTGGA TTTGAACTCC 180 ACCCTCATCA CCCACACTCC CTATTTTGGG CCCTCACTTC CTTGGGGACC TGGCTTCATT 240 CTGCTCTCTC TTGGCACCCG ACCCTTGGCA GCATGTACCA CACAGCCAAG CTGAGACTGT 300 GGCAATGTGT TGAGTCATAT ACATTTACTG ACCACTGTTG CTTGTTGCTC ACTGTGCTGC 360 TTTTCCATGA GCTCNTTGAG GCACCAAGAA ATAAACTNGT AACCCTGTAA A 配列番号:2623 配列の長さ:410 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03059 配列: GATCCAGGCG GGATGGAGTG TGGAGTGTGG GCACAGTGGC TTGTACAGGC CTGGNCTGGG 60 CAGACTTGCC CCGGAGTCTC AGGCCACTGC GGAAGGAGGA CGCGTGGCCA GCAGGTGCCA 120 CCAGGAGAGG AGAGGAGGGC CAGGCTGAGC TGCATCTNTG GACTCCAAGG AGAGCTTGGA 180 GAGGTGACTG AAACCCTGCC CCACCCCCAG CCTGTNTCCA TCTGTGGGTC CTTGGGCAAA 240 TTGCCTCATC TCTCTNAGCC TCGAATGCGT AGTTTCAGGA CTAACTAGGG TACTGTGTAC 300 CAACTGCCTC TGCCAACGGC CCTGCACTGG GCANGCCTGG GGTACCTGGG CTTTGGGGNA 360 AGGAAGTAGG CCTTNGGNAG GAGGCTGGAT TGCTTACAAT TTTNTTTTTN 410 配列番号:2624 配列の長さ:408 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03060 配列: GATCTGCGGC CCATCTACAT CTCTGTGCAG CCGCCTTCAC TGCACGTGCN GGAGCAGCGG 60 CTGCGGCAGG CATACACTGA AACCGAGGAG AGCCTGGTGA AGCGGCTNGC TGNTGCCAGG 120 CCGACATGGA GAGCAGCAAG GAGCCCGGCC TGTTTGATGT GGTCATCATT AACGACAGCC 180 TGGACCAGGC CTACGCAGAG CTGAAGGAGG CGCTCTCTGA GGAAATCAAG AAAGCTCAAA 240 GGACCGGCGC CTGAGGCTTG CTGTCTGTTC TCGGCACCCC GGGCCCATAC AGGACCAGGG 300 CAGCAGCATT GAGCCACCCC CTTGGGAAGG CGATACGGCA GCTCTGTGCC CTTGGCCAGC 360

ATGTTGGAGT TGGAGGAGAT NCTTGCCCCT GTTGGTTTGG ACCATCCN

配列番号:2625 配列の長さ:398 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03061

配列:

GATCTCAACG AGACAACGA TGGGTGGACC CGAACTCCCC GGTGCTCTTN GAGGACCCAG 60
TCCTTTNTGC CTTGGCAAAA AAGCACAAGC GAACCCCAGC CCTGATTGCC CTGCGCTACC 120
AGCTGCAGCG TGGGGTTGTG GTCCTGGCCA AGAGCTACAA TNAGCAGCGC ATCAGACAGA 180
ACGTGCAGGT TTTTNANTTC CAGTTGACTG CAGAGGACAT GAAAGCCATA GATGGCCTAG 240
ACAGAAATCT CCACTATTTT AACAGTGATA GTTTTGCTAG CCACCCTAAT TATCCATATT 300
CAGATGANTA TTANCATGGA GGGCTTTGCC TGATGGTNTA CCAGAAGCCC TGTGTGTGGN 360
TGGGTGACGC AGAGGGACGT CTCTNTGCCG GTGACTGN 398

配列番号:2626 配列の長さ:394 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03062

配列:

GATCACAGCT GGGGGAAAAA AAGCTTTTA ATTCTGTACC TTCCTAGTAG ATAAGTGAAG 60
AGCAGGGAAA GAGACCTTTA AATATTTTNC TATAAAAAAA TTTGTGATAA GTTTCTATCA 120
AAATGGGGAG ATTGCAGAAA AGGCTTCCCT TGGNTCCCAA GGAGGTGTAG CAGGTGTAGG 180
CAATATTAGT GCCATGTGCC TTTCACACAG GGTTTGCATT TATCAGTCTG TTTTCCGATG 240
NNNNGGTACA TGAAAGAGTA CACCATGTGA AGAGAAGAGA GAATGATTGA AAATGTTTTA 300
GTATAGACCT CTTCTTGCAG TGGGTTGCTA TTTTCTAGAT TTTACTTTTT AGGGACCAAA 360
NTAAANTCCT TTGTTAAACN TGGGTCAGNG NAAA 394

配列番号:2627 配列の長さ:392 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03063

配列:

GATCGCACCA TTACACTCCA GCCTGGGTGA CAGAGAGAGA CCCTGTGCCN NTCAAAAAAA 60
TGTTTTTTTT AAACAAGAAT CTCTCAGGCA TACTGAAATN TTGAAGAGGA AATNATATTA 120
ATATCTGGGA CTTGTTTCCA AATTTGGAAT TGGGGCAGGG TGTAAATNGT TGGCAATATC 180
AAAGAAACGA GGAGTTGGAA TNATAATTGT AGAAGCTGCA TGATAGATAC ACATTCTTTA 240
TACTTCTGTA TATGTNGAAA TTTTTNATCA AATTATAATN GTGTATAATG ACTAATTATG 300
CTTNCATTGT CTATCCTGTG TGGTTATGTN ACTTGCTGAA ATNNATACAT AANGGGTCTT 360
CAACCTTNAN NTGGTCTTAT CCANGGCATA NN 392

配列番号:2628 配列の長さ:385 配列の型:核酸

and the second second second

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03064

配列:

GATCTGTAAT NATCTCTATT GGCCTGGGGT GCCTGTGCTA TAAATAAGTT TCTTCACATG 60
AAAAAACACAG CCAGCCCAAG ATNACTTATC TGGGTTTAGG ATTCAATAGT ATTCACTAAC 120
TGCTTATNAC ATGAGCAATT TCATCAAATC TCCAAACTCT TAAAGNATGC TTTCGGAAAA 180
CACGCTGTAT ACCTAGATGA TGACTAAATG CAAAATCCTT GGGCTTTGGT TTTTTTCTAG 240
TAAGGATTTT AAATAACTGC CGACTTCAAA AGTGTTCTTA AAACGAAAGA TAATGTTAAG 300
AAAAAATTTGA AAGCTTTGGA AAACCAAATT TGTAATATCA TTGTATTTTT NATTAAAAGT 360
TTTGTAATAA ATTTCTAAAT TTAAA

TOTAL WAS COMMON WORKER ARRESTS OF THE

配列番号:2629 配列の長さ:385 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03065

配列:

GATCGGGGCC CTGGGGCTGT NAGACCCCGA CCNTCTCGAG GAACCCTGCC TGAAACGCCT 60
CCATTACCAC TGCGCAGTGA GATGAGGGGA CTCACAGTTG CCAAGAGGGG TCTTTGCCGT 120
GGGNNGGNTC GCCAGCCACT CACCAGCTGC ACTGAGAGGG GAGGTTNGCA CACCCCTCCC 180
CTGGGCCGCT GAGGCCCGCG CACCTGTGCC TTAATCTTCC CTCCCCTGTG CTGCCCGAGC 240
ACCTNCCCCG CCCCTTTACT CCTGGGAACT TTGCAGCTGC CCTTCCCTNC CCGTTTTTAA 300
TGCCTGCAGNC CNGCCTNTGC CCAAA ATTTATTTTC GNCAAAGCAC ATGTAATAAA 360
TGCTGCAGNC CNGCCTNTGC CCAAA

配列番号:2630 配列の長さ:385 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03066

配列:

GATCCCGGGN AGTNACAGGT GCCGACGTGA TGTCGCTTCT NTGGTGCCCA GCTCCCTTCC 60
TGGTCTNANA CTAGCTCTGG GGGTGGCGGG GGCCCCCACA CGCTGCTCC GCTCCACCCT 120
GCCCGTNCTG CTGCTCTGTG CCTGCTGCA GAGCCCTGGT GGGGGAGGAT GTGGCCACCC 180
TGAGACCCGG AGGAGACGGG CGTCTGCCTG GNTTTGCGGA GAGCNGCTTA TGGGTGTGGT 240
CCGTCCAGAC ACCTTGTTC AAGGGGGATG GGCGTNANGG GCAAGCAGAG CATCCCCACC 300
GNTGAGCAAG AACTTTTCT TGTTTTAAA CCATCACGTC CTCATTTCAC AATTGGAATA 360
AAGTGAGTTT TTTGGAAACC TGAAA 385

配列番号:2631 配列の長さ:381 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03067

配列:

GATCGCAAGG AACTGGGCCG CCTACTACCC CGACCTGCCC ACCCCAGAAC AGCAGCAAGA 60
CATGGCCCAG TTCATACATT TATTTCTAA GTTTTACCCC TGTAAGGAGT GTGCTGAAGA 120
CCTAAGAAAA AGGTTGTGCA GGAACCACCC AGACACCCGC ACCCGGGCAT GCTTCACACA 180
GTGGCTGTGC CCCNTGCACA ATGAAGTGAA CCGCAAGCTG GGCAAGCCTG ACTTCGACTG 240
CTCAAAAGTG GATGAGCGCT GGCGCGACGG CTGGAAGGAT GGCTCCTGTG ACTAGAGGGT 300
GGTCAGCCAG AGCTCATGGG ACAGCTAGCC AGGCATGGTT GGATAGGGGC AGGGCACTCA 360
TTAAAGTGCA TCACAGCCAA A 381

配列番号:2632 配列の長さ:370 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS03068

配列:

GATCCGTAAG TCCATGACCA AGGAGGCCAT CCGAGAGCAC CANATGGCCC GCACTGGCGG 60
CACGAGACAG ACCTGTNCAC CTGCGGCAAG TGCAGGAAAA AGAACTGCAC CTACACACAG 120
GTGCAGACCC GCAGCTCTGA TGAGCCCATG ACCACCTTTN TTGTCTGCAA CGAGTGTGGA 180
AACCGCTGGA AGTTCTGCTG ACCCCTCGTG TAGATGTGCT GCAGCCTTGG GCCCTCCCCG 240
GCCCACGTCC TCCGTTGACA CAGCTTCTNT GGAGACCCTA GAAGGCGGCA TGTCCTGCCC 300
TCAACCTGCC TGCNTGGATT GCACCTTTCT GCCCTTTCCC CNTNATTATT AAATGTTTCT 360
TTTTGCCAAA

配列番号:2633 配列の長さ:344 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03069

配列:

GATCTTCTTC AAGCCATTAT TTTAACTCAA GAAAACTCTA GAGAAGAAA GTGAAGAAGT 60
CATGTTGAAG AAGATGTAAG AATGTGTCAA GACCATCCAG AAATNATATG AGAAATACTG 120
ATATTTTAAA TGGTTGACAT CATCCAGCGA AATGAATCTA CATTAAATGT TGTTTTAACT 180
GCGCTATGAT TAAAACCATT CATATAGAGT TAGTNTTTAC AACTACTATT CTGTTATTTT 240
TTTTTTAATC TGACAACATT TGTCCTAAGT AAGATAAGCA AAAAAATTCT TCAACTCCTT 300
TTGGCAAGAA AACTGTAACA GAAAATAANT TTTGAATGTG TACN 344

配列番号:2634 配列の長さ:341 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03070

配列:

GATCCCTGGT CCAGAATTCC ATTTACCTTC TGGGCCAGAT ACCACCAGAA TGCCCGCTCC 60
ANATTCCCTC AGACCTTTGC CGGTCCCATT ATTGGTCCTG GTGGTACAGC CAGTGCCAAC 120
TTCGCTGCCA ACTTTGGTGC CATTGGTTC TTCTGGGTTG AGTGAGATGT TGGATATTGC 180
TATCAATCGC AGTAGTCTTT CCCCTGTGTG AGGCTGAAGC CTCAGATTCC TTCTAAACAC 240

AGCTATCTAG AGAGCCACAT CCTGTTGACT GAAAGTGGCA TGCAAGATAA ATTTATTTGC 300 TGTTCCTTGG GCTACTGNTT TTTTTCCCCT TGTGTGCTGT N 配列番号:2635 配列の長さ:340 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03071 配列: GATCGNCAAG AAAATTNAGA TTGGCGATGG GGCAGAGCTG ACGGCAGAGT TCCTCTACGA 60 CGAGGNGCAC CCCAAGCAAC ACGNCTTCAA GCAGGCCTTC GCCAAGCCCA AGGGCCCAGG 120 GGGCAAGCGG GGCCATAAGC GCCTCATCCG NGGCCCGGGT GAAAATGGGG ATGACAGCTA 180 GGAGGCTGGA GCATNNGNCG GCCACGTNTG GACTGTGGGG CTGCCCACCT TCCGCTCCCT 240 GCCACCATCC TCCTTCCTGG GCTCCAGGAA AGTNTTTCTG GGAGGTCAGG AGGGCTGGCA 300 GCTTGAACGC ACTTGCAGCG TCCGANGGNC ACCGGGCTTN 配列番号:2636 配列の長さ:335 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03072 GATCTGTCTG CNTTCCTCAA GACCATTGCA CTGAATGGTG TGGAGGACGT GCGAACCGTG 60 CTGGAGCACT ATGCCCTGGA GGATGACCCG CTGGCGGCTT TCAAACAGCG GCAAAGCCGG 120 CTAGAGCAGG AGGAGCAGCA GCGCCTGGCC GAGCTCTCCA AGTCCAACAA GCAGAACCTC 180 TTCCTTGGCT CCCTCACCAG CCGCTTGTGG CCTCGCTCCA AACAGCCCTG AACTCTGGGC 240 CTCCTCAAAC TCAGTGCCTG GGTCCAGGGC CCCAGTGCTT CCAGACCAAG ACTTGGGCCA 300 CCACTINICC AATAAAGTAC ATCCGAGACG GCAAA 335 配列番号:2637 配列の長さ:332 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03073 配列: GATCCAGTTG TGAACAAAGA GTCCTCTTNG TGGAAAAGAA AAAAATACAT NTCCCTTTAA 60 ACGGTGGATT GAAAATAACT TTNATTTATA AAGAGAAGAC TGAGGGCGGG GATACTGATT 120 CANNAATCCT GTAGCGTGTA ATAAAAGAAG AGGAAATGGC ATGGAATCAC TGCCTCCTGT 180 GATTTGAAGG CCATTGTGAA GGAAAACAAT GCAGTGAAAG AAAGTTCTTC ATATTAGGCC 240

AGATATCATT GCATCACATT TATTTATCTT TCTGGNATTT TTATAGCCCT TAATAAAAAA 300

配列番号:2638 配列の長さ:335 配列の型:核酸

TATTAAAATA GCCTGTGCTA TTGTGTCTTA AA

332

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03074

配列:

GATCAAGAAT TTGGTGTGGA CGTTGGCCCT GTTTGCTTTT TATAAACCAA ACTCTATCTG 60
AAATCCCAAC AAAAAAAATT TAACTCCATA TGTGTTCCTC TTGTTCTAAT CTTGTCAACC 120
AGTGCAAGTG ACCGACAAAA TTCCAGTTAT TTATTTCCAA AATGTTTGGA AACAGTATAA 180
TTTGACAAAG AAAAATGATA CTTCTCTTTT TTNGCTGTTC CACCAANTAC AATTCAAATG 240
CTTTTNGTTT TATTTTTTT ACCAATTCCA ATTTCAAAAT GTCTCAATGG GGCTATAATA 300
AATAAACTTT CAACACTCTT TTATGGTNAA CCAAA

配列番号:2639 配列の長さ:384 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03075

配列

GATCAAGCCT GCCTCAATCA GTATTCATAT TTATAGCCAG GTACCTTCTC ACCTGTNAGA 60
CCAAAATNAG CTAGGGGGGT CAGCCAGCCC TCTCTGACA CTAAAACACC TCAGCTGCCT 120
CCCCAGCTCT ATCCCAACCT CTCCCAACTA TAAAACTAGG TGCTGCAGCC CCTGGGACCA 180
GGCACCCCCA GAATGACCTG GCCGCAGTGA GGCGGATTGA GAAGGAGCTC CCAGGNGGGG 240
CTTCTGGGAA GACTCTGGTC AAGAAGCATC GTGTCTGGCG TTGTGGGGAT GAACTTTTTG 300
TTTTGTTTGCT TCCTTTTTA GTTCTTCAAA GATAGGGAGG GNAGGGGGGA ACCATGAGCC 360
TTTGTTGGCT AATCANTCCC AAGN 384

配列番号:2640 配列の長さ:352 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03077

配列

GATCAAAGGT TTAAAGTCTA ACTTCTAAGA TATATTTGCA GAAAGAAGCA ACATGACAAT 60
AGAGAGAGTT ATGCTACAAT NATTTCTTGG TTTCCACTTG CAATGGTTAA TTAAGTCCAA 120
AAACAGCTGT CAGAACCTCG AGAGCAGANC ATGAGAAACT CAGAGCTCTG GACCGAAAGC 180
AGAAAGTTTG CCAGGNAAAA AANNGGCATC ATTATTACCA TCGATTCAGT GCCTGGTTAA 240
NGNGGNAAGC TTACTTNGTT TNAGTGGCAG CCNCNTNGCA CGTGGTTTGC TATGNAGGTG 300
AANGGTTTCC CAATTCCTTC AGGCTTTTTN GGGGGTTTTTC GGGCTCTNCC TN 352

配列番号:2641 配列の長さ:321 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03078

配列:

GATCAAACAG CTCTAAGTAT GAAGCAAGAG TAAAGACTAA GGTTTCGAGA NCATTCCTAC 60 TCACATAAGT GAAGAAATCT GTCAGATAGG AATCTAAATA TTTATAGTGA GATTGTGAAA 120

GCAACCTTAA AGTTTTGAAG AAGACTGATG AGACTAGGTG CNNNGCTTCC TTTCATCAGG 180
TATCTTTCTG TGGCATTTGA GAACAGAAAC CAAGAAACAT GGTAATTNCT AANTTATGAG 240
GCTTTGCTTT TTGTTTGCTT TTAAGTAGAA AACCATGTTG GCAACATTGA GTTTTGGNGT 300
TGATTGAGAT AATATGNCTT N 321

配列番号:2642 配列の長さ:320 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS03079

配列:

GATCTTTGGC TGGAAAACTA GAATTTATAG CAGTTTATTA ATGATACCTT AAATNACTCA 60
GGACTTAATG TAGCATTGCA CTTCTGTGTA CAGTAAAACT GCTTTGTTTT ACTAAAGAGA 120
AAAATGTGAG TGGAAAAAAT ATGTATĞTGT TATATACTCA AATGTATATA ATNCTATCTA 180
TAGATTTATA TATGTATACA TTCTGTACAG TAGTTCCATC AAAATATGTA ATAATTCACA 240
CCAATTTTAT TAAATGTATT TNCTTTTCA AAATTTAAAT TGAGCTGCTA TCAATATTAA 300
ATGAAAGTTAT GGCATCTAAA 320

配列番号:2643 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03080

配列:

GATCCCTTCG ATGTGGATTC AGGGAGAGAG TTTGGAAACC CCAACAGGCC TGTGGCATGC 60
ACCCGGCTGC CCTCGGACAC TGATGACAGT GATGCGTCTG AGGACCCAGG GCCTGGCGCC 120
GAGCGCGGAG GAGCCAGCAG CAGCTGCTGT GAAGAGGAGC AGACGCAGGG ACGGGGGGCT 180
GAGGCCAGGG CCCCGGCTGA GGTTTGGAAA GGAATCAAGA AACGGCAGAG AGACTNAGGG 240
TTGCAGACAC ATATATTTT GAGGCTGGGT GACGAGAAAA TCTAGAGACA TGAGGGACAT 300
AAA 303

配列番号:2644 配列の長さ:315 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03081

配列:

GATCCAGACG CAAGANGGCT GTCCTCTCTA AGGAATATGG TTTTTTNCTT CTAACTGGTG 60
CTGCCAGCTT TATAATGGTG GCCCACCTAG CCATCANTGT TTCCAAGGCC CGCAAGANGT 120
ACAAAGTGGA GTATCCTATC ATGTACAGCA CGGACCCTGA AAATGGGCAC ATCTTCAACT 180
GCATTCAGCG AGCCCACCAG AACACGTTGG AAGTGTATCC TCCCTTCTNA TTTTTNCTAG 240
CTGTTGGAGG TGTTTACCAC CCGCNTATAG CTTCTGGCCT GGGCTTGGCC TGGATTGTTT 300
GGACGAGTTC TTTAN 315

配列番号:2645

配列の長さ:314 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03082

配列:

GATCCTTCTT GGCCCCAGAA AGTCATTTGG CATGGCTCCA GCCCCCATGG CATCCGCTTN 60
TGGATAACTA CTGTGAAGCA TGGCGAACCG CGGACACAGC GGTCACGGGA CTTGCCTCC 120
CGCTGAGCAC GGGGAAGATT CTGGACCAGA AAGCATACAG CTGTGCTAAT CGGGCTAATT 180
GTCCTATGTA TCGAAAACAG TTTCATGNCA GNCGTTAGGA AGTAATTGGC TTCTTNATGA 240
TTCTTAAAAN GNGTTTTCAA TTTTCCTAA TGNGAAGNGT TGNCACTGAA ATCTAAAATG 300
TTTANTTGTG NAAA 314

配列番号:2646 配列の長さ:310 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03083

配列:

GATCACTGTG GACAGGGTGC AGCTCTACCA GTTCCTGTTT CTNCTGAGCC AGACCCTCTT 60
CAGGGAAGGG ACCAATTAAT TTTAAAACTC ACTTGAAGCA CAGCTGGTCA TGGGGCTTGG 120
TATAAAGTTC CTATTTCCAC CCTGATACTT CCAATTCCTG GAACCCCAGC CCACTCCNCC 180
ATCCCTCCTC CCTATCAAAC TAGTATAATG ATTTTGAATC GGTACAGTGT GTTTAACTGT 240
AACTAAGTTC GACAGACTAT TATTATCTTT GTAATAAAATT AACCTAGCAA TAAAAATTAT 300
TCTGTNTAAA

配列番号:2647 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03084

配列:

GATCTATTAA GCTTGANACA TTANGTNTCA TCACGCACTG AAGACAGGAA GCAGTTCACT 60
GAGTCAGCTG GTTCCCAAGC TCGCACAGAA GGTGATAAGT TACTATCAAA TGCCAGTNAG 120
AATCTNCTTA TAGAATAACC TGGGCCCAAG TNATTTTNGT ACAAAACTTG CCCTTCTTTG 180
GTTTAATTTN CTATGTGCTT TTAGGTGTGA ATCCAGATAT GCGGTCTTAA TTCCTTTGGA 240
AATACACAGT TCGTTTAGTT ACTGTACACT CTGTTTGTTC AATAAACTGC ATATCANCTT 300
CCNACAAA

配列番号:2648 配列の長さ:302 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03085

配列:

GATCAGCAGC CCCTGAGCGG AGAAGAGGAG CTAGAGCCTG AGGCCAGTGA TGGTTCAGGC 60

TCCTGGGAAG ATGCAGCTTT GCTGACGGAG GCCAACCTGC CTGCTCCTGC TCCTGCTTCT 120
GCTTCTGCCC CTGTCCTAGA GACTCTGGGC AGCTCTGAAC CTGCTGGGGG TGCTCTCCGA 180
CAGCGCCCCA CCTGCTCTAG TTCCTGAAGA AAAGGGGCAG ACTCCTCACA TTCCAGCACT 240
TTCCCACCTG ACTCCTCCC CCTCGTTTTT CCTTCAATAA ACTATTTTGT GTCAGCTTCA 300
AA 302

配列番号:2649 配列の長さ:302 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03086

配列

GATCÁGCGAG CTACCANGAC CAGAGACCAA CTCAAGCTAC AGCAGAAGNA TTTTCCCAAG 60
CCTGCTGACC ACAGTCACAT CACCCÁTCAG CACATGGAAG GCCCCTGGTA TGGACACTGA 120
AAGGAAGGGC TGGTCCTGCC CCTTTGAGGG GGTGCAAACA TGACTGGGAC CTAAGAGCCA 180
GAGGCTGTGT AGAGGCTCCT GCTCCACCTG CCAGTCTCGT AAGANATGGG GTTGCTGCAG 240
TGTTGGAGTA GGGGCAGAGG GAGGGAGCCA AGGTCACTCC AATAAAACAA GCTCATGGCA 300
AA 302

配列番号:2650 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03087

配列:

GATCCCAGCT GATGTAGACC CTCTCACCAT TACTTCATCC CTGTNATCTG ATGGGGTCCT 60
CACTGTGAAT GGACCAAGGA AACAGGTCTN TGGCCCTGAG CGCACCATTC CCATCACCCG 120
TGAAGAGAAG CCTGCTGTCA CCGCAGCCCC CAAGAAATAG ATGCCCTTTC TTGAATTGCA 180
TTTTTTTAAAA CAAGAAAGTT TCCCCACCAG TGAATGAAAG TTTTGTGACT AGTGCTGAAG 240
CTTATTAATG CTAAGGGCAG GCCCAAATTA TCAAGCTAAT AAANTATCAT TCAGCAACAG 300
AAA 303

配列番号:2651 配列の長さ:296 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03088

配列:

GATCTCAGCT GGAAGTTCTG TTTGGAGCCC ATTTCTGTNA GACCCTGTAT TTCAAATNTG 60
CAGCTGAAAG GTGCTTGTAC CTCTAATTTC ACCCCANAGT TGGAGTTCTG CTCAAGGAAC 120
GTGTGTAATG TGTACATCTG TGTCCATGTG TGACCATGTG TCTGTNAGGC AGGGAACATG 180
TATTCTCTGC ATGCATGTAT GTAGGTGCCT GGGGAGTGTG TGTGGGTCCT TGGCTCTTGG 240
CCTTTCCCCT TGCAGGGGTT GTGCAGGTGT GAATAAAGAG AATAAGGAAG TTCAAA 296

配列番号:2652

配列の長さ:291 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03089

配列:

GATCTNACGG CCAGGCCTCT NTCCTGCTGC TGTTTTTAAT TTTCCCAGGT AGTGGGAGAG 60
AGGAAAGGAG GGAAGGCAAG ATTCTTTCCC CCTCCCTGCT GAAGCATGTG GTACAGAGGC 120
AAGAGCAGAG CCTGAGAAGC GTCAGGTCCC ACTTCTGCCA TGCAGCTACT ATGAGCCCTC 180
GGGGCCTCCT CCTGGGCCTC AGCTTGCCCA GATACATACC TAAATATATA TATATATATA 240
TGAGGGAGAA CGTNTCACCC AGNTTTNATC ATGCTGGAAA GAGTGTATGT N 291

配列番号:2653 配列の長さ:290 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03090

配列:

GATCTAAAGG GTGTAAAAAT ATTGATACTT CAATATTCA CTTGCTGCCA GGAAAAACAA 60
AATTCTCAAT CTTTTGTAAA TGGGAGGAGG ACTTTTGCAT ACATTTTAC TCTTTAAATA 120
ACGACAACGA CACTTATACT GTCATAATAA CAATNATGTA TTTCTTTGTG GTTTTAATTT 180
TTTTTGTAAT TTTACATAAA ACAGTTATTT TCTATTTTNA CGCAGATAAA TATTTGTGCA 240
TAAAATGTAAA AATAGTAAA ATGAGAAAAA TAAAACTATT ATACAGTAAA 290

配列番号:2654 配列の長さ:287 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03091

配列:

GATCTGTCCT CAGCTCTGGA CCCAATTCCC CTTACTTCAT TTTGGCAAAC ACTAAGTCAA 60
ATAGTGAAAT GCCTGTCACT ACATAGAACC TATTACCTGG GGCAAATACG AACAGATTGA 120
GTTTCCTTCA TCTTGTGTAA ATATGATGAA ACAGAGACCT GGTAACTTGG TGACACTGTT 180
AAACCCTTTT NGGGATAAAG CCAAATGTAA ATGGAAACAT TAAACAGATA ANTTGTGGTG 240
TTGAGACTTT TCTGAATTGA GAAAAATAAA TGTAATTTTG GAAGAAA 287

配列番号:2655 配列の長さ:287 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03092

配列:

GATCTGACCG GCTTCAAGCT CAAGCCCTAC GTGAGCTACC TCGCCCCTNA NGAGCGAGGA 60 GACGCCCCTG ACGGCCGCC ACTCTTTCAG CGAANCNGTG GCGCCTGCCA TCGAAAAGNA 120 CTTCAAGGAC GGTACCTTCG ACCCTGACAA CCTGGAAAAG TACGGCTTCG AGCCCACACA 180 GGAGGGAAAG CTCTTCCAGC TCTACCCCAG GAACTTCCTG CGCTANTGGG CGGGGAGGG 240

GCGGCCTGCC CTCATCTCAT TTCTATTAAA CGNCTTTGCC AGCTAAA 287 配列番号:2656 配列の長さ:341 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03094 配列: GATCGTGGAG GAGGGACAAC GCTGCCACCG NTTCGNCTGC AACACGTGCC CCTACGTGCA 60 CAACATCACC CGCAAGGTAA CAAATCGGAA GTACCCAAAA CTGAAAGAAG TGGATGATGT 120 GCTTGGTGGA GCAGCTGCCT GGGAGANTGT TGACTCTACT GCAGAGTCGT GTCCCAAATG 180 CGAACATCCT CGTGCTTACT TCATGCAGCT TCAGACCCGC TCTGCAGATG AGCCGATGAC 240 CACCÎTCTAC AAGTGCTGCA ATGCTCAGTG TGGACACCGC TGGNGGGATT NGGGNCAGGT 300 NTGGCCCAGC TGCCCTNGTG TGTGCTTGCC TTGTNCCTCN N 341 配列番号:2657 配列の長さ:279 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03095 配列: GATCCACAAG GTTGTCTGCT AAACCTGCTC CTCCAAAGCC ACAGCCCAAG CCTAAAAAGG 60 CCCCTGCAAA GAAGGGAGAG AAGATACCCA AAGGGAAAAA GGGAAAAGCT GATGCTGGCA 120 AGGAGGGGAA TAACCCTGCA GAAAATGGAG ATGCCAAAAC AGACCAGGCA CAGAAAGCTG 180 AAGGTGCTGG AGTTGCCAAG TGAAGTGTGT GCATTTTTGA TAACTGTGTA CTTCTGGTGA 240 CTGTACAATT TCAAATACTA TTTTTTTATCA AGTTTTAAA 配列番号:2658 配列の長さ:279 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03096 配列: GATCTGAATG TNCAGTTCTA GCCAAGGTAG ATTTTACTTT CAACTTTTTA ATCAGTATCA 60 CTTTCTGTGC TTAACTATTT GGTGTTACCT TGTCTGTTTT CATTTGTCTA AAATNCTGTA 120 GAGATGACTA AAATTTGACA TAATGGTGTA AATGGATTGT NAAGGTAACT TTCAGTTGAN 180 GATTAANGCA AGANGCCATT TTCCCCATGA CTTTGGTTTT GTTTACATTT TNCCCTTTCA 240 GTTAGTATAC ACTACACGTA CTGTAATAAA GTNCAATAN 279

配列番号:2659 配列の長さ:274 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03097

配列:

配列番号:2660 配列の長さ:259 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03098

配列:

GATCTGCCTG CNTTGGCCTC CCAAGGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CCACCCCCAG 60
CCGCCTCTAT GCTTTTGGNT TCTTTGATAT ATCTAAACTT AAGGTCAGAA CAGAAATTCA 120
TGTGCTGAAC AGAATGGATT CTTTTTGCAG TACCAATCCA ATTGAATCCT CTTTTTATTT 180
TCCTGCGTCC TTACCAGTCA CTTTGATAGT GCTAACTAAC CTACACTATG GGGGTTATTC 240
ATGANTTAAG TATGATAAA 2559

配列番号:2661 配列の長さ:272 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HDMGS03099

配列:

GATCTGTGTT TGTAATACTG GTTGTAATTA ATTTTTTAA TTCATGAACN AGCGGAAAAT 60
TTATTAAATT AACTATTAAC CACATTCACC TTGTAAATGA CTGTATAAAA CTNGTNGACA 120
ATGCACTGAC TTTAGAAAGA TGTTAATGTG CATAANTNGA GTGTAAATAA NATAGTGTTG 180
ATGTACTGAN ATATGACCTG TATAANNNGT ATTAGTAATT GTNTATGGGG TGTACCTGTT 240
TATCTGTAAC TGTNATCCAA ACAAATNAAA TN 272

配列番号:2662 配列の長さ:270 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03100

配列:

GATCTATCTG GNNTGTGCNT TAGACTNGAT GAGAAGGTGT GAACTCTGCA GAAAGTCTCT 60
CCTTCATCAC TGAATTCAGT CACTTGGAGA TGACAACTTC AAATGCTAAC CCGATGACCC 120
CAGAAAACCG TGTGAGATTC GTACCGAAGA ACCTTGTGGA ATCCCTTTNC TTAGGCCCAA 180
CCTGGTCGAT AGCTCGAGAA AGANTNTTTN CCAAGGAAAT GTCTCGGATA TGGGTACTGT 240
ATTTGAAAGC TGTTAGCTTT GTCAACACGN 270

配列番号:2663 配列の長さ:268 配列の型:核酸

265

トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS03101 配列: GATCATGAAT CAAGCCCTGG AACAGATGAA GACAAAAGCG GATGAGTGAG TTATATAAAC 60 TTACTTCCAT TCTGTTTCGG ATTTTAAGTT TGAGAGACTT GCTAATNAAT CTCCTTTATG 120 TTGTTTTCCT TTTCATTGTT TTTGGATTGT TTTATGTTTG TCCTTTTTTT TCTTAATGTG 180 GATTTCATTG AGTTGATTTT TTGATAATCT GCAATCTGGA TAATTTGTAC TGCTAAAGTT 240 TTAATAAACT CGACATGAGA AAAACAAA 268 配列番号:2664 配列の長さ:267 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03102 配列: GATCAAAATA GTAATAAATC AACAAATAAT TTTTGATTGA CTGGTGGAAT TAGATTTACT 60 AAATAAAAAT GGCTTAAATT TTGACTGTAC TAACTATAAA TGTAATGAAT TATAATAATT 120 ATAAATGGTA TAAATGCATT CTACAATGTG ATTATTTTCT GTATTTTAGT ATATAGTATA 180 AAATGGAATT ATTGGGTTAA AGTACTTTTA TTACATTTCT TAATCCATTG TTTTTACCTA 240 ATAAAATTTC CTCCTCTATA TTCCAAA 配列番号:2665 配列の長さ:266 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03103 配列: GATCCGAATC TGTGCCCAGC GCTAAAGGCT CAGTGTTAGC ATGGCTTNNN CTGNCCGGTG 60 TGCCATATTC TTGTTGGAGA TGAACCGTAG CACCAGAGCC CATTCTTCCT TGTCAGTCTT 120 GGCCCAAAGA TGTCACCATT CCTAGTTATT TGTCACCACA TAATTGGTGT TGATTGGAAA 180 CTTTTTCTGA GATGGGACAG AACTGCTGGG TTGTCTTTTT CCATGTAACT TAAGCATAGT 240 AATATAAATA AAGTAATAGT TGGAAA 266 配列番号:2666 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03104 配列: GATCCTCCCT GTCATGCCAC ATTTCACTGA TTGGAATGTG GAAATGGAAA AGGAATTTAG 60 GATGTGCATT TTCACCTGAG GTTTCCCTGC ATCCCTGCAG TGCCAAAGCC CCACCTTCAG 120

GGACCACCTG GAATGTGTGA GGGGCTGACA GCACAGTAAC GTGCATACAT ATCTGCAGGG 180 CTGGAATGGA AGCTTTAAAG GTGGTAGTGA TTTTNATTTT GGAAGAATCA TGTTACCTTT 240

TTGTTAAATA AAATTTGTAC TCAAA

配列番号:2667 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03105

配列:

GATCCAGTGT CCATGGAAAC ATTCCCACAT GCCGTGACTC TGGACTATAT CANTATTTGG 60
AAAGCAGGGT TCCTCTGCCT GCAAACAAGC CCACGTGGAC CAGTCTGAAT GTNTTTCCTT 120
TNCACCTATG TTTTTAAGTA GTCAAACTTC AAGAAACAAT CTAAACAAGT TTCTGTTGCA 180
TATGTGTTTG TAAACTTGTA TTTTGTATTTA GTAGGCTTCT ATATTGCATT TANCTTGTTT 240
TTGTAACTCC TGATTCTCCC TTTNCGGATA CTATTGATGA ATAAAGGANT TAANGTGGAT 300
AAA

配列番号:2668 配列の長さ:263 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03106

配列:

GATCAACCAA GGCAGATGTG ACAGCAAGGG CCACGGACCC CATGGCAGGG GTGGCGTCTT 60
CATNAGGGAG GGGCCCAAAG CCCTTGTGGG CGGACCTCC CTGAGCCTGT CTGAGGGGCC 120
AGCCCTTAGT GCATTCAGGC TAAGGCCCCT GGGCAGGGAT GCCACCNCTG CTCCTTCGGA 180
GGACGTGCCC TCACCCCTCA CTGGTCCACT GGCTTGAGAC TCACCCCGTC TGCCCAGTAA 240
AAGCCTTTCT GCAGCAGCTG AAA 263

配列番号:2669 配列の長さ:258 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03108

配列:

GGGAGCTGTC TCCAGACAGC TTTNTNCTGT CCCCTGTNTT TAAGTCGGGA TTTTTACAGA 60
GGGAGCTGTC TCCAGACAGC TCATCAGGAA CCAAGCAAAG GCCAGATAGC CTGACAGATA 120
GGCTAGTGGT ATTGTGTATA TGGGCGGGAC GTGTGTGTCA TTATNATTTG AGTTATGCTG 180
TTGTTTAGGG GTAAATAACA GTAAATAATT AATAATAATA ATAATAATAN TAATAATAAN 240
GGNGCNGACG TTCTTAAA 258

配列番号:2670 配列の長さ:257 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03109

配列:

GATCCACCCG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGCCA TCACACCTGG 60 TCAACCTTTCT TTTGATTAGT GTTTTTGTGG TATATCTTTT TCCATCATGT TACTTTAAAT 120

ATATCTATAT TATTGTATTT AAAATGTGTT TCTTACAGAC TGCATGTAGT TGGGTATAAT 180
TTTNATCCAG TCTAAAAATA TCTGTCTTTT AATTGGNGTT TAGACAATTT ATATTTAATA 240
AAATGGNNGA ATTTAAA 257

配列番号:2671 配列の長さ:257 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03110

配列:

GATCAGATGT NGCTCAGAAA CTTTCATTGT TTACCTAATA ATTTAATATC ACTAGTTTCC 60
TAGTGGGTCA AGCAGATGCA AAANCCAGCT TATTTCCTCC TATGTNCTCT CAAGCTTATN 120
GCTTATTTNA AAGTAAAANC CTGAAAAAGG AAAATATTAG GTTGGTGCAA ACGTAATTNC 180
GGTTTTGCCA TTGTNGAAAT TTGCCGTTTT ATATTGGAGT ACATTCTTAA NTAAATGTGG 240
TTATGTTATA CATCAAA

配列番号:2672 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03111

配列

GATCAATTAC TGTCCTCACT TAGAACAAAG CCTGAGTCCG AGAATATTA TATTTTACCA 60
ATATATGCCT GTTACAAGAG AAGGAAATAT GAGTTATTTA AGTTTAACTT TTTTATGTGA 120
ATTCAGAGTT TATTTATCGA GGGAAATATG TACAAAGAAG CTTCAAATGG AATATTTACC 180
GACATTCCTT ATACATGACA GACACTNGGC TACATGGGAA GATGATGTTA ATAATAANNT 240
GATTTTTAAN TGGAAA 256

配列番号:2673 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03112

配列:

GATCTGGAGA GGATTAGGGA CGGCTCTTGT GGGCACATTT TNNCTCTAGT TTCATGGGTG 60
GAGATGGCAT CTCCNGTGGT CTGCAGCATG CAAGTAAAGA CACCAGGTGG CACCATTNAT 120
NAGCTTTCAA TCCCATGGAG AGGTCCCATC ATGTAACTNC CAAGAGGTTG AAGGAACCAA 180
CTACCTCTTG CATATTGTNG CTAATGGTTC TNGCCTTCTC CTTCCAGACT TGGGAAATAA 240
NTTTNAAAAT NGTAAA 256

配列番号:2674 配列の長さ:433 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03115

•		•				
配列:						
	CCTCATTTCC	ACCCTGGTTG	<i>ርምምጥር ጥር</i> ጥር ጥ	A C TTTTTCT A C	1000mma 1 ma	
		AATAAAATGT				60
		GCTTTGTTTA				
		AGTACCTTGA				
		TGCTGCTTTT				
		ATTGAGCTNG				
		AATGANTGTT				
NCNTTNANNT		AAIGANIGII	CCIGGIIICN	CGGIGGITIT	TTNANGGGNC	
MONITHMANI	TIN					433
配列番号:2	675					
配列の長さ						
配列の型:材						
トポロジー		Š	-			
クローン名		:				
配列:	. 1101111003110	,				
	446446664	ACTTTCCTCT	GCGCGGAACA	CTC+C+CCC+	40000maaaa	•
		AGTNGACGAC				60
		GCGGAACCCC				
CAAAAACAAA	TOCAGCTGAA	CCCAAACTAC	AAGIGGGIII	AAAAAAATAA	ACACCACCAC	
CHIMANOMA						250
配列番号:2	2676					
配列の長さ						
配列の型:材						
トポロジー		•				
クローン名		7				
配列:	- 1101111000111	•				
	AGATGGTCAT	TCCGGACTCC	TGACGCCCCC	ACTOCOCOCO	TCACACCTCA	60
		CTCTNTTTCC				
		ATGACAGCTC				
		ATAATTGTNT				
GGATAAN	doll and and	AIAAIIUINI	GICCAICTIC	CAGAGCAGCG	AAAAA I UUAU	247
						241
配列番号:2	677					·
配列の長さ						
配列の型:材					•	
トポロジー			•			
クローン名		2				
<b>配列:</b>	· mondayott(	,				
	ΔΤϹϹΤΩΩϹϹΛ	AAATGGTGAA	ርርርጥርጥርጥርጥ	<i>አር</i> ምል ለ ል ል ጥ ነ	CAAALAMMAA	^^
		CTGCAGTCCC				
		GGTTGCTGTG				
		ATCTGAAAAA				
ATCAN	a ranant tot	VICTAWWWW	AAAAAAN I NC	AGGUNTUCAA	UNITUGUETA	
1-4 VIII						245

245

配列番号:2678 配列の長さ:347 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03119

配列:

GATCAGCAGG GCTACCATCT CACTCTTCTG TAATTTCACA ACATTCTAAA GGAAGTAAAT 60
CACCAGATTT GCTGATGTAT CAGGGTCCAC CAGACACTGC AGAAATAATA AAAACATTAC 120
CTCAGNAATA CAGNAGGAAA CTTGTGTCTC AAGAAGAAAT GGAATTTATC CAACGTGGAG 180
GTCCTGAATA ACCATGGTGG CTGCTGTTTG TCATCAGACA NTAGAATTGT CTTTACAATA 240
AAGGNCTTCC AAAATGGCAG ATGNGAAACT GTATATTAAA CACCTTTAGT AANTANTATG 300
GANNAAGTGN NATNTAGGNN ATTTAGGTGG TCCCTNGGAT TNCCGNN 347

配列番号: 2679 配列の長さ: 242 配列の型:核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS03120

配列:

GATCTGGCCT GGAGAGGCCA TCCTATACCC CTTATTAGAG CCATGACAGC CTACAGAGTG 60
AGGTGAGGTG CTCCCACCTT CCCAGATGGT TCCTTTCTGC CCCTTCCTGG AAGGAAAGGT 120
GAGGCTGCCA ATAGCCTCCT GGCACCAGCC AGACCTCACC CTTGACCAAC CTCTCGGGGC 180
TGGGGGTTCA TTCCTGGGGC ACTGTGGCCT GGTTTTGCTT TGAAACCAAG AAAGAGCAAA 240
GN 242

配列番号:2680 配列の長さ:411 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03121

配列:

GATCCCCAAC AATGTGAAAA CGGCTGTCTG TNACATCCCA CCTCGGGGGC TAAAAATNTC 60
CGNCACCTTC ATTGGCAACA GCACGGCCAT CCAGGAGCTG TTCAAGCGCA TCTCCGAGCA 120
GTTCACGGCC ATGTTCCGGC GNAAGGCCTT CCTGCACTGG TACACGGGCG AGGGNATGGA 180
CGAGATGGAG TTCACCGAGG CCGAGAGCAN CATGAATGAC CTGGTGTCCG AGTACCAGCA 240
GTACCAGGAT GCCACAGCCG AGNAGGAGGG CGAGTTCGAG GAGGAGGCTT AGGAGGAGGT 300
TGGCCTAGAG CCTTCAANTC ACTGGGGAAA AGCAGGGGAA GCAGTGTNGA ACTCTTTAT 360
TCACTTCCNA GNCTGGTCCN NGTNGGNCTN GTTCCCACTG TGTGCAATTG N 411

配列番号:2681 配列の長さ:240 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03122

配列:

配列番号:2682 配列の長さ:237 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03123

配列:

GATCACCTGG GGACAGAGGT GAAAGGCCTG CTGGGCCTGC TGGAGGAGCT GGCCTGGAAC 60 CTGCCCCCGG GACCCTTCAG CCCCGCTCCC GACCTTNTCG GAGATGGCTT CTNAGCCCTG 120 GAGCTGGAGC CCAGCAGTTG GAGGTGGTGC ACCTGCCAGG CAGCGCCCAC AGAACCAGCC 180 CTGTCCTCTC GACTTCCTTC CTTAGCTTCA TGTGAAATAA AAGCTATTCT GGTCAAA 237

配列番号:2683 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HYMGS03124

配列:

GATCGGCATG GTCATTCACC AAGTGGAAGC CAAACCCTCT GTGTATTTCA TCAAGTTTGA 60
TGATGATTTC CATATCTATG TCTACGATTT GGTGAAAAAG TCCTAACTGT TAGGGTAAAA 120
TTTGGCACAT GTGTGGAAAC AAATGTATAA TTTGTAGACA TGCAAAAAAT GTTGCCTTC 180
AGTGTATTGA AAGCTTATGG AATCCCTGAT AACTAAACAT CTTTGCCAGC ATTAAA 236

配列番号:2684 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03125

配列:

GATCACACAT ATCCTTCCTG AGANGAGCAG TGACTAAAAT GGAATATCTT TTTAAGANCA 60 GCTCCTCTTT AACAAAAAAN CTTAAAAGAC AAATGTGAGA TGGGCTTAGA GTTAGTNCTC 120 TGGGAACTTG AAAGACATTT ATGCCATATT ATTTATNCAC GTGTTTGTNC CTGGTGGGCA 180 AGATGCCATC TGAGGCTTCA GATGAGAAAT TGGGGTAANN TGGAAATTTT NCACTN 236

配列番号: 2685 配列の長さ: 234 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS03126

配列:

GATCAATCCC TCAAGATTTT GAAATCCTGA AGAAATTGAG AAGTATGTTG CTGAAATTGA 60
AAANGAAAAA GAAGAAAACG AAAAGAAGAA ACAAAAGAAA GCATCATGAT GAATAAAATG 120
TCTTTGCTTG TAATTTTAA ATTCATATCA ATCATGGATG AGTCTCGATG TGTAGGCCTT 180
TCCATTCCAT TTATTCACAC TGAGTGTCCT ACAATAAACT TCCGTATTTT TAAA 234

配列番号:2686 配列の長さ:230 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03127

配列:

GATCTAGGCC TGGCAAGANC TCTGGCCCCA AGGCCTCCTC TTCCCAGGGG CTGCCAAGTC 60 CTGGCCCTGG CCCTGGCATA TNACCCCGNA CTGTGGGGCC AGTCACCACT AGCCTGGCTC 120 AAATATTCCC CAGGGAGACT NCTGTGTGCT GCCCGGCTNC CTGCTGGCTC TCCCCCAGNC 180 CCACATCCCN TCTNGAAGAG AATGTAAAAT AAACCTGGAC ACAAGGGAAA 230

配列番号:2687 配列の長さ:232 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03128

配列:

GATCCATGAG GTCCTAGCCC CTGGCTGCCT GGATGCNTTC CCCCTGCTCT CAGCATATNT 60
GGGGCGCCTC ANTGCCCGGC CCAAGCTCAA GGCCTTCCTG GCCTCCCCTG AGTACGTNAA 120
CCTCCCCATC AATGGCAACG GGAAACAGTG AGGGTTGGGG GGACTCTNAG CGGGAGGCAG 180
AGTTTGCTTT CCTTTCTCCA GGACCANTAA AATTTNTAAG NGAGNTACTA AA 232

配列番号:2688 配列の長さ:229 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03129

配列:

GATCACAAAA TGTNATAAAA CTTTAAATGT ATAAAACTTT ATCAAATAAA GTTTTATTTT 60 CCCCTTTAAA ATGTATTTNT TTAGAGGCAT TACTTTTTTA AAAATATTGG TCAATTNCNG 120 ACATAAGATG TGAGGTTCAC AGTTGTATTC CAGTATTCAA GATAGATTCC TGATTTTCCA 180 ATTAGGAAAA GTAAAATCCA AAATGTTAGC AAAACAAAGT GCAATATTN 229

配列番号:2689 配列の長さ:223 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03131

配列:

GATCCCATGC CCAGGTGTCC AGCAGACCTC AAGGCAGAAG GGTCACCTAA CCCAGGAGTC 60

CACAGACTGA TGTGACCTCA GGTTCCCACA TCANTGGCCA CAGGGCAGGG CCCACCTGGT 120 AGAAGTTTTC TGGATATGGC CAGGGTGGGT GTNTGGCTAA NTGGGCCTGA ACAGAGGGAA 180 CCTAGGGCCC TTGGCCAATG TGATTAAAGC TGCCATCTTG AAA 配列番号:2690 配列の長さ:222 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03132 配列: GATCCGCCCT GGAGAAGTGA GTGGCTGAGA CCCGGGTGGG GCCCTCCTAA CCTTGGNTCT 60 GGGGGCTTCC NTTCTGGGTC TTGTCCGGGA TATGGCCTTC CTGAAGGTCT TACCTCCCCC 120 AGCGGCCCTG CACTTGACCA CCAAAGCAAT CTCTAAGCTT ATAAAGGAGA AACATGTATA 180 TATGGGGTTT TTTGGAGTAA AGGAAATTC TAAGATATTA AA 222 配列番号:2691 配列の長さ:222 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03133 GATCCACCTG CCTTGGCCTT CCAAGGTGTT GGAATTACAG GCGTGAGCAA CCGCGCCTGG 60 TCTATATGTN ATTTCAAATN AGGTGGCCTT ATAAATATAA GCAGATGGGT TTCTGGGCAA 120 AATCAAATNA TTTCTGTCTC TATTTNNTTG AGTACCAATT GTAAAANCTG AAATTAGGTT 180 GAGGAAAGTN CTTTAGAAAT AATAAAGATG TACAANTACA AA 配列番号:2692 配列の長さ:220 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03134 配列: GATCTGCCCA CCTCAGCCTC TTGAGTAGCT GGGACTACAG GTGCATACCA CCACACCTGG 60 CTAATTTTTT AATTTNATT TTTATTAAAG ACAAGGTCTC ACTATGCTGC CCAGGTTGGC 120 CTCCCAAAGT GTTGGGATTA CAAGTGTGAG TCACCGTGCC TGGTCCCATG TACTTGANGT 180 CATCACTANC AAAATGTATA GATATTGTAT AATGGCAACN

配列番号:2693 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03135

配列:

GATCTTTAAT AAAAATTTGA TATGAAAAGC ACAATGTGCA GANGTTATGG AAAACCTATA 60 GAGGATTACA ACAGGTAAAC GTTAAAGAGA ATACATTGCT GACTTATAGT GATGTGGCTA 120

AGANGTACAT GCTTTGTTGT AAAATTNCTT GAAAGCCCAT TGAAAGATGT ATCTGTTTAT 180 TTACAGTCTT TGAAGTAAAA GTTACCAATG TTTGCCAAA 配列番号:2694 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03136 配列: GATCTNGCCC CTGCGCTCTN GCCTGGGTGA CAGAGCAAGA NTCTATCTNA AAAATGTTTT 60 TAAAAAATAC TTCCTAGGGA AACACACATT TNGCCCTATT TGGAACTTTG AAAAGTGAGC 120 CCTCCTCTGC CCATGGGCCG TGCTGCTCAG CCTGCCATAC TCGCTTGCTT TGCTGTTTGG 180 NATTTGCCTC CAGAATAAAG GTCCTTTTTG TTGTTGAAA 219 配列番号:2695 配列の長さ:224 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03138 配列: GATCCTAATC CCTTCCTCTC CCATTCACCC TGTGTAACAG NACCCCAAGG ACCTGCCTCC 60 CCGGAAGTGC CTTAACCTAG AGGGTCGGGG AGGAGGTTGT GTCACTGACT CAGGCTGCTC 120 CTTCTCTAGT TTCCCCTCTC ATCTGACCTT AGTTTGCTGC CATNAGTCTA GTGGTTTCGT 180 GGTTTCGTCT ATTTATTAAA AAATATTTGA GANCAAAAAA CAAA 224 配列番号:2696 配列の長さ:216 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03139 配列: GATCAAAGTC TTAAGTGTGT TTGCAGCTCA AAAATAAAGA TGTATTAAGG AGGGGAAAAC 60 CTGGTCTAAG TGCAAGGCAC ACTTACAGCG AGTTTTACTT TCGGTTGTAT TTTCTTTGTA 120 TATNATAAAC ATTTATTTAA CTTGTTGCCG TTTGAAGTAA AAAATTTCCA AAATGTATGC 180 TCAACAATAA TCATTAAAAT GTTTTCAGCG TACAAA 216 配列番号:2697 配列の長さ:216 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS03140 配列:

GATCAAATTG TGTTTAGTAT CACTATCTTC TCTCCTCGTT TCTCTCTTAC TCCTCATCCT 60 CCCAGAATCT ACCAGTTTAT GGTAGAAAGA TGGGAACCTT ATTTGAATGT GTTTTTTTTT 120 TCCATGATGT CCAATTTTGT NGTGGGAAAG GATTTGGATA AAANTTTNGT TTAAATTTNG 180

GTAGNTTTTN ATCTNTACAA	NTTTAANTAA	AATNAN			216
配列番号:2698					
配列の長さ:216					
配列の型:核酸				•	
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUNGS0314	1				
配列:			•		
GATCTCAAAA GTATTCCTCA	GGGTAGTCTC	CATTCCTGTC	ATTTTNCCTC	CTATTCATGA	60
GACGGAAAAA TTATGACCAT	GGTACAGAGT	TGTATCAAGG	AAATGAAGAA	CTAGAACATT	
GAATTGAAAG GTTTTGAAAG	GGTTCACAAT	TTCTTTTCAT	TTNCTATTAA	TGTCTTCTTT	180
TAAATNCTCT TAAGAATAAA	ACTTTTTCT	AATAA			216
ş.	-				
配列番号:2699	,š				
配列の長さ:211					•
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS03142	2				
配列:					
GATCAGCAAA CAGGAATACG					
AAACACTTTC CTGCTCCTCT	CTGTCTCTAG	CACACAACTG	TGAATGTCCT	GTGGAATTAT	120
GCCTTCAGTT CTTTTCCAAA	TCATTCCTAG	CCAAAGCTCT			
TTTAATAAAT CTGAAATAGG	CTACTGGTAA	A			211
配列番号:2700					
配列の長さ:236					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS03145	5				
配列:					
GATCACGAAC ANTAGCTTGC					60
TTTTCAATNT CTTATTTCTG					
AGTATAAACT TTCTGNACAG	TTTTNCTNAT	AGTCTAATAA	GTAAAAAGTG	TCCNNCAAAT	180
TATGATAATT GCCTATGGTA	CATGGATAAN	TTAANGCACT	GCACACGGTG	TAAANN	236
配列番号:2701					
配列の長さ:206				•	
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS03146	3				
配列:					
GATCCATTTC TNACACACAC	TGCCAGAGAT	ACTCTAGGCA	TGTAAAGCAC	AAACATACAT	60
			- a rithing OUC	INDIVIDUE	UU

206

ATAAAANCTG CGGGCTTCAA AAAATATAAG TAGGATGTCA TCTATACTGT CATACACTTT 120 GTTTTTTATC ACTTACTTAA TGTTATATCT NGGATATTGT ATTACCCTGG GTATTAAAAN 180

GAACTCCTTT CACATTTTAA AATAAA

配列番号:2702 配列の長さ:206 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03147

配列:

GATCTAAAAC TGGGGTTTGG GGGAGGGTTT CANCCTCTCC CCACTCCNCT TGCCCCACAC 60
CCTTTACTCC CCAGCCCAGA GAGACGCTGC TTTTACCAGG AAAGACTATT GAAAGATGTT 120
TTATATTATT TTNCTCTGAC CTTTCCATCC TTGAAAAAAT GGGGAAAAAA GAAGAAAAAA 180
GACAAAAATCG ACCATAAAAG ACCAAA 206

配列番号:2703 配列の長さ:205 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03148

配列:

GATCTTGTTA ATGCATTTTT GATGGGAAGA AAAGGTACAT GTTTACAAAG AGGTTTTATG 60
AAAAGAATAA AAATTGACTT CTTGCTTGTA CATATAGGNG CAATACTATT ATATTATGTA 120
GTCCGTTAAC ACTACTTAAA AGTTTAGGGT TTTCTCTTGG TTGTAGAGTG GCCCAGAATT 180
GCATTCTGAA TGAATAAAGG TTAAA 205

配列番号:2704 配列の長さ:203 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03149

配列:

GATCCTGAGG CTTTGATGCT ATTTTNTTAA TCCAGCTGGT CTGTGGAGAA GCCTGGGACA 60
GAAAGAAGCA GCCAGACTCC AGAATCCCCC ATTTTAATAG CTATNNNATG CTATGTCCCC 120
GTCTTATTCC TGGCAACTTA CCTCTCAGCT CGTGCACTGT GACATTACAG CAAGAAGTAC 180
TAATATAAAT GACACAAANG AAA 203

配列番号:2705 配列の長さ:203 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03150

配列:

GATCTGAAAA AAATACGGTT GAAAGTGGTG CAGGTAATTA CAATGTGTAG GCAAACCAGA 60
AAACCATGGC TTTAACCAGC AGCTTTTGTN AGAAATNATT TCTCCAATGA NTGTAGAAAC 120
GTTTGCNGCT GAATTGTGAC CTTNCCATTT NACCTGCTTT TCCTGCAAAG TATATTNNC 180
AGACCCAGGC AGTGCTGCTC GCN 203

配列番号:2706 配列の長さ:198 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03151

配列:

GATCCAATGC TAAACTCCAA TGGTTCAGTG ACTGTGGTTG CTCTTCTTCA AGGCAGCTGA 60
TACCTGTGCA TACTGCAGGC ATCTAAATTA GAAGACCTGC GAGTAAAACT GAAGAAAGAA 120
GGATATTCTA ATATTTNTNA TATNGTTGTT AATCATCAAG GNATCTNTTC TCGATTAAAA 180
TNCACACATC TTANGAAA 198

配列番号:2707 配列の長さ:201 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03152

配列:

GATCCATAAT TCCTATTCAA TGAACATCAT TGTTGGTGGC TGAATACATT TTGGAAGAGA 60
GTTTTTCATC TTAGAGATTG GTGAACAAGT GTGAGGGTGT GAGAAACTCA CAGAATACAA 120
ATTTGCCTGT ATGTTTTGTG GGTTTTTTT TTCCCCTTCA NGATGTTTNC TATTNCTAAN 180
TTAANGTAAT TNCAAGGTAA A 201

配列番号:2708 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03153

配列:

GATCTATTAG TTTAGTGTTT ATNAAAGAAT CAAATGTATA GAATTACCAA GCATTCGTGG 60
GGAATNCTGT GTAGCAAATG TAAAACTNAC CTGCTCGGAA GAAACGTAGG ANCGCTTCAA 120
ACCCACTGTA ATGTTTGGTT TGANNTTATT TCCATTGCTT TNAGAGTGAN CTGCCTAAGN 180
GTAGGCCTTA TAATAN 196

配列番号:2709 配列の長さ:193 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03154

配列:

GATCTACAAG NATTTCTTT TAGTAGTTAT ACAAAAGANT ATTACATTTA TTGGTCTGTA 60
CAGTGTAATA AACCAGCAAT AGGGACAACA ACAAAGAGAA TCTAAGAAAG ANGACTATGC 120
CTAANTATAG GGAAAGTTTA GAGAATCATT TTTAGACAGG ACACATTTTG CAGTAGTGAA 180
TGTGGTAGGT TTN 193

配列番号:2710

配列の長さ:193 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03155 配列: GATCAGTGTT GCAACATANT GNAAAAGATG GCTACTGTGC CTTGTGTTAC TTAATCATAC 60 AGTAAGNTGA CCTGGAAATG AATGAAACTA TTACTCCTAA GANTTACATT GTATAGCCCC 120 ACAGATTAAN TTTAATTAAT TANTTCAAAA CATGTTANCC GCNACTTTCA TGTACTATGG 180 AAAAGTACAN GTN . 193 配列番号:2711 配列の長さ:192 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03156 配列: GATCTCGAAC CCTGTCTAGA AGGAATGTAT TTGTTGCTAA ATTTCGTAGC ACTGTTTACA 60 GTTTTCCTCC ATGTTATTTA TGAATTTNAT ATTCCGTGAA TGTATATNGT CTTGTAATGT 120 TGCATAATGT TCACTTTTTA TAGTGTGTCC TTTATNCTAA ACAGTAANGT GGTTTTATTN 180 CTATCACACA AA 192 配列番号:2712 配列の長さ:386 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03157 GATCCAGAAT NGAGACTGGA CCTTCCAGAC CCTGGTAATG CTGGAAACAG TTCCTCGGAG 60 TGGAGAGGTT TACACCTGCC AAGTGGAGCA TCCAAGCATG ATGAGCCCTC TNACGGTGCA 120 ATGGAGTGCA CGGTCTGAAT CTGCACAGAG CAAGATGCTG AGTGGAGTCG GGGGCTTTGT 180 GCTGGGCCTG CTCTTNCTTG GNACAGGGCT GTTCATCTAC TTCAGGANTC AGAAAGGNCA 240 CTCTGGNCTT CAGCCANCAG GACTCTTTGN GCTGAAGTGC AGGTGNCCAC GATTCAAGGG 300 ANGAACCTTC TTGNCCCANG NTTTTCAAGA TGGAAAAGCT TTCCCCAACT TTGGNTTCTT 360 NTTTNTTCCC ACCAAAGAAN CTTNAN 配列番号:2713 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03159 配列: GATCTTCCGG AAAAACTAAG CCCCTCCTTC ACCCCCGCAC ACCTGCATCC CTGCCGGAGT 60 CNTGNTGAGG CACGAACCCT GCCTCCCTAG GCCGGACCTT GTGGACGACA GCCCCACCCA 120 GTCTGTGCTC TCAGCCGCTG GCCGAAGGCC CAGCCTGCTC AGAATAAAGC ATGTCCTGCT 180 GCCGGCAAA

配列番号:2714 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03160 配列: GATCCCATAG TTTTACATTT TNCCTGTTTA TTTTGATTTT TTNCACTGCT TTATTTCTTA 60 AAGTNCTAGC ACATCTGTNA CTCCTCCACT TCCACATTTT TNCACTGCTT ACACTTACGT 120 GCAATCTTAT TCCTNGTCTG CACACACATG TGGAAAGCTA GAAATAAATG TTAAAACTNA 180 CTTTTTAAA 189 配列番号:2715 配列の長さ:187 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03162 配列: GATCAAATCT CTCCTGGCTG TAGTAACCCA GTGGAATGAA TTTGGNCATG CCCCAATGCT 60 TCTATATGCT AAGTGAAATC TGTGTCTGTA ATTTGTTGGG GGGTGGATAG GGTGGGGTCT 120 CCATCTACTT TTTGTCACCA TCATCTGAAA TGGGGAAATA TGTAAATAAA TATATCAGCA 180 AAGCAAA 187 配列番号:2716 配列の長さ:187 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS03163 配列: GATCCAAGGG CACAAGGAGA TGAGCAAGGT GTGGAACGAC CTGAGGCCCA AGCTCAGCTG 60 CCTCTTTGCG GGACCACACA GCACCCTGAC CCCACCGTGC TCCNNGNCGG AGGACGGCCT 120 GTGTCCTCAN TAGCGCCTGA GGCTGNGGTG GTGCTCCCTG CGGNCGCACT AAAACCTCTT 180 TNCNAAA 187 配列番号:2717 配列の長さ:188 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03164 配列: GATCCTCCTG TTTACCCTGT ACCTCCAATG TCTGGCACTT GTAGGTGCTC AAATATTCGT 60

TGAATGAATG AAAAATCCAT ATTGTAATTG ATGTCCTCTG GCCACATAGT TTTAAAATTA 120 GGTGATTGAT TATATGACCG AATAGAACTA TCAAATGTTT TCCTAATAAA GTCAATATTT 180

CAAACAAA

188

配列番号:2718 配列の長さ:183 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03166

配列:

GATCTGCCCC CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGNTTACAG GCATGAGCCN TCGCGCCCGG 60 CCGGATTTTT TTTTTTTTG ATTCAGCTTA TACCAGGGCT GAAAACCTCA NTTTATGTTC 120 ATGACAGTNG GGATTTTTT AAATGCCTAC ATTCTTTCTA ATAAACTGTT GGAAGACNTT 180 AAA

配列番号:2719 配列の長さ:182 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03167

配列:

GATCCAAGTG GCCCAGCAGA AACGGAATTN TNGTNAAAAT GACTGATTCT GGTGCATGTN 60
AAAGGCTCTG GGGAATNAAT ACCTGTTTGG TCCAAACTTA CTGTATCATA ATGCTGTATA 120
TGTNGAAAAC GTAATACCTG TNAATGTCCT AATGAATCAN GTTTTGCAGA AAACACCGTA 180
AA

配列番号:2720 配列の長さ:181 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03168

配列:

GATCCTCCAT TGGAGTGGCC CAATCTTTCC TCTAGGGCAA TCCTGAAAGC CCAAGGCCCT 60
TCNCAGTCTG GCCTTGGCTT CAGCTGGAGA AGGGTAACAT CAGTCATTGT CAAGGCACCN 120
CCANCCCNGA CAGACCGTGT CTCTGATAAA GGTTTTGAAG TGATAAAGTT TTAAAACTAA 180
A 181

配列番号:2721 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03169

配列:

GATCCTCACT CCACTGTCAT GTTTGAAAGA GGTATTGGTG TTCTGGAGTG GGGGTCAACC 60 CCTCCCCAGT CTCTGTGCTA AGTTCACTTG GGAGGATGGC AGTAGGAGCC AGGGCTGGCC 120 ATGGGTCCCC TACGCTTNCC NNTAGGATAT ACCCTGGAGA ATGGCAAAAT GATTTAAA 178

配列番号:2722 配列の長さ:287

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03170

配列:

GATCCTAAGG CAAAGAGGTG TTTTCCTTC TGGTTGATTC ATCCCAAAGC TTTCCCACCC 60
AGGTTTTCTC TGAAAGCTTA GCCTTAAGAG AACACGCAGA GAGTTTCCCT AGATATACTC 120
CTGCCTCCAG GTGCTGGGAC ACACCTTTGC AAAATGCTGT GGGAAGCAGG AGCTGGGGAG 180
CTGTNTTAAG TCAAAGTAGA AACCCTCCAG TNTNTGGTGT TGTGTAGAGA NTAGGNCATA 240
GGGTAAAGNG GCCAAGCTGC CTGTAGTTAG TAGAGAAGAN TGGGGAN 287

配列番号:2723 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03171

配列:

GATCACCATG ACTGCAACAT GGTTTATATT CATGCTGCCC TAGAAACTTT TGTAATTATT 60
TGTTGCAAAT TTGTGACTGT CCTTATTAAC TTTCTTTNAT GTAAGTAATT TGTAAAAGTT 120
TCTNAAAATT TTTGCTTTTG CTTATTTAAT TTTNAATAAA AGCTAAATTC CTAATAAA 178

配列番号:2724 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03172

配列:

GATCCTGGAG CCCCCGTGTC GGGGGGCGAG GGNGGGGCGG TGNCCGACGA GTTGANCTTC 60
TNAACATGAG TGTCAACTTC AGGACTTGCT TCCAAGCCCT TCCCTCTGTT GGAAATTGGG 120
TGTGCCATNN CTCCCAAGGN AGGCCCATGT GACTAATAAA AAACTGTGAA CCCTGAAA 178

配列番号: 2725 配列の長さ: 337 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS03173

配列:

GATCCTTTTG AATTTTGCAC AGCCCTAGAT ACAATCCCTT TTGATAAAAG GGTCTTTGCT 60
TCTNATTACA GGAGCACTGT GGAACGTCTG TAAATATGTT TTTATAATTC CATGTATAGT 120
TGGTGTACAC TCAAAACCTG TCCCCGGCAG CCAGTGCTCT CTGTATAGGG CCATAATGGA 180
ATTCTGAAGA AATCTTGGGG AGGGAAGGGG AGTTNGAACA AATGTCTGTT CCCTGGGAGG 240
CCAGTCCAGT GCTCAGACCT TTAGACTCAT TGTAAGTTGC CACTGTCAAC ATGGGACCAA 300
AGGTGTGTGA CTAGTCAATG AAAGTGCGGN CANATTN 337

配列番号:2726 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03175

配列:

GATCCAAAAC ACTCAATCCT CGTAAAAGGG TACAGGTCCT ATTGTATGTT AACACACGTG 60 ATGATGTGAG CCATGTGAGA TGANCAATCA CCAGTTGTTA TGTTCGAATC TCCTTTGTGT 120 TGGGCCGCTT TAATGTCAGG GTTTCACTAA ATAAATGAAT TTTCATATAC TGAACTGAAA 180

配列番号:2727 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03176

配列:

GATCTGAGCC AGGATGGGAG TGAATCCCAG GCGGAGGCCA GAGCTGGCAG CCAGCTCTGC 60 CTTTCCACTG CCGGGAGTGC TGGGGGCCCA GCCTGGCCCC CNGAAGAGAC AGCCAAGTGT 120 CGTCCACATA CTCCTCCCAG AGTGAGCTCT AACCAGGCTC ATTTGCTCTN TCCAN 175

配列番号:2728 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03177

配列:

GATCCTGTTN CCNACCTCCT TCTCCTCCCC TGTACTCCCC AGTGCCTTCC ATTGTCCTGG 60
TGGAGCTGGG GTTTCTCTCC TCCCCAGTCC CACAACACTG CCAAAAATCT GTGTATGTNC 120
CATTGGGTGG GGCAGCCCCA AGCCTCCTGG GGAGGCAGGG CAAAAACAGG TGCCN 175

配列番号:2729 配列の長さ:174 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03178

配列:

GATCAGAGGA AAGATGAGAA AGAGAACAAG CATACCTATC TNACTCCTTC CAGTGGTCTC 60
TGTTCCCTCC GTCTCCTGGA CCACGGCTAG AGTTCCCAGT TTGGCCTTTT GGGGCATTCA 120
TCCCATCTAC TTTATTTCA TCTGCTTGGG CAGTAATGTA AACAAATTAA AGGN 174

配列番号:2730 配列の長さ:271 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03179

配列:

GATCGTCTGG GAGCCCAGTG TCAAGTCTGC TGGAATGCAG GAAGTAGAAC AGAATCGCCA 60

CAGGACTGTT CTGGGGCCAG GTTCCCTTAA CTCTGTAGCC TGGCAGTCTG ACCCAAAGTT 120
GCCCTCACCC AAAGGTTCTG GCTCTTCCCT CCCTCACTTT TACTTTCCCT TCCCCCATAA 180
GTTGGAGGAT AAAATGGGTA TCAATGNTAA TNTTTCCAGG GNGNCCATGN NNACCAGCGG 240
TTTCTNNCTN TCTCTGTAAT CTGCTATGNA N 271

配列番号:2731 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03180

配列:

GATCTNCGGN CTGTCGTTAG CAGGCTTAAT NAAGAACACT TCTCAACAGT TTCCTTTTN 60
TNTTCCTTTA TAATTCACTA AAATAAAGCA TCTATTAGTG TCTGATTTAG GAATGTAAAA 120
TAATTCTNTA TTAATGTAAA TAAGÄTTATC TATTGCAAAA NGATATTCA ANCCTAAA 178

配列番号: 2732 配列の長さ: 172 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS03181

配列:

GATCTTACCA AAGAGGTCAA CACATGGGAC CTTTGTGTCA CATGAACCAT TTTTTTTCCT 60 CTTCTATTAA GTGTATTTNT GTTTAAGNTA CAGTTCTCTA AGAGAATTAC AATGTTTGTC 120 CCATTTCTAA GGGCTTCTNT TCAACTCTAA TAACAGCATT ATTCACGTTA AA 172

配列番号:2733 配列の長さ:170 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03182

配列:

GATCAGGAAA CGGCAACAAG CCTCCCAGTA CTGACCTGAA AACTTGTGAC AAGAAGAACA 60 CCAACAAGTG CTCCCTGGGC TGAGGACCCT TTNTTGCCTC CCCACCCCGG AAGCTGNACC 120 TGAGGGAGAC AACGGCAGAG GGAGTNAGCA GGGGAGAAAT AGCAGAGGGN 170

配列番号:2734 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03183

配列:

GATCTGGATT TATGTATTTG TNAGATACAT ACGAATTGTT AAAATGGAAT GCAAGTTTTT 60
CAAAAGCCCA GGTCTAAATG TAATGGTTGG TTTATNGTNC TATAACCCCA GCCCATCATT 120
TCCTGTGTAA ATCATAAACA ATAAACAGAA TATACTCGGT GGCCATTTCT AATAAA 176

配列番号:2735
配列の長さ:163
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS0318
#1 #d .

配列

GATCCGCCCA CCTNGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTGCAG GCGTGAGCAN CCGCACCCGG 60 CCTCCTGAAT TAACATTTTC TAAAGATGCC TCCGGCGTGC TATCCTGAAA GCTGCCAGAG 120 GTGTCTTGGC TGCATTGGTG GTAATAAAAT TCATACTCAT AAA 163

配列番号:2736 配列の長さ:162 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03186

配列:

GATCTCAACT ATGTNCCACT AAAGGCACAG GAATGGAAAA CTGAGAAAAG ATTTATTGGC 60 CTCACCAATT CCTTTGGTTT TGGTGGTACT AATGCAACAC TTTGTATTGC TGGNCTGTAG 120 AACATATANT TNGTAATNAA ATACTGATTT TNAAATGTTA AA 162

配列番号:2737 配列の長さ:160 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03187

配列:

GATCCTGCCA CCCTGTAGCG CCAGTNTAAT CCCCCAGGAG AACATCTTTG ACACTCTGCA 60 GACTGCTAGT GTTCTGTCTA AAAACCAGAC AAGGAAATAC CCTTCTTTTA TGAGCAGAAG 120 GAAACAAAAA AAAAANGAG GCCCNTTTNC CTGGANGAAA 160

配列番号:2738 配列の長さ:159 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03188

配列:

GATCTGCCTT ATTGCATATN CCATGCATCA GATAATGGAT GCATCAGATA ATGGNGTTAG 60
ACAAAGCTTC ATTGTGAACA ACCTAATGCA TTTNNGAGAA ACANTCTCAT CACATTTTC 120
CTAGCCTTNC CTACATTTAA NCTTGCTGTT GCCCAAATN 159

配列番号:2739 配列の長さ:157 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03189

配列:						
GATCAGANGT 1	TTCACTTGTT	TCTCAGTTAT	TGGATATGTA	TCTTTGTGTA	CATATCTTTG	60
CAAAANTGGA 1	<b>CAAGTACAAA</b>	NCTTGATGTA	AATNGTACCA	ATGANTATGT	AAACATACAG	120
TGACANCATT A	<b>AAACTTAGAA</b>	AAGTTTTAAA	ACTTAAA			157
		,				10
配列番号:27	740					
配列の長さ:						
配列の型:核	. — -					
トポロジー:						
クローン名:	HUMGS0319	)				
配列:						
GATCCACTGG A	LATTAGCCAA	TACACTATAT	AACAATACTA	TTAAAGTATT	TTTTCCTGGA	60
ATATAATTGG T	TATATGTCTT	CCACTTTCCA	TCATGTATGT	AAAATTTCAT	AGTAAAACTT	120
CCTGATAGTT T	CAATAAAGA	AATNATCTGC	AAA			153
和期安皇。05	7.4.4					
配列番号:27 配列の長さ:						
配列の投合:						
トポロジー:						
クローン名:		)				
シロ シロ・ 配列:	110110303192	•				
GATCTINAAT G	<b>ም</b> ቸተርር ል ል ል	TCCCTCTAAC	ACT ACT COLL	M. 1. M. C. 1. C. 1. C. C. C. C. C. C. C. C. C. C. C. C. C.	<b></b>	
ACAACGAAAC T	<b>ግፕ</b> ቦቦቦተተርተ	GCAGAGGACC	AGIACIGCAA CATTTCCCTC	TAATCACAGC	TCTGGGAAAA	60
TTNAGACATT A	AAATATGGT	ATNONNANCO	MATTICCCIR	CICIATATAA	GCAACATATT	
	00011111441	AIRCHMANCC	n			151
配列番号:27	42					
配列の長さ:						
配列の型:核	酸					
トポロジー:	直鎖状					
クローン名:	HUNGS03193	3				
配列:						
GATCTTNCTN A	TCCAAGCAA	TAACGGGACG	AGGGAGCCAG	GGCCAAGGAC	ACTCAGGGAC	60
ACTGTTGGGG C	AGCGGCCCC	ACATGGTAAT	GTTTTNTTTA	GAGAGAAGAA	AAAACAACTG	120
GCTGTAAACG T	AAATNATAT	TTNTTGGAAA				150
配列番号:27					•	
配列の長さ:						
配列の型:核						
トポロジー:	-					
クローン名:	HUMGS03194					
配列: Classoanumum m	(N) (A B B C					
GATCGTNTTT T	TNUTTGTTA	AATAATTAAA	ANTCATCTTA	AAATTCATAC	TTTGACTTTA	60
ATTTAGACAC A	AGGAGATGT	AATCNCTGTG	TAACATCAGA	GAAAGCTATA	TGGATTATNG	120
TCAGANGTAA A	TGTTTCTAA	CATTGACAAA				150

150

配列番号: 2744 配列の長さ: 149 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS03195

配列:

GATCGAGTTG GCCGAGGATG GATGATTNTG NGCAGCAGAA GCCGTTGCAG CCCCACGTTG 60
TGCTCTAGGC AGGGACCTTT GGCCCCTTTG GGGAGGGAGA GACAGACGGG CGGTTTGACT 120
TGGACACAAA GAAAGCCTTG GTTTCTAAA 149

配列番号:2745 配列の長さ:145 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03196

配列:

GATCCCAGGT CTGGGGATGG GGGACACCTT NGGCCACAGG ATACTGGTTG CTTCAGGGGT 60
ACCCATGCCC NCTGCCCTNG CCTGGAATCA GTGTTACTGC ATCTGATTAA ATGTCTCCAG 120
AAATAAAGAA TAATTCTGCC AGAAA 145

配列番号: 2746 配列の長さ: 143 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS03197

配列:

GATCACTCNT AGAGTNGCCA TTCTGCANCT TCCTAAAAAT ATTTTAAAAA TACATTTATT 60
TTACTAAATA CTGACTACAT TTNTNTGTTA ATATTGAGCT AAATGTTAAA AAATGGCCAG 120
ATTAAAAAGAT ATCAATTTGT AAA

配列番号: 2747 配列の長さ: 142 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS03198

配列:

GATCCATAGT GTGCATGGGC AGACACATTT TGCCTCTATG TCTCTTAAAA TTTTAATTAA 60
AAATACTCTT TCCAGTAATC CTAATTTGCA CGAAGATATA ATGTCCACAT TACGTGCCTT 120
GCCTTGAAAT CTAAAAAACA AA 142

配列番号:2748 配列の長さ:142 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03200

配列:		
GATCTCACAG GACTGAGAAC TCGTTCACCT CCAAGCATTT CATGAAAAA	G CTGCTTCTTA	60
TTAATCATAC AAACTCTCAC CATGATGTGA AGAGTTTCAC AAATCTTTC	CA AAATAAAAAG	120
TAATGACTTA GAAACTGCCA AA	AL INDITINGUAL	142
配列番号: 2749		
配列の長さ:141		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状		
クローン名:HUMGS03201 配列:		
GATCTTTTCA TTTCTTACTA GCTTTTAAGA AATNAAATAC TTGCCTGAG	A TAGAAATACT	60
TTATTTTTGT AACTTTAAGG TCTAAATNAC TAAACTTCAA AGTAAGATT AATTGAGACC ATTAATCTAA A	T TNTCAGAATA	120
ANTIUMUNCE ATTANTETAN A		141
配列番号:2750		•
配列の長さ:140		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状		
クローン名:HUNGS03202		
配列:		
GATCAGAAAA AGAAAGAAGC CAAAGAGAAA GGTACCTGGG TTCAACTAN	A ACCCCACCTT	60
GAGCTGCTGG AACCTATTCC CTATGAATTC ATGGCATAAT AGGTGTTAA	A AAAAAAAAA	120
AAGGACCTCT GGGNTACAAA		140
和利果县,9751		
配列番号:2751 配列の長さ:135		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状		
クローン名: HUNGS03204		
ショーン名:Nordsboszo4 配列:		
GATCCTATTT TCNTACAACC TTTCAGTGAC ATCGTTCAGG NTTCTTTCT	T 0000 + mmm + +	40
AAAAACAAAT TTTTTTTTC TCACTTGTAA GTCACCGCCA GTNCCTAAG	I GGCCATTAA	60
GNGACTTTGA CAGGN	I NAGGCIAACG	
		135
配列番号:2752	•	
配列の長さ:134		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状	ř	
クローン名:HUMGS03205		
配列:		
GATCAGTAAT AGATNTAGAT ATACTATTTT NATATTGTAA GCAGTTACN	L ACTCAGGATT	60
AGNATTCGAA TTCATTTGAT TTAATATGTA ATAGGTAATA TTAAAANTA.	A AGATTTTATG	120
CTTTGAAACT CAAA		134

配列番号:2753
配列の長さ:133
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS03206

配列:

GATCAGACGT CGCTGAGGGG CTGTNCACCA CCATCCTCGT TCTCCAGGGT CAAGGAAGTG 60
TTTTAACATG TCGTGTTTTC GACTTGACCT TGTGGTATTT TNCTNGGCCT AGTTGTGGC 120
CATGGATATT AAA 133

配列番号:2754 配列の長さ:141 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HDMGS03207

配列:

GATCACTGTA GTTTAGTTCT GTTGACCTGT GCACCTACCC CTTGGAAATG TCTGCTGGTA 60
TTTCTAATTC CACAGGTCAT NAGATGCCTG CTTGATAATA TATAAACAAT AAAACAACT 120
TTCACTTCTT CCTATTGTAA A 141

配列番号:2755 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03208

配列:

GATCGTTATA TITNACATAA TATAAACAAA ATNACTAATG CATCTATATN CTTGGTTTCC 60
TTAAACTACA ATNAACCACA GAATGGGTGA AAATGCAGGC ATGCACGCTT GGCGTAATCA 120
TGGATGNNGC TN 132

配列番号:2756 配列の長さ:131 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03212

配列:

GATCCGNCCG CCTCAGCCTC CCTATATGTT TTAAAAATATA ANTTTATTCT TATAAAANTA 60 AATTNAANCT AGATTGAGGT AGTAATTACA ACAGTCCAGC ACATTATGGA TAATTAATAT 120 TNATATTTAT N 131

配列番号:2757 配列の長さ:136 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03213

配列: GATCTGATAT TTTA TACCGTGCCA TGGA TGTAAAAAAA AATA	GGCTGT	TGGAGACCAT TTTAGAAGTG	TTCCTGTGCC GTTGGATAAC	AGANTCACTG ATGTTAAATA	CTCTATTCCA AAATATTAAG	60 120 136
配列番号:2758 配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直載	<i>ૈ.</i> €•					
クローン名:HUM 配列:		Į.				
GATGCACCCA CCTT CCCAGAATAT AAAG ATCTNTAAA	GGCCTC ACACTT	CCAAAGTCCT TTNTAATGTG	GGGATTACAG CAATGAAAAA	GTGGGAACCA TATGTAAATA	CAGCACCTNA AANTATTTTT	60 120 129
配列番号:2759 配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直銭 クローン名:HUM	貨状	r <sup>*</sup>	·			
配列: GATCCACCGT ACCA CANNTCTGAC GGCC AGACTCCCN	GGNAGC GGTATG	AGAAATATTT TGAAGGAGAA	CTACAAAGGG CTGCAAACCT	GGCCTAGTTT CTGAAGAGTT	GGAATGAGAA ACATGCTCCA	60 120 129
配列番号:2760 配列の長さ:408 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖 クローン名:HUM 配列:	賞状					
GATCATGTTG GGAT TTTAAAGCTA TTAA ATGTTCTTAT AATG TGTAGANATC TGGA ATTTGGGAAA TTAN AGCTGTCATT TGTN TCCAAGCCCA CCAG	GGGNGT CTACCT AAGTTC CAGCAG CATTTA	ATATACTTGA GATTTCTATG ATTTCCTGGG TTCACTTTAT AAGCAGCTGT	GTACTTATTG AAATGTGTTT ATTCACTTCT TGTGAGTCTT TTTGGGGNCT	AAATGGACAG GACAAGCCAA CCAGGGATTT TGCNACATTT GTGAGAGTCC	TAATAAGCAA AATTCNNGGG TTTAAAGTTA GACTGAATTT ATGTATTATA	180 240 300
配列番号:2761 配列の長さ:128 配列の型・拡弾						

961

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03217

配列:

AGCAAA

GATCTAGGAA AGAAGGCAAC TGAAAAACCT GAAAGAAAA AAATNAAAGA TTAAAAGTAT 60 ACGATATTCT ATTTTGATTT AGCAATTACT TGTTTNCNAG TGTNCTGTNA ATTTTTGGTN 120 ACTTTAAN 128 配列番号:2762 配列の長さ:258 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03218 配列: GATCGGCAGG CTGAGGACCA GGTCCTGAGG AAGCTGGTGG ATTTGGTCAA CCAGAGAGAT 60 GCCCTCATCC GCTTCCAGGA GGAGCGCAGG CTCAGCGAGC TGGCCTTGGG GACAGGGGCC 120 CAGGÉCTAGA CGAGGGTGGG CCGTCTGCTT TCGTTCCCAC AAAGAAAGCA CCTNACCCCA 180 GCACAGTGCC ACCCNTGTTC ATCTGGGCTG NCTGGCAGAG AGCCTTGCTG TTTACAATTA 240 AAATGTTTCT GCCACAAA 配列番号: 2763 配列の長さ:128 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03219 GATCCTTGTT GGTCTAGCTA AATACTGTTA GGGGAGTGTG CCCCATCTCA TCATTTCGAA 60 GATAGCAGAG TCATAGTTGG GCACCCAGTG ATTGGGTTCA AAAATAAAGC TGGTCTGCCT 120 CTTCTAAA 128 配列番号:2764 配列の長さ:126 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03220 GATCTNCCGC TCCCTCCTG AAGGGCATGG GGCCAGGGNA GTCTGGACAG CCGCCCCCAG 60 CCTGCTGACC CCCAGCTTTC TACAGACACC ANATTTGTAA ATAAAGTTGG GGAATGGACA 120 GCCAAA 126 配列番号:2765 配列の長さ:126 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03221

GATCTTTTTA GGCCTTCATT TTATGTTTTT CCTTAACTGT TATATTATNA TTGTAACATA 60 GATTATACTA CTACTAATTN NTGGATGTNT CAAAAGGTCA AGAAGTAAAA NATGTTAGAA 120

配列番号: 2766 配列の長さ: 125 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS03222

配列:

GATCTCTGCA CAGTTTCTTG TTTAGTCTTA TGCCTTTTAG TTGAAAAACA AATTGTATTT 60
TTTTCCTNCT AAGTTTCATG GCCCTAGAGA AGAAGCCAAT NTNNNTAAAG ATGTTATCCC 120
NGAAA 125

配列番号: 2767 配列の長さ: 124 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS03223

配列:

GATCCTGGTT TCAATGACGG TTGGAAATAG AAATTNCCAG AGAAGAGAGT ATTGGGTAGA 60
TATTTTTCCT GAATACAAAG TGATGTGTTT AAATACTGCA ATTAAAGTGA TACTGAAACA 120
CAAA 124

配列番号:2768 配列の長さ:131 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03224

配列:

GATCACTTAG CAACATGCTT GGNAATTTGG NATCTNTAAA GGTAGGAGAG TGGTGAACAG 60 ATAATCTATG CATATATNAC TAGTGCCAAG ACATAAAGCG GGGGAAAATA TATTTTANCC 120 CAAACATTAA A 131

配列番号:2769 配列の長さ:123 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03225

配列:

GATCAATTAC CTAACTGTTC CTTGGTCTAT TTATGTATAA GAATGCTTTT TAAAGCACAT 60 GTCTCATTTT AAATNACGCA CAAACTGAAG ATGTTAATAA AATTTAAGAG TAATACAATG 120 AAA 123

配列番号:2770 配列の長さ:388 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS03227

配列:

GATCCATTTG TCTGGCAGGA GGTTTTTGAT GATAAAGCAA CGCTTGCGCC AAGGCACAAT 60
AGTTGAAGNA TGGAAAGACA GCGCATATCC TGAGGAACTC AGTAGAGTCA CAGCATCTGG 120
CTTCCCTGTA ATCCTTTCTN CTCCTNGGTA CTTAGATTNG ATTAGCTATG GACAAGATTG 180
GAGGAAATAC TATAAAGTGG AACCTCTTGA TTTTGGCGGT ACTCAGAAAC AGAAACAACT 240
TTTCATTGGT GGAGAAGCTT GTCTATGGGG AGANNNTGTG GATGCAACTA ACCTCACTCC 300
AAGATTTATG GCCTCGGGCA AGTGCTGTTG GTGAGAGACT CTGGAGGTTC CAAAGATGTC 360
AGAGATATGN GATGACGCCT ATNACAGN

配列番号:2771 配列の長さ:219 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS03229

配列:

GATCGATGGA CCGTAAATAA GCTGCCATTA ACACATCTGG TTACTGCTGT AACATGACTA 60
ATAAAACCGA ACGCCTGTTC CCCTTACCCG TGTGGGGGAC ACGCAGATGA GTGAATTGGA 120
ATGTCCAGCA GAGTTACCCT CCCAATTATA TGTTCATTTT GTATATTTTT TGGTCGGGGG 180
AAAAATTGAC CTGCAGTAAA AAAACCTTTG ACCATTAAA 219

配列番号:2772 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS03230

配列:

GATCAGCACA GGAAGAGCCT TCCTAAGCAT GTGGTCCCAG GGAAGGGTGA AAAGTAGGAG 60 TTATGAACGT AATCCACCTA CTACAATGTT GAATTAAAGT TATAATCTCA TAACTTCAAA 120

配列番号:2773 配列の長さ:120 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03231

配列:

GATCCGCCCG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT TGGATTACAG GCATGAGCCA CCGCACCCAG 60 CAAGAGTTAT TTNNTTAACT TGAAATTTTC TACTAGCCCT GGTGAACTTC TGTGCTTAAA 120

配列番号:2774 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03233

配列:

GATCCAAGGT GATACAGCTG GTAACTGATG GAGATGTTGG TAGTGAAATN CATGTACTTT 60
TAGTNCTTTC TATGGAATCT AGAGGNAGAA TACATGTACA AGAATATCGA CTACCGTCN 119

配列番号:2775 配列の長さ:117 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03234

配列:

GATCCCAGCT GTGTGTCACC AGCAGCTTCC CCAGCTTCTC TGTGAGGGTC ACTGCTGCCC 60
ACTGCAGGGT CCCTGAGGTG AAGTAAACGC CGGCGCTGGG CTTGGCCAGN CGGCAAA 117

配列番号:2776 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03235

配列:

GATCATTCCC ATTTCATAGG TTTTTATTGT GGAATAGTCA ACTTAATATA GATTCACTTT 60 CAATTTGCAT GTATAANGTA ATACTCAATA AAATTTTTTC CATTNATTTT NCAAA 115

配列番号:2777 配列の長さ:217 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03236

配列:

GATCCTGGGG TTGGTCTGCT TTGTGTATGG TACTTGAAAC CACGCTGTAA TTATTGTCCT 60 GTTGCCAAAC AAAAGCCAGT CATGTAACTC TAGAAGCAGT GACTGGTGGG GCTTTCTGAC 120 AGTTCCATGC TGATGTATCA GGCCATCTGT GTCATGCTTA TGTATTATGG CAAGAAGAGG 180 AAAACTGGAT TAATAAATAC GTTTTNNNNN NGTTAAA 217

配列番号:2778 配列の長さ:114 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03237

配列:

GATCCTNAGC AACGAACACC TGCACTTAGA AAAAGTGGAC AGCTTCTNCC AACCACACCC 60
TACCCATGGN ACTGTATGCA ATTAACTCCT GGAAACGCCC CGTAAATNCN AGTN 114

配列番号: 2779 配列の長さ: 113 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状

クローン名:HUMGS03239

配列:

GATCCAAAAT TACCTTAAAT GGAGTTAAGT AGGCTTTGCA CTAAATGGAT ATAAAAGAGG 60 CTGTCTGGNC TNCTATGAAA TNATGATTAA AATCCTTTGT GTTGTCTTTT AAA 113

配列番号:2780 配列の長さ:359 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMG803240

配列:

GATCCTTAAA GAAGGTGTGG GGTCTTTCCC AACCTGAGGA TTTCTGAAAG GTTCACAGGT 60
TCAATATTA ATGCTTCAGA AGCATGTGAG GTTCCCAACA CTGTCAGCAA AAACCTTAGG 120
AGAAAACTTA AAANTATATG ATTACATGCG CAATACACAG CTACAGACAC ACATTCTGTT 180
GACAAGGGAA AACCTTCAAA GCATGTTTNT TTCCCTCACC ACAGCAGACC ATGCAGTACT 240
AANGCGATAT ATTNTGATT CCCCATGTAA TTCTTCGGNG GNNGGNCAGT GCAGTNCTCT 300
TTCGGAAGCT TAAGATGGCC NTGNGGCCTG NCCNNNNGGN CATATGCCCC TGAAGGGCN 359

配列番号:2781 配列の長さ:191 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03241

配列:

GATCTAGGGC AGGCTGTCTT CCAGTCCATG TGTTCTCGGT CGCCGTAGAC AGCGCTCTGG 60 CTACCACCGT GAGGCTACTT GAACTGTCAG GGGCATCTGC CTAAACCAGA ATCTTTTGTC 120 AGAAACCTTA ACCCAACAAA ACAAATCTTG AGTAGCTCAT GCCCGGCTCT TAGGAATTTT 180 GTCTGTTTAA A 191

配列番号:2782 配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03242

配列:

GATCACTCAA CAGCACTGTN ATGTATTATT TNNAATGAGG TGCCTTTTTT AACTGACCAA 60 ATGCTGCCTT GTTTGGCCCC TAANTCAATA AAATATGTTA AAATTTGTAA A 111

配列番号:2783 配列の長さ:109 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03243

配列:

GATCTAAGAA ATAGAATTAG GGAGAGTTTA CACTTACTTA CCTATATAAA AGCAGATTTT 60

CNTGGAAGAA ACCCTTTTT TTTTTTTTT TAAAANAGNA NCANCCAGN 109 配列番号:2784 配列の長さ:340 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS03244 配列: GATCCAGAAG CTGGTGGACG TCACCACGGC ACAGGTGTAA CNTCCATGTN CCGTGTGAGC 60 AGAGTCCCTA CCAACGGGCA GGTCTGCATC CGGGGAGAAT GCAGCTGCTT CTGGCGACAA 120 TCCTGCTAGT AAACACTGGT CTTCGGTGAG CAACGAACAC TCGCCTGGGN TGGGAAACTG 180 CATGCCCACT TTNTGGGAGG GGTTAGTGCA GGTGCCGTGG ACAAAGGACA ACATTTCTNT 240 GGGGCTTTTT AACTTTTATT CCTAAGACTC TAAAGGCGTT GATTTCAACC CTCCTTCACT 300 CTGGCTTCTT CAGGNAACCC ACGTGGTCTC CTGTNAGNTN 340 配列番号:2785 配列の長さ:108 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03245 配列: GATCTTTAAG ACAACAAGTT AGGTTCCTAC TGGAGTTACC TGCCAGANTG GCCTCTTAAT 60 TAACTCAGGT AATGAAGAGC TAACTGTGTT ATAATCATCT NCCNNNTN 108 配列番号:2786 配列の長さ:108 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03247 配列: GATCTGCTAA AAATGGCAAT TGTAGAATNA TGTTGTATGT AATGTACATA TGGAGAAAGA 60 ATGTATTTTN TCCATTTCCT TAATAAAATG TTATATATGG NTGCTAAA 108 配列番号:2787 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03248 配列: GATCTCTGAG GCTNCGGTCA CCACCCACAA GTTGTGGCCT TGGATACCAC ACTNCAGTTG 60 GGTGGTGATG GGGTNGTGCC TTCTAACTTT TNCCNTATCT TTACCGN

配列番号:2788 配列の長さ:125 配列の型:核酸

107

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03249 配列:

GATCAGTAAG GATGACTGGT GTTTTCTGAC TTTNACAAAA TTACTTGTTT GTTTTCATTA 60
AAAAAAAAGC ATAANCTATG TTTCTNATTA CTATTAGAAT TATTAAATTT CAAAATGAAT 120
CCAAA 125

配列番号:2789 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03251

配列:

GATCGATTCT NTGACACAAA CCCCACCAAT TGTNAATGCA AGTTTTTATT TGGCTGTATA 60
TACAATTTAA GCTATTAAAA TTTGTACAAT ATTTACAAAT NAAA 104

配列番号:2790 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMG803252

配列:

GATCATTACA TCTNAGATGT ACGTNGGTTT AGTCGGAAAG GTGGGACGAT TTGAAGGGGA 60
GGNACTTTCA GGTCATAGGC GGATTAAAAN ATGTCCTGAT TAAA 104

配列番号:2791 配列の長さ:104 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03253

配列:

GATCCAAGCT ATGANATANC CAACAGTATT CAAGANGCAA CCAGCACCAT CATGTGATAA 60
TGGTACTATG GCATATATGC AACATTAAAN TTTTAANTTA GAAA 104

配列番号:2792 配列の長さ:132 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03255

配列:

GATCCAGTCT TAATTTGAGC ATGAGAGCAA AATTTAGTCA TCTACACAAG AAGCAAAAGC 60
AAGGAATAGT TGTTGGGTTT TNGTTTTTTG GTTGTTGTNT TTTTTTGTTN GTTAGGNANG 120
ANGTGTTCCC GN 132

配列番号:2793

配列の長さ:102

配列番号:2798

配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS03257	
配列:	
GATCCAGGTG GTGTTACATG TCCATTTCAT GTTTTGGGGG CTTTTAGCCC NACAAAACAC	60
CTTCAGTAGA GCCTTGATTA AAAGGAAACC TGNAGACTCA AA	102
	102
配列番号:2794	
配列の長さ:100	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS03258	
配列:	
GATCTTCCCC TAGGGGGCCC TCTTACTCCT NCCTCTCTCC TCCTCCTTCC CCATTGCTGT	60
AAATATTTNA ACGAAATGGA AAAGAAAAAA AAAAGACAAA	100
	100
配列番号: 2795	-
配列の長さ:100	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HU/IGS03259	
配列:	
GATCACACAT CAAGACTATC TACAAAANTT TATTATATAT TTACAGNAGA AAAGCATGCA	60
TATCATTAAA CAAATAAAAT ACTTTTTATC ACAACACAAA	100
ATEL ATEL	
配列番号: 2796	
配列の長さ:98	•
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS03261 配列:	
GATCTAAATA CAAAGGATAT ACAGTCTTGA NTCTAAAATA ATTTGCTAAC TATTTTGATT	60
CTTCAGAGAG AACTACTAAT AAAAATCTAA AAGGTAAA	98
配列番号:2797	
配列の長さ:97	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS03263	
配列:	
GATCGTNCCT ATAAATAGTA GGACCAATGT TGTGATTAAC ATCATCAGGC TTGGAATGAA TTCTCTCTAA AAATAAAATN ATGTATGATT NGTTAAA	<b>6</b> 0
AND TOTAL AND TANANA IN A TOTAL AND THE TANANA	97

配列の長さ:96

配列の型:核酸	•
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUNGS03264	
配列:	
GATCACTAAA GTATATCTTT AATTCTGGGA GAAATGA	AGAT AAAAGATGTA CTTNTGACCA 6
TTGTAACANT AGCACAANTA AAGCACTTGT GCCAAA	9
配列番号:2799	
配列の長さ:93	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS03267 🕝	•
配列:	
GATCTGCTGT CTCCGTCCCT CCTGGGTCCC AGCAGCT	GTC CTGCAGCTGT CAGCAGGAGG 60
GCCTGGCTTT AATAAAGAGT GGACAAACTG AAA	93
配列番号:2800	
配列の長さ:93	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS03268	
配列:	
GATCAAGTTC GAGGAGGCAG TCATCGCTCG AAACCGG	GCC CTGGAGGGCC GCTNACCCTG 60
CCGGANATAA AGNATACAGA GAGCCCCTCC AAA	93
配列番号:2801	
配列の長さ:89	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	•
クローン名:HUNGS03271	
配列:	
GATCCATTCT TGTATTGATA GATATTTGAA TGTTTCC	AGT TTTTCCTATT ATGAATAAAA 60
CTGCTATGAA CATTCTTGTA TAAATCAAA	89
配列番号: <b>280</b> 2	·
配列の長さ:95	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS03274	
配列:	
GATCGACAGC GTCCTGGCCT AGGGTGCCGG GGCCTGA	AGG TCAGGGTCAC CCAAGCAACA 60
AAGTCCCGAG CAATGAAGTC ATCCACTCCT GCAAA	95
配列番号:2803	

配列の長さ:84	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS03279	
配列: CATCTCTACA CACAGAAGEG CAAAAGEG	
GATCTCTACA GAGAGAGTG GAAAATGCTG TATCAAGGGT GGGCTTAGCT GTGCCTTTCC	60
AATAAAGATG TGAGAAGCTT CAAA	84
配列番号:2804	
配列の長さ:79	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
AD-148 - IMMORROOM	
シローン名:NUMUSU3281 。 配列:	
GATCTTTGCC CCTGGTATGC ATTTNTGGAC TCCACTGAAT CCTGNGAAAA AAAATTAAAC	• ;
TTCCTTCTTA CTTGCCAAA	60
TIOUTIN CITUCONN	79
配列番号:2805	
配列の長さ:79	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS03282	
配列:	
GATCCTGTCA GTTCCATNAG CTATTCCTCT TTGGTTTGGC TTTTTGATAT NATTAAAATA	60
ATNITITAATI CCITITAAA	60 79
	13
配列番号:2806	
配列の長さ:77	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS03283	
配列:	
GATCAATTTT TATAAAAATC GAGACAGTTC TGTGGTTAAA TCTACAAATT AAAGGGAAAT	60
TAGAAGTTGG CGTGAAA	77
ATEUM CO. COOR	
配列番号:2807	
配列の長さ:77	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS03284	
配列:	
GATCTATTTT ATGCATATTG TTTATAAAGA CACATTTACA ATTTACTTTT AATATTAAAA	60
ATNACCATAT TATGAAA	<b>7</b> 7
配列番号:2808	

\_

配列番号:2813

配列の長さ:75 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03286 配列:	
GATCTTCAGT AAGTCTCTCA GGCTCTCTGA GCTTGTTCAT CCTTTGTTTT GAAAAAATTA CTCAACCAAT CCAAA	60 75
配列番号: 2809 配列の長さ: 74 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS03289 配列:	
GATCCCTTCA CAGCAGTAAA CCAGCTCTTT GGAACCGATT CCATCACCCC AATAAAGGAG CTCTTCACAG CAAA	60 74
配列番号:2810 配列の長さ:73 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03294 配列:	
GATCTGTTTC TTTTTTAATT TACACTTTTN CTTTCCGGTT TGCCGGAATA AACAGGACCT TTGACATTTG AAA	<b>6</b> 0 73
配列番号:2811 配列の長さ:66 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03296 配列:	
GATCCATTCT AAGACTTATT GGCTGTTTGG AAGTGATAGC AAATAAAANC CACCTTGAAC TGGAAA	60 66
配列番号:2812 配列の長さ:67 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03297 配列:	
GATCCGAGGG GGAGGGGTGG GAAGGGGAGA AAATNAAATA AAAGATAATT ACTGAACACG CCGNAAA	60 67

配列の長さ:63 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03299 配列: GATCATTGAA TTTAAGGCCC ACCCCAAGTC CAGANTGACC TCGCAAGACC CTTAACTCAC 60 AAA 63 配列番号:2814 配列の長さ:62 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03300 GATCTTTTGT ACTINITATA ACCIAATGTC AGACTAAGAA AAATAAAATA TCTGAGAGTA 60 AA 62 配列番号:2815 配列の長さ:60 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03304 配列: GATCCCTTCG AGACTAANTC TGTTACCAGT CATGAAACAT TAAAACCTAC AAGCCTTAAA 60 配列番号:2816 配列の長さ:68 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS03305 配列: GATCTTTGTC TTTTGTCATG ACAAAGCATT TATTTAATAA AGTTATGCAN TCAGTTAAAA AAANCAAA 68 配列番号:2817 配列の長さ:58 - 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

配列番号:2818 配列の長さ:58 配列の型:核酸

配列:

クローン名: HUMGS03306

58

GATCAGATTT TTTATGCCAT CCTCATTAGT TTTCCAATAC AATATAAGTT GAAACAAA

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03307

配列:

GATCTCAGAC TTCTGGCTTC CACAACTGTA ACAATAAATT TATGTCGTTT AAGCCAAA 50

配列番号:2819 配列の長さ:57 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03308

配列:

GATCCACTGG GTGAATCCTC CCGCTCAGAA CCAATAAAAT AGAATTGACC TTTTAAA 57

ni nunniiunoo iiiinna j

配列番号:2820 配列の長さ:56 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03310

配列:

GATCTGTGGT CATTGTCCCT CTGCAGAATA AAGATTGCTC AGGCCTGCCT GGCAAA

配列番号:2821 配列の長さ:59 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03311

配列:

GATCTTTGGT TTGTTTCCAG GTTTGGTTAT TATNAATAAA GTTGCTGTGA ATACTTAAA 59

配列番号: 2822 配列の長さ: 56 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGS03312

配列:

CATCTTCATT GGGGGATTGA GCAGCATTTA ATAAAGTCTA TGTTTGTATT TTGAAA 56

配列番号:2823 配列の長さ:54 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03313

配列:

GATCTAAGAA ATAAAGAGAA ATGTTTCANT TTGCATTGAA ATAGGAAAAC GAAA

54

56

WO 95/14772

PCT/JP94/01916

配列番号:2824	
配列の長さ:53	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS03315	
配列:	•
GATCATNACT GGCTTTGCGC ATCGAGGGGC CATTAAAGAG TCTACTTTTC AAA	53
配列番号: 2825	
配列の長さ:52	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS03318	
配列:	
GATCTTTTTA AAACTGCAAG TGTTGAATAC TAGAGGTTGT TAGACCNTTA AA	52
配列番号:2826	
配列の長さ:51	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS03319	
配列:	
GATCTTGCCA CTGTAGTCCA GGCTGGGCTA CGGAGAGACC CTGCCTCCAA A	51
配列番号:2827	

クローン名:HUMGS03324 配列:

配列の長さ:54 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

GATCCTTGCT GATAAATATA ACCATCAATA AAGAAGCATT CTTTTCCAAA GAAA

配列番号:2828 配列の長さ:50 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03325

配列:

GATCTCACCA CACTGCAACC TCTGGCGACA GAGCGAGACT TGGTTTCAAA

54

50

配列番号:2829 配列の長さ:50 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03326

配列:				
GATCCACCCA CTCTCTGAAA CTTCT	TTGCT AATAAAACA	T TCCTACTAAA	•	50
配列番号:2830				
配列の長さ:55				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS03331				
配列:				
GATCTTTTT TTTCCTTACA GACAC	CCATA ATAAAATAT	C ATATTAAAAT	TCAAA	55
配列番号:2831				
配列の長さ:53				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				•
クローン名:HUMGS03332				
配列:				
GATCCAGGGG GAAATGCTGG AAGTC	AATAA AACTGAGTT	T TGAGAGCTTG	AAA	53
配列番号:2832				
配列の長さ:131				
配列の型:核酸				,
トポロジー:直鎖状			•	
クローン名: HUMGS03356	•			
配列:				
GATCCACATA AAAAGAAATG TGAAG	TTTTC TTTTACTAT	C TTTTCATTTA	TCAAGCAGAG	60
ACCITIGITG GGAGGCGGTT TGGGA	GAACA CATTTCTAA	TTGAATGAAA	TGAAATCTAT	120
TTTCAGTGAA A				131
配列番号: 2833				
配列の長さ:431				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS03374				
配列:				
GATCTGCTGA TTGCATTATT TTAAT	TTGCT TTTCTGGGA/	AGCAGTTTTG	CTAAAAGCTG	60
TACAGACTTT TNCTTTTGTA CCTAG	CAGTA CTTTATATAC	TATAGCTTTG	GGCCATGTAG	120
CATTTTAAGA CTCAATTTTA AAAAA				
AATATGTGTT TCCTTGAAGA ATTCA	JUATA CAACTTCTT(	TGTATGACAG	CTTTCCTTCA	240
CACACTATTT TNGTGGGTGT GTATA	IAIUT GATTTGGGAA	GAATTTAAAA	AACACATAGC	300
TTTTNAATTN GTTTGAAACA GACTT	TOTAL TOTAL	TNNGCNTTTA	NCCAATTAAA	360
GAAGCCAATG GCATTTTNGG TNTTA: GTTTGTGCCC N	IAING TGTTTTCCAC	TAGTATATCC	CTGTGGATTT	
ATTIGIOUCE M				431

配列番号:2834

配列の長さ:429 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03375 配列:

GATCCCATGG GTGGCACATT GGGACTTCTN TCCCTCCCC ATCTACACAG AAGACTGTCA 60
CCATGCTGAC AGAAGCCTGT CCTTGTAAGG CCCAGCCTTC CAGGGGAACA CTCAGACATG 120
TTCATTCTCT TCCTGCTTCT GCTCTGGGCC GGTGGGTGGC TCTCAGAAAA TACTTGCTGC 180
TGGCAAAAGG CCTGTACTCA GGCATTTGCT TTGACTTGAT GTTGCCAAGG GACTGAGGCC 240
ATTGGCAGGC TTAGTACCAC CTGCTCCTCA TCTTAGGAGT CTCCTTTTCA AATAATTAGG 300
CTCTGTTCCC ATTTTAAAAC TCTGATATTG GGCTTCACCT GTGACTGGAC ACTTTACTAG 360
AGGCCCATTT NCACTAAACA NTAAAATCTA AATAAATTGG AAGGAATAAC AACNACAAAG 420
GGNTAGAAA

配列番号:2835 配列の長さ:427 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03376

配列:

配列番号:2836 配列の長さ:416 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03377

配列:

GATCCTGATG CTGCCAGAGC CATTGTGGAT GCTTTACCAC CACCCTGTGA ATCTGCCTGC 60
ACAGTACCAA CAGACGTGGA TAAGTGGTTC CATCACCAGA AAAACTAATG AGATTTCTCT 120
GGAATACANG CTGATATTGC TACATCGTGT TCATCTGGAT GTATTAGAAG TAAAAGTAGT 180
AGCTTTTCAA AGCTTTAAAT TTGTAGAACT CATCTAACTA AAGTAAATTC TGCTGTGACT 240
AATCCAATAT ACTCAGAATG TTATCCATCT AAAGCATTTT TCATATCTCA ACTAAGATAA 300
CTTTTAGCAC ATGCTTAAAT ATCAAAGCAG TTGTCATTTG GAAGTCACTT GTGAATAGAT 360
GTGCAAGGGG GNGCACATAT TGGNTGTATA TGTTTNCCNT ATGTTAGGGG ATAAAN 416

配列番号:2837 配列の長さ:398 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMG803378

配列

GATCAAAGAT GAGGCCACAA GGACACCAGC AACTGAAGAG GCTGCCTACT TGGTATCAAG 60
ACTGAAGGAG AACTACGTTT TGCTGAGCAC TGATGGCCCT GGGAGGAACA TCCTGAAGTT 120
TAAGCCCCCA ATGTGCTTCA GCCTGGACAA TGCACGGCAG GTGGTGGCAA AGCTGGATGC 180
CATTCTGACT GACATGGAAG NGAAGGTGAG AAGTTGTGAA ACGCTGAGGC TCCAGCCCTA 240
AGCCAGCCCT GCTCTGCCTA AGTGTACTCC AGAAGAAACT CATCTCATCC AAATACACGC 300
TATTGAGAAG GCGAGCCTGA CCTCCCTCTT ACAGATAAAG TCAGCTTTCA GAGGCTCAGG 360
GTGGGGGGGC CTGCCCGAGG CCATAATGCT ACCCACCN 398

配列番号:2838 配列の長さ:408 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03379

配列:

GATCGCACAC ATGCTTTGTT TGGAATATGG AGTGAACACA ATTATGTACC AAATTTAACT 60
TGGCAAACTT NCTATTGCCT GTCCCATGTG CATCTNATTT AAAATTTCCC CCATGGAAAT 120
CACTCTCCTG TTGACTATTT CCAGAGCTCT AGGTGTTTAG GCAACGTGTG GTGTCCTGAG 180
ANGGCCATAG CGCCATCATG GGCTGATTTT AATTACCAGG TCCCCCAGAA GCAGGTGGGA 240
GGCTCTGCTT CCTGCTGGCC GTTCTGCAGC CTGGACCTGT GGACCCTGGT TGTAAAGNGT 300
AAAATTGTTTT CTTANGGAAA CCAGTGTCAC CTTNTNTNAA CCTTTAAANT TTAAAAAATAN 360
TTTGGGGGAA NAAATTNCNG NNACNGGAGG GTTAAAAATTT ANCNNANN 408

配列番号:2839 配列の長さ:388 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03380

配列:

GATCCACCAG CTGAGCAGGG CGGGCTGAG TAAATGCCGG CTTACCATCT CTACCATCAT 60
CCGGTTTAGT CATCCAACAA GAAGAAATAT GAAATTCCAG CAATANGAAN TGAACAAAAG 120
ATTGGAGCTG AAGACCTAAA GTGCTTGCTT TTTGCCCGTT GACCAGATAA ATAGAACTAT 180
CTGCATTATC TATGCAGCAT GGGGTTTTTA TTATTTTNAC CTAAAGACGT CTCTTTTTGG 240
TAAATAACAAA CGTGTTTTT AAAAAAGCCT GGNTTTTCTC AATACGCCTT TAAAGGTTTT 300
TAAATTGTTT CATATCTGGT CAAGTTGAGA TTTTTTAAGA ACTTCATTTT TTAATTTNGT 360
AATAAAAGTT TTNCAACTTT GATTTAN 388

配列番号:2840 配列の長さ:80 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03381

配列:						
GATCTTGCTG	AAAGTGTTTC	TAAAGATAGC	ACCACTTTTT	TTTTNAAAGC	<b>ፐፐፐፐ ልፐ ልፐ ል</b> ፕ	60
NAAAAAACGT	ATCATGCAAA				TITIMIMIMI	80
						ου
配列番号:2	2841					
配列の長さ	: 384					
配列の型:	亥酸					
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUNGS0338	2				
配列:					•	
GATCTTGTCC	TAGCCTTTTN	ACTTTTGCAA	TTTCAGTATC	TTCATCTCTA	AACTAGGGAA	60
ACAÇINGGAT	TCTTTCTTAG	CTGTGGGGGA	AGGTATTTGG	TTAGATGACT	TTGAATGAAT	120
AGAĆTGCTGT	GCTGAAAGAG	CTTTATCACA	CTGTCTCAAA	GTATGTAAAG	ATACATAGGT	120
GGATGCTCTT	ACTGCAGCAG	TCATGAATAC	ATTTTTAGCC	ATTTACCTAA	GGAAAAAGAC	240
AGTTTTTCTA	GGTACCATGA	AGGAAGATTG	ACCCTGTTGG	TATGCCTGTG	GGGGTGGGAT	2 <b>0</b> 0
GTGAGTGGGA	CTGATAAACT	GATACTTTTG	GTTCGTATGT	ACATACTGGN	AGAATCTTCA	360
TANTAAATGN	GACTACACAA	CAAA			MUMICITON	384
						204
配列番号:2	842				÷	
配列の長さ	: 376					
配列の型:株	亥酸					
トポロジー:	:直鎖状					
クローン名:	: HUMGS0338:	3				
配列:						
GATCCAGGGC	AAGGCCATTG	GGATATTCTG	AAACTTGAAT	ATTTTGTTTT	GTGCAGAGAT	60
<b>LAAGACCTTT</b>	TCCATGCACC	CTCATACACA	GAAACCAATT	TTNTNTNTNA	TACTCAATCA	120
TTTCTAGCGC	ATGGCCTGGT	TAGAGGCTGG	TTTTTTCTCT	TTTCCTTTGG	TCCTTCAAAG	180
CTTGTAGTT	TTGGCTAGTC	CTTGTTCTTT	<b>GGAAATACAC</b>	AGTGCTGACC	AGNCAGCCTC	240
CCCTGTCCC	CTCTATGACC	TCGCCCTCCA	CAAATGGGAA	AACCAGACTA	CTTGGGAGCA	300
CGCCTGTGA	AATACCAACC	TGAAGACACC	GTTCATTCAG	GCAACGNACA	TAACAGNAAA	360
rgaaggtgga	CANGCN					376
						010
配列番号:2	843					
配列の長さ:	370	•				
配列の型:材						
トポロジー:	直鎖状					
クローン名:	HUMGS03384	Į.				
記列:						
ATCCCAAAC	CTAGCCCCCT	AGTGGGACAA	GGACCTGACC	CTCCTGCCCG	CATACACAAC	60
CATTTCCCC	TGGTGAGCCA	CTTGGCAGCA	TATGTAGGTA	CCAGCTCAAC	CCCACGCAAG	120
TCCTGAGCT	GAACATGGAG	CAAGGGGAGG	GTGACTTCTC	TCCACATAGG	GAGGGCTTAG	180
GCTCACAGC	CTTGGGAAGT	GAGACTAGAA	GAGGGGAGCA	GAAAGGGACC	TTGAGTAGAC	240
AAGGCCACA (	CACATCATTG	TCATTACTGT	TTTAATTGTC	TGGCTTCTCT	CTGGACTGGG	300
GCTCAGTGA (	GGATTCTGAC	CAGTGACTTA	CACAAAAGGC	GCTCTATACA	TATTATAATA	360
ATTCGCTTN				TOINING		370
•						310

配列番号:2844 配列の長さ:367 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03385

配列:

GATCTGTCAT CTGGTGCTGC CAGCTGTGCT CACTCTGGTT TTCTGCTCAG GGTCTGAAGC 60 AGCTGCTGTC TNCCTCCTCT GCCCCCATCC CCTGGCTCTC CCCTGGGCAC AGTGCCACTC 120 CCTTGGAAGG GAGGGAACCA CCCGTNAGCC CCAGGGCTTG GNAAGCCTGA GGCGGTGNCT 180 CTGCCTCTCC CTGCCCCCAG CACAATTGGC AGAGATGAGG CGGGTGGTGG ACGGCTGGGG 240 GTGTCGTGGC AGGGTCTNGC ACAGGGNCAT GTCCTGGCTG TAACCCAGGC AGTGGGAGGT 300 CTGCAAGCCT GGTCATGGCC TTCACAGCAN GGTNCCTGTT GGACAGACAT ATCTGNATAT 360 TTATNAA 367-

配列番号:2845 配列の長さ:366 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03386

配列:

GATCTCCAAC ACTATCCGAT AAAGTAGAAG CAACTGAGGT ACCGTGAAAG AGAAAGGAGC 60 TGGAACTGAG AAAAAGCAGA GGATTCGGAC GGAGAGCGCG AGGACTCGGC GGCTGAGCGC 120 GCCCGACAGC AGCTAGAGGC GCTGCTCAAC AAGACTATGC GCATTCGCAT GACAGATGGA 180 CGGACACTGG TCGGCTGCTT CCTCTGCACT GACCGTGACT GCAATGTCAT CCTGGGCTCG 240 GCGCAGGAGT TCCTCAAGCC GTCGGATTCC TTCTCTGCCG GGGAGCCCCG TGTGCTGGGC 300 CTGGCCATGG TACCCGGACA CCACATCGTT TCCATTGAGG TGCAGAGGGA GAGTCTGACC 360 GGGCCN 366

配列番号:2846 配列の長さ:365 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03387

GATCCCCCCA AGGNGAAGTG TGAGACAATG GTCTATCACC CCAACATTGA CCTCGAGGGC 60 AACGTCTGCN TCAACATCCT CAGAGAGGAC TGGAAGCCAG TCCTTACGAT AAACTCCATA 120 ATTNATGGCC TGCAGTATCT TTNCTTGGAG CCCAACCCCG AGGACCCACT NAACAAGGAG 180 GCCGCAGAGG TCCTGCAGAA CAACCGGCGG CTGTTTGAGC AGAACGTGCA GCGCTCCATG 240 CGGGGTGGCT ACATCGGCTN NACCTACTTT NAGCGCTGCC TGAAATAGGG TTGGCGCATA 300 CCCACCCNNG GCCACGGCCA CAAGCCCTGG GCATCCCCTG CAAATANTTN TTGGGGGGCC 360 **ATGGN** 365

配列番号:2847 配列の長さ:364 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03388

配列:

GATCTAGAGT ATGTTGAAGA AGATGGACAT GTGGTGGTAC GAAAACAATT CCCCTGTGGC 60
CTGCTGGACT GGGTGGAACC AGAACAGGCT AAGGCATACA GTTCTTGACT TTGGACAATC 120
CAAGAGTGAA CCAGAATGCA GTTTTCCTTG AGATACCTGT TTTAAAAAGGT TTTTCAGACA 180
ATTTTGCAGA AAGGTGCATT GATTCTNAAA TTCTCTCTGT TGAGAGCATT TCAGCCAGAG 240
GACTTTGGAA CTGTGAATAT ACTTCCTGAA GGGGAGGAG AAGGGAGGAA GCTCCCATGT 300
TGTTTAAAAGG CTGTAATTGG AGCAGCTTTT GGCTGCTAA CTGTGAACTA TGGCCATATA 360
TAAN

配列番号:2848 配列の長さ:363 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03389

配列。

GATCTGGGGA GGCAGGCATT CCTGAAGGGA ACTAGAGGTG TTACAGAGGA CCCTTACGTG 60
AGAAATAGCT GAAAAGGGCA CTCGCAACCC TGGGCTGGGG AGGAGGAGAG AGTCCCAGAG 120
CTCATCCCCC CTGCTGCCCA GTGCAAACCA CTTNTCCATG CTGCAAAGGA GAAGCACAGC 180
TCCTGCCAGG GTGAGCAGGG TCAAGCCTCT TATTCCAGGA GAAGGGGGCT CTGCCCAGGC 240
CCTACTACCN ATTGTNCCCT TCCTCTTCCT GCCCTTGGAA CCCCCTNCCT GTCCCAGGGC 300
CCTTCNAGCC CATTGCTGCC AAGGTGGAGG GANGGATAAA GNCACTTCTG GGTTTTGAAG 360
CCN 363

配列番号:2849 配列の長さ:361 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03390

配列:

GATCTGGGTG TGGCCAAAAA CAATTTNTT TATTCTGTCT ATCAAATAGT ACTTCTACCA 60
CTGTTTGGAG AAAATTGAAG AAAAGAATAA GATGATTAAA TGAATTCTC AAAAGAACAT 120
ATTTTAAGAG ACAGAACTTA GACATAACCA AGTAGTTGTA TACCTGATTG TAACAATCAT 180
CTTTTATAAA AGCAAAATTA TGCATAAATG TAAAACACCC CTAAACAAAG GGAACAAATG 240
ANTTTTTGGT TATATTGTTT TCTTGGCTCA AAGTATCAAT TTATTATTAT AATAGAAATT 300
TATAAGTTGC TAGAAAGTCT ATATTTTTAA CGCACGGAAT AAAANTATGT TTTCTATTAA 360
A 361

配列番号:2850 配列の長さ:355 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03391

配列:							
GATCTGTCTC	CAAGACCTTG	GCCTCTCCTT	GGAGGACCTT	TAGGTCAAAN	TCCCTAGTCT	60	
CCACCTGANA	CCCTGGGAGA	NAAGTTTGAA	GCACAACTCC	CTTAAGGTCT	CCAAACCAGA	120	
CGGTGACGCC	TGCGGGACCA	TCTGGGGCAC	CTGCTTCCAC	CCGTCTCTCT	GCCCACTCGG	180	
GTCTGCAGAC	CTGGGTTCCC	ACTGAGGCCC	TTTGCAGGAT	GGAACTACGG	GGCTNGNAGG	240	
AGCTTTTGTG	TGCCTGGTAG	AAACTATTTC	TGTTCCAGTC	ACATTGGCCA	TCACTCTTGT	300	
ACTGNCTGCC	ACCGNGGAGG	ANNCTGGTGA	CAGGNCAAAG	GCAGTGGAAG	GAAAN	355	
配列番号:2	961						
配列の長さ							
配列の型:材							
トポロジー							
クローン名: HUMGS03392							
配列:							
	<b>ፐ</b> ልቦር <b>ፐል</b> ፐፐልቦ	ACAGGTGTA A	ጥ <b>ለ</b> ጥር ጥር ጥር ል ር	<b>T</b> OTAL 1 <b>T</b> 1 <b>T</b> 1 <b>T</b> 1	TGGAACTGTA	٠ ٤-	
CACTGATTAA	CATCUCACTT	TOTOTOTA	TOTTOTTA	TUTAAATAAC	TGGAACTGTA	60	
GGGTATAAAT	ATCTACAACT	ATACACACAT	ATCTMOTHOT	IGIACIGIAT	TATAGTATGT	120	
AAGAAAGACT	ATCHACHAGE	THUTTHE	AIGINCINGI	ATTUCACTAT	TGTAACCTGG	180	
AAAATNCGGC	TOTATTAGT	TOTATAMATI	TACAGGGTAG	ATTNGTGTTA	TTTAAAAAGC	240	
AGTGGCCTTA	CACCATTCTT	TAGCTNNCCG	1ALTAUTUTAT	INNGCTIONN	CACAATTCCA		
Maradoorin	UNUCKITUTI	INUCIANCE	AAGIAIAIAI	AANN		344	
配列番号:2	852						
配列の長さ:341							
配列の型:							
トポロジー	:直鎖状						
クローン名:HUNGS03393							
配列:							
GATCTATGAG	CCTGTNTNGG	ACAGCCAGAT	GGTCATCATA	GTCACGGTGG	TGTCGGTNTT	60	
GCTGTCCCTG	TTCGTNACAT	CTGTCCTGCT	CTGCTTCATC	TTCGGCCAGC	ACTTGCGCCA		
CNGCGGATGG	GCACCTACGG	GGTGCGAGCG	GCTTGGAGGA	GGCTGCCCCA	GGCCTTCCGG	180	
CCATAGCAAC	CATGANTGGC	ATGGCCACCA	CCACGGTGGT	CACTGGAACT	NAGTGTGACT	240	
CCTCAGGGTT	GAGGTCCAGC	CCTGGCTGAA	GGACTTGTNA	CAGGCAGCAG	AGACTTGGGA	300	
CATTGCCTTT	NNTAGCCCGA	NTACAAACAC	CTGGACTTAA	A		341	
配列番号:2	853						
配列の長さ:567							
配列の型:核酸							
トポロジー:							
クローン名: HUMGS03394							
配列:							
GATCTCAAGA	CCAAAGACAG	ATGTCAGTGG	GCTGCTCTGC	СССТССТСТС	<u> </u>	60	
GCAGCTGTTG							
TCCCTTGGGA							
ACCATCGAGC							
			TAGUITOUN	OVOTOTIONO	OUTOO TOOOK	410	

TACGCAAGGG GATGTGGATA CTTGGCCCAA AGTAACTGGT GGTAGGAATC TTAGAAACAN 300

GACCACTTAT ACTGTCTGTN TGAGGCAGAA GATAACAGCA GCATCTNGGN CCAGTCTCTG 360 CCTTAAANGG AAATCTTTAT TAATCACGNA TGGTTCACAG ATAAATTCTT TTTTTAAAAA 420 AANCCCANNC TCCTNGGGAT GCACANCCTG TCAAGNGTCT TTTTACACAC AANTTTCAGG 480 TTTNNCATCA CGGGGCTTTG ANTTCNAGGA AATNAAAGGN GGGACAAATT TNGTTNGTTT 540 ACNCTATGGT NCTTTNNTAA NAAACNN 567 配列番号:2854 配列の長さ:349 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03395 配列: GATCTTTACT TTTTTACTTT TTATTCATCT TTGTGTTTTT ATTTATCTAA AATGGGTATT 60 GATTTTAAGG ACGGTTTTGA AAAAGAAAAG TGTTGGGAAT GAAGCAAGTG ATTGATTGGA 120 AAACATACTG AATGGAAGAA ATATTTAGAT TAAAAATGAG GTAGGTTGAA GTTTCTNCTC 180 TGAAATNATA GATAAATGGT GAAGATAAGG CTTATTGTGA GGNTTCAGTG AGGTAATATA 240 TGCAAAGTAC TTACAATGTT CTGGCACATA GTAATTNATT NNGANAATCG AGCACCCTTA 300 ATTACCTAGA ATGCAGGGTT GTTAGTTTTT NGGTTGACTT TTGTTTTNN 349 配列番号:2855 配列の長さ:334 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03396 GATCCGCTGT ATTGTGGAGT ATCAGAACAA GGGCCGCGGG AACGAGNGCG TGCAGTACCA 60 GCATGTGTTA CATAGAAATC TCATTTATTT GGCTACCATT GCAGATGCCA GTCCAACCAG 120 CACTTCAAAA GCAATGGAAT AATCTTTCAA AAGCAATAGA ATAATCTTCC ATTTGGCTGT 180 CGTGAGGAGT AATTGAATGT AATCCATCTC TTACAAAATG GAGACAGGGT CTTTACCAAC 240 TCAACTGGTT AAAACATGAN TGAAACCTCT GTGGCTCTTT CAAAACGTGG AAAATGTGAA 300 GAANGCTACT TAACTTNGGC TGTATTCTCA TGGN 334 配列番号:2856 配列の長さ:332 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03397 配列: GATCGGCCTG CTGCTCCGCA ACTTCGACCG CTACGGCGTG GAGTGCTGAN GGACTCTGCC 60 TCCAACGTCA CCACCATCCA CACCCCGGAC ACCCAGTGAT GGGGGAGGAT GGCACAGTGG 120 TCAAGAGNAC AGACTCTAGA GACTGTCAGA GCTGACCCCA GCTAAGGCAT GGCACCGCTT 180

CTNTCCTTTC TAGGACCTCG GGGTCCCTCT GGGCCCAGTT TCCCTATCTG TAAATTGGGG 240 ACAGTAAATG TATGGGGTCG CAGGGTGTTG AGTGACAGGA GGCTGCTTAG CCACATGGGA 300

GGTGCTCAGT AAAGGAGAGC AATTCTTACA AA

332

配列番号:2857 配列の長さ:331 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03398

配列:

GATCCTGGGT GTNTNTGTAA GGGTNTTGCC AAAGGAGGTT AACATTGGAC TCANTGGGCT 60
GGGGAAAGGC AGACCACCC TTAATCTGAG TGGACACCAT CTAATCAGCT GCCAGCGAAA 120
ATAAAGCAGG CAGAAAANTG AAAAANNTAG ACTGGCCTAG CCTCCCAGCC TACATCTTN 180
TCCCATGCTG GATGCTTCCT GCCCTTGAAA ATTGGACTCC AGGTTCTTNA GTTTTGGGAC 240
TTGGACTGGC TCTCCTTCCT CCTCAGCCTG CAGACATCCT ATTGTGGGAC CTTGTGTTTC 300
TGTAAGTTCA TACTTAATAA ACTCTCCATA N 331

配列番号:2858 配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03399

配列:

GATCGAGTCT ATACGCTGAA GAAANNTGAC CCGATGGGAC AACAGACCTG CTCAGCCCAT 60
CCTGCTCGGT TCTCCCCAGA TGACAAATAC TCTCGACACC GAATCACCAT CAAGAAACGC 120
TTCAAGGTGC TCATGACCCA GCAACCGNGC CCTGTCCTNT GAGGGTCCCT TAAACTGATG 180
TCTTTTCTGC CACCTGTAC CCCTCGGAGA CTTCGTAACC AAACTNTTCG GACTGTGAGC 240
CCTNATGCCT TTTTGCCAGC CATACTTCTT TGAGCATCCA GNNTNTNGTG GCGATTTGAT 300
TATGCTTGTT GTGAGGNAAT CATGGGTNGG CNTCNNCCNT TAANGGGGTG N 351

配列番号:2859 配列の長さ:330 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03400

配列:

GATCCTGGGG GCCTGGGTTG GGGGCTAGGG AGACGCCATG TGATGGACAC TCCAGGGACA 60
CACAGCCTAG CACAGCAGCT TATAATGGGC TCTCCGGGGC CATTTGCAAT AACAGCTGCA 120
ATTCCCTGGA TAGACGAGTT GATTTCCTCC CTCTGCCCCT CCCCCAGCCA TGCCAGCTGG 180
CCTTTGTAAG TGCAGGAAAC CGAGTAGAAA ATGTGACCCT CCAAATGGAG AAGCTGCAGG 240
CTTTGCCATT GTGAACCATG GTGAAGTGCT TGGAACATAC TGTTCACTCA CTCTAAAGGN 300
GCTGAGACTG TGCTGTTGTT CTCGTTTTTN 330

配列番号:2860 配列の長さ:330 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03401

配列:

GATCTGGAAA GGACATGACT TCTGAAATAG CCGCTGCTGG GTTTTAAAAAG CTGAGGTCTC 60
TCAAAGTGTG GAGGAGACGT TGCCGTCAGN GGGAGCCAAG TGCCGGGAAG ATGTCTATTT 120
TTTTCCTTGT GTATTGAAAA TCATGATGTT TGTTATGACT GCTGATGCGA TTGTNTTTGT 180
AAATNTNATT GTGGCATATA CAGTATTGTC ATACAGTTGA AGAGAAACAA TGTTTCCTAA 240
TGTAAGTNCT CTGAAAATGT TGACACTGTA TATATATATA TNAGGATAGT TTGTNTTTCN 300
NTGTTTGGGG TTTNNNNTTN TTTCNGNTGN 330

配列番号:2861 配列の長さ:396 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03402

配列:

GATCTTAAAC CCAAAGTACG AGAAATGTTT CTGTTGAATG TAATGCTACA TGAATGCTTG 60
ATTTATCAAG CGCCAAAAAG GCATTGTATA GTAGGAAATG TAAGTGGGGT GGCTTATGGC 120
TTCTTTATCC TCTGATTCTA GCACTTTCAA GTGAGCTGTT GCGTACTGTA TCATATTGTA 180
GCTATTAGGG AAGAGAAGAA TGTTGCTTAA GAAAGAACAT CACCATTGAT TTTAAATACA 240
AGTAGCAGGG TATTGCCTTT GATTCAACTG TTTTAAGTCC TCATTTTCT CAAACTAAGT 300
GCTTGCTGTT CCCAAATATG GCAAGGNATA GCTTTTACAC TTTTTCCCTG CCAACANNTC 360
NTNGATTGGC TTTGCAGANA TNNAGGTTTG ANTTGN 396

配列番号:2862 配列の長さ:330 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03403

配列:

配列番号:2863 配列の長さ:329 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03404

配列:

GATCTTATTT TCTGAGAAAT TGATAGCAAA TATGCCAGAA AGTGGACCTA GTTATGAATT 60 CCATCTAACC AGACAAGAAA TAGTATCATT ATTCAACGCA TTTGGAAGAA TTTCTACAAG 120 TGTGAAAGAA TTAGAAAACT TCAGGAACTT GTTACAGAAT ATTCATTAAA GAAAACAAGC 180 TGATATGTGC CTGTTTCTGG ACAATGGAGG CGAAAGAGTG GAATTTCATT CAAAGGCATA 240 ATAGCAATGN CAGTCTTAAG CCAAACATTT TATATAAAGT TGCTTTTGTA AAGGAGAATT 300

ATATTGTTTT AAGTAAACNC ATTTTTAAA 329 配列番号:2864 配列の長さ:329 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03405 配列: GATCACTTCA GCTGCCTGCT GTGGACAAAG AACATCAAAT TACAGCATCA CGAGTGCTAT 60 TNTTGCCTGT GGTGGTCTCC CTGTCCAAGC GGGNCCGCTT TGCAGAGACC AGAGGCATAT 120 CGCGGCTTGA GCTGAAAATG CATTINTTGC AGCTTAGGTT GAATTATTTT NCGTTTGCTC 180 TTTCTTCTAC ACGCGCCTGA TGGATAGTGA ACCTATTCAT CAAAAAAGTG CACTGCTCTN 240 CTGTCTATTG TACCGACTTA ACCTCTTCCA CCCAAGTCCG CATCTGTGTG TATCATCAAT 300 AAAGTTGGTN GTGCCTTGGN TTGGGCAAA 配列番号:2865 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03406 配列: GATCGGCGTG ACCACCCCTT GCCGGAGGTG GCCCATGTNA AGCACCTNTT TGCCAGCCAG 60 AAGGCACTGA AGGAGAAGGA GAAGGCCTCC TGGAGCAGCC TCTCCATGGA TGAGAAAGTC 120 GAGTTGTATC GCATTAAGTT CAAGGAGAGC TTTGCTGAGA TGAACAGGGG CTCGAACGAT 180 NTGGAAGACG GTTNTNGGGC GGTNCCATGT TCTTTAATCG GTTTNAACGT GCTCGTTNCC 240 CCTNTGGAAA AAGGNCTTNT GTTTACCGGC CCCCTTCCCG AAAAGTTTTN ACAAAANGGT 300 GGGGTTGCCC AAGNAGGCCC AANAGGNN 328 配列番号:2866 配列の長さ:327 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03407 配列: GATCTACAGA GTTAGAAATT CGAAAACTAT TCCAGGACTA ATTCTTAATC GGCATTATTT 60 ATACAAGAGG TCAAGTAACA TTTACTAGCG CAATACTGCA CTTGTAAATG AATTATAAAC 120 GCTCTTCTGG AATATATTA AATAACCATT AAAGAACTGC TTATTCATNC TGGACACTGC 180 ATGTNGATGT TGAATCAACT GATGCCAGCA GAAAGCTATT TTGATTTGTG AACATACTGC 240 CTTATTTAAA GGGTCCTGAT TGCTTGTATT TTANGNCATT CATTAAAAAG AAACCAGGAA 300 ACACTTTTGA ANTAACAGCA TANGGGN 327

配列番号:2867 配列の長さ:327 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 enclosed to different with untiltains and highest intelligence

クローン名:HUMGS03408 配列: GATCACCCTC CTCCCAAAAA GCAAGAGCTT GTTTATGGCT GAGGAATCGG CGGATTGTCT 60 GAATGACACA TATACAGAGC CCCCACGGAT TTCTNCACAC TCTGGGTCTG TGCTGGTGGA 120 ACATTGCCAA TNAGTTCTTA ATGAGGCACC TGTGTGTAAA TACATGCTTG GTCTTCTCTG 180 CAGAGAACTG AGGCTAAACT CTGTCCCTAC TTCTGGTTTT GCCCTGTNAT GTCGTAACGA 240 GGTGGGCCTT TTGAGGCCAT TTTAGTTTGA GTTCGAGCCA ACCACCTCTG GTTGGTTAGA 300 TGATTGAATA AAAAGGTTCT GAAGAAA 配列番号:2868 配列の長さ:326 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03409 配列: GATCCAATCA CCTCCCACCA GGCTCCACCT CGAATACTGG GGATTACCAT TCAGCATGAG 60 ATTTNGGCAG GAACACAGAC CCAAACCATA CCACACACAT TATCATTGTN AAACTTTGTA 120 AAGTATTTAA GGTACATGGA ACACACGGGN AGTCTGGTAG CTCAGCCCAT TTNTTTATTG 180 CATCTGTNAT TCACCATGTA ATTCAGGTAC CACGTATTCC AGGGAGCCTT TNTTGGCCCT 240 CAGTTTGCAG TATACACACT TGCCANGTAC TCTTGGTAGC ATCCTGTTTG GTATCATNGC 300 ACTGGGTCAC ATTGCCTTAC CTAAAN 配列番号:2869 配列の長さ:325 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS03410 GATCTATGGA ACAGAGGAGG AGCGATGCAG TTGGGAGAGG AAGCTAGAAG GGTTATGGTT 60 GGAGTTCTGT ACAGTGTTGA GTTTCCGACA GGGAAAGAGG ATTCCTCCAA TGCGCCTAGA 120 GAGAAAGCCT GAGCAGGAGA TGATGCAGCA GAGGGGAAGG GCCCTGTGGT GCCGCCGCCC 180 TTCCTTCAGC CTCCGAAGGT GATGGAAATG GAGAGTGGAG GACCAGGCCT CCAGCTGTNT 240 GGCCTNGCCN TTCACGCCTT AACACTAAGC CCACCTCCCC TTNTCTCCTT CCCAGCATTG 300 AGCCCTTGGT TGCCTGGGCC CAGGN 配列番号:2870 配列の長さ:325 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03411 配列:

GATCTTCAGA AACCTTGCTA GGAGAAGTTA ATGAAAATAG AGTATCAATA GCATTGAAAA 60 AAACCTCTGA AATCCTTCAC GATATTGACT GTCTTCTATC AAACTCTAAA AAGTGAAAAA 120 TGGAATTATT ACAACATATT ATTAAAGTTT AAGGATGTTG TTTCAAGTGA CTGGTATAAA 180 ATTACTAGTA AGCCAAGATA TTGTACGTAT TACCCCGGCA CAATGATTGT GAAAGANCTG 240

ACATTTAACT TTGAAGGTAT TTTTAACTTG TACATTTTTA AAATATGTAT TTATATCTNA 300 NTANTAAATN TTTCGAAGTT TTAAA 325

配列番号:2871 配列の長さ:325 配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03412

配列:

GATCCAAGCG GAGATTGACG CTGCAGCGGA NACTCATCGA CTTCTTCCGG TTCAATGCCA 60
AGNATGCGGT GGAGCTGGAG GGGCAGCAGC CCATCAGCGT GCCCCCGAGC ACCAACAGCA 120
CGGTGTACCG GGGTCTGGAG GGCTTCGTGG CGGCCATCTC GCCCNTTAAC TTCACTGCAA 180
TCGGCGGCAA CCTGGCGGGG GCACCGGCCC TGATGCTTCG AGAGGGAGTT GTGACTCTGC 240
CTCTTTGCCA GATGACAAAA CTGAGACACA CAGCCGTGAC TTACTTGGCA AGACTGAGTG 300
ACTAGTAAAT AAATGATGGA GCAGN 325

配列番号:2872 配列の長さ:323 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03413

配列:

GATCCTCCTT CTAGCTCATC TGTAGATACT AGTAGTAGTC AACCAAAGCC TTTCAGACGA 60
GTAAGACTTC AGACAACATT GAGACAAGGT GTCCGTGGTC GTCAGTTTAA CAGACAGAGA 120
GGTGTGAGCC ATGCAATGGG AGGGAGAGGA GGAATAAACA GAGGAAATAT TAATTAANTG 180
GTCTGTAAAC AATAACAACT GTGAATAAGA TTATCAAATC TNTTTTAGTG TAATGATTGT 240
CAAGTTTAAA ANCATTTTN TATATAACCT GGTATACTCA TGTCAATATN CTTTATTAAT 300
AAAANGNTTT TCAGTGTCAT AAA

配列番号:2873 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03414

配列:

GATCTGCCCA TCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTATGAGCCA CAACGCCCAN 60
CCATCATTTA TCTTTTCAC TCATTTTTC ATGAGTATGC AGAGGAGTTT TCAAGAGGCT 120
ATCTGGTGTG ATATTGTAAT AGGCTGAATG CAAAAGCAGA TACAAGATTC CAGCTTTCGT 180
CTGTCATCAG ACATTGAAGA GATTTGGAGA AATGTAAAGC AGCAGTACTC TTCTCACTAA 240
TTTTTGTTGT GGTTAGTTAG AAAAATGGTT ATTTTNAGTG GGTTTTAATA TGTGAAAAAAA 300
ATAAAAATTAG CTATTTGCCA AA 322

配列番号:2874 配列の長さ:319 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03415

配列:

GATCACCTNT GGCGTGTTCC TNCCAAAACN GCATAGCCCC AATCTAATAT CATCCCGAGG 60
AAATACCAGA CACACGCAAG GGAAAGGACA TTCTACAAAG GAACGGACTC ATACTCTTCG 120
AAAAGTGTCA AGGTCATCTA CGACAAAAGA CTGAAAAGGAC CCCAGTCGAA AAAAGNCAAG 180
ATGACAAANT GCAACGTTTC ATCCTAGACT GGATTCTGGA CCCAAAAAAAT CCCCTTCTTT 240
TGTCAGAAAG GAAATTTGTG GAACAACTGG CAAAATCTGG AGTTGGGTCT GCAGATTACA 300
CACTGGTATC GCAGCGAAA 319

配列番号:2875 配列の長さ:320 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGS03416

配列:

GATCTCCCTT CGTGGAGACG ACACCGGGGT CCTCCTGCCC ACCCCAGGGG AGGCCCAGGA 60
TGCTGATTTG AAGGATGTAA ATNTNATTCC AGCCACCGCC TGACCATCCG CCATTCCGAC 120
TGCTAAAAGC GAATGTAGTC AGGCCCCTTT NATGCTGTGA GACCTCCTGG AACACTGGCA 180
TCTNTGAGCC TCCAGAAGGG GTTCTGGGCC TAGTTGTCCT CCCTCTGGAG CCCNGTCCTG 240
TGGTCTGCCT NAGTTTTNCC CTNCTAATAC ATATGGCTGT TTTCCACCTG GNTAATATAA 300
CCANGAGTTT GGGCCGNAAA 320

配列番号:2876 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03417

配列:

GATCTCTGCT GTGNCTCCCA GAGTTACTGC TGCCAGACTG AACTGGAAGG GGAGGATGTA 60
GGAGCCTGCA CAGCTCACAC CTACTCCTGT GGCTCTGGAG TGGGCATCTN CCTGAGAGTA 120
CGGGAATGTN AGGTGCTATT TTAAGCTGGC AAAACCAAAG GCTGTTTTNA TTCTCCTCCT 180
TACCTTGATG ACTATGGGGA GACCGACCAG GGACTCANAC GGGGAAATCC TTTACATTTA 240
TGCAAAGAGC GATTCAAGAA GATTCAGAAG CTCTGGCACC AACACAGTGT CACAGNGGAA 300
NTTGGNCN 308

配列番号:2877 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03418

配列:

GATCTTGACC ATGACAGTTT TNCACTTTTA ATGACACGGG GAACCAAGAG GAACTTACTT 60 GTGTAACTNA CAATTNCTGC AGACATCCCC CTTCCTCTAA ATNCCCTTTA CTCCACTGAG 120 GAGCTAAATC AGAACTGCAC ACTCCNTCCC TGATGATAGA GGAAGTGGAA GTCCCTTTAG 180

GATGGTGATA CTGGGGGACC GGGTAGTGCT GGGGAGAGAT ATTTCCTTAT GTTTATNCGG 240 AGAATTTGGA GAAGTGATTG ACCTTTTCAA GNCATTGGGA AACAAATAGA NCACANTATA 300 NTTTNNCN

配列番号:2878 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03419

配列:

GATCTAGAAG ACGATTAAGG GAAGGTCGTT CTCAGTGAAA ATCCAAAAAC CAGAAAAAAA 60 TGTTTATACA ACCCTAAGTC AATAACCTGA CCTTAGAAAA TTGTGAGAGC CAAGTTGACT 120 TCAGGAACTG AAACATCAGC ACAAAGAAGC AATCATCAAA TAATTCTGAN CACAAATTTA 180 ATATTNNNNT TNCTGAATGA GAAACATGAG GGNAATTGTG GAGTTAGCCT CCTGTGGTAA 240 AGGAATTGAN GAAAATNTAA CACCTTACAC CCTTTTCCAT CTTGACATTA AAAGTNCTGG 300 CTAACTN

配列番号:2879 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03420

配列:

GATCTTGAGG GCAGACAGCA GAATTCCTCT TATAAAGAAA ACTNTTTNGG AAAATACGTT 60 GAGGGAGAGA NGACCTTGGG CCAAGATGCT AAATGGGAAT GCAAAGCTTG AGCTGCTCTN 120 CAAGAGAAAA TAAGCAGGNC AGAGGATTTN CTCTGGACAG AGATGGAAGA GCCGGGAACA 180 GAGAAGTNTG GGGAAGAGAT AGGAACCAGC AGGATGGCAG GGGNNNNGGG CTCAAGGGTN 240 AGGAGGCCAG TGGGACCCCA CAGAGTTNGG GGAGATAAAG GAACATTGGG TTTGCTTTGG 300 TGGCACN

配列番号:2880 配列の長さ:305 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03421

配列:

GATCTGCCGT GTCCTTATAA AGTGGATGAA AAATGTTTTG TACCCATCTG GAAAACCAAC 60 AACTTGAAAT CTCAGGTATT CCAGGTCACT GACATGAATT TGAAGATATA TCTATCTGTA 120 TGGATATATA TCTATATGTA TATAGATATA TAANTACAGA GAGATATCTG GCTTGGTTTT 180 AATTATGTNC TTAAATTTGT GTGCCAATAA TTGCATATAG ATTTTNTTNC TTAAATATTT 240 GACTGTGGAA CATGCCATTT TAAATATGTN GTAAGGCCTG TNNTAATAAA ACGTTTAGTA 300 TGAAA 305

配列番号:2881 配列の長さ:305 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03422

配列:

GATCCACTGA TGGCTCCAGA CCCCAACTTT AGCCATTGCA CGTGTTGAAC TCCAGGTTGA 60
GCCTTTGCTG GAGCCGCCTG CAAGGNGCAT GTTTGACCAA TCCCCAGTGG AGGGGAGGGT 120
GGTGTTTCCT TTCTGGGACT TCCACAAGTT GAGAACAGAC CATGCTGCCC TGGGCAGTTC 180
TTGAAGGCTG TGAGAGTGGG CCTGACAAAG TTTATTCCTT TTTTTTTTTC CATTCACTT 240
TATNATNATA ATTGTTTGAA ATNGNCAANT AAAAATNATG TATATTTATG ANGTNCANCA 300
NGAAA 305

配列番号:2882 配列の長さ:303 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03423

配列:

GATCAGGAAA GTCATACTGT TCACTTTCAA GNTGGCTGTC CCCCCGCCG AGCCCCCCCA 60
CCCCCATATG TACAGATGAT ANTAGGGTGT GGAATGTCGT CAGTGGCAAA CATTTCACAG 120
ATTTTTATTT TGTTTCTGTC TNNANCNTTT TTGNCACTGT GCTAATAGTT ATATTCAGTA 180
CATGAAAAGN TACTACTGTG TTGAAAGCTT TTTAGGAAAT TTTGNCAGTA TTTTTGTACA 240
AAACATTTTT TTGAAAAAAAT ACTGGTTANT TTATNCTATT TTAATTNGCC AATGTCAATA 300
AAN 303

配列番号:2883 配列の長さ:375 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03424

阳和

GATCACCGGA CACAATCCTG CAGAAGGACA CACGACTCTA TTTCCTACAG TGCGAAACTT 60
GTCATTCTAG ATGTNCTGTT GCCAGTATCA AAACCGGCTT CCAGGCTGTC ACGGGCAAGC 120
GAGCACAGCT CCGTGCCAAA GCTAACTAAT TTGCTAATCA CTGATTTTNC AAAGCTTGTT 180
GTGGAGATGT GGCTGGACAG GTTTGCCATC AGAGTGGATA TACCGTTGTA TTAAAAACAA 240
GATAAAAAAAG CTGCCAAGAT TTTTGGCGNG TGGTTGGTCT GAAGTCCTTG CAAGACGCTG 300
NTGCTCAAGC TGTTGACATA CTCATTGGCC TACTTTTAAC ACCTGTCCAG AGGAAACGTG 360
NTATGGGGGT AAGTN 375

配列番号:2884 配列の長さ:301 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03426

配列:

GATCAGATAG GAGCACAAGC AGGGGACGGA AAGAGAGAGN CACTCANGCG GCAGCATTCC 60

CTNCCAGCCA CTGAGCTGNC GTGCCAGCAC CATTCCTGGT CACGCAAAAC AGAACCCATT 120
TAGCAGCAGG GAGACGAGAA CACCACACAA GACATTTTC TACAGTATTT CAGGTGCCTA 180
CCACACAGGA AACCTTGAAG AAAATCAGTT NCTAGGNNNN GCTGTTACCT CTTGTTTACA 240
GTTTATATAT ATATGATAGA TATGNGNTAT ATATATAAAA GGTACTGTTA ACTACTGTAA 300
A 301

配列番号:2885 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03427

配列:

GATCGGGGGA GGGTAAATAA TGCAAAAATT GCACAGTGGA AGAAGGGGTC TCACAAAAAG 60
CAATCCATCC TGTAGTATAG GTANNNGNGT TGGGGGAAGC AGCTTCCATT CTGGATGTTT 120
GGAACCCTTT AGCTTTGTTT TGGAATGGCC CACCATTCTC ACTGGAAAAC AGTGGTCTGC 180
TGTGAAAGGC CAGCTCTCGG CAGCCCCTGT GGTTTCAGCG CTGCCGCTCT GTGTCATTCA 240
GGTTGTGCAC ATTGTTTTTC TTCTGACTTC CAGAAATAAA AGTGTTTCCA TGGGAAA 297

配列番号:2886 配列の長さ:296 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03428

配列:

GATCTGGGTG CCTTGGGAGA NCCAGTCCTT CCTTTTNACC CACCCCAGGA AGATGGAGTN 60 CTCTTTNCTA GGCCCATGTC CTGCCAGCAA CCGGGATGCG TGGGCAACTG GACTCTGCAC 120 GGGGGTCTAC AGGTTGAGGG AGGTTGGTCA CAATNAGAAC CTCGGGGTTT GAGGTGGCCA 180 TGGGCAGACA GCCNNAAGGG AGGGAGGGTG TGGGTGTNCG TGTGTGCATG TCCTGGTNTG 240 TAAGGGGGAA AGGGTCTTTC CTGGTTTTAT TTAAATAAAG TAGTTTATGT AACAAA 296

配列番号:2887 配列の長さ:296 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03429

配列:

GATCTGTGCN GTGGTCCTNA GGCAGTTGTN TCCACACAAG TACTACTTCC TCGTGGGCTA 60
CAGTNAAACT TTGCTGTCCT ACTTTAACAA ATGTCCTGTG CGACTCCACC TCCAAACTGT 120
GCCCTCAAAG GTTGTGTATA AGTACCTCTA GAACAATCCC CTTTTTNCCA TCAAGCTGTA 180
GCCTGCAGAG AATGGAAACG TGGGAAAGGA ATGGTATGTG GGGGAAATGC ATCCCCTCAG 240
AGGNCTGAGG CATAGTCTCT CATCTGCTAT TGANTAAAGA CCTTCTATCT TGTAAA 296

配列番号:2888 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03430

配列:

GATCTACTCT GTATGGGTAC CAAAATCACC TTCTCTCTC AAGTCAAAGT TGAATTTAGA 60
ACTTTGAATA CAGGTCAAAA AATGTAGAAA ATATCATTT ATATTCCCTA ATCTATATAG 120
CTGAAAAAAGG GTTGTATTTT CTTAGCTGAA TATGAATACC TCTTAAACAT AAATTAGTTC 180
CTCTCCAGTG AAGTATCTTA TTTTACCAAT CCATTTCAGG AAAGAGGTTC TGCTGCCGTA 240
AAGGCAGAAA TTTTATTTTT ATCCCTTTTA TTTGAATGAG AGATTTGAAA ATCGAATTAT 300
GTAAAATATTT CAATGCATCT GCTATTATTT TGTGGAGTTT ATTAAACTAC TTTAAA 356

配列番号:2889 配列の長さ:293 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03431

配列:

GATCCCAAAC CAAATCTTAG AATCANTTCA TTTAAAAATAC TGAGCGGTAT TGANTACTTC 60
GAAGCAGAAC AGGCAATGTG CAGCCCTCAT TTATGAGAAA ACCCTCAGGA AACTCCCAGG 120
GTGATGCTTG GNGAAGCTGT GAGTTGAGCT GAAGCTGGAG AACTTCCTCC AGAGCAAAGG 180
GCTTAAGAAA GAAAGANGAA CTCTAAGCTG GGTCTGCTAA CATCACTCCA GTTTAGATGG 240
NTCCTGTTTT TCCTTAACAN GTTGAGGCGT GGGTAGAGCA GGANTTGGTT TTN 293

配列番号:2890 配列の長さ:289 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03432

配列:

GATCTGAAAT AACATTAATT TGATTGTAAC CCTATTGGGG TTAGTTCCCA CCCTTTGTTC 60
CATCTTGAGC AGAGATGNGC TGCATTTCTT AACGTTTGGT CTCTATACAT TATACCATCT 120
GCTGAAGTTT AGCTTTGTGT GTGTGTATAT GTACCCATGT GTGCACTTTA AATATCAGTA 180
CAAACTGATA AACAATGTTT CTGGTTAATG TTGCAAAAAT GGAACACTGT ATTTNACATA 240
ATTGATTTTC TACTCCTGCC CTGTGAATTA AGGCAGAGTT TTACTGTAN 289

配列番号:2891 配列の長さ:286 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03433

配列:

GATCTTCCCA CACCAGCCTC CCAAAATACT GGGATTACAG GCTTGAGCCT CCATGCCTGG 60
CCCAGGTAAC ATGTTTATTG AGCTGTACAT GCATATGAGA AATAAGAAAC TTTTTTTCC 120
TACTATCATC TCTTAAATNT NGTNTTCTTT TTCTTTTGCT TCCTCTTCTT CTNTNCTATT 180
TNTNATAAAT ATCATGCACA ACTATAACCT ATGGGAATNA TGTAGTAACA CAGATTATTC 240
ATCTTGTTAG AGTTGTATTA AAAATAAACA AGCATTTCAA ATTAAA 286

AACTCTTAAA ACTAAAACAA ACTTAACAGT CTGTCAAGTT GGTGATATAA CCCCACAGAA 180 GACTTACTTC AAGTGACTTG AAAACTTAGT ATTTTGTCTG TNCTTTGCTA ATGGGNATAN 240 ATCCTACAGA CCAAACANCC NCAGNTAANT CTTAANCTGC AAA 283

配列番号:2896 配列の長さ:279 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03438

配列:

GATCCCGGGA GACCTGGGGC TGCCGAAGAA GCTCTGCTCC AAATGGAGAG TGTAGCCTGA 60
GGGCTGGTGT TGCCTGCCTC CCCTGTNCTT GTNCCTTGTC CCAAAATAAA TCCTTTCAGA 120
ATGTAGCACT CACGNCCTAA TAAGGAGCGA ATCCTACATC CACCAAGGCG GGCGCTCTGG 180
CCCTCCCTTC CTTAAGCCCA GTCCTGTGTC CTCTGAAAGA GGTTGCAGTC ACTCACACCN 240
GCTTGCGCTC ACCATCAATA AAAGTAATTT CACCNGAAA 279

配列番号:2897 配列の長さ:278 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03439

配列:

GATCCCCTCC CCCAAGATAC TCTTTGTGGG GAAGAGGGGC TGGGGCATGG CAGNCTGGGT 60
GACCGACTAC CCCAGTCCCA GGGAAGGTGG GGCCCTNCCC CTAGGATGCT GCAGCAGAGT 120
GAGCAAGGGG GCCCGAATCG ACCATAAAGG GTGTAGGGGC CACNNNNCTC CCCCTGTNCT 180
GTTGGGGAGG GGTAGCCATG ATTTGTCCCA GCCTGGGCT CCCTCTCTGG TTTCCTATTT 240
GCAGTTACTT GAATAAAAAA AATATCCTTT TCTGGAAA 278

配列番号:2898 配列の長さ:276 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03440

配列:

GATCTGCTTA CCAAGCATAT TAGGAAATAC CTCTTAGGAA GCATTAGCGG TCTCAGGCCA 60
ATTACTGTGG AGCAGCTTC ATTCCTACCC ACTTGCAAAC CTTGGCGCTG TTGTCTGAGA 120
TTGCTGCAGC CATTCTTGTT ACCATGGTAC TTCTCAAACT TTGTGAAAAC CTGCACTTTT 180
CCTTGCATGA CAGGTTCCTG TCTTGTCTGT CATGGGAGCC ATTCTGCCAA TTTAAATGCG 240
ACTGTGGTAT AAACAGTAAA ATGATTTAAA AGTAAA 276

配列番号:2899 配列の長さ:274 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HDMGS03441

配列:					
	OT 00404400m4	MMC++C+MC+			
GATCAGTGTT ATATTTTA					
AAGGTGAAGA AGCGAATG					
CACATTGAGA AGCAAATT					
GGGATAAAAA CATTTTGG AAGGTTTCAA TAAATAAN			CAGCCAAACA	ATGTATGTAT	
ANGUITIONA IMMINAN	II GCAAAACICA	UAAA			274
配列番号:2900					
配列の長さ:273					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS03	442				
配列:	·				
GATCCCCACC TGCCATCC	*	TTCCTGTGTG	TTCCGGGGCT	TCTGGGCAGC	60
TGGGCCTGCC CGGGGAAG					
CTGAGCGTCC CACTGCTG					
CCTTTTATAT CACAGCAG					
TAAAGGAAGA AATAAACT					273
配列番号:2901					
配列の長さ:359					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS03	443				
配列:					
GATCTGGTTA AGTTGTGT	AG TAAAGCATTA	GGAGGGTCAT	TCTTGTCACA	AAAGTGCCAC	60
TAAAACAGCC TNCGGAGA					
TATCATATAG ACAGGCTT					
AATCCTGGTC TTTCTTGG					
AATTCGGGGA TTTNAGTT					
GATTTUNNC CATTICGG	CT TCATAATGNA	AACCAGTTCA	TTTTACCTAT	CAGGTTATN	359
ETDI W. C					
配列番号:2902					
配列の長さ:268					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状	444				
クローン名:HUMGS03444					
配列:	1	000100100			
GATCAGAGCA CAGTTGAA					60
TGTAGGAAGG TTTTGAAA					
TGGTTTTTCT CATAGACT					
GTGTGTGTGT GTGTGTGT	GI ATATATAGAA	GTCATTATGG	CAGATGCACA	AATTGTGCAG	240

配列番号:2903

TGATGTAAAT ATACATACTT CACAGAAA

268

配列番号:2975 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03518

配列:

配列番号:2976 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03519

配列:

GATCAGNAGC CCACTGATAA GGGGCCCTAG GGTACAGGGT GCTGCCCAGC AGGTCGCCAC 60
CGAGTGTCTT CTCATTTAT TTCAGCTCCA TTTTGCCCAT AGATGGCAG AGGGGTGAGA 120
TTGGCTCATC CCCCTTCCAG ATTCTGCAAT AAAGCGGTGT GAGGAAA 167

配列番号:2977 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMG803520

配列:

GATCATTCCC TCTTTTNGGA TGTATAAGAN CCTTCCGGAC AACAGAACCT ATTTNTGGAA 60
TTGCAGAAGA TAACATATTT CCCTTATTTN NATTTAATCA CCATAAACCA TACCTATTTA 120
ATGAGTGTAT TCTGTGCAAT TTTTTCCTCA GATTGTNTTT AACTNNN 167

配列番号:2978 配列の長さ:166 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03521

配列:

GATCGACTGC CAAGCAGCAG CCGCTGCCGA GGGGCTGCGT CTGACATCCT GACCTCCTGG 60
ACTGTAGGAC TATATAAAGT ACTACTGTAG AACTGCAATT NCCATTCTTT TAAATGGGTG 120
AAAAATGGTA ATATAACANT ATATGATATA TAANCCTTAA ATGAAA 166

配列番号:2979 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS03522

配列番号:3020 配列の長さ:131 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS03563

配列:

GATCACTGTN ATGTGTGGTC CATCTCTGAC CAAAACGTTA TGCAGTACGT GACTGTATCC 60
TNATCCTCAA TAATCCTTGG TTATTATTCT AGAATTTCAA ATAAATGGAA TCATATCATT 120
TACTATGTAA A 131

配列番号:3021 配列の長さ:207 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03564

配列:

GATCCAGTGA ATGATTCAAG AGAGCTACAT TTGAAGCCTG TACAAAAGCT TATCCCTGTA 60
ACACATGTGC CATAATATAC AAACTTCTAC TTCGTCAGT CCTTAACATC TACCTCTCG 120
AATTTCATG AATTTCTATT TCACAAGGGT AATTGTTTTA TATACACTGG CAGCAGCATA 180
CAATAAANCT TAGTATGAAA CTTTAAA 2007

配列番号:3022 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03565

配列

GATCCTGAGA ATTACTTTTA ATAAAATCAT TTTTTTGCTG TTATTAAAAC TAGNCNNGAA 60 TTGCCTAAAN CCAAGAACTC TGCTTGATAA AATAAGCATA GTNTTAGGAA CAGCCATGCA 120 GATATAANTN 130

配列番号:3023 配列の長さ:129 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03566

配列:

GATCATCGAC CCCCAAGGGA CCCGCAGACC CTTAAAAAAA TCACCCACAA CCCTCTGGAA 60 GTGGCCTTGC CCGGTCCCCT TCCCAGGGGC GAGGTCGGCA AAGCAACATG GCAGAGCAGT 120 CATAGGAAA 129

配列番号:3024 配列の長さ:129 配列の型:核酸

クローン名:HUMGS03610 配列: GATCTNAGCT CCCACCTCC TTCCCACCTA CTGCACTTTC CCCCTTCCCG CCTTCCAAAA 60 CCTGCTTCCT TCAGTTTGTA AAGTCGGTGA TTATATTTNT GGGGGCCTTTC CTTTNATTTN 120 TAAAATGNAA AATTTATNTA TANTCCGTAT TTAAAGTTGT AAAAAAAATA NCCACAGAAC 180 **AGNGAN** 186 配列番号:3067 配列の長さ:100 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03611 配列: GATCTCAGAC AGTGTGCGGC GGCACATGAG CGGCTTTCCG CAGTGTCCTG TNTTGAGCCA 60 CTGCAGTCTG GGCCCCATCA TTAAACGGGC TGCGTTTAAA 10Ó 配列番号:3068 配列の長さ:98 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS03612 配列: GATCTCCAGT NAGACTCCAG GGTTCTAGAC AGAGGCCAGT NTTGGCCACT CACCCCACAC 60 CCCGCGGACC CCAATAAAGG CTTGCATAGC TCCAGAAA 98 配列番号:3069 配列の長さ:98 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03613 配列: GATCCTGAAG CTTNACCGGG CTCCAAAGGG CAAATGGAGC TGCCCTCNTC TGTATCAGGT 60 TTATTGGTTG TACATATAAA TNATACTTNC CTTTCAAA 98 配列番号:3070 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03614 配列: GATCCTGTTT AACAAAGATA CTTGAGACAT CCATTTGTTT TAATGAAATC TGTATGGATA 60 TGGAAATNCT TGCCCTAATA AAAGCCTACA TATACCTTCT GGTTAAA 107

配列番号:3071 配列の長さ:97

GGCNNNGAGT CAGTCTTTCA TTTACATAGG GTGTAACCAT CAAGAAACCT CTACAGGGTA 300 CTTAAGCCCC AGAAGATTTT NCTACCAGGG CTCTTGAGCN ACTTGCTCTA GCCCACTCCC 360 ACCCTGTGGA ATGTNCTTTC ANCTTTTGNT TGGTTTCAAG TNCCTTGGTG CTTCCAATAA 420 NTNCCACTTC CTTCACCACC CNAAA 445 配列番号:3115 配列の長さ:439 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03681 配列: GATCGGCGCC ACTGCTGTCC TGCTGGCTTC NNCTGCGCAG CANGGGGTAC CAAGTGTTTN 60 CCCÁGGGAGG CCCCGCGCTG GGACGCCCCT TTAAGGGACC CAGCCTTGAN ACAGCTGCTG 120 TAAGGGACAG TACTGAAGAC TCTGCAGCCC TCGGNACCCC ACTCGGAGGG TGCCCTCTGC 180 TCAGGCCTCC CTAGCACCTC CCCCTAACCA AATTNTCCCT GGACCCCATT CTNAGCTCCC 240 CATCACCATG GGAGGTGGGG CCTCAATCTA AGGCCTTCCC TGTAAGAAGG GGGTTGTGGC 300 AAAAGCCACA TTACAAGCTG CCATCCCCTC CCCGTTTNAG TGGACCCTGT GGCCAGGTGC 360 TTTTCCCTAT CCACAGGGGT GTTTTGTGTG TGTGCGCGTG GTGCGGTTTN AATAAANGTT 420 TGTACAACTT NTGTTTAAA 439 配列番号:3116 配列の長さ:431 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03682 配列: GATCTTGAAG TGCTTTTTAT ACAGCTCTCT AATAATTACA AATATCCGAA AGTCATTTCT 60 TGGAACACAA GTGGAGTATG NNAAATTNNN TATGAATTTT TCAGATTATC TAAGCTTGCA 120 GGTTTTATAA TTAGAAGATA ATGTGAGANT TAATGGGGTT TATATTTACA TTATCTCTCA 180 ACTATGTAGC NCATATTACT CACCCTATGA GTGAATCTGG AATTGCTTTT CATGTGAAAT 240 CATTGTGGTC TATGAGTTTA CAATACTGCA AACTGTGTTA TTTTATCTAA TCCATTGCTT 300 AATGAGTGTG TTTTTCCATG ATTGAATATA CCGTGGTTCA TATGTTAGCA TGGCAGCATT 360 TTCAGNTAGC TTTTTGGTTT GTTGGGAAGT TGGGGTTTTG GGGGGAGGGG GGAGTNTTNG 420 TACGTTGCCT N 431 配列番号:3117 配列の長さ:427 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03683 配列: GATCAAAGTA TTATATGCTG TGTGCTTTTA AGGTGTTTGT AAGTACTGAA AAAGGCAAAA 60 ATNOTTTCTA CATTGACATT CATTCCTATT TNACTGGGCA CCTATGAATG TATGCTGTGT 120

GCTAGAAATA GACTAAAACA TATTCCTATA GCATGTNAGT GTGTTTGCAT GTTTGCTGAA 180 AATCCTTTGT GTATAANCCA GTTTGTAAGG TTCTCTGGGT TAGGTAGGGA CTCTGCAGTT 240 配列の長さ:346 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03717

配列:

GATCACAGGC AAACCCATCA AGCTGACTCA GGTGGAACAC GAAGCTGGCA NNTAAGTGGA 60
ACATGGATGG GGCGGAACC ACCCCCAGCC CAGGGCTGCA GCCTNNCCCA CCTNACCTTC 120
CCGCTGGACT ATNACCTTAA CCAGCCTTTN ATCTTCGTAC TGAGGGACAC AGACACAGGG 180
GCCCTTCTTT TCATTGGCAA GATTCTGGAC CCCAGGGGCC CCTAATATCC CAGTTTAATA 240
TTCCAATACC CTAGAAGAAA ACCCGAGGGA CAGCAGATTC CACAGGACAC GAAGGCTTGC 300
CCCTGTAAGG TTTCAATGCA TACANTAAAA GAGCTTTATC CCTAAA 346

配列番号:3148 配列の長さ:344 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03718

配列:

GATCTNCTGC CGAGTGAATG GGGAAGTGNT CCAGAGCGGC AACACCAAAT AGATGGTATT 60
CAAGACAGAG GACCTGATAG CCTGGGTCTC CCAGTTTNTN ACCTTTNACC CAGGGGATGT 120
NATCCTAACT GGGACCCCC CAGGTGTCGG TGTATTCAGG AAACCTCCTG TTTTTNTCAA 180
GAAGGGGGAT GAAGTCCAGT GTGAGATTGA NGAACTAGGT GTNATCATCA ACAAGGTGGT 240
GTGATGGCTC CTGCACAGGC CCTGCACATA GGTTGAGGGC ATCTGCTCCC ACTNAGCCTA 300
GCCCAGGGAA AGGCCCANTG ACAGGNTGTG GACAGGTTGC CAGN 344

配列番号:3149 配列の長さ:341 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03719

配列:

GATCTTTGAA GTCTATTTAA ATATTCATTC CATTACATCT AGACTCACCN AGAACTACAT 60
GTTATGATGT TAAGTTGAAG TTGAAACATG ATGTTTTGCA TTAAATTTAA GATATGCAAA 120
TTTATGTAGA GAAAATAAAT GTTATATACC CTATAATCTT TCACCTAATT AGTATTTAAT 180
TATATGGATT TGNNTTATAT TATAAAAGAT GTTTTGATTT TGTCTNTNGA TATTGNCAAA 240
ATTGTTTGGA TATNCTTATG TTCTCAAGTC TGTATCTGCC TCCCCTGCCT TATNTCTNAT 300
GTTTTGCCAC AGTTAACCCA TTGTGCTTCT TTGTAATCAA N 341

配列番号:3150 配列の長さ:339 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03720

配列:

GATCTNATCA GTCCTAAGCG GGTCATGGGG CAACACGGTT AGCGGGGGAGA GCACGGGGTA 60

GATCCGTGCT GGAAACTCGC AGGGGGACTT TTACATTAGG CAAATCAACA ACGTCAGCGC 60
CATGCTGGTC CTCGCCCGGC CGGTGACGTG CCCCCGGGAG TACGTGCTGG ACCTGGAGAT 120
GGTCACCATG AATTCCCTCA TNAGCTACCG GGCCAGCTCT GTACTGAGGC TCACCGTCTT 180
TGTAGGGGCC TACACCTTCT GAGGAGCAGG AGGGAGCCAC CCTCCNTGCA GCTACCCTAG 240
CTGAGGAGCC TGTTGTGAGG GNCAGAATGA GAANGGCAAT AAAGGGNGAA AGN 293

配列番号:3183 配列の長さ:293 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03754

配列:

GATCTGTGGA CTTTNATTTT TTTAAGAGAC TTACTCAATT TNATGACTGT ACTACCTGAA 60
ACAAAGTGAG AAAGGACAGG TGTATTTTC TAAGTNATCA AGATAAATCC TTAANAATTC 120
AGTCTAAATN AGCAACCAGG AAGGAAAAAT ATATTAAAAAA CAACAAAAAA GTGGCACATG 180
TCCAGGCAGT GTGAGGATTT GCTGTATATA AGTTGCCTGC TTTGTATTNT TNAAATCTCT 240
GCATCACTCA TTGGAAGTGC TTCTNAAGAG AGCTGCTCTG TGTTCAGTTG AAA 293

配列番号:3184 配列の長さ:395 配列の型:核酸 トポロジー:室鎖状 クローン名:HUMGS03755

配列:

GATCAAGATG ACCAAGATGT ATAAAAGGGTT CCAAGCCTTA GGGGATGCCG CTGACATCCG 60
GTTCGTNTAC ACCCCGCCA TGGAGAGTGT CTGCGGATAC TTCCACAGGT CCCACANNCC 120
GCAGCGAGGA GTTTNTCATT GCTGGAAAAC TGCAGGATGG ACTCTTGCAC ATCACTACCT 180
GCAGTTTTNT GGCTCCCTGG AACAGCCTGA GCTTAGCTCA GCGCCGGGGC TTCACCAAGA 240
CCTACACTGT TGGCTGTGAG GAATGCACAG TGTTTCCCTG TTTATCCATT CCCTGCAAAC 300
TGCAGAGTGG CACTCATTGC TTGTGGACGG ACCAGCTCCT CCAAGGCTCT GAAAAGGGNT 360
TCCAGTCCCG TCAACTTGCC TGCCTGCCTN GGGGN 395

配列番号:3185 配列の長さ:290 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03756

配列:

GATCAGCACT TNANTCGGAA AGTTGGAACC TCTGACAAGA CCAAGTACTA CCTTCAAGGT 60
AATCCGTGGC TCCCACAAA GTTCCACATT TAACTTCCTC CAAGGAAGGG GATTAAAATT 120
TNAAACTAAC TCCCTTCAGT TGAAATCTCG GACCACTNNN NAAAACAAAA ACCATGGTCT 180
AATTNTTTNC TTTGTTATGA ATTTNTTGAC AGTGGATTGA GCGATACGTG TCAGANCTAN 240
GCATTTCACT GTAGGCAAAT TGTGTCTTAG TTATCANGTA AATGTACAAA 290

配列番号:3186

配列番号:3220 配列の長さ:245 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03791

配列:

GATCCAGTGC TCTCCCATCT AACAACTAAA CAGGAGCCAT TTCAAGGCGG GAGATATTTT 60
AAACACCCAA AATNTTGGGT CTNATTTNNA AACTTTTAAA CTCACTACTG ATGATTCTNA 120
CGCTAGGCGA ATTTTTCCAA ACACATAGTG TGTGTNTTTT GTATACACTG TATGACCCCA 180
CCCCAAATCT TTGTATTGTC CACATTCTCC AACAATAAAG CACAGNGTGG ATTTAATTAN 240
GCAAA 245

配列番号:3221 配列の長さ:244 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03792

配列:

GATCCACCCG CGTTGGCCTC CCAACGTGCT GGGATTATAG GCGTGAGCAC CACGCCCCGC 60
CTAAAATCCA TATTCAAAGA AGCAATTTCA GTTCCTTTCT AAGCTTTGTC AGTCAAGGGG 120
CTCCACTGAC TTCCTAGGCC CTGTAATTTA ACCAGTCTTT AAGGTTTTGC AGGAAAGTCC 180
CTTCTTCCAA GTGGTTTTC CAAATCGCAC AATGGCAAAG CCAAACAGAG GAAGAAACAT 240
TAAA 244

配列番号:3222 配列の長さ:244 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03793

配列

GATCAGATTG CTGAAACACT ATGGGAACAG GTATTGAAGC CCCTGGGTGA TAATNTAATG 60
GAGGAAAACA TAAGGCAGTC TGTAACAAAC TCTATCAAAG CAGGCCTGAC TGACCAGGTG 120
TCTCATCATG CCAGATTAAA GACAGACTGA CAGTTCATCT CCTCACGGAC TCCACTCTCT 180
TTTTTTTTNA TGCTTGCTGT ACAATGAGAA CTCAAATAAA ANTAAACCAA AGTTTACAAT 240
CAAA

配列番号:3223 配列の長さ:246 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03794

配列:

GATCCAGGAG GAGCAGCACC CGAGCCCTGG AGTGGCCCAG TACCCTTCCA AGAGGCCACA 60 GTCCCAGCCA GGACAAAGTA TGCGGCCCAT CCTGGTGCGN CAGGTGGGAC AATGTGAACA 120 TGGACTCGAA GACATGGCCC TTTCTCTGTA GTTGATTTTT TAAAATGTGCC ATTATTGTTT 180

配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS03830	)				
配列:					
GATCTNAGAG CCTGCCCAAC	AGCAGGGAAG	CCAAGCACCC	ATTCATCCCC	CTGCCCCCAT	60
CTAACTGCGT ANTGANAAGG					
GCATGGGCAT AGGGACCCAT	CATTNATGAC	TGATGAAACC	ATGTAATAAA	GCATCTCTGG	180
GGAGGGAAA					189
配列番号:3260					
配列の長さ:188					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS03831	<i>\$</i> *		•		
配列:					• ;
GATCCCCTTC CTATCAATCA	CCTGATAGCA	ACAGGGACAG	CTCCCAATAC	<i>ለርጥር የጥር</i> ጥጥጥ	60
ACTCAATGGT ACCCAGGGAG	GGAGCATGGG	AAGAGGGTGA	GCTGAGGGGT	CCIUCICITI	60
AACAGCCACT GGGTGAGCTG	TTCACGGTCT	TATACTATTG	TTTGTNATTA	AAACTCCTTC	120
AACCCAAA			IIIGIMAIIA	MANUTUCITO	188
新聞# 日 . 0004					
配列番号:3261					
配列の長さ:184 配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状		*			
クローン名: HUMGS03832	•				
シローン名:nonusoss32 配列:	i				
	AC A ACT ACCC	ACTOROGOMO	0000 t ma t ma		
GATCAACAAG GCCACGCCCT CGACGTGCCC AGCCACCCCC	ACCACCCCC ACCACCACA ACCACCACCACCACCACCAC	AG LUCCCG LC	COTGATGATG	GGAACATGCC	60
GTGAGCACCT CCACTGACAG	AGGCGGCCCC	TOCOLOGIUM	CCCAATAAA	IGAAGAAACT	120
CAAA	Audoudocco .	TOCONOUNT	CCCAATAAAA	AIGIGAAAAC	
,					184
配列番号:3262					
配列の長さ:184					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS03833					
配列:					
GATCCACCAA TGTTTCAAAT	AGGACTATAA	CTTATTCAAA	GGCCAATNAT	ACTTCGCATA	60
ATTCAATTIT AATATTATIC	ACATTTCATG	TCACAAATTT	AGTAAGTTAC	ATGTGTTATG	120
TGATGTTTTG TTTTGATAGA	TTATATCTTA	CTCCTAAATA	AAANGTCAAG	ATTTTTGTAG	180
CAAA					184

配列番号:3263 配列の長さ:181 配列の型:核酸

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03875

配列:

GATCATNTTA TTTTACAATC ATTTATAATG AATNAATGTT NCAGTTAGCT TTAAAAGGTA 60
TACGGTGCTA ATNAGTAAAA TATTGAAGGC AATATTTTAC TGCTAGCTTG CAAAGTTATG 120
AGAGTTTAAA AAATAAAATA TATGAAA 147

配列番号:3303 配列の長さ:147 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03876

配列:

GATCTAGGGT CCTGGGTNTC TTGCATTTAT ATGTCAGAAA AGGGGCGATA TGCTGCTGAG 60 GGGTGAGTGC ATATAANTNT GGCCCTGAGG ACCAGGGCTG GCAGATNTTG TCTACCTGCT 120 GAAGAATAAA ANATTTCTTT TGGTAAA 147

配列番号:3304 配列の長さ:150 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03877

配列:

GATCTNACCC CCAGCATGAT TGTATTTCTT TCCCCTCCAG TCAAACCGTA ATACAGTTTC 60
CAGAAAATTC GACAGTCTGC AATGCCAAAA GGGTAAAAAT CTGTATTTCA CAGTTGTATA 120
GAATAAAGGC TTTAGTTAAA ATATTTCAAA 150

配列番号:3305 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03878

配列:

GATCTAAAAA TAACTGTAAT TATTTAAATG ACTAANAGGA AAGTACATTT TTTAAAATNC 60 TGAAAATTGC CTTNNTGTGT TTATNCAAAC TGAAAAGCTG AGACCAAGAG CAAGGAAGGT 120 AAAANGTTAA CAGGCAAACA TTTNCN 146

配列番号:3306 配列の長さ:143 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03879

配列:

GATCCTCACC AACCTAAGCA AGAGGAAGTG CCCCTCTCAA CCTGTGCGGG NTGCTGCGTC 60

トポロジー:直鎖状 クローン名:HVMGS03920

配列:

GATCAAGGCC AAATAACCCG ATTTGGTTTG GGCACTCAAG CAATAGTAAA GCCTGTAAGA 60 CATGATAGGA TTATNTTCCC CTTTGGATTT AAATNTAATA TAGCAGTTGG ATTAAA 116

配列番号:3348 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03921

配列:

GATCCTGTAG ACCCTTTCTT TTGGCCAATT TCCCCCCTTTT TGGGATGGAA ACATTTACCC 60
AATCCCTATA CCCCCATTGT ATCTTGGAAG TAAATAATTT GTTTTTGATT TTAAA 115

配列番号:3349 配列の長さ:115 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03922

配列:

GATCTCTTCA CTGTNAAAAG TTGCCCGGGT GCAGCGCCTT TCCCTTCTAN CATGGGAAAT 60 GCAGGCTGGG CCCTTGGGNT NAGCCTGCGG GGCTCTGGTG CTGTCCCCGA CCCNN 115

配列番号:3350 配列の長さ:113 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS03923

配列:

GATCCACTGT TTGCAGCAGA ATTATATATA TGTATAGGAA AAATCCACTT TGAATAATCC 60 ATGTTTTGTA TTTGGAAATT GTTTTTAAAA ATAAAAAGGA AAGGAAATAT AAA 113

配列番号:3351 配列の長さ:113 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMG803924

配列:

GATCTAGGCA GTGGGTTAAG CCAGACCCCT AAAAGTGACC CTTTCCTCTT CTGCCCTATT 60 CTNCTNAGAC CCTCAGAAAG NNNTCCAATT TTTTAAAATC CCTGTAGCTC CAN 113

配列番号:3352 配列の長さ:117 配列の型:核酸

配列: GATCAAAGCC CGGAA TCAAA	AGGCA AATGAAGC	NT CATGTGTAGT	GTAATAAAGN	TGTCTGCTGT	60 65
配列番号:3397 配列の長さ:65 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖 クローン名:HUMG					
配列: GATCGAAGCC TGTGT TTAAA	AAAAT GCTACCAA	AT GGCAAAAAGC	S AACAATAAAC	AGTTTGATTT	60 65
配列番号:3398 配列の長さ:64 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖 クローン名:HUMG		V			• •
配列: GATCCCCAAT ATATC TAAA	TACCA TTGTATGT	TA AATAAATNA(	CATTTTTGTA	GAAAAAATTC	60 64
配列番号:3399 配列の長さ:71 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖 クローン名:HUMG 配列: GATCTGTAAA TNACT	3S03976	TA GTAATTTAA.	A TAAATTTACT	TTCTTGGTTT	60 71
配列番号:3400 配列の長さ:63 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖 クコーン名:RUX 配列: GATCTCTATA NTTTT	3SC3977	°CC AGCCTGGGT	G ACAGAGCGAN	ACTCCGTCTC	60
AAA	·	CC AGCCIGGGI	a Konunucuni	ACTOCATOR	63
配列番号:3401 配列の長さ:63 配列の型:核酸 トポロジー:直錚	状				÷

クローン名:HUMGS03978

GATGCTGTAT GACCTCCCTG AAGNACCCGT GACTTCCCCA TGNTTTACCC TTTTGTGN 358

配列番号:3434 配列の長さ:354 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04044

配列:

GATCTAGAAA GCAACTTGGA AGTGTAAAGA GTCACCTTCA TTTTCTGTAA CTCAATCAAG 60
ACTGGTGGGT CCATGGCCCT GTGTTAGTTC ATGCATTCAG TTGAGTCCCA AATGAAAGTT 120
TCATCTCCCG AAATGCAGTT CCTTAGATGC CCATCTGGAC GTGATGCCGC GCCTGCCATG 180
TAAGA'AGGTG CAATCCTAGA TAACACAGCT AGCCAGATAG AAGACACTTT TTTCTCCAAA 240
ATGATGCCTT GGGGTGGGGA GTGGTAGGGG GAAGAGCTCC CACCCTAAGG GGCACACACT 300
GAGTTGCTTA TGCCACTTCC TTGTTCAAAA TAAAGTAACT GCCTTAATCT TAAA 354

配列番号:3435 配列の長さ:354 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04045

配列:

GATCATTAAT GAGGAGCTGA TGGCCTCCCT GGACCAGCCA ACACAGACAN TGGTGATGCA 60
CCGCACTGAG CCCACTGCCC AGCAGAACCT GGCTCTGCAG CTGGCCGAGA AGCTGGGCAG 120
CCTGGTGGAG AACAACGAAC GGNTGTTTGA CCACAAGCAG GGCACCTACG GGGGCTACTT 180
CCGAGACCAG AAGGACGGCT ACCGCAAAAA CGAGGGCTAC ATGCGCCGCG GTGGCTACCG 240
NCAGCAGCAG TNTCAGACGG CCTACTGAGC TCTCCACTCT GTTTCCCGCC TGGGCCATCC 300
AACCTTGAAG TCCTAAACCA CACCTCAGTC ACTAAAGGTC TGTTTAAAGT TAAA 354

配列番号:3436 配列の長さ:350 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04046

配列:

GATCTAATTT ATTTATTAT TGCCTGGCCG GTGACTCGGG GGAGGAGGCG ACCCTGTCAT 60
CTGTCCCACC TGCTGCCC CCTTGGAGCA GCCTGCACCT NCTCTCCTCC CATCCGGCAA 120
CAGTNTGAAA GTACGTGGAG GACGGGACCG GAAGACGAGA GAGGGCTGGA CATCCTGCCC 180
ACCGTNTCCC AGCCAGGGCA GGNGAGGGGA CCATGGCCCG NANGTCAAGG GGCCCCGATG 240
TGCACAGCTG CCACAGGGAG GGAGNTCTTG GGGAGATGGG CANTCAGGTG GCCCGTCCTT 300
GGTNGAGTGC ACANANTTGC GCGNACANAT CGGGGTTTTT CCTGGNTTTN 350

配列番号:3437 配列の長さ:348 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

GTTTTCCACT GCTGTGGAAA CCTCCTTGCT ACTATAGCGT CTTATGTATG GTTTAAAGGA 120
AATTTATCAG GTGAGAGAGA TGAGCAACGT TGTCTTTNCT CTCAAAGCTG TAATGTGGGT 180
TTNGTTTTAC TGTTTATTTG TTTGTNGTTG TATCCTTTTC TCCTNGTNAN TTGCCCTTCA 240
GAATGCACTT GGGAAAGGCT GGTTCCTTAG NNNCCTGGTT TGTGTCTNTT NN 292

配列番号:3469 配列の長さ:291 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04079

配列:

GATCTCTTAA GAGATGATGG ACTTATGTAT GTTACAAGAC TTCGAAATGT TGGAGTCCAA 60
GTNGTTCATG AACATATTGA GGATGGAATT CATGGAGCTT TATCATTCAT GACTTCACCA 120
TTTTATTTAC GTCTAGGTCT TAGGATAAGA GATATGTATG TAAGTNGGCT GGATAAGANT 180
TTATAAAATAT GTGATGTGTA TGTATAGCCC TTACATAGTG GATTGTAATT NGTGATATTT 240
TGTGGTTTTG GAGCAAAGAN CAATGTCATT TGAGTTATCT AAATCTACAT N 291

配列番号:3470 配列の長さ:290 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:RUMGS04080

配列:

GATCTTTTGA TTCCTCTTGG GCTGAAGCAG ACCAAGTTCC CCCCAGGCAC CCCAGTTGTG 60
GGGGAGCCTG TATTTTTTT AACAACATCC CCATTCCCA CCTGGTCCTC CCNCTTCCCA 120
TGCTGCCAAC TTCTAACCGC AATAGTGACT CTGTGCTTGT NTGTTTAGTT CTGTGTATAA 180
ATGGAATGTT GTGGAGATGA CCCCTCCCTG TGCCGGCTGG TTCCTCTCC TTTTCCCCTG 240
GTCACGGCTA CTCATGGAAG CAGGACCAGT AAAGGGACCT TCGATTAAAA 290

配列番号:3471 配列の長さ:287 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04081

配列:

GATCCAAAGT CCTGTGGTTA ACGCCTTCAT TTATAGATGA GGCAGCTGAG GCCTGGGGAT 60 GTGAACAACC TGCTCACAGT CCTCATTTAC TGGATTTGAC TTCAGCCAGG TGAACTGGAA 120 TGCCTTGGGG CGTGGAAGGG CATTAGGAGT GTTTCATTTG ATATGTGAAT GCTCATAAAA 180 AAATGTCAAG GAATGAAGAA CAGCANCTCT CAGTGGTGCC TGCATTTATA ATTATTTATG 240 TGAAAGTCAA ATTCATGTAC AGTAAATTTG TTATAAGAAT ATTCAAAA 287

配列番号:3472 配列の長さ:287 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04118

配列:

GATCGAGATN CAAAGCCACA TNCTCTCTCA CCAAGNTAAA CTATTTANAT TAATTGTTAG 60
CGGTGTTATG CTGCTTTCTT CTTTGACAAG GCCATGACTA AGAAGGCTCT AAGTAAAGGA 120
AGAATCATTT ATTCCATAGT CAGCTAACTG GTAGCAAAGC CTTCTNTTCC AAGACACCAA ·180
GGGAGAGGGG AGGACATAAA TTATGCAAA 209

配列番号:3508 配列の長さ:208 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04119

配列:

GATCCCCTCT TNAGTCCNCT GCCCCTTCCA AGGACACTAA TGAGCCTGGG AGGGTGGCAG 60
GGAGGAGGGG ACAGCTTCAC CCTTGGAAGT CCTGGGGTTT TTCCTCTTNC GCCCCTTGTG 120
GTTTCTGTTT TGTAATTTAA GAAGAGCTAT TCATCACTGT AATTATTATT ATTTTCTACA 180
ATAAATGGGA CCTGTGCACA GGAGGAAA 2008

配列番号:3509 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04120

配列:

GATCCAAGCA TATAAAAAGC CTNTATATTT TTNAAAAACA CATCTTAACT CCACGCTTTA 60
CGATATTATA AAAGTTGAAT GGTTCCTCTT GGTAAGGATA TTTGCTTACA AGTGCTAGGA 120
AATAACTNNC TGATAGCTGC GTTAACATAC TTNGTTTTGC CTAGAGAGGG GCAATAAAAA 180
TGAACCAAAG GATATTCCA GAAAGGATTA AGAAAGCTGT TTAAGANGGC CATGACTCTT 240
TAGGTGTGTA TGTGTACCTT TCAGCATCCT AGGAATTTN ATACTAAAAG CAAAATGTTT 300
TTCCCAGTTA GTCTTCTTCA GN 322

配列番号:3510 配列の長さ:205 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04121

配列

GATCCGNCCA CCTNGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CCGTGCCCGG 60
CCTCTTTTAA TTTATNCCTA AAATATTACC TTGAGGCCAA ATNCTGCGCT TAAGGAGAAT 120
GTGCACCAAG TGCTGGGGTG GGGGCTGGTT ATAAACGAGG CCACAAATNA TGCTTGTAAA 180
TAAATTGTGT GGTTCAAATC TGAAA 205

配列番号:3511 配列の長さ:205

配列:				•		
				AGGGGAATTT		60
TCATCACCCA	ATTGGATGTT	TTTGCTTATA	GCAAATTCCT	GCAAAATAAA	TAAATAAATA	120
TTTGCAAAAC	TAAA					134
配列番号:3	<b>3550</b>		•			
配列の長さ	: 133					
配列の型:	亥酸					
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUMGSO416	3				
配列:						
				CCTGTCATAT		60
TCAAGAGAAT	TTATGTGAAA	TGCTTTCTGT	ATGCCCAAAT	CTTTAGATTA	ATATATAA	
GCTGCTCCTG	AAA					133
配列番号:	3551					
配列の長さ	: 132					
配列の型:	核酸					
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUMGSO416	4				
配列:						
GATCTCAGTT	CCNTAAAAA	TGATAAAAAT	TTTTCATGTA	TATTACATAT	CTACCTACCA	60
GAAATCCTTT	TTACAATTTT	ATATACAATC	ATTTTAAGAC	CTTTTTGAAA	TAAATAATGC	
AAATGAACTA	AA					132
配列番号:	3552					
配列の長さ	: 154					
配列の型:	核酸					
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUNGSO416	55				
配列:						
		_			r ganacactcc	60
				TCGTGTTCT/	A AGTATTTATT	
TAAAACAAAA	A GAATCACGT	TTCCCATTT	TAAA			154
配列番号:	3553					
配列の長さ	: 213					
配列の型:	••					
トポロジー		,		•		
	: HUNGSO41	66		•	•	
配列:						
					C CACAAATTGA	
AAGCTTCCA'	r gtttaatnt	T ATCCTCTTG	C TATATAAAT.	A AAGCAAATA	T ATTTAGGCCA	120

213

GGGTCTCACT GAGGGGGAGC TGTCTTGTCA TCTTTTAGAG TAAACTATTC TATAAACATA 180

TGCAAACAGC CCTAAATAAA TCTAAAGTCT AAA

クローン名:HUMGS04218

GATCGCACCA CTGAGCTCCA GCCTGGGCAG CTGNATGAGA CTNCATCTCA AA 52 配列番号:3599 配列の長さ:51 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04219 51 GATCTGGAGG GACACACGG AGACACCTGG CATAACCAAA AAATGATTAA A 配列番号:3600 配列の長さ:51 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04220 配列: 51 GATCGAAAAC ATATAGANAA AATAAAATGT GTGGTTGCAC CTGTACTGAA A 配列番号:3601 配列の長さ:466 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS04247 配列: GATCTAGAGG AGGATTTGCA GGAAGAGCTC GTGGAAGAGG TGGTGACCAN CAGAGTGGTT 60 ATGGGAAGNT ATCCAGGCGA GGTGGTCATC AAAATAGCTA CAAACCATAC TAAATNATTC 120 CATTTGCAAC TTATCCCCAA CAGGTGGTGA AGCAGTATTT TCCAATTTGA AGATTCATTT 180 GANGGTGGCT CCTGCCACTG CTTAATAGCA GTTCAAACTA AATTTTTTGT ATCAAGTCCC 240 TGAATGGAAG TATGACGTTG GGTCCCTCTG ANGTTTAATT CTGAGTTCTC ATTAAAAGAA 300 ATTTGCTTTC ATTGTTTTAT TTCTTAATTG CTATGCTTCA GANTCATTTG TGTTTTATGC 360 CCTTTCCCCC AGTATTGTAG AGCANGTCTT GTGTTAAAGC CCAGTGTGAC AGTGTCATGA 420 TGTAGTAGTG NCTACTGGTT NTTTAATAAA NCCNTNTTGT ATGAAA 466 配列番号:3602 配列の長さ:429 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04248 配列: GATCTATAAA TCAAGAAAAT CCATTGTCAT AACCATTTTT AAAAGTCAAT AATTAAGACA 60 TCCTTAATTA AAAAGTTTCA AATCTAGACA CTAAATGTGT GTGAATGTAC AAAGAAAACA 120 AACCATTGCT TATGCTGTTA TATACTAGAG AAATTTTGTT TTGCTTGCTG TTTTAACTTG 180 ACAGATGAAG GACTTTAGTT GAACTTCATA TTGTAAGAAC TGTTAATAAA AGTTGTCAAG 240 クローン名:HUMGS04286

配列: GATCAGAGGG GAAACAAACG CCAAGGGGTT GGGAATGGGT CGGCATCTGG AGTCTGAGAC 60 AGCTGCCCTC CTGCGTCAAG GGCTGGGGGC CTCAGCTTCC ATCCTGTGCC AGCCTCCATG 120 TGGACAGCTC AGCTTATTGT CCACCACCTG GAAATNCCTC GAAGCTTCAT NNGTCCAGGT 180 CAAGAGAATC CTGTTCCCAG ACCTCTGCCC AGCCAGGCCT TCCCAGCTCA GGGCTGACTC 240 CTGCACCAAG TGACGCACTT TTNATAACTG GTCTACCAAT GNCTCCCCTT CAAGTGAGAA 300 CTACCCTTTA CATTTAGGAG TGTGGCCCCG CAGTAAA 配列番号:3633 配列の長さ:337 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04287 配列: GATCCCTGTA TGCNGCCAAG GATGGGACTT CCAGCTAATG AATTTGTACA TGCAGCCAAA 60 TTTACAGGAA TTTTTTTAAA AGGCAGAAAA ACTTGAAATA CCAACATTCT GGCAAAAAAN 120 ANTCAGTTTT ATGANGAGTA AGTGGAACCT GGGNTGCAGG ANCAAAAGAG GGAAATGTTG 180 GGCAAACATT TINNIGGGAG CICCCITCGC TGTTGTGCAG CAGAAACAGA TICINAGITC 240 ATTITIACTC CCACTGTATT ATAGTTTANC AAAANTNGTT TATATCTTGG AAAAAAANCT 300 TTCTGTTTAA AAAANTTAAN CAAGTGAATG TNGGAAN 337 配列番号:3634 配列の長さ:390 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04288 配列: GATCCCACTG ATTGGCCAGC CGAGCGAGAA CCAGGCTGCT GCATGGCACT GACCGCCGCT 60 TCCAGCTTCC TCTNAGCCGC AGGGCCTGCN ACGCGGGCAA GCGTGCTGCC TCTNTNCTGT 120 GTCGTTTTGT TGCCAAGGCA GAATGAAAAG TCCTTAACCG TGGACTCTTC CTTTATCCCC 180 TCCTTTACCC CACATATGCA ATGACTTTNA ATTTTNACTN TTGTAGTTTA ATCCTTTGTA 240 TTACANCATG AAATATAGTT GCATATATGG ACACCGACTT GGGAGGACAG GTCCTGATTG 300 TCCTTTCTCC AGTGTACATG TTTTACTCAC ANATAANATT NTTTCAGCAA GTAAAGNGGG 360 ANNGGGTTTT GGTNGNGNGG NGTGNGGTGN 390 配列番号:3635 配列の長さ:73 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04289 配列: GATCTGGCCA TTTGGTACAT AATCCAGCAC AGATAAGCTG GGTGGTAATG ATAATAAAAA 60 TGGTTTTCTC AAA 73

配列の長さ:417 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04322

配列:

GATCTTTCTG GCTCCACTCA GTGTCTAAGG CACCCTGCTT CCTTTGCTTG CATCCCACAG 60
ACTATTTCCC TCATCCTATT TACTGCAGCA AATCTCTCCT TAGTTGATGA GACTGTGTTT 120
ATCTCCCTTT AAAACCCTAC CTATCCTGAA TGGTCTGTCA TTGTCTGCCT TTAAAATCCT 180
TCCTCTTTCT TCCTCCTCTA TTCTCTAAAT AATGATGGGG CTAAGTTATA CCCAAAGCTC 240
ACTTTACAAA ATATTTCCTC AGTACTTTGC AGAAAACACC AAACAAAAAT GCCATTTTAA 300
AAAAGGTGTA TTTTTCTTT TAGAATGTAA GCTCCTCANG AGCAGGGACA ATGTTTTCTG 360
TATGTTCTAT TGTGCCTAGT ACACTGTAAA TGCTCAATAA ATATTGATGA TGGGAAA 417

配列番号:3668 配列の長さ:298 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04323

配列:

GATCTCTGAA AGCTCAAATG GATGGAATTT AGTTTGCGGG AAAGAGGCTT TGCTTTGCGC 60
ATATCAGGCT TAGGACTGTG GGAGGCTTAA GAAGCAGATG CTTCTTTNAT TGTACTCTTG 120
TNCTGCCCTT GTTTTTTGAA GGCTCTGACT TATAACTNCT GTATCAGAAG AAACATTTTG 180
ACAGTGTCTT GGTTGGAGAT GAACATCCCT AATTGACATG TGATGACTAT TTCTNATTCC 240
ATTCATCTAA GAGTCATTGA AATTTTGTTT TGCTTTTG TTTAGCTTCA AGGTCTTN 298

配列番号:3669 配列の長さ:294 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04324

配列:

GATCATCTCT ATATCTAATT TGTATTATNA CTAATCTTAT TCCAACTATT TNCTTTATNA 60
TACTGAAACA GTTTGTNCCT TCAGTCTCTG CTTCGGCTAC CTAAAAGGGA AGGGCCCCCT 120
ATCCTGTAAT CACATGACTT ACTTCACCTT GTCAATCACT GAGAAGATTC ACCCTCCTTA 180
CCCTGCCCCC TTGTCTTGTA TGCAATAAAT ACCAGTGGGC CTAGCCCTCT GGGACCACTA 240
CCGGTCCCGG GGTCTTGATG GTAGTGGNCC CANAGCCCAG CTTGCNTNCN CAAA 294

配列番号:3670 配列の長さ:293 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04325

配列:

GATCAAGAGG CCACCAGTTG TACTTCAGCA CCAATGTGTC TTACTTTATA GAAATGTTGT 60
TAATGTATTA ATGATGTTAT TAAATACTGT NCAAGAAGAA CAAAGTTTAT GCAGCTACTG 120

配列番号:3705 配列の長さ:229 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04362

配列:

GATCAAAATT GAACCATTGT ACAGTTTGGN TTCTGTTTGC TTCAAAATAT GTAGAATTGT 60
GGTTGATGAT TAATTTGCGA GACTAACTTT GAGAGTGTAA CANTTTTGAN GAAAACATTG 120
AATGTTTTGC AAATGAAGGG GCTTCACGGA ATGTTACANT GNTACTAATA TAATTGGGCT 180
TTNNTNATGC AAATNGTTAA CACCAGCTAT TAAAATATAT TTNNGTAAA 229

配列番号:3706 配列の長さ:228 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04363

配列:

GATCGCTACC CACCTTCCTT CCATGGTTCC CACCCTCCAC GTTATTTCC CTTTCTGCAG 60
CGGTTGCACT ACAGGTAGCT ACTGTGTATT ATGGACAAAT GAGAAATGAA TTCTTTTCT 120
GGCTGTCCAT CTATTTATT TCAAATAAGG AAAAGTGTAT TTGGATTTTG TGTAAATACA 180
TCTAGTGATG NCATTTTTC AATGTTTTNA AAAACCGTGT ACAGTAAA 228

配列番号:3707 配列の長さ:228 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04364

配列:

GATCCTCATC CAATTGGTGT TTTTCAGAAG TNTTCCAATA TTATGAATTC TGTGTTGTGG 60
AGAAAAGCAA CCATGCATTT ACTGGTCAAT GCCTTCTTGT ATATGTAATT CAATACTTTT 120
ACTTTTAATA TCCTCACCTT ATCTAATCTT TGATTTTTGT CATGTAATTT ATTGCTTCAT 180
TAAGGTTACT TTTTGTTATA CAAAATAAAA GCTGATATCC AAGGCAAA 228

配列番号:3708 配列の長さ:226 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS04365

配列:

GATCTATGAA AATNTGTTTT GACCAAACTT AGTATTAGGC AGGTACACAG ATAAGATTT 60-CCATTCTNAA CATTCTCACT GTAATGCACG ACATTTGANG CACCTGNATG TGCTATCAAT 120 CAGGTGGGAA ATTTAGCATT ATATATTGGA AGCATTGAGA AACATTGGTC TNTCATTCT 180 ATTTNNTTTT NCCCCTCCTN TCCTCCTCCT GCCCCACANT ATATNN 226

配列番号:3709

TGTCAACACA GCTGGCTGGA TGATTGGGAC TTTAAAACGA CCCTCTTTCA GGTGGATTCA 120
GAGACCTGTC CTGTATATAA CAGCACTGTA GCAATAAACG TGACATTTTA TAACGAAA 178

配列番号:3746 配列の長さ:332 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04405

配列:

GATCCGAGTT CCTCACCGCG GGCCGGGATG TGACCACCCT NTTCAGAGGT TGGACCCCAG 60
GCTTCAAGCA CCGAGTGAGG GGTCTGTTGG GCCCCCTGGG AGAGTCTCTG GTGTGAAGTG 120
GCTTAGGTCT GGACTGGTCA GCTGTGGCAC CAGCCGGTCC TGCCCACGCT TCAGGATGGC 180
CGGGGGCTGC CCCTGTGGGA GAGTTGCCAA GACTCGGCGA TACCAAGGAT GGAAGCCAGA 240
GGCTGTGGCG AGGGAGAGCC AAGCATATTC CCAGCACCAG GGCCACTGCT GGCACGTCGT 300
AGACATCCAA TAAATATTTT TGGAAGGAGA AA 332

配列番号:3747 配列の長さ:177 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04406

配列:

GATCTNNATA CTGTGAATAG CAGAATGTAC AGATGAAGAA TATTAAAATN AGGGGCGTCC 60 ACTCCAAAAC ATATCACCAG AGTGACAACT TCAGCCCTCA GCCTCTGCAA TCCATATATA 120 TNCTGGTCTT GGGAGTCCAT AGAATACTGT TTCCTTCTAA TAAAGGTTTC AAACAAA 177

配列番号:3748 配列の長さ:186 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04407

和和

GATCAATAAT AGTACCTTN ATTATACATT TATTATTGTN TCTCTCTCTG ATGTACTGTG 60
GATTGTACAT TTAACTTTGG AATGGCTTTG TAATAATCAG TCTTAAGAAA ATNTTGACAA 120
GCTCTGGTTG CTTATTTTTA GAAAATAAGG ACATTTAATA ATAATAAAAA AAAAGGGATT 180
AATAAAA 186

配列番号:3749 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04408

配列:

GATCCCCAGT GGATGCCTGA AACCGCAGAT AGTACTGAAC CTTATATATA CTGTTTGTTT 60 TCCTATGCAT ACATATCCCT ATGATAAAGT TTATGAATTT GGCACTTAAC AGCAGAACTA 120 r;

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04453

配列:

GATCCNCCAT GGTGGACACG TCTGTNCTGT ATGTAAAAGG CATTACAAAT GTTTTTTAGC 60
AGATGAGACT TGAAGCCTTT CCACAGTCCT TGTNCTCTGA GATGGCTGTN GAGCTCTGCT 120
CANCTGTTN 129

配列番号:3791 配列の長さ:126 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04454

配列

GATCCCTACC CCTCANCAAC TAGCTCCCCT GTCGGCCAGC TAAGAGAGCT GGGACANTGG 60
AGGCTGGCAG AAGCTGAGAC GTGACTGTCT AGGAGTAACA CTCATTAAAG CTTTCNTTTT 120
GGCAAA 126

配列番号:3792 配列の長さ:126 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04455

配列:

GATCTGAAAA AGCAACCCAT TTCCTAAATT CATATTTTNC CTAAAACTTT ACTATGTTTT 60 NATTTTAAGA GGTTTCCTGT TATATACACT TTTNACACAT GCAAATAAAC TTTATACCAA 120 GTGAAA 126

配列番号:3793 配列の長さ:126 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04456

配列:

GATCTGTTTA GAAAATACCT TTGAAAACGA GGGTAACTTT AAAAAATGGA AACTTTCAAA 60 TCCATTTATA TTTTNNTTAT AANCAAAACT TAATTAAAAG TTTAACAAAC TGGCTGAAAA 120 CTCAAA 126

配列番号:3794 配列の長さ:126 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04457

配列:

GATCACTGAG CTGCCCNTCA AGGGGACCTG GANNCCGGGT CCTGGGGTCA TGCTGCCTCC 60

配列の長さ:80 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO4513 配列: GATCAAAACA AGACCCAGCT TATTTTCTGC TTGCTGGTAA ATTAAGCAAA CATGCTATAA	A 60 80
配列番号:3840 配列の長さ:78 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO4514 配列:	
GATCTGGTTG AAAATTGTAT TTCTATGTAA ACTCAACGAT ATGTTTGGTT TTCCTGAAA. TAAATAATTT TAAATAAA	A 60 78
配列番号:3841 配列の長さ:75 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUM9S04515 配列:	
GATCCTCACA CCTCAGCGTC CCAGAGTGCT GGGATTACAG TTGTGAGCCA CTGTGCCTG	G 60 75
配列番号:3842 配列の長さ:74 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO4516 配列:	
GATCAGAAAT CTGAGGTTCA ATGAGGCCAG AATAACTCAG CTTCAAAATG AATAAATGT GAAGCCAGCA CAAA	G 60 74
配列番号:3843 配列の長さ:72 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04517 配列:	
GATCTCCCCT TGGACTGATA CCCTTTTCCC ATTCATTCAC AAATAAATTA CAATGGGTG TGAGAACTTA AA	C 60 72

配列番号:3844

トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS04608

配列:

GATCTGTTCA CAAGCTGGTG TTCAGGAACC AATGTGTGAC TGGTCCATGC CCACTTCTGA 60
TTATATGGAC TCAGAGACAA TGTACATGGG AGTGCTTTGC CAGTGGTAAA GTTTCTACAA 120
ATGGGAGGTA ATTGCATGGC AGGTGTAAAG TTATTTGGAC CATTGAGGCC AGAAAAAATG 180
TAGATTTAAA ATATACTGAT ACTGAAAGCA GANCTGTTTG ANCTAATTGC TAATTTTAAG 240
GNATTCAGAC ATTCATCCAA AGGNTTTAGG CCAAAATGTT CCTAAATTGT TTCTCTATTG 300
CATATGAAAG TGATTTCNGC GGCTTAACNG TTCTCTNCTN TTTATGTGCA TGGCCATAGC 360
TGGTTGTNTT CACATGN 377

配列番号:3885 配列の長さ:367 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04609

配列:

GATCAAGGTG AAGCTCACAG TGTCAGGCTT TCTGGGAGAG CTCACCTCCA GTGAAGTCGC 60
CACTGAGGTC CCATTCCGCC TCATGCACCC TCAGCCTGAG GACCCAGCTA AGGAAAGTTA 120
TCAGGATGCA AATTTAGTTT TTGAGGAGTT TGCTCGCCAT AATCTGAAAG ATGCAGGAGA 180
AGCTGAGGAG GGGAAGAGAG ACAAGAATGA CATTGATGAG TGAAGATGTC GGCTCAGGAT 240
GCCGGAAAAT GACCTGTAGT TACCAGTGCA ACGGGCAAAG CCCCACAGTT TAGTCCTTTG 300
GAGTTATGCT GCGTATGAAA GGATGAGTCT TCTTCCGAGA AATAAAGCTT GTTTGTTCTC 360
CCTGAAA

配列番号:3886 配列の長さ:360 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS04610

配列:

GATCAAAGTA GCTTACTATA TCTAAACTGT AAAACAATAT AGTTTCTCT GAACACCTGC 60
TTTCCTTCTG GGAGTCTGGA ATTTTGGTAT GTGCCAGGCA GAGACTACCT TTGTGACCAG 120
CTCCCAGTAA AAACCCCAGG CACTCAGTCT CTAACAAGCT TTTCTGGTTG ACAGTGTTTC 180
ACAAGTGCTG TTACAACTGG TTGCTGGGAG AATTAAGCTC ATCCTCTGTG ATTCCACTGG 240
CGGAGGATTC TTGGAAGCTT GCACTTAGTT TCCCCTNGAC TTCACCCCAT GTGTCTTTTT 300
TCCTTTGCTG ATTTTGTTTT GTATCCTTTC ACTGTAATAA ATCATGGCCG TGAGCAGAAA 360

配列番号:3887 配列の長さ:359 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04611

配列:

GATCGCAAGT GACTGCTTCC GCTTCCAGGA CTGGGCCAGC TAGTGGGGGT GGCAGAGGTC 60

配列の長さ:306 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04644

配列:

GATCCTCCCA GCTCTGTCTC CCAAAGTTCT GGGATTACAG GCATGAGCTA CTNTGCACAA 60
GCTAAGAATA TGTGCTTTTA AATCCCATAA GGAAAAAAAT ATTTTTGGTA AATAAAATTA 120
AAGCATAAAT ATCATGATTT ACCTGACGTT TACCGTAAGC AACATAAAAG ATATGTGATA 180
CTGAATGACT AAAANGTAGT TTTGGTTAAA GAGAGTTCTA GTTTCCATGA GGNCTCTGAC 240
AATGCTGCAT TTTATTTTNC TTTTTAATGT GCACATTGGT ACANGTTTAA CTACTCTACT 300
CCTGTN 306

配列番号:3920 配列の長さ:304 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04645

配列:

GATCCTGTTA TGAAAAGCCC TAAAAAATAG GGTATAGAGT TTGGGCATAT TTCAGAGGTA 60
ATAAGAAAGC ATTCTGCATT TTTAAAGTAA GGTTTAAAAA TGTTTCTAAT TAGNGATACA 120
GCAAAGTTGG TGTGAGAGGA TAAAGCTGAT ATACATAATC TGAGGAGTTC ATGAAAATTC 180
ATGTAAANCT GTAGTATGAA TTGGCCTAGG NGCAGCAGCT NAGGGCATAG NGACTTTAAG 240
ACTTTTCCAA GAGAGTGNAG GCTGGNGATA AATTGTGACT AAAATATATT TTGTGTTTGN 300
GAAA 304

配列番号:3921 配列の長さ:301 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04646

配列:

GATCAAGTAA TTCTTTCACT AGGTTGGGTT TGGGGAGGGG GGAAAAGAGG GGCTTTTCCT 60
AGGAGAACGA TAAGAAATGG AAAGACTCCT TGAAGTGTTG CAAGGGAACC TCCTAGCACT 120
GTGAAAGTCA GAATCGCCTC AGCATTTCCA TGACGCACAT TATGCAAATC TNTTTAGCAC 180
TATTTTAAGT TTGAAAACTT TAACAATGAA GGGGAAGGGG AAGNTTTCCA CCAACTGANT 240
CATTTGTGCA CGTGTATAGC TCAAAGNGCT TAGACTTCAA ATATATCTGG TGAATGACAA 300
A 301

配列番号:3922 配列の長さ:301 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04647

配列:

GATCTGCCTG CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GAGATTAGAG ACGTAAGCCA CCATGCGTGG 60

配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04681

配列:

GATCTGCCCA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAT GAGTGCCCAG 60
GCAGAGAAGT CCTACACCAC GTGTCAAACT CGGAACACAA AGGGNCACTG TCTTATTGCT 120
TGGTACAGTA CTCCTGTTTG TTGAGAGCCC ATTTACTAGA GCAGCTCTGT TTGTGCTTAA 180
TGAAAGCTCT TTTCTGAGAG GCAACAGAGT GTGTTCTATC ATAAATGAAG CGCTCTTCAA 240
GAACTTCCTG AGCAAA 256

配列番号:3957 配列の長さ:254 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04682

配列:

GATCCACCGT CGGATTCCGT CTGCAGAGGA GGACGTAGGG GGCCGTCACA CCCACCAGGC 60 CTCCCTGCTG TGCTTTAACA CAGGCAGAAG AGGTTCATGG CAATATAATA GTCAATGAAC 120 TTTCAGTTTA AATTGTGTAC ATTTTTAAAT TGTAAGATTT TTACTGTATA TTGATGCATA 180 GTGTGATTCA ATAAATTGCT TGTAATTTAA AAACTATTTA ATATTCAAAA TAAATATAGT 240 TATATATTTA TAAA 254

配列番号:3958 配列の長さ:252 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04683

配列:

GATCTGTTTT AAAGTTGGGG GGTGGGAAAT TTAGCTGACT AGGGACAAAC ATGTAAACCT 60
ATTTTCCTAT GAAAAAAATT TTAAATGTCC CACTTGAATA ACGTAATCT TCATAGTTTT 120
TTTAATCTAT GGATAAATGG AAACCTAATT ATTTGTAATG AATTATTTAG ACAGTTCTAA 180
GCCCTGTCTT CTGGGAGTTA TCANTNTTAA AGAGANCTTT TGTGCAATTT CAAATGAAGT 240
TTTTATAAAGT AN 252

配列番号:3959 配列の長さ:251 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04684

配列:

GATCCGGAGT CTTTGAGGCC ATTNTTGAAC TACTAATTCA ACTAATCCTG AACCACCATA 60
TTTTCATATT CATCCATGAA GTGTTAAGTG TTCTTATGAT TTAAACCACT TAGCATTGGT 120
TTTTATATTT CTTGCAGCCA AAATCTTCCT AACAGTAAAA TAAAGTTTCA AGTTTCATAA 180
GTGCCAATGA TTTTTAAATG TTAATAAATT TGTACTAAAT AAAAATGGCA ACAGGAGCAG 240

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04719

配列:

GATCCAGACT ATAATCCTGC TGACCCAGAG AGTGACTCAG CTGACTAATG GACTGTCCCC 60
ATCTGCAGAG AGGCTTGACT GCCACAGCAT CTGTGGCTAT GCTCAGAGGG TTATGATTT 120
CCTTTCTTTT NNNTAAGAAA AAATTATTTT CAGGAGAATA TTCTTCTGAT AGCTTTCATC 180
ATTGAACTTA ATAAACTGAC CTTAAAATTT CAAATATAAA 220

配列番号:3995 配列の長さ:215 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04720

配列:

GATCTAAGGA AGAACTTGCT GCTGCAGTAT TGAAACTGTG AAGAACTGAC ATTTGAAGAA 60
AAATAGATTA CCGTTGCGGG ACTAGAATGG GCGACTGCTT GGAGCCAGTG CTTGTTTTTA 120
TCTAGGACAC TTACTGTCCT GTGAAGTAGA ATACATTTAT CTGCATTTAG TTTGTTAATG 180
TCTGAAATGA ATAAAAAGAG GAAATTGCGA TTAAA 215

配列番号:3996 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04721

配列:

GATCCAGAGA CAGAGGCAGC CTGTCTTTC AGTTGGTTC TGCTTTTAAT TTACTTGTAC 60
AATTCATTGT TACTGTTCTG TTTTTCCTAT TAATCTTTTG TCAACTTCCT GATTATGTAA 120
CAAAGTATGT ACAGTCTACT TTTGACCTAT TTTTATCACA GTATNATTNA TTNCTTCTTT 180
CAATAAAGTA CTNGNGCATA TTTCCACTGC CAAA 214

配列番号:3997 配列の長さ:214 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04722

积利

GATCCGNAGT TCAAGGGAAG AGGAAGTTGC CTCTNAGCTC CATCTCTCTG CGCTGCTAGA 60
CATGGTGGAC ATTTGAGCAG CCTGACCTGT GGGGAGGGGG TCTCTCCCGA AGAGTTTCTG 120
TTTTTACTCA AAATAATGTT ATTCTCAGAT GCTTGATGCA CTGTTGGAAA NGGGGATTAA 180
TTTAATCATG CAGATAAACC ATTTAAATGT CAAA 214

配列番号:3998 配列の長さ:212 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04764

配列:

GATCCTGTTT GTACAAAGTC TTGCTTTTAT AAGGTTTCAA TAATATCTAA AACAACACAT 60 TAAAAAGCTG AGACCATTTT ATGAAGATAA TTGTTTGTAA TCATAGGTGT TGAAAGTAAA 120 AAGGTGCCAT CTTGTGGTAT TGACTTGTAT TTATAACAAA TAAACTGCTC AAGAGACAAA 180

配列番号:4036 配列の長さ:180 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 グローン名:HUMGS04765

配列:

GATCCTGGTT ACAGCCATTT TGTGTGATTC ACTTCGGGGG TTAAGTAATG CAGGATTCTG- 60 CAAACAAGGT GTCGCCGTCC AAATGTACTG TCCTGGCATA GAGAGCACTG CTTTGTTTTC 120 CACTGTTGTA GAGAAAACTA GGGAGAACTT TATTTTTCAA TAAACTTTTC TTGTGTGAAA 180

配列番号:4037 配列の長さ:178 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04766

**阿利**·

GATCATGTAT AAAAAGAAAA AAAAGAAGTC ATGCTNTGTG GCCAATTATA ATTNTTNNCA 60
AAGACTTTGT CACAAAACTG TCTATATTAG ACATTTTGGA GGGACCAGGA AATGTAAGAC 120
ACCAAATCCT CCATCTNTNC AGTGTGCCTG ATGTCACCTN ATGATTTGCT GTTACTNN 178

配列番号:4038 配列の長さ:177 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04767

配列:

GATCAGGATT TGGGAAAATT GTGGTCAATA TTTGATTTTC CTTTTCTGTT TGATAGCCTT 60
ATCTAAATTC CCCTAGCTTG AATGTAGTAA ATATGAGTGT GTAAAAATGT GTATCTAATT 120
CACCTCTTNG GGGAGGTTTA ATGTAACTAT AAATAAAAAT TCTTTCCCCA GGTTAAA 177

配列番号:4039 配列の長さ:175 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04768

配列:

GATCTTACCT CCTAACCAAC TCCATACATC ATGACCAATG GCTCAGTCCA AGCNGTCATC 60 TCTTGCTTGG TCACTGCAGG TACTTGCTAA CTTTCTTCCC AATAATCCAA CCCCCACAGA 120 配列番号:4080 配列の長さ:141 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04810

配列:

GATCTTCTC TCTCTTGTCC ACCTATTAAT TGTTTACAAT ATTTGTTACA TCTTATGCAA 60 AATACTTGAN TGGGCCATGG TGCCTTTTT CCTTGTNAGT ATTTAATTAA AAATGAATTG 120 TTTGTCATTT GCAATGTTAA A 141

配列番号:4081 配列の長さ:140 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04811

配列:

GATCCCGTTT TCCCCATGAC AATGTTGTAG TGTCCCCCAC CCCCACCCCC CAGGCCTTGG 60
TGCCTCTTGT ATCCCTAGTG CTCCATAGTT TGGCATTTGC ACGGTTTCGA AGTCATTAAA 120
CTGGTTAGAC GTGTCTCAAA 140

配列番号:4082 配列の長さ:138 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04812

配列:

配列番号:4083 配列の長さ:138 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04813

配列:

GATCTATCAA AGGAAAAGGA AACTGAGACC GAAAACTTAG GGTCTAAGTT GTTCTAAACC 60 CAGGGTTCTC AAATGTGTTG TACAAAAAGT TTCATGTAAT AAAATTAAGC AAATAAAACA 120 AATGAATAGA GGTCCAAA 138

配列番号:4084 配列の長さ:137 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

配列の型:核酸トポロジー:直鎖状

クローン名:HUMGSO4861 配列:	
BL74. GATCCCCCCT CAGGACAAAT CTACTCCAGC CACGATGAGA AGTGGGTGAG CCAGGGT	CTG 60
AGTTTCACAT TTGAACCAAA TAAAATGCTG TCAAGAGAAA	100
配列番号:4128	
配列の長さ:97	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGSO4862	
配列:	
GATCATGCCA TTGCACTGCA CCTGGGCAAC AAGAGTGAAA CTCCGTCTTA AAAAATA	
GAAATAAAAA AATAAAAACC TGTCCCCAGA CTGGAAA	97
配列番号:4129	•
配列の長さ:97	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS04863	
配列:	
GATCCTGAGC TAGGAGAGTA CATTTTGCAG ACCTTTGGTT TCCATATTAA GAAATTC	AGA 60
TTTTNATGTA CAATAAAGAA GTTCTGGAAT TCTCAAA	97
配列番号:4130	
配列の長さ:96	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04864	
記列:	
GATCTCTNTN CAGCCCTAAA GCTCCTTGGT TCTGTAATTC CACCAATAGC CCATTTC	AAA 60
AATAATTCTA CAGTAATCAG TGGGACTCCT GTTTTN	96
配列番号: 4131	
配列の長さ: 95	
配列の型:核酸	
トボロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS04865	
配列: CATCACACCA CTCCACTCAA CCCTTCCCAT CACACTCACA CTCTCTCT	LAAA 60
GATCACACCA CTGCACTCAA GCCTTGGCAT CAGAGTGAGA CTCTGTCTCA GTAAAAAAAAAA	1444 00 95
ANIAMIAM IAMAMIUII IMMIIAACCA IUAAA	30
配列番号:4132	
前別の長さ・95	

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04919

配列:

GATCAAAACT CTGTTCTCAA AAATAAATAA AAAATAAAAA ACAAAACAAC AACAACAACA 60 AA

配列番号:4178 配列の長さ:61 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04920

配列:

配列番号:4179 配列の長さ:60 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04921

配列:

GATCCAAGCA AACTACTTTA AGCAAATATT TGTAAAATTA AAAACGGAGG ACCGCTCAAA 60

配列番号:4180 配列の長さ:60 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04922

配列:

GATCTAACAG TTCTCCAATA AAATAGTTCT CATTCCAGAG AGCAGATGAA TATATTTAAA 60

配列番号:4181 配列の長さ:59 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04923

配列:

GATCTATGAC TGTACTACAC TCCAGCCTGG TCAACAAAGC AAGACCATAT CTCTTTAAA 59

配列番号:4182 配列の長さ:59 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS04924

配列:

TTCAGAGAAC TGAGACAGAA GCTCTTCTGT CGTTATATTC TTCTTTCCTT TTTTTGGATT TATTAAATAT TTTCTGTGGA AA	240 262
配列番号:4223 配列の長さ:277 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05019 配列: GATCCTGCAG TGTCCTGTGG GTTCATCTCG GATGGGCGCT GCATAAACAG CCTGCAGGGAACCTCTGGGA GAACCAGCTT CACAACAGAT ATAATAAGGA AGAAGTTTGA AATATTGCAAGANTTGCGAA AGTGTGACAC ACAGATACAA AGTGGGCACA TGCTCGTGGG AAAATGTTGCCAATAGACTT GCTTGACTCT GGAGTTACCC CGAACCTTCA ATTTGTTTAA AAAAAAAAAA	120 180
配列番号: 4224 配列の長さ: 271 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS05021 配列: GATCGCGTCC ACCTTCATCG CTGTGGTGCA AGCCATCGTC CGCACGGCTG GTGGCTGGG AGCTGCCTCG GACTCCAGGA AAGGCGGGGG GCCTGCCGGC TACTGAGTGC TCCAGGAGG CAAGGCTGAC AAGCAATCCA GGGACAAGAT ACTCACCAGG ACCAGGAAGG GGACTCTGG GGACCGGCTT CCCCTGTNAG CAGCAGAGCA GCACAATAAA TNAGGCCACT GTGCCAGGN CCAGGTGGCC TNCCTGGNCT GTTTCCCCAA A	G 180
配列番号:4225 配列の長さ:138 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS05023 配列: GATCCACGGA AGACTGTCAG CAGACTTCAC CAGAAAACTT TCACGCCAGA NGGCAGTC GATATATACA AAANGCTGAA AGGAAANCAC TGCCATCCAG GANTACTATC TCCAACTN CTGTGTTTCA AAANTTAN	GT 60 TC 120 138
配列番号:4226 配列の長さ:64 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05024 配列: GATCTGCATT TAAAAATATG GTCTTTGTTT TATATGATTA AATGGTTTGT TTTCATAG	GAT 60 64

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

配列番号:4261 配列の長さ:553 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05066

配列:

GATCAGCGTG CGGGGTGTGA AGATAGGCGT CAAGGCCGAT GACTCCCAGG AGGCCAAGGG 60 GAATAAATGT AGCCACTTTT TCCAGTTAAA AAACATCTCT TTCTGCGGAT ATCATCCAAA 120 GAACAACAAG TACTTTGGGT TCATCACCAA GCACCCCGCC GACCACCGGT TTGCCTGCCA 180 CGTCTTTGTG TCTGAAGACT CCACCAAAGC CCTGGCAGAG TCCGTGGGGA GAGCATTCCA 240 GCAGTTCTAC AAGCAGTTTG TGGAGTACAC CTGCCCCACA GAAGATATCT ACCTGGAGTA 300 GCTGTGCAGC CCCGNCCTTC TTGGGGTCCC CCCAGCCCCT NAGGGCCAAG TTGCCAGGGA 360 CAAGCTTGGC TTGCTGGACA AGGGATGTTG GCAACTTGNT TTNAGGGAGG GGGGCAACTT 420 GNCCAACCGG CCANNNGGGN CAAAGGGAAA GTTNGGGGGG NCCCGTTTGG NCCAANGGGT 480 TAGGGGGAAG GGGTTGGGGG GNAATTNGGG GGNGGNGGGG AAATTTNCNA GTTTTANTTG 540 553 TTAATTTTTT AAA

配列番号: 4262 配列の長さ:314 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05068

配列:

GATCTCCCGG ACCCCTGAGG TCANATGCGT GGTGGTGGAC GTGAGCCCACG AAGACCCTGA 60 GGTCAAGTTC AACTGGTACG TGGACGGCGT GGAGGTGCAT AATGCCAAGA CAAAGCCGCG 120 GGAGGAGCAG TACAACAGCA CGTACCGTGN GGTCAGCGTC CTCACCGTCC TGCACCAGGA 180 CTGGCTGAAT NGCAAGGAGT ACAAGTGNAA GGTCTCCAAC ANAGCCCTCC CAGCCCCCAT 240 CGNGAAAACC ATCTCCAAAG CCAAAGGGCA GCCCCGAGAA CCACAGGTGT ACACCCTGCC 300 314 CNCATCCCGN GACN

配列番号: 4263 配列の長さ:176 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05069

配列:

GATCCAGGGA ACAATGACTA TAGGTGAGCA GATGCTTTAA ATTAAGGAAA GATGGAGAAG 60 AAGCCAACTA GGAAATTAGA GAACACAGCA AGCAAAGAGA AGCAAGCGAG TCCCCTTGAG 120 TGATGCCAAT ACTITITITT TITTITITIG NGANANATIT INTNNCCANT NTGGIN 176

配列番号:4264 配列の長さ:389 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05070 ATNTTGGGAA CCTNGCCTCC TTTTTGGTGN TGCCTTGNCT TGAAATAACT TNNTTATTCC 480 CAAGAGGAGG GNCAAANTTC AAGTTGGGAA GGTTGGTTTA ACCGGCNTTC CAATTCNGGG 540 GNAANTCCCN TGGNGGGNN 559

配列番号:4296 配列の長さ:50 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05110

配列:

GATCTCTATG TATGTGTGTA TATAAATATA GTTTTTTATC TATATATAAA

配列番号:4297 配列の長さ:548 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05111

配列:

GATCAAACGA ACTGTGGCTG CACCATCTTT NTTCATCTTC CCGCCATCTG ATGAGCAGTT 60
GANATNTGGA ACTGCCTCTT TTGTNTGCCT GCTGAATAAN TTCTATCCCA GAGAGGCCAA 120
AGTACAGTGG AAGGTGGATA ACGCCCTCCA ATCGGGTAAC TCCCAGGAGA GTGTCACAGA 180
GCAGGACAGC AAGGACAGCA CCTACAGCNT NAGCAGCACC CTGACGCTGA GCAAAGCAGA 240
CTACGAGANA CACAAAGTNT ACGNCTGCNA AGTCACCCAT CAGGGCCTGA GCTCGCCCGT 300
CACAAAGAGC TTCAACAGGG GAGAGTTTTA AGANGGGAGA AGTGCCCCCN ANCTGGNTCC 360
TCAGTTCCAG CNTGACCCTC TCCNATCCTT TGGCCTGTGA CCCTTTTTTT TCCACAGGGG 420
GNCCTACCCN TTTTGGNGGT CCTCCAGCTC ATTTTTTAA CCTTAACCCC GNTTNNTTCT 480
ATNTTTTN 548

配列番号:4298 配列の長さ:415 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05112

配列:

GATCAGCGCC TGAGAAGTCG TCGGGCGATG TCCCCGCGCC GTGTCCCTCT CCAAGCNCCG 60
CCCCTGGGTG GGCTCGGTGG AGCAGACCCC GCGCAAGAGG CTGCGGTGAG CCAATTTAGA 120
GCCCAAAGAG CCCCGAGGGA ACCTGCCGGG GCAGCGGACG TTGGAAGGGC GCTGGGCCTC 180
GGNTGGNACC GTTCATGTAG CAGCAACCGG CGGCGNNTGC CCAGNAGCAG CGTTCGGTTT 240
TTTTTTTAAA TTTTNAAAAC TGTGCAATGT ATTAATAACG TNTTTTTATA TCTAAATGGT 300
ATTCTGCACG AGANGNTACA CTGGGTCCCA AAGGTGTAAA AGCTTTTTAA GAGTCATTGT 360
ATTATAAAAAN TNNNTTTAAT CTNTTGGTTG AAATCTTNAA GTGNNANAGT ATTNN 415

配列番号:4299 配列の長さ:156

配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状			•		
クローン名: HUMGS05153					
配列:	٠	•			
GATCAAGACG AGCCTGCACC	GCCTGAAGCC	CGACACGGTG	CCAGCGCCCT	GCTGCGTGCC	60
CGCCAGCTAC AATCCCATGG					
CTATGATGAC TTGTTAGCCA					
GTGCACCTGC GCGGGGGAGG	CGACCTCAGT	TGTCCTGCCC	TGTGGAATGG	GCTCAAGGTT	
CCTGAGACAC CCGATTNCTG	N				261
配列番号: 4336					
配列の長さ:145					
配列の型:核酸	3	• •			
トポロジー:直鎖状			•		
クローン名:HUMGS0515	5				•
配列:					
GATCCTCAGT AAACTCTGAG					
GGTATTATGT TATGTGGCAA	TAGATAGCTA	ATATATAACT	NATTTGANTC	AAACAATATG	120
TTAANTTAAA GCNCAGAAGA	NTAAA				145
配列番号:4337					
配列の長さ:264					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0515	7				
配列:		amma. a		G + G + C C C C C T +	60
GATCTAAGGA AAGAAATGGA					
CTGGAAGAGG ATTCTGCAGA					
GTGGTGACAG AATCTGAAAA					
CAAGAGGAAA ATTAGCTGTT		AAGAAIAAI	CITANCAGIO	, Idontuoidi	264
CATTAAATTC TAGATGTTGA	LAAA				201
配列番号:4338					
配列の長さ:109					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS051	58				
配列:					
GATCGGGGCG GGGAAACAG					A 60
AGAGTCCACT CGGCACGTG	G TCCNGCGCG'	T GAGGGGGGG	T GTCTAAGTN		109

配列の長さ:195 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

配列番号:4339

TTCTTAGATT CCTCTCCCAG TCCTCTTCC CATTGTTCTG TTGCTCCACC TTATTGTCTC 240
AAGGCCGTAA TCTCATCAGG TTGGGACATT AATCTTTTCA ACTCCTTTGT AAAGATTTCC 300
CAGTTTGGTT TCTCTACATG TNCTGCAGCT GGCCNCAATT CTCCTTTNAC GTTGTGTAGA 360
GAATGNTCTG CAGTTTTAGG GCAAGN 386

配列番号:4379 配列の長さ:174 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05206

配列:

GATCTAAACG AAAAATAGTT TCTTGTTTAA ATTCACATAA GGCAATNAGA TATGGAAAGA 60 TGACAAGATA CGTATAAACA TTGGFTTGCA TTTTATTAAA TNATTCTAAT GCAAATCTTG 120 TATAAAGAAC CCATGATGTT TTGTAACTTT CTAATTAAAA TGTTCAAAAT GAAA 174

配列番号:4380 配列の長さ:207 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05207

配列:

GATCTTGGTC AATAACTGGG AGATGGACAA ACTAGAGATG GAAGATGCAG TCACATTTTT 60
GAAGACTAAA ATCTATTCAG TAGAAGCTCT TCCTGTTGCT GCTGTAAATG TGCAAAGCAC 120
ACAATAAAGT GAAAATCAAC CTTTTCATAT TAGGAGACAT GCATTTGTAA AAATTAATAA 180
AGATGACAAG TCAGTTGTCA ATGGAAA 207

配列番号:4381 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05208

配列:

GATCAGCACC TTGGCCGTGA TTCCCAAGGT CCCAGCCAAA GCAAAGGGCC AGTTGTTTCA 60
GTTTAAACAG ACATGTCTTT AGTCTAATAA AATTAGTTAA CTGCCAGTAA AGTTATTTGT 120
TAGCTTTGNT GAAAGCTATG NNGGTATCTT TCCCTAATCA TCAAAGTAAA TAAAAANTCA 180
TTTCTNAAA 189

配列番号:4382 配列の長さ:502 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05209

配列:

GATCTGTTCT TTTTAAGTTG ATTCGGGAGT GGCATTCTTT TATACCCAAA GACTGTAGTG 60 CATCTTGAAG AGCTCAAAGC ACATGACCGC ACAAATGCTT ACAGGGTTTC CTCCCGAGTA 120 クコーン名:HUNGS05251

配列:

GATCAAAGCA ATTTACAGAT TCAATGCTAT TCCTGTCAAA CCACCTATGA CATTCTTCAC 60 104 AGAACTAGAA GAATAAACTA TTAAAAGTTC GTATAAAGTT TAAA

配列番号:4421 配列の長さ:256 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05252

配列:

GATCTCAACA GTGTGGGGTG AACAAGAAGA CTGTATCTTC AGCCTTTTTC CTATAATCAT 60 GGATGATTTG GTCTTATTCA AAAGGACCGC ACATATTAGT ACTCTTAAGA GCATCTTCCA 120 AGACTCCAGC AGNGAGCATT TAGAGAGTGT GTTGTCTTCC AGAGTCATGA ATGATTTTGT 180 TTAGCTATCA GGTCTACTAC CTCTAAGGAC ATTTCATAGC AGCATCTCTT GAGTTGCCTG 240 256 CATCAGTGTG GTGGTN

配列番号:4422 配列の長さ:255 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05253

配列:

GATCTGAATA TAATTCTGGT AAACAGCTGT CTTCATTTTT NTCCTCTAAA GAACTTAATT 60 CATTTGTTAC ATAAAATATA AGGAAATCTT TGTACTATTT TACAGTAACC ACAATCTAAA 120 TATTTACATA TACCCAAAAT TANCTTATGC TCATATATTA GGATGTGAGA NTATCATCTG 180 TTTATGGACA CATGAAACCT CCTAATGACC TGGAATTGTT AGANTATNTG ACTTTTTATA 240 255 TGCAAAGTTT TTCGN

配列番号:4423 配列の長さ:58 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS05254

配列:

58 GATCCCCGGT GGTTTTGTGC TCAAAATAAA AACTGATTAA ACCTTTGTGG CTGTGAAA

配列番号:4424 配列の長さ:234 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05255

配列:

GATCCTTTTC TTCTCTTATA AATCATCCTC TTAATGAAAA TTAGCCTAAC AAAAGTTTGG 60 AGACTGGAAT CCTACTTTGA GCCACTGACT TGAAATAACT CTTTTGGCAA GTTGCCTGAC 120 WO 95/14772 PCT/JP94/01916

クローン名: HUMGS05301

配列:

GATCTGGGTA AAGGACCATC TGGGGATTCT TTGTACTATT TTTCTTTCCG CAACTTTTCA 60
AGTTTCAAAC TATTTGCAAA TAAAGAGTTT TTGTTTGTTA AA 102

配列番号:4463 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05302

配列:

GATCACATGG CTAAGGTGGT GTGTGCCAGG TTTCTCCACT GTAAAATTAG GAATTTTCCC 60
TTTGAAATTA ACAAGAATCT TCCACTTTGA AGCTGTGTGA ATGTCTTATT CTTAAAATTT 120
TGCCTACTGA TTTTNANNNN CATCATCAAT GATTCTTGCT TATAACAGGT ATTAATGTTA 180
TGCTTGAAA 189

配列番号:4464 配列の長さ:364 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05303

配列:

GATCATGTTA ATTTAAAGCT TTATACACAT TGTTGTTTTT GCTGGTCTCA TCTTTGGTAA 60
TATGCTATAC CCCACTGCTG CCCGACACTG CCCTNTAGCT GCAGAGCTGG ATTAGCTGTT 120
GACCATTTGA TGCTGTTGTC TGTCTGGCAG GGACTGAATG ACCTGATGTC AGATTTAGAT 180
TCTTCCTGGG GATTACACAG CTATGAATGT ATTTGCTTCT AAAACCTCCC AAAGTGAATC 240
TAATCTTAAA ACTACAAGTT GTAAGTATTC TGAAATTGGG AAACATTTAT NTNAAATGCA 300
ATCAGGNNAG TGTTGCTTTT TACAGCATAA TNAATATANG TNTCAANNAN NGTGGANGGT 360
NGTN 364

配列番号:4465 配列の長さ:229 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05304

配列

GATCACTTGA TGTCAGGGAG TTTGAGACCA GCCTGGCCAA CATGGTGAAC CCCATCTCTA 60 CTAAAAATAC GAAAATTAGC TGGGTGTTGT GGTAGGCACC TGTAATCTCA GTTACCTAGG 120 AAACTGAGGC AGGAGAATCA CTTGAACCTG GGAGTTGGAG GTTGCAGTGA GCCAAGATTG 180 TGCCACTGCA GTCCAGCCTG GGTGATGAAA CAAGACTCTT TGTCTCAAA 229

配列番号:4466 配列の長さ:496 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 WO 95/14772

配列:

PCT/JP94/01916

TAAATAAAGA GATTGAGCAA GAAA 84 配列番号:4504 配列の長さ:316 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05347 配列: GATCTNAACC CCAGACATCA AGGATAACAT CGTTGCTCAG CTGAAGCAGC TGTACCGCAT 60 CCTTNAAACC CAGGAGAGCT GGCAGCCCAT GCAGCCCACC CCCAGCATGC AACTGCCCCC 120 TGCCCTGCCT CCCCAGTAAT TGTNAATGCN ATCTTCTTCC TTCTNTTTTT TATAATATTG 180 TÁCATATGGA TTTTTTNAGN GNTTAGATTT AACCAGCTTT TAAATCTCTC TTTNNTCTAA 240 CAGTGTTAGA AGTTTGTNAT TETNCAAATA TGCCTAGATT TAAAGCTGNT TTGAATTTAT 300 GGNAAAAAAA AANAAN 配列番号:4505 配列の長さ:218 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05349 配列: GATCAAAGTG TTAGGGGAAA AAAATTCCAA AAGTAGTTAC AAGCTATATC AATGTCAAAG 60 TAAATNCACT TCATCAAAGC TAAGAAGTCA CAGGAATTGT NCTCAGGTTT TTAAAAAAAT 120 TTTNCCTGAA TTCAGGAAGT GTCTTCTGAA TAGCAGCTAG CCANNTAAAG CGGTGTGTGT 180 218 GTACTGCAGC TGTAGGTGAA CTTAAAAATA ATAATAAA 配列番号:4506 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05350 配列: GATCAGCCAG TTACCTTCTC CATTGTNTTA GTTCTGTCAC CCATTTCGTC AAGTGACCTC 60 TCATCTTCTA TAAACTAATA CAGGAATTCT TTCCAAAGCA ATGTCTAAAA ACTCTTTTTT 120 TTAAAGTAAC AGTTTGGTAT GTTTATTGTA GATAAATNAT TTTTNAGGCC TTCATTTTAG 180 CTAAGTTTAG AATTNATATT AGGCANCTAT GATTTGAGTG GTTATNCATT GAGTAANTTT 240 CCACTATAAA GAATTTNATT GANCANTTGT TAAAGNATNN TGGTAATGCA TGGNCAN 297 配列番号:4507 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05351

GATCAGAGCA CTGAGAAACT CCAGAGGCTT CTGGTTCACC GCCCTGATTC CACAGATGTG 60

クローン名: HUMGS05393					
配列:					
GATCAGAACA NTNCAAAAAA	TTCACACCCC	CAAAAAAGNC	AAGCTATTAT	ATGGCAATTT	60
CGTGATAAAA TATTCATCCT	ATTTGTCCTG	CATTTCTAAT	TTTCCCGTAA	CTAGACACAT	120
CAGTTTTATA ATTAGGGNAA	AAATACCTTN	TAAAAGTAAA	GCGAGCANAG	GTTTCNNTTG	180
CANTGTTCAT TCCN					194
配列番号:4545					
配列の長さ:108					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状		•			
クローン名:HUMGS05394	:				
配列:					
GATCTGGTAG GTTGCAGCAG	AGAAAATAAA	TGTGACTTGN	GAGNCCACTC	AGAGAGGGTÇ	60
CAAGGGTGAT GGAGAAGGAA	GCATGGCCTG	GNAGCTTGGA	AGGNANGN		108
配列番号:4546					
配列の長さ:266					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS05395	5				
配列:	•				
GATCTGCTCT TGCAATGGCC	TCACCATCTG	GNAGGAGCGA	GGCCGGCCCA	TCGTTGGCAA	<b>6</b> 0
GGGCCGAAAG GAGTCAGCGC					
GTTGCTGTCC TCCAGGGCGA					
GCCCAGTCTT TGGAGAGCTC		AGGAGCTGCT	GTGGTGTTCC	CTTGGCAAAT	
NAAAGTTTTA TTTTCGTTTG	GGNAAA				266
配列番号:4547					
配列の長さ:72					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS05396	3				
配列:					
GATCTCCGTG TGTGCATGTN	ACTGTGCTGG	GTTGGAATGT	GAACAATAAA	GAGGAATGTC	60
CAAGTGTTCA AA					72
配列番号:4548					
配列の長さ:104					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状	_				
クローン名: HUMGS05398	8				
配列:	m.m.a m.a. = =	mm . am . aa : =	00.000000	mmamcaaaa	00
GATCATGGGG GTGGATTTCT				TTGTCCCCGT	
GGTAATGAGT GAGTTCTTAA	GAAATCTGGT	CATTGAAAAA	TAAA		104

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

配列番号:4585	
配列の長さ:122	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS05438	
配列:	
GATCTGTAGG GTCAGGAACA CAGCACCTAA CACAGTGCCT TATGGATAGT AGTTTTATAA	60
TACAGATGTG TTGGAAGAAT AAATGAATGG GTCCTTTTCA AACAAATTCA CCAGAAGTTA	120
AA	122
配列番号:4586	
配列の長さ:288	-
配列の型:核酸	•
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS05439	
配列:	60
GATCTGTCAC CTTCAGCGAG ACCTATTTCC TCCCCACCCC CAGAAACCTC TTGTGTTCTT GCCTAGGCCC AGGTGTTCCT GGCAGCCAAA TCGAGTCTCT CATTTTCTCT TGTGGACCAG	120
TTAGTTTTGC CCATAACGCA GTATTCTGAG TTTGCAACTG TCTCTCTGAT GTGTGCCTTT	
TGTTCAACAC AGTAACCCCT GCATTCTGCT CTGCTCTAAT ACACTACCTG GAGAAAGTCT	
TTTCCTTATT TTCAATAAAT GTCAGACATT ATTGNAAAGA AAAAANTN	288
IIICCIAII IICAIAMI GIOMMONII MITOMANOM MARAMINI	
配列番号:4587	1
配列の長さ:188	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS05440	
配列:	
GATCCCTATG TGGCTAACAG AATTAATGNT TCCAAAAATG TTGNAAATTA TATAGTNCTC	
TTAATTCCCC ACCTCTAACT ATATTTTTGG GTTATTTCTT TAGGAACAGA TGCCCAGGAC	
TCATATTACT GAGAATCTAG AAATCTTTTG CAAAGTTCTT GTTATNTTGN CAAATTGCTT	
CCCNNNN	188
지하고 모. 4500	
配列番号:4588 配列の長さ:287	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS05441	
配列:	
GATCTGCCCG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC CAGTGCCCA	G 60
TCCTGCCACA TCTTTTTGT TAGTTGCAGT AGCAATACAA CCTTATCTAG AAAAGCTGG	
CAAAAAGAA AATACCATGA TAATAGGGTA CCTAATTTAT TGCTTTATTT AAGAAAAAT	

287

TAATATTTCA TTCGAATAAG TACTTTTGGG CTGGGATGNT ATTTCATTTA GCTACTTGGC 240

ATGCCACCCA TCTTAGGGAA TTATATGAGG GTTTATACTT TAAAGTN

配列番号:4625 配列の長さ:252 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05483

配列:

GATCCTGACC CCAGCCAACA GCTGAGCTGC CGGGCCTCCT CGAGGCCCTA AGCCAGCCCC 60 AGAGGTCCCA TCTNAAGCTG GAGTACCCTG GGGTCAGCAG CAAGAGAAAG AAGNGGAGAT 120 TTTNTGTTTN TTTTTCCCCT CAGCCCTGCC ACCGTGGGGA GTCTGGTTTT TNTCTTCATC 180 CTGTCTCTCT CCTCCTTACT CTTGGATAAA TAAACAGCCT GTGAGCACAC AGGCAAGCCC 240 252 GGCCCAGTGA AA

配列番号:4626 配列の長さ:334 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS05484

配列:

GATCGTNACA AATCTNCCCT CCTCACCAGC TAGTCTGGGG TTTCCTCTCC CTGCCCCAGG 60 CCAGAACTGC CTTCTTCATT TCCACCCACG CTCCCAGCCT CTTAGCTGAA AGCACAAATG 120 GTGAAATCAG TAGTCTCGNT CCATCTNNAA TAGACTAAAC CTAAATGCCT CTAGGACGGA 180 CTGTTGCTAT CCAAGNGTTT GGTGTTACCT TCTCCTGGGA GGTCCTGCTG CAAACTCAAG 240 TTCCNCAGGA TGGTCAAGNT GTCANGANAT ACAAGTTTNC ATCAATTGTA ATTATTACCT 300 334 GGTCTTTNCA ANTTTGCAAN GGNGTTTTGG GNTN

配列番号:4627 配列の長さ:192 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05485

配列:

GATCTTCCAT CAGGGCCGGA GTAAATCCCT AAGTGNCTCA ACTGCCCTCT CCCTGGCAGC 60 CATCTTGTCC CCTCTATTCC TCTAGGGAGC ACTGTGCCCA CTCTTTCTGG GTTTTCCANG 120 GGANTGGGCT TNCAAGGTNG GNGTNTCTGT AAAATCAACA GGTAATAAAA ACTGTGTATG 180 192 AGNCCNGGCA AA

配列番号:4628 配列の長さ:315 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05486

配列:

GATCTACAAT NAGATATCAC TTAACACTCA CTGGAATAGA TATATAATCA AAGTGATAAT 60 ATCAAGTGTT GGNGAGGATG CAGAGAAATT GGNACCCTCA TGCACTGTTG GTGGATACCC 120 ACGTGATATN AAAACAAATG TCTACACAAA AACTTGTGCA CAGATGTTCT TTGCAGCATT 180 CATTAATATT TGTGACATAT GAGAATGCTA TGAAAGTCAA CTTTGCTATC CATAAATAAA 180 GTTTTATTGA CATAAA 196

配列番号:4666 配列の長さ:316 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05533

配列:

GATCAGATTG CTCAACTCCA TTATAATTTG TTTCCAAACT AATCTGTTCA GGCAAGATAA 60
AGATATAAAT GTGGATTGTT GCTGAGGTTA AGTCTGGTCA GATTTTNCCA NTTATGCTTG 120
AAAAGTAACC ATATTCAAT CAAATATATA ATATGTATAT NTCATAATAA TATANGCAAT 180
ATTAGTCTCA TTATTAATTC AAAANTCTCA TCTATATTTC ANCACTGTAG AACATTATTA 240
NNTGANTAAN TGACCTATAA NTATTTGGTG CCTGANGAAG TCACTTTGCT ATTANTNATA 300
CGGTGTAGNG TGTGGN 316

配列番号:4667 配列の長さ:168 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05534

配列:

GATCTCAGGG AAGCCTGGGA GTCCCTTCTC ACCCCTCAAC CTCCGGAGTC CAGGAGAACC 60 CGTACCCCCA CAGAGCCTTA AGCAACTACT TCTGTGAAGT ATTTTTTGAC TGTTTCATGG 120 AAAACAAGCC TTGGAAATAA ATCTCTATTA AACCGCTTTG TAACCAAA 168

配列番号:4668 配列の長さ:311 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05535

配列:

配列番号:4669 配列の長さ:167 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05536

配列:

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

GTACATGCAT GAAAGCATTT TTNGTTGTTC CCTGATAGTT ACATTTCAAC CTTGGGATTT 240
TNCCAAATNA CTTAAGANGT TTAATGTCAG TNAAAGATTT TNTTACCCTC NTTTTGGGAA 300
CATCAATN 308

配列番号:4707 配列の長さ:323 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05583

配列:

GATCCGGAAG ACCACGGCCA GCCAGGTGTA CGAGACATTG CTCACCTACA GTGACGTCGT 60
GGGCGCGGAT GTGCTGGACG AGGTGGTGAC TGTGCTCAGT GACACTGCGT GGGACGCAGA 120
GCTTGCAGTG GTGAGAGAGC AGCGCAACCG TCTGTGTGAC CTTCTGGGCG TACCCAGGCC 180
CCAGCTGGTG CCCCAGCCTG GTGCNTGCTG AAGCCAGTCC TTGGAGCCCA TANCTCACCC 240
CTGCCTGGTG AGGATGTCTT GTTTCCTGAG GGTAGGCCGG TTGTGGAAAA GCCTCANNAC 300
NAGTGNTGCC TNNAGGCTGN GAN 323

配列番号:4708 配列の長さ:302 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05585

配列:

GATCTTCCTT TGGAACCAGG CACATTTGGC CCCTTCTCAG TGACTGCACT GTGGAACTCT 60
TCTTAAGAAA ATATTGAAAA CAGCTTAATG CTTCATATA GTGACCGACA TTTAGTTGAA 120
AACTACTGCT GCATAGCAAA TATTGTGACT CTTCATGTGT CCACAGGAGC TCTTGTGTGG 180
GTTTAAAGCT ATGAAGTGTA TTCACATTGT GAAGTTTTAA TTATCTTTAT TGAAATTAAT 240
TGTGTAAAAAA TGGTATGTGC TCTATTAGGT ATTCAGTTTG TATGTGAATT CTATAAAGAA 300
TN 302

配列番号:4709 配列の長さ:302 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05586

配列:

GATCCCTCTC AGCTACTGGG AGCTGCTTTG TGCCTTGGAA GCCTCAAGCT GAAATGGATG 60
TCAGCCTCAA GTTTAACTCC AAGAGGGTTC ACCTTGTTTC TTTGAACAAA ATGTGCTGCC 120
TGTTGCTTCC CTTTGCCAGG AGTGGTGTTC CCTTTTCCAC AGGTCTGGAC CACAGTGTCT 180
CTAGCTCCCG CTCCTGGATA CTTGGTTACT GTGTGTTTCG GGAAAAAAGG ATNCACAACA 240
TGAATATNCA CTAAGCTGTA ACAGGGGCCT GCTGCANCTA TAGTATTTCC TGAAAAAAGTA 300
TN 302

配列番号:4710 配列の長さ:161

码	Бil	

GATCTTTCTT CTCCCAGCTA AGAGTTCTTC AATAAATTTA AGAAATACCT GGAAA

55

配列番号:4748 配列の長さ:244 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05636

配列:

GATCAGCAGG GACCAAACCA TTGCCACATC CCAAGGNTGA ACAAGCATGG CTGAGCACCA 60
GAGTNTGCAC CAAGTNTGAN TTTAGGCCTG CCAAGTGGAT TTACACCCAG CACGTCCCAA 120
ATTTGGGTGA GTGCATGCCA ACCCTGTAAA CATGTAGGGG TGGACAGGTC AACAGACAAG 180
GTGACCCCAG CNTCCCGGCA AACTTGATTA ACACATACTG GNCACAGCAA TTANNNNGAN 240
NTGN 244

配列番号: 4749 配列の長さ: 184 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS05637

配列:

GATCGCAGGG CCNTAGGTGC CTGGACCCAG GGTGTGCCAG CCCGTCTCTN TGCAGTCCCT 60 GGAAGGGCGC TGAGAAAGGC ACCAGCTCCT TGGACCCCAC CTCCCATGCT CTCACTCTCA 120 TCCCCGTTCT CTTGTCCACA CAGCTCTTCC AATAAAGGTG TTTCTNTTCC TCCTCTCCT 180 CAAA 184

配列番号:4750 配列の長さ:282 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05639

配列

GATCCTAGTT GCCTTTGTGT ATATTTACTG CCTGCTTGAG TGTTTCTATG TGTGGGTTTT 60
CCCTGTATCT TGTAGAAATG TTGGGGTGTT TTCCTCTGCC ATATGGCTCG TGGCCTGCGA 120
GCCAACTATT TCAGNTGTGT TTNACCTTCA TTTTTGATGA GGTGATTTAA ANNTNGTTTC 180
ACTTTGTGTA GTGAATTCCA CAGTAGTTTT CTGANTGTNG TTAAAAAATGA CTTAACATAT 240
TACACAGATA TTCAATAAAA ANGTTTTATT TCCTGTTGNA AA 282

配列番号:4751 配列の長さ:65 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05640

配列:

GATCCCATTG TGTATAAGTT AATATGTGAT AACTATTGAA TCTTGTACAA AAACAAAAAT 60

配列:
ALMOATOCAT COACTOATCT ("INCACTOAL CONTROL LINGUITATO"
AGTTTAGAAA CTGAGTCCAT TCGGTGCATG GAAATNCACC GCGGAGTTAC ACAANGCTCC 120
TCACTGTAGT CCAGGCGATT GGTNGGCCGC CANCACCCTG CGGGCTTCAC AGGGACGCGT 180
GCTTGTNCTC CAAGNCCCGN AACCCTTACT GTGCACACAN CATCNNACAC ACCTTTGTTT 240
TTGAAATTAA AATGTTNATT AGTTNAAAAA AGGGNGGN 278
*15I#5 . 4790
配列番号:4789 配列の長さ:337
配列の長さ、331
に列の至:1818 トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS05687
配列: GATCCCGGTG TGTGGCCCAG CTTGTNCAGG CCCTGGNATG CTGCATCTCC AGGCAACTAT 60
GCACTTTCCC GGGGAGAGAA CCAGTATGAG AAGTGGGGGC AGGGCACACA TTCATCTTTG 120
TAGGAAGGTC TGGCCTGGGG TCGGGTGAAG GAGGGCCCAG GTCAGTNCTG GGGTCCCAGT 180
GACCTGCTTT GCCATTNTCC TGGTGCCGNT GCTGCTCCCT GTTTCTGGAG CTGGATGTTN 240
CCNAGCTGC AGTTGAGCTG CCTGAGCCAA TNTAGTCTAG NCTTTGGTAA CTTGNGTGAA 300
CCATAATAAN GGGGAACCAT TNTNGGCCTT GTGNAAA 337
CCATAATAAN GGGGAACCAT THINGGOTT GTOMBET
配列番号:4790
配列の長さ:251
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS05688
क्रा की -
CATCACAGE CTCCCTCCT CAGTCTTGGA GTCCTGTTGG GTGAATNAGG CAGATGGGAA BO
ANACCOTOAC CACCACCTCC TTTTGGAGCA GGGGTCCAAG GAAGAGAGGG TGGCCICGAC 120
ATCANACTCC CTCCATTTTT CTACCACCCT GTTACATCAT AACAACTTCT GAAACACACA 100
CCACCCCTCA CTTCTGGGCT CATTTGAAGC CTGGAATAGC AATAAATCTT TITAACTIGC 240
GGACAGTTAA A 251
~~~ 4701
配列番号:4791
配列の長さ:316
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS05689
配列: GATCGAAGAT GTACAATGTT AAATGTNCAT ACCAGTTAAA CTGCACTTTC CCAAGGGGNC 60
GATCGAAGAT GTACAATGTT AAATGTNCAT ACCAGTTAMA GTGSTATACAG TTTCTGTGGC 120 AGCTGGNATC TACTTGAAAT GGGNATCAAG AGACCACCAA ATGTTTACAG TTTCTTACAC 180
COORDINATOR CONTRACTOR CANCELGETE TOTECCCCCA GAGITAAGGN 111GCIACAC 100
TGGTCCTCTG GAAGCATTTA NGTAGAAGAA AAGGCTTATA GTCAGNNTCA CTTTTAGTAA 240
TEGTECTUTE GAAGGATITA NOTAGAAGAA AAGGOTITA TEGTETAACCAA TGANTGATGG 300 TCGTCTNCTG GTCCTTGGNC TNTTCTGGTT CTGTNANTGC TTGTAACCAA TGANTGATGG 300
TGTTGCCAAT CTNAGN

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05742

配列:

GATCGATTTC TTTCCTCCAG GTAGAGTTTT CTTTGCTTAT GTTGAATTCC ATTGCCTCTT 60 TTCTCATCAC AGAAGTGATG TTGGAATCGT TTCTTTTGTT TGTCTGATTT ATGGTTTTTT 120 TTAAGTATAA ACAAAAGTTT TTAATTAGCA TTCTGAAAGA NGGAAAGTAA AATGTACANG 180 TTTANTAAAA NGGGGCCTTC CCCTTTAGAC TAANTTTCAG CATGTGCTTT CAAA 234

配列番号:4830 配列の長さ:130 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05743

配列:

GATCCACCCA CCTCAGCCTC CCAAAGTNCT GGGATTACAG NCATGAGCCA CCATGCTCAG 60 NCGTGTGTGT NTGTGTGTAT TATTTATATG TATATGCATA CTATATACAT NTATATATAC 120 130 ACTATATAAA

配列番号:4831 配列の長さ:103 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS05747

配列:

GATCTTTAAT CAAGCACTAT GTTAATACTG TAATATCAGA ATACTATGTT GCATTATTTA 60 103 AAATGTTCAA ATTGAATAGN TTAAAANGTT TTTAAATNCT AAA

配列番号:4832 配列の長さ:325 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05748

配列:

GATCCTTGGT GCTGTGCC CCACTCCAGT CTGGGGACCC CACTTCANAA GGTAGGGGCC 60 GTGTCCCGCG GTGCTGACTG AGGCCTGCTT CCCCCTCCCC CTNCTGCTGT GCTGGAATTC 120 CACAGGGACC AGGGCCACCG CAGNGGACTG TNTCAGAAGA CTTGATTTTT CCGTCCCTTT 180 TTCTCCACAC TCCACTGACA AACGTCCCCA GCGGTTTCCA CTTGTGGGCT TNAGGTGTTT 240 TCAAGCACAA CCNACCACAA CAAGCAAGTG NATTTTAAGG GGGTTGTGCT TTTTTGTTTN 300 325 GTGCTAACGT CTNACTAATT TTAAN

配列番号:4833 配列の長さ:212 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 WO 95/14772 PCT/JP94/01916

クローン名: HUMGS05798 GATCTGTCAC GGAAGGCGTC CTTTTCCTT GTAGCTAACG TTAGGCCTGA GTAGCTCCCC 60 配列: TCCATCCTTG TAGACGCTNC AGTCCCTACT ACTGTGACGG CATTTCCATC CCTCCCCTGC 120 CCGGGAAGGG ACCTTGCAGG GACCTCTCCC TCCAAAAAAA GAAAAAAAGA AAAAGANAGA 180 208 AAAANTAAAT GAGGAAACGT GTTNCAAA 配列番号:4872 配列の長さ:84 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05799 💈 配列: GATCAGACCA TAATGTTACA TTATTATCAA CAATAGTGAT TGATAGAGTG TTATCAGTCA. 60 84 TAACTAAATA AAGCTTGCAA CAAA 配列番号:4873 配列の長さ:337 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05801 配列: GATCCTGGCC GAGGTGAGGA ACAGACAGGG GGGGTCTAGA TTCTAAGGGG GTTGGTGGAT 60 ATTGGGCAAG GCAGGAAACC TCTGGAGACC TCATTTTCTC CATGGGGAAG ACAGCCATGC 120 TCTTCAGGAG GAGACTCCAA GGGCAAAGNA GGGTGTCTTG GCTGTNCTTG AAGGCGAAAC 180 CCTGCCATAT CCCCAGTGCC AGTCCCCTCA GNCTGTGGTG GCCTTGCATC CTGACTGGAT 240 GTTCTCAGCC CNTTGTTCTG GGCAAGAACC CAGAGCTCCC CAGTNTGGAT ACTTATTAAA 300 337 CCTNTTTGGA GNCNCAAATA NAAAAAAANA AANNAGN 配列番号:4874 配列の長さ:329 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05804 配列: GATCCAGGGG CTGATTGGCA GCGTGGAGGA GCAGCTGGCC CAGCTTCGCT GCGAGATGGA 60 GCAGCAGAAC CAGGAATACA AAATCCTGCT GGATGTGAAG ACGCGGCTGG AGCAGGAGAT 120 TGCCACCTAC CGCCGGCTGC TGGAGGGAGA GGATGCCCAC CTGANTCAGT ACAAGAAAGA 180 ACCGGTGACC ACCCGTNAAG TGCGTACCAT TGTGGGAAGA GGTCCAGGAT GGNAAAGGTN 240 AATCTTCTTC CGTGNAGCAN GGTNCAACCA GACCAACCGT TTGAGGGACT TANGTTACCN 300 329 NGNGCCGGGC CAACCNAAGG AGGGNNTTN

配列番号:4875 配列の長さ:142 配列の型:核酸

GGGGTNAATT TN

312

•
クローン名:HUMGS05850
配列: GATCGAGGGC TGGGNACCCC GGTGTNAGCA GGATGGGGCC CTGCCCTCCC GTGGNAGTTG 60
THE THREE TO THE TRANSPORT OF THE TAXAL A GEGGTGTEEL AGGTEELTGE CALCUMATT 120
THEOREMAIN CHETTETE GAGTTTGGAA TTGCTTGAGG AACCCTGCGI GIGCIIGGAG 100
ARGOLINACE COTTCOTORG ARCCCCATGG ACAGTGGAGA GCGGGATTCG ARCCAAGGGC 240
TGGACTCCCA CACCTNTGGC CTGCGTCGCC CAGTTCTTTG TGGCTCTGAA GAATTGGNCG 300
CTGTGGAAAA GTN 313
Claigawww ain
配列番号:4914
配列の長さ:124
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS05851
配列:
GATCTTATGT GTTACAAAAT TGGAGAAAGT ATTTAATAAA ACCTGTTAAT TTTTATACTG 60 ACAATAAAAA TGTTTCTACA GATATTAATG TTAACAAGAC AAAATAAATG TCACGCAACT 120
1/4
TAAA
配列番号:4915
配列の長さ:313
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS05852
配列:
CAMOGOGOGA AMOCOMMENTAL ACCIONALITAL ALLALAUG GIALLOCALI GIINOOOLO
AGCTACATTG TTGAGTTAGT GATGATATTG TATATGCTCA TGGTCTNAAC TGGATTACAA 120
AAAGCAAATA CTAGAACAGC TAGCTCATCT TTNACCCAAT GTACTTAGTA TTTTCNTGCA 180 CTGGTTTAAT CATGNTTAAT ACTACAAANC AAAANTAANT ATTTCACAGT GGTTGGNTTG 240
CTGGTTTAAT CATGNTTAAT ACTACAAANC AAAANTAANT ATTTONOMY GGTTCAG 300 TNTTGTTTTT AANCCACAGT TNGANTTAGT TAGCCTTGCT GGGGCCATAA TATGCTTCAG 300
ALA .
GGTGTGTAAN TGN
配列番号:4916
配列の長さ:312
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS05854
配列: GATCTGGGGA CTACCAGAGA CTCTGGGAAA TGGACAAGGT GGGGGGCCCC ACTCTTTCTC 60
GATCTGGGGA CTACCAGAGA CTCTGGGAAA IGGACAAGGI GGGGGCCCCCT 120 TCCTGCAGTC CCGTAGCTGG GGCCTCCTTC CTTCTCAGGG TCTCCCCAGC CCAGTCCCCT 120
TCCTGCAGTC CCGTAGCTGG GGCCTCCTTC CTTCTCAGGG TCTCCCAGGAACTGA CCAGCTNAGC 180 TGCTCCCATC CCACTCGGTG CTGTTGGGTA GGGGCCCTGC CAGGAACTGA CCAGCTNAGC 180
TGCTCCCATC CCACTCGGTG CTGTTGGGTA GGGGCCCTGC CAGGINGTON CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CONSTRUCTION CO
GAGGAGCCAT AATGTGCATA IGIGCACAAG CAGGGIIGG GAGGGCAGGG ACAGTNTCCA 300 GTGCCCAGGT GTTGCCCCCT ATCTCCTGGG GAGGGTGAGG NAGGGCAGGG ACAGTNTCCA 300
GTGCCCAGGT GTTGCCCCC1 ATCTCCTGGG GAGGGTGAGG MAGGGTGAGG MAGGGTGAGG

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

GATCCAGAGC CCCTCCCCAT CTTCCTCTCT CTAAAAACAA CCCTACCCCC CATTGCCACC 60 TTCACTCCTG TGTCTCCAGC TGATTAGCCT CAGACTCTTC TTNTATTGTT TTTCTTTTGT 120 AAATAAAAAG CACCAGGTTC CAAA

配列番号:4954 配列の長さ:105 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05900

配列:

GATCCGTGCC CTGTAAAATG GATATNATGT TTTACTGATG TCTNTAATAC ATTTGTAAAC 60 TTCCAATAAA ATTTGAATAA AAGAAATNTT GCCATTCTTC TCAAA 105

配列番号:4955 配列の長さ:325 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05902

配列:

GATCTGGCAG CCCTGGAGAG GGACTATGAG GAAGTGGCGC AAAGTTTCTG AGGCATGTAT 60 GATGGGTGCA AATGAATGTC AAGTTAAAAT GGCATGTTTT CTTTTCAAGC CGNTATATGC 120 CTAGTGGGTA GTTCCCCTGA TGAGCAGAAA AATTGAACTC AAATCAGGCA AGACTCTAGG 180 NTCCACACTA AATTAAGTGG GTCAGTANCG NCANTGANCA CATTATTTCC TGGTCTACTG 240 GGTACANGTC AGCTCTGCTT ACCTGNGGAG CNTTTTGGAA GCTTAAGAGT NCTTTTGAAC 300 CTGGCTTGAG GTCAACTTGT TAGGN

配列番号:4956 配列の長さ:321 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05903

GATCTGTACA GACAGGACAG AATGAAACTC CTGCGGCTCT TTGGCCTGAA AGTTGGGAAT 60 GGTTGGGGGA GAGAAGGGCA GCAGCTTATT GGTGGTCTTT TCACCATTGG CAGAAACAGT 120 GAGAGCTGTG TGGTGCAGAA ATCCAGAAAT GAGGTGTAGG GAATTTTGCC TNCCTTCCTG 180 CAGACCTGAG CTGGCTTTGG AATGAGGTTA AAGTGTCAGG GACGTTGCCT GAGCCCAAAT 240 GTTGTAGTGT GGTCTGGGCA GGCAGACCTT TTAGGNTTTT NCTGCTTTAG TTCCTGAGGN 300 321 ANNTNGGNCA CTCTTTNTNT N

配列番号:4957 配列の長さ:313 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05907

配列:

クローン名: HUMGS05960 配列: GATCAACTGG TTTGTGTTTT GCTGCTGCAT TTATCCCAAG TNAAACAGGT TTAATCTCCA 60 GANGAAAACC AAAATACCAT GGGATTTATG CTGNATTGAC ATCTTGCCCT AAACGNACAA 120 CATCATAGTA ATTTGTCATG GGCAACATGA CCAGNGAGAA GATTTTTGTC ATGATTTTAA 180 ATACACTORC ACCCUACTOT TGGTTAAATT TAAACANGTT TTACCTGCAG NAATTCTCTC 240 ACAAATAACC NGCAATAACT TGAAATGCAT NCCCTTTTGA ACACTTCCTT TNCTCATGGN 300 配列番号:4996 配列の長さ:162 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05961 配列: GATCCTGCTC CCTTCTGGGC TCTGACTCTC CTGGAAATCT CTCCAAGGCC AGAGCTATGC 60 TTTAGGTCTC AATTTTGGAA TTTCAAACAC CAGCAAAAAA TTGGAAATCG AGATAGGTTG 120 162 CTGACTTINA TITTGTCAAA TAAAGATATT AAAAAAGGCA AA 配列番号:4997 配列の長さ:136 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05962 GATCTCAACA ATATTCTTCC AAAATGGCAT ACATCTTTTG TACAAAGAAC TTGAAATGTA 60 AATACTGTGT TTGTGCTGTA AGAGTTGTGT ATTTCAAAAA CTNAAATCTC ATAAAAAGTT 120 136 AAATTTTTGT CTGAAA 配列番号:4998 配列の長さ:53 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS05963 GATCTGACCT CAGAATATGC TTTCAGTGTT ATTTCTGACT AGTCCTTTTT AAA 53 配列番号:4999 配列の長さ:334

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS05964

GATCTGCATA AAGTNTTACA AACAAAATCC TCTTNATGAG CAACACATTT TTCAGCTGCC 60 AGTCAGACCA ACTGCTGTAA AGAACTTATA TCAAAGTGAG AAGCCACAGA AATGGAGAGT 120 GGAAATATAT AGTGGTCAAA AGANGATTAA GACAGTTTGG CAACTGAGTG ACAGCTCACC 180 クローン名: HUMGS06016

配列:

GATCTTAATG GCAAGAAGGC CACAGAGGTA CTTTNCCTTN TTNAGCTCAG GAAAATATGT 60 CAGGCTCAAA CCACTTCTCA GGCAGTTTAA TGGACACTAA GTCCATTGTT ACATGAAAGT 120 NATAGATAGC AACAAGTTTT GGAGAAGAGA GAGGGNGATA AAAGGGGGGAT ACAANNGATG 180 206 TACAGAAATN NTTTCCTGGC TGGNCN

配列番号:5036 配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06017

配列:

GATCTGGCCA TGTATATGGT AGCTGTGTTT TAATTTGAGA ATCTTGAGGG TAGAGCCACA 60 AATTTCAATT CTNACATTTC CATTTGCAAA GTGACTAGAG AAAAAGAAAT CAGCTTAAAT 120 GAGGTATTAA GTAATGTTTA GAGTCGTAGG TATTAACTAG AATATAAATC CTTAGAAATT 180 GTCTTTATAC CTTCAAAAAT TATNCTATGC ATTTNTCATA GANCTGTGAT TACAANGNNG 240 TCTGACTACC ATGTCTTTAA ACATATGGCA TCTCTCATCT TTCCTTCCCT TATGGGGGCT 300 ACATTINGIN CCATITICCA GNAGTAGNCI TTAACTINCC GGTGCCNNNC N 351

配列番号:5037 配列の長さ:131 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS06018

GATCCTGAGA CTATNTGCAT GCTNCTNTCT AAATGATAAT TAANAGGAAA TTTCATGGAT 60 TAACCCATGG GTTTAATGCA GCAAGGAAAC TTACAATGTC CCTNTATATA TAACATGCAN 120 131 CTTGTTTTGG N

配列番号:5038 配列の長さ:208 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06020

配列:

GATCCTNCAG GAGATTCAGC GTCTCCGCCT GGAACACGAG CAGGCCTCCC AGCCCACCCN 60 TGAGAAGGCA CAGCAGAACC CCACGCTGCT GGCAGAGCTG CGGCTGCTGA GGCAAAGGAA 120 GNATGAACTG GAGCAGAGGA TGTCGGCCCT GCAGNAGAGC AGGCGGGAGC TGATGNGTCC 180 208 ANNTGGAAGA GCTGATGAAG TTGNNCNN

配列番号:5039 配列の長さ:150 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

CTTTTCATTA AATCATTCTA CCAATCTCAA A	91
配列番号:5078 配列の長さ:317 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06065 配列:	60
GATCAATGTA AATCCTCACC TGCCCTTTGA AGAGCCAATA AGGGCATCTT TGTCTTTAAA TACAGCAAAT GTTATTCAGA TTTTGTACTT GTCTATCTGT TTACCTCAGT GTAGATGATA TGAGGATGGN ATAACTATGT AAATTGTTTT TGAAAATAAT TTGTTTCCCC ACAACTTTTG AAGGTTTTAT TTGTNGTTGT TATTACTAGT TCAGTCCCAA ACTNACCCTG TCCTTTTCAG AGAGCTAATG GCCATGCTTT NCTTCAAAGG AAAGAATAAT TNATTTGGAA TGANAGTGGG GATTACTTTG CATAANN	180 240
配列番号:5079 配列の長さ:75 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO6066 配列: GATCTTTATT CTAACCTTTT TTTGTAAAAN ATATCTATTG ATTTCCATAT GCAATAAACC	÷ 60 75
配列番号:5080 配列の長さ:139 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06067 配列: GATCGCACCA CTGCACTCCA GTCTGGCGAC AGAGTGAGAC TACATCTCAA AAAAAAANG CGCAATTTTN CATTCGNTTC ANCAGANCTC TGCCATTCTA AACATTTCTA AACTTTTAC	C 60 T 120 139
配列番号:5081 配列の長さ:125 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06068 配列: GATCTCATTT TCAGTTTAAG TAACTNCTGT TACTTAAGTG ATTGCACTTT TCTCAAAT AAGTTTAATG GAATAATAGT TCTCAGGATA GTATTTTGTA AATAAAGATG GNCTTGAA'	TG 60 TA 120 125

配列番号:5082

GGGGCCAGNG NNCCCACTGC TTCCACATGC ATTGCATCCT CAAGTGGCTG CACGNACANC 240
AGGNGCAGCA GCACTGNCCC ATGGTGCCGN CAGGAATGGA AGTTCAAGGA GTGAGGCCCG 300
ACCTNGNNTC TAGNTGGGAG GGGNATNCTG AAGACTTCTT TNCTTNATTN 350

配列番号:5121 配列の長さ:360 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06114

配列:

GATCTTATTC AGTCTGCTGN TTTGTATAGT GTGATGACCC TAGTAAGCAC ATATTTGGTA 60
GCCTTTGCAT ACAAGANTGT GAAATTTGTT CTCAAGCACA AAGTAGCACA GNAGNGGGAA 120
GATGCTGTTT CCAAAGAAGT GACTCGAAAA CTTTCTGAAG CTGATAATAG AAAGATGTCT 180
CGGAAGGAGA AAGATGAAAG ATTCTTGTGG AAGAAGAATG AAGTNNCNNN ATTATGAAGC 240
TACANCANNT TCCATCTTCT ATAACAACAC TCNGTTCCTG GTCGTNGTCA TTGTTGCTTC 300
CTTCTTCATA TTGGAAGAAT TTCAACCCCA CAGTGAACTA CANATTTGTC CATAAGTTGN 360

配列番号:5122 配列の長さ:88 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06115

配列:

GATCTGGTCA CACCTAAAGT CATTAAAATC ACTGAAATGT TTAGATACAC AGCCCAATAA 60 ATTCTCTTTA TAAAACACAA GCAGTAAA 88

配列番号:5123 配列の長さ:177 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06116

配列:

GATCAGGCCA CATAAGGAAC AGGGGAATTC CAGGGGTGGG ACACAGCTNG GGGAGTCCAG 60
ACCAGGGCAG GGAAAGGAGA CTCACAAGCC AAACAGAGCT GCTTTGGGGA AAGTTCTTAT 120
CAGCTGGTGC TGCTTCCTGA GCCATATGCC CATTCCTCAA GCTGTACCCN NNNNNNN 177

配列番号:5124 配列の長さ:60 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06117

配列:

GATCTTGGAC CTCCCAGCCT CCAGAACTGT GAGAAATAAA TNTGTTTTGT TTCAGCTAAA 60

配列番号:5125

WO 95/14772 PCT/JP94/01916

GCAGCCCCCA CCCCCAAGGT TCTCCAACAT CACAGCCCAG CCCACCCACT GGGTAATAAA 120 · 135 AGTGGTTTGT GGAAA

配列番号:5161 配列の長さ:350 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06165

GATCTCGTAA GATTAAATGT AGCATTCTAT ACTCCCTACA TGCACAGTAN GATTTGTTTA 60 ATGAATGGAA GGAAAGACTA AATACAATGT CAAATGTNAC TATTAATTGG ACAAGAAAAT 120 CCAAGTAGCA AATGACCATT ATGTGTAAGA CTTACTCTAA AAAGACCNTT TTAAATAGCT 180 CATATATTAA TNTNGTTTAA AACCTGCTAT TTTCCAAAAC TGCAAAACTA GGGCTATAAA 240 AATCTAAGTT AAAAAATCAG CTNATCCTCA TTGGTATAGT GGTNTGGNNA AAAAAATCCA 300 GTTTTAAACC NGNNTNNATT GANAGGNTGT CTCCATGCCT NCCATTGGGN

配列番号:5162 配列の長さ:57 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS06166

配列:

GATCACTTTT ATGTAAAAAT TATAATTTAA TTAATAAAAA ATTTCTTAAG AAGTAAA

57

配列番号:5163 配列の長さ:203 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06167

配列:

GATCAGGCCT TGGCCTCTNA GCCCTGCCTG CTCTGGGCCA TGCAGAGGAA GGACAGAGNG 60 TGGGCGCAGG GCACCAACTC AGGGACATCC CCTCTCCTGG GCGACGTCAG TGGACCTTCC 120 TGCACCCCCA GCCTGGAATG TAAATNAGCT GTGTGGTGCC CGCGTNGCTG GAAGGAAATA 180 GACCCTTTTN TAGCTCCCTG AAA

配列番号:5164 配列の長さ:274 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06168

配列:

GATCCTCTGT GATACCAAAA TCCATGGATG CTAAAGTCCC TTTTTAAAAA TGGCATAGTA 60 TTTGCATATA ACCCAAACAC ACCCTCCTGT GTATTTTAAA TCATCTGTAG ATTACTTATA 120 ATACATAATG TAATGTAAAT GCTATAAAAN TAGTTATTAG ACTGTATTTA GGGAATAATG 180 ACAAGANGAA AAAGTCTGTA CATGTTCAGT ACAGAGGCAA CCTTTGTAGG TCTAAATANN 240

配列番号:5208

GATCTGTCTA GTTCCCATTC TCTGTTCAAC CTCAGTGNTT CAAAAGTTCC TAATAAATAACTCATTTGA GTTGAACCTA AA	AA 60 · 82
配列番号: 5204 配列の長さ: 145 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGS06211 配列:	
GATCAAGAAA GAAGCTATCT GGGANCANTG TAGCANTTAC GTCAGACCAG GACACTTC GTTTACAGGA GACTATAAAA CCTTTGTCCT ATCATCACTT GATGTGGACG NCATTTTA CCTCAGCCCG CCTGCACCCA GNNNN	CT 60 AGG 120 145
配列番号:5205 配列の長さ:295 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06213	į.
配列: GATCAGAAGC ACCTCTTCTT TTATAGAAGT TGATGGATGG TTCATTCCAT TCTGCTA	CCA 60
AGAAGTGCAT GCTGCTGCAG CGACACCTCA TTGCAACCTA TTATGAGAGA GTAAAAC	ACA 120
CACTCAGTGA CATTTCAGCC TGCTCTCAAG NCCCAATTTT TATTCCATCA TTAAAAT	AAT 180
CCAGTAAACT TNCAAATTTG GAAACCANAA ACTAAGGCAT ACCTGGCTTA GATTCTT GAATTTTCTG NTCTTTTGTA CGTAAATTNA AAAATAATTT GTGGCAGGGN TTAAA	TCA 240 295
配列番号:5206 配列の長さ:87 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06215 配列: GATCTTTAAA ATNAAGTGTA CGCTTATAAT ACAAGTAATG CTTGTGTATT TCTCACT	TTTA 60 87
配列番号:5207 配列の長さ:165 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06216	
配列: GATCCTCCCA TCTCAGCCTC TCGAGTAGCT NGGACCACAG TTGTGTGCCA CCACAC GCTAACTTTT TAATTTNTTT GCGGAGACGG TATTGCTATG TTGCCAAGGN TGNTTA CCAGTACAAT TTATAATANA CACTCATTTT NCCTNCCGTC TGAAA	TTGG 60 CATG 120

CTCCAGCCAG GGGAGCAGGG AAGAAGAAGG GGCTCCCTCC TCTTCACATT CCCCCCGACC 180 CCAAAGCCAG AGAAAGCCAG ATGGCACCAG CTGCTCCGGA TGTGCCTGCC CACATTGGGG 240 GACAGGGCCG GGCCTGGGCT CGGTTCCNAG GTTTGAGCTC TGCAGNCTGT GTCCTGGNGT 300 337 GAGGGGGCTG AAGTNAGNCC AAAGGAAGAA CTNAGTN

配列番号:5247 配列の長さ:168 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06262

配列:

GATCACCTNA TTTTTTNAAC AAAATATTTN TAACAGGAAT GGGTGGGAGT NCTGGTGAAA 60 AGAGGTGAAA TGTGGTTGTA TGAGCCAATC ATATTTGTAA TTNTTTAAAA AAAGTTTAAA 120 AGGAAATATC TGTCCTGAAA CCCCACTTAA GCATTGTNTT NNTATAAN 168

配列番号:5248 配列の長さ:378 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS06264

配列:

GATCAACAAA GAGGACTTTG TGGCACTGGA GAGGCTTACC CAGGGGATGG ACATTCAGTG 60 GATGCATGTT NCTGGTCATT CGGGATTTAT AGGCAATGAA GAAGCTGACA GATTAGCCAG 120 AGAAGGAGCT AAACAATCGG AAGACTGAGC CATGTGACTT TAGTCCTTNG GAGAACTTNA 180 GCCAGCGGCT GTCTTGCTGC CTGTACTTAC TTGTGTGGAA AATAGCCTGC AGGTAGGACC 240 ATTGCAGTGA TGGGCAGATT GGGTCTTTCA CACGGNGTCA GGCACAGTGG CCTTCTGTNG 300 NCATGGTNGT TTTATANANA AATNGGTTAA GGTATATAAA TAAAGTNTGG NCCANCTTTT 360 378 GNNAAGGNAN GANATGGN

配列番号:5249 配列の長さ:131 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS06267

GATCANCTAC AGGAAAAGTA AATGTGAACG CAAGCAGAAT GAAACACAGT AAAAGCCGGT 60 CTAGCCTGCC TGGCCACACT CTCAGCGCCT TGTGAGGATG GGNCANTANA TAAANTCATC 120 131 TTTAGTAGAA A

配列番号:5250 配列の長さ:322 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06268

配列:

配列番号:5288	
配列の長さ:259	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: MUMGSO6310	
配列:	.0
CAMOUNTALA TOTATOTACA TOTACA TOTACA TOTACAT TOTACAT TOTACATO	0
TOTAL CONTROL OF THE CAME TO A A GOOD A TOTAL A A TOTAL A CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL OF THE CONTROL	2U
ACTIVITIES TO TOTOTO TO ACCUSATE TO ACCUSATE TO ACCUSATE TO ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSATE ACCUSA	<b>3</b> U
TTGGAGATGA TTAAATGGAT GATTGTAAAC ACAACTTATG AAATCTGUU NIAACAAGIA 24	10
NCTTTNTTAA ATNNTANNN	59
NOTITION TO SERVICE OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PRO	
配列番号:5289	
配列の長さ:99	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS06311	
2671.2511	
GATCTTATTG GCTGATGGTG TTGTTGAATT CTATATCCTG TTGATTTGCT GTCTAGTTGT	60
TCTATCAATT ATTAAAAGAG GAATGTTAAT GTTTCCAAA	99
配列番号:5290	
配列の長さ:81	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS06313	
<b>寒</b> 7.50 。	00
GATCAAATAC TTTAAAGGAA AAAATGTTGG ATTTATAAAT NCTATTTTTT ATTTTACTTT	60
TATAATAAAA GGAAAAGCAA A	81
配列番号:5291	
配列の長さ:132	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS06314	
क्रम क्रिस	60
CAMOTO A CC. CCCTTCC A AC. CGAGGGTGCT TCTGAGGACA CTGAGAAGAG TTTTGCCAIL	60
CTGAAGAGC GAGCCTGTGG AACTNTTTAA GGTCCTGTTC CCAGAAGAAT AAAAGTTTCT	132
CATTATGGCA AA	132

配列番号:5292 配列の長さ:102 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

配列番号:5331 配列の長さ:161 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06360 配列:
GATCAAAGCC AGCCACCCC ACCCCAACAC ACTCGGTGTC CCTTTCATCC TGGGCCTNTG 60
TGAATCCCAG CCTNGGCCAT ANCCTCAACC TCAGTGGGCT GGAAATAACA GTGGGGNCCC 120
TGAATCCCAG CCINGGCAI ANGCICAACC ICAGIGGGA A 161
TGTAGCAGTG GCAGAATAAA CTTAGATGTT NTNACAGGAA A 161
配列番号: 5332
配列の長さ:139
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS06361
配列:
GATCHTCTCA GNGANGNCGC TTNGGTCGCA GTTTTAGGGG GTTCTCGGTT TGCAGGAACC 60
CTGGGTGCAG GTTCGCAGCC CTGTCAACCA GCTCCGAGCC GGCAGCGAAA CCTGAAGTGG 120
ACCCTGTGGA AAATNAAGN 139
配列番号:5333
配列の長さ:145
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名:HUMGS06362
配列:
CATOTROTOA COCTOGOTGA NAACAGTGTO AGCCATGCAA GCAGGACAGA ATGGTGACTG OU
RETECCETTE GTGAGCTGTG TATTTCCTAG NAGGTAGAAA ACTGTGGGAA ACTGTGGCTA 120
ATAAAAACTA AGTGTGAGCG TCAAA
配列番号:5334
配列の長さ:351
配列の型:核酸
トポロジー:直鎖状
クローン名: HUMGS06363
新2万() ·
CATCETAAAT NACCTATTIC TAATGTGATT CATACACGTT TTTNACTTAG TGGTTTAAAA OU
TATCAAACTA TATAAACACA TTACCAAACA CTTTGGGGTA GGAGAAGTAC GCTTAGCATG 120
TOTOTOTOTO A COTA ATTIT TITAAAGCIA TAATGAACTG ATACACATCA ATTIANNICO 100
NOGRETTATE CTTTCAATGA ACACTGTATC AAAATTTTTT NATGANGTAA TUTTAULCII 240
TGTGGTCAAT AGTTATTGGT AATACTACTA GTAATATGGG TNCATGGCTA TAAGATGC11 300
TAGCTTAGTG GTCAGTTGTT ATNCTAAGGG GTTTNAATCN AATTNGGTNG N 351
••••

配列番号:5335

配列の長さ:292	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS06404	
配列:	
GATCATNTTG ATAATGCTCG GAATATTTTN AAATGTCCAT TCCGCTGTGT TGATTGAGGA 60	
CGTTCCCTTC ACGGAGAAAG ATTTTAAGAA TGGCCCCCAG AACATATACA ACCTTTACGA 120	
GCAAGTCAGC TACAACTGTT TCATCGCTGC AGGCCTTTAC CTCCTCCTCG GAGGCTTCTN 180	
TTTCTGNCAA GTTCGGCTCA NTAAGNGCAA GGANTACATG GTGCGCTAGG GCCCCGGNGN 240	
GTTTCCCCGN TCCAGCCNCT TCTCTATTTA ANGACTGCNN GCACCGTGTC AN 292	
配列番号:5373	
配列の長さ:194	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS06405	
配列:	
GATCCTNCTG GCCGAGCTCG AGCAGCTCAA GGGCCAAGGC AAGTCGNGCC TGGGGGACCT 60	
CTACGAGGAG NAGATGCGGG ACTGCGCCGG NAGGTGGACC AGCTAACCAA CGACAAAGCC 120	
CGCNTCGAGG TGGAGCGCGA CAACCTGGCC GAGGACATCA TGCGNCTCCG GGAGAAATTN 180	
CACCUNGGAG ATTN 194	
配列番号:5374	
配列の長さ:72	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS06407	
配列:	
GATCCTGGAT TCACTCACTC ACTCATTCCT TCACTCATCC AGCCACCTAA AAACATTTAC 60	1
TGACCATGTA AA 72	
配列番号:5375	
配列の長さ:219	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS06408	
配列:	
GATCACGCAC GAAGTGTACG AACTGACCCA GATTATCGCC GACGTGTCCC AGGACCCCAC 60	)
GTTGCCGCGG ACCGAGGACC ACCCGTGCCA AAAGTGCGGC CACAAGGAGG CTGTGTTCTT 120	
CCAGTNACAC AGTGCGCGGG NCGANGACGN CATGCGCCTT TACTACGTGT GNACAGCCCC 180	
ACANTGNGGC CACCGCTGGA CCGAGTGNCC TNCTNTGTN 219	

配列番号:5376 配列の長さ:65 配列の型:核酸

GATCGGGGTC CATGGGCCCA CCAC CCAGCAATAC AACGTCACAT ACGT GTGGGGGGAG GAACACATAC CTGG TCTCAAATCC TGGAAA	CGTCAA GGAGAGGGC	GATTATNTNC	TGGCTGTGAA	60 120 180 196
配列番号:5415 配列の長さ:69 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06448 配列: GATCCATTAA TCTGCTAATT GGTT TACCATAAA	GCCTAT GAAATCACAT	TGTCTGTTAT	TAAAGCTTTT	60 69
配列番号:5416 配列の長さ:119 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS06449 配列: GATCTAGTAA AGTGTTTTAG AACC				60
ATCACAATTC TGCTAATGTC ATTT 配列番号:5417 配列の長さ:308 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06450	GGAACT TCAAAATAAA	TATCTTGTCT	AAAAACAAA	119
配列: GATCATTGCA TGAATAGAAT CAAG AGGCTCATTT GTACTCTCTT CCCC AAAATGGAGC TAGAATGCTT GCTG ACACTATTAC CAAAGATTGT NGGT TATATTTNCC TGTGCTATAT ATGA CTCAGNGN	TCTCAT CGTCATGGTC GATTGA AAGGGAGTGC TAGGCC AGATTGACAC	AGGCTCTGAT CTATCTATAT CTATTTNTNG	ACCTGCTTTN TTAGCAAGAG NCNNTATGCG	180 240
配列番号:5418 配列の長さ:293 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMCS06451 配列:	·			
GATCTGAAGG GAGAAGGTGA TATT GGGCAGAGTG AAGAGAAGCC CGTG CCAGTGCCAT CCAGAAGAAA TCCC	CCTGCT GCGNCTGTGC	CCAGCCCGCT	GCCCCCGCC	

配列番号:5461

クローン名:HUMGS06492 配列:				
GATCCCAGTT ATCCTTGNAT CCATGTAATT 1	TCAGATGAAT	TATTAACCAA	<b>ነ</b> ቦልፒፒፒፒልል ነ	c o
GTGAATTCAT TATTAAAAAC TATTCATTTT T	TTTCCTTTGG	CCATAAATCC	NCTAATTNTC	60
ATTAAAATTC TAAGGTCATT TCAACTGTTT T	TAAGCTGTAT	TNCTTTAATT	CTCCTTACTA	120
TTTCATGGAA AAAANTAAAT TTNTCAATTT T			order therm	214
•				<b>.</b> .,
配列番号:5457	,			
配列の長さ:105				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS06493				
配列:	LO LOTTO LOO	NAAMOAAAMN		
GATCCAGAAT AACTTCTCCC ACTCATATCT NAGAGCCCNT TGTTCCCAGG ACTTTAAGGC A				60
ANDROCCENT TOTTCCCAGG ACTITATIGC A		AANIN		105
配列番号:5458	· ·			
配列の長さ:56				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS06496				
配列:				
GATCCTTTA TAAATTTAAA AAATTTAATG T	TTAATAAAGC	GAGGTGTAAT	TGTAAA	56
新江天山双·巴 。 E 4 C O				
配列番号:5459 配列の長さ:103				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS06498				
配列:				
GATCCGNGAA AGGCTGAAAG GCCAGGAAGA C	CAGCCTAGCC	TCTNCAGTGG	ATCCTCCCAC	60
CGNACAAAAG ACCTGTNACT CCGACTGAGG C			in too too one	103
配列番号:5460				
配列の長さ:190				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS06499 配列:				
GATCHTGGAT NTAGAAGAGG TNACATTGCA (	<u> የ</u> ያ ያ ምርምምም የ	1711001110	T. ( T. ( T. ( T. ( T. ( T. ( T. ( T. (	
TTTTTCCAAG CTGACATTGC AGAAAATGCT 1				60
ACTGTCAGCG TNTTAGCTGA TGAAGANTTC (	CTTCCCTSC	AACAAAATAC		
GTGGTNNGCN	CITCCCINCA	ANUMANIAU	ATTIGACCIG	180
				190

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06540

配列:

GATCTGTCTT GGTCGTTTGT GTTATAAAAC CAAAGTTCTC TACAGACTTT ATTTTTGTAC 60
AATATCATTT TGTAACTTTT TACAAATAAA AACTCATTTC TATTGCTCTC TGAAA 115

配列番号:5500 配列の長さ:314 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06541

配列:

GATCACTTAC GGAGAAACAG GAGGAAATAG CCCTGTCCAG GAGTTCACTG TGCCTGGGTG 60
CAAGTCTACA GCTACCATCA GCGGCCTTAA ACCTGGAGTT GATTATACCA NAACTGTGTA 120
TGCTGTCACT GGCCGTGGAG ACAGCCCCGN AAGCAGCAAG CCAATTTCCA TTAATTACCG 180
AACAGAAATT GACAAACCAT CCCAGATGCA ACTGACCGNT GTTCAGGGNA GCAGCATTAG 240
TGTCAAGTGG CTGCCTTCAA GTTCCCCTGT TACTGGTTAC AGNGTANCCN NCGCTCCCNA 300
AANTGGGCCA GGAN 314

配列番号:5501 配列の長さ:312 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06542

配列

GATCTGGGTT TAGAGTGTGT ATGATTAATA AATATACCTT TCCTCTTTTC AGGGAAAATA 60
ACAACCACCC NTACTGATAG TTGGGAAAAG AAGATTGGGT TATTTTNCCA TATCATTTAG 120
CTGGAAGTGA CATTTAAAAG CACCCTGCAT CACTAGTAAT AGTGTATTTN NCTATTCTGC 180
CCTTGTAATC GGTGTCCCTG TAAAACANTC CCCACAGATT ACTTTCAGAA ATAGATGTAT 240
TTCTCTNCGT AAGGGCCAGG TTTATTTCCT CCTTTTTTGN GATNNNNGGN GGAAANTGCT 300
GCTTGCACAT TN 312

配列番号:5502 配列の長さ:217 配列の型:核酸 トポロジー: 遠鎖状 クローン名:HUMCS06544

配列:

GATCATCCTG TAAACATTTT ATCATGTATT AATCATCCCT GCCTGTGTCT ATTATTATAT 60
TCANATCTCT ACGCTGGAAA CTTTCTGCCT CAATGTTTAC TGTGCCTTTN NTTTNGCTAG 120
TATGTGTTGT TGAAAAAAAA AACATTCTCT GCCTGNGTTT TAATTTTGGT CCAANGTTAT 180
TTNAATCTNG TACAATTAAA AGCTTTTGCC TATCAAA 217

配列番号:5503 配列の長さ:334

TTTTAAAATN AACATTTTCC CATCTTNATA ATTNCACN	TCATTGAGCA	AGCNTGGATT	CTCTAATGTA	GAAATCAAGC	120 138
配列番号:5541 配列の長さ:332		· .			
配列の型:核酸トポロジー:直鎖沢		:			
クローン名: HUMGS06588	3				
配列: GATCCTCCCA CCTCAGCCTG	CTC & CT & CC T	CCCTCTACAC	CTCCACACCA	CCATCCCTCC	00
CTAAAGGCAT GTCTGCATTT				_	60 120
GAGATTCGCC TGTNTAAAAT					
AAAGATGGAT TAGGGTGAGA	GACTTAGTTT	ANTCAGGAAT	AGTNGCAGAG	NCANCCACAN	240
CAANAANTGN ATTTCCCTGN			GCAGGGNNCT	GGTTTACAGN	300
TTTCACGGAG GGNGGNTAGG	GTTCTTNTAC	TN			332
配列番号:5542		₹			
配列の長さ:106					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS0659(	)				
配列: GATCAAATNA TTTGACTATT	CCTACACATT	<b>ፐርፕልፕልርፕር</b> ፕ	CTTCTAACAC	<b>ፐር ለ</b> ድርፕ ለ <b>ፕ</b> ድፕ	60
CATTTGCCCA TGTTAATTTT				·	106
配列番号:5543					
配列の長さ:268					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS06592	2 .				
配列: GATCACAGCC TCCAGGGCCC	CCCLLLTCCC	1000110010	TTCCC1C1C1	4.TO 1.TO 0.TO	•
TGCATNTAGA NCTTTCTGCT					60 120
TTNCTCTATA CATAGAGCTC					
AGGCAGTAAG ANGTGCTTCT					
TTTTCNCANT TCGNGGGNAG					268
配列番号:5544					
配列の長さ:177	7				
配列の型 : 核酸					
トポロジー:直鎖状	_				
クローン名: HUMGS06593	3				
配列: GATCCAATTA ACAAATTCTG	CACTCTCCCA	ACTNA ACCAN	<u>ለ</u> ጥጥ ለጥቦሶጥጥጥ		
ATGTGTGAAT GTAAGAACAT					

配列番号:5584				
配列の長さ:170				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUNGS06636				
配列:				
GATCTCTCTC GCCACGGCAC CGTCAGCTCC	TTTGTGGCCA	AGCTTTTCAT	CTTTGTGTCT	60
GCAGAGCTCT GAGCACTCGC TTCGCGTCGC				
TGCCCTCCGG GGCGTTAATA AAGTCTTAGC				170
配列番号:5585				
配列の長さ:115				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				÷
クローン名:HUNGS06637				
配列:				
GATCAGCTTT NAGAGTGGTC CTAAGCAGTA				60
AATACTTCAT ATTTAAGTNT NAGTAGTTAC	TACTGATTNG	ATAATCACTT	AANTN	115
配列番号:5586				
配列の長さ:254				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS06638				
配列:				
GATCCTTGTG GACTGCCACT GCTGGCTGCC	TCCTCTCCAA	CTCATCAGAA	GAGCATTTTC	60
ACAAAGACAG AGGACTTGGA CCAGGGCATG				
CATGGCATGG AATCAAGTGG GCTGATGTGT				
TCAATGTATG TTTGCCTGCT TGAAGCAAGG				
ATGANAGTGA GAAA		omit none ( n	inod:who i C	254
配列番号:5587				
配列の長さ:301				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HJKGS06639				
配列:				
GATCCCGCCC TGACCCAGAG GAAGCCTCTA				60
AATTGACCCC TTCCTCCAGG GGTCTTGGGT				
TTTCTTCCTC CAATCCCCAG TTTGTATTTA				
CTGTTCTCTT GGGGGGTCAG GGTGCTGTCC				
CCGCTGTATC GCATATTGNN GAGTTTNCTA	TTTTTGCAAA	ATAAAGTGAT	GGAAACTCAA	300
A		•		301

配列番号:5588

配列の長さ:336 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06687

配列:

GATCTAGTTT GACTTTCTAG TTAGTGGTGT TTTGAAGAGG GTATTTTATT GTTTTTTAAA 60
AAAAGGTTCT TAAACATTAT TTGAAATAGT TAATATAAAT NCATAATTNC NTTTCCCCTG 120
TTTATTGTAA TGTATTCTAA ATTAATGCAG AACCATATGG AAAATTTCAT TAAAATCTAT 180
CCCCAAATGT NCTTCTGTA TCCTNCCTTC TACCTATNAT CCTGATTTTC AAAAATGCAG 240
TTAATGTACC ATTTNANNTG CTTGATGAAG GGAGCTCTAT TGCCNTTANC AGNAATTGTN 300
GCTAAGGTAA TTCCNAATAG AAAGCTGCTT ATTNNN 336

配列番号:5628 配列の長さ:364 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06688

配列:

GATCTTCTCA ACCTTCTCCA TCATCGCCAT CCTTTCCCAA AGGCCAAGGA AGTGACCTGC 60
CTGCTGGCAT TGGCCAGACC ACAGCAGCAC CTCCTCCATG CAGGCCTTAA CTTTCCCATG 120
GTCAATGCAG TTTTTATCAG CCTTGCTTTG GATAGGACCT CCAAGGACTA AGGCCTCCAG 180
CCCCATGTNT GACCCTTGTN ATCTCTCTGC CCCACATAAT TCTGTTACTT TGCTATGTGC 240
TCCTAATGTA TCTAGTGTGT CCTGTGACAA CACTCATCAN ACTTCAGTGN AAATCACTTG 300
GTTTTAATTG ACTGTNTTNT CCTATAGACT GTAAGGNTCC ATGAGGGCAG GGCACATGTT 360
GGTN 364

配列番号:5629 配列の長さ:347 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06689

配列:

GATCCCGTGT GCCACCAGGA GGGAGTGGCA GCTATAGTCT GGCACCAAAG TCCAGGACAC 60
CCAGTGGGGT GGAGTCGGAG CCACTGGTCC TGCTGCTGGC TGCCTCTTG CTCCACCTTG 120
TGACCCAGGG TGGGGACAGG GGCTGGCCCA GGGCTGCAAT GCAGCATGTT GCCCTGGCAC 180
CTGTGGCCAG TACTCGGGAC AGACTAAGGG CGCTTGTCCC ATCCTGGACT TTTCCTCTCA 240
TGTCTTTGCT GCAGAACTGA AGAGACTAGG CGCTGGGGCT CAGTTTCCCT CTTAAGCTAA 300
GACTGATGTC AGAGGCCCCA TGGCGAGGCC CCTTTGGGCC ACTTACN 347

配列番号:5630 配列の長さ:318 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06690

トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS06731 配列: GATCACAGTC TTGAGGTCCT CTAGCAGGGG TGAGGGAGAG CAGCGACTTC AGCTGAGTCC 60 CTGCCAGTGG TTAAGCAAAC AATGGTTTCA AAATTCAAGG TCCCCAAATG GCAGCATTTT 120 ATGTTCTGAC CTGTTTGTGT TATATAGTGG TGTTTTNNNN CCNCTTTGGA NCTCTTGNGT 180 TGTTAATAAA ATGAAATGAT TACTTTTNAA TTAAANTGAA AAANGTAAAA AANAAN 236 配列番号:5667 配列の長さ:101 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS06732 配列: GATCGCGCCA CTGCACTCCA ACCTGGGTGA CAGACTCTGT CTCCAGAACA AAACAACAA 60 ACAAAAAGAT TTTATTAAAG ATATTTTGTT AACTCAGTAA A 101 配列番号:5668 配列の長さ:259 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS06733 配列: GATCCATGGA CCATCTGGGT CATGGCGCCT GGTTTCAGAC AACCTGAATC AAATCTTAGG 60 GGTGGGGCTT TGGGATGTCA TTGTTCAATA GGCACCTCAG GAGATTCTGA GCACACCNNT 120 GTTTGAGAAC CACTAAAATN AGGAGTGGGA AAAAAAAAAT AGGTGTTTTG TTAATTTAGA 180 CCTGAGCTGN GANGNTAATA TATTTTNNTT GTCANTGCCA TTACCAGNTA TGCACTGNTT 240 CTTTTATACC TACANTTTN 259 配列番号:5669 配列の長さ:218 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS06734 配列: GATCCTGAAG CTTACTATGC AGCCTACAAA CAGCCTTAGT AATTAAAACA TTTTATACCA 60 ATAAAATTTT CAAATATTGC TAACTAATGT AGCATTAACT AACGATTGGA AACTACATNN 120 ACAACTTCAA AGCTGTTTTA TACATAGAAA TCAATTACAG CTTTAATTGA AAACTATAAC 180 CATTTTGATA ATGCAACANT AAAGCATCTT CAGCCAAA 218

配列番号:5670 配列の長さ:222 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06735

クローン名: HUMGS06778

配列:					
GATCCAATTT CTTTGTGGTA CO	CTGCAGTTT	ACAAAATAAT	TTGACTTCAG	TGAGCATATT	60
GGTATCTGGA TGTTCCAATT TA	AGAACTAAA	CCATATTTNT	TACAAAAAGA	TATTAATCCC	120
TCTACTCCCA GGTTCCCTTT AT	TATGTTAAG	ATATAATGGC	TTTGAGGGGG	GAAAAAATAA	180
ACCTAGGGGA GAGGGGAGTT TO	CCTGTAGTG	CTGTTTCATT	AGAGGATTTC	AGTAAATTAA	240
ATTCCACAGC TAATTGAATA AA	ATAATGGNA	CCTTTAAA			278
配列番号:5706					
配列の長さ:308					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS06775	j.				
配列:					
GATCTGCATA TNATGTATTA GO					60
CTTCCTGATT GGAGTGTGTA AC					120
AGTNGTCATA GTGAAGCAGG TO					180
GATTAANCTC AGTATTAANC CA					
ATCCAGGNCA AGNCTAAGTA TO	GTTGGTTAA	TAGGNATCCT	TNTTTTTTT	TTNAANGCCT	
AANNGGGN					308
元1万4.45 □ E707					
配列番号: 5707					
配列の長さ:104 配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
トホロシー、直頼4人 クローン名:HUMGS06776					
配列:					
GATCGTAACC CCTTGTTGAC TA	'AATCTNCCC	CTCCTTTTCT	NTACCTCTCC	VCC V VCC V VC	60
NCTNAAAAAG CGGACGAAGA T				NOUNNOUNNU	60 104
normanno odonoomion t	TTTMMOTTM	NOTOGONCII	10111		104
配列番号:5708					
配列の長さ:137					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS06777					
配列:					
GATCCTAGTA AGTCANTNGT A	GTTTACTGG	TGANGTGAGC	ATTNTAGATT	CCCCCNTTAT	60
CACTAATCAC ACAACAATTT T					120
TATTTTTAAA TAAACNN					137
	•				.01
配列番号:5709					
配列の長さ:333					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					

配列番号:5746				
配列の長さ:258				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS06820				
配列:				
GATCTNTAGA ATTNTTATTG TAATTTTCCT				60
TTGTTAACTC CAAGATTGAA AAAAAAACT				
TTGGGGGTC TGGGCACAGA CATCTAACCT				
TGGTAGTGGT CCGGGTCAGT TGTTCATGGT	GTAAGCTTTG	CACNGTGTAT	TGAACATTNG	240
NAGGNTCTGN CTNGAAAN				258
*		•		
配列番号:5747				•
配列の長さ:350				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS06821		•		
配列:				
GATCCCTGCC CTTNTCAAGA CTTTAGCTNT				60
TCCTCTTTTG CTTAAATCAG TTGGAGTTTG				
CTGCTGGGCT GAGTGACACA AGCACTTTAA				
TGCAATCAGA CAAGTGTTTT NGAAAGAGCA				
CAGGAAGGNC AGGNAGATGG CAGAACGGTG			AACCAGGANA	300
CTGGTTGGCA AGCTNGGGGC TAGGGGGTAA	GGNNTTTTNA	GGGGTNGAAN		350
	•			
配列番号:5748				
配列の長さ:331				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS06823				
配列:				
GATCTTCCAT GTTTTGACGT TTGCAGTCAC				60
ACAGTATTGT GGCATCAGAT AATGCCACCA				
AACAAAGACA TTTATATGGG TTTATTTTCA				
GAGGAAACTC AGNTTTAACC TGTTATTTCT				
ACTITITCCT GNCTGTGCAT CCGCCTGTNA		CTNTAGTCCC	TCACTAGCCA	300
TGCTTNTGTG NTGGGTTATC ANGGGNGTNN	N			331

配列番号:5749 配列の長さ:236 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS06824

GCAGCTTCTN GTGCTGCACA TATGATTAGT GTTTTTNTCC	TATTTCCTAG TTGCTGGCTA	CATCTATGAT	GTTTTTGGAG TGGAGGAATT	GGGTAATCAT	300 358
配列番号:5787				INNONNON	330
配列の長さ:128		-			
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖次					
クローン名: HUNGS0687	0	•			
配列:					
GATCTATGGG TAATTTTAAA	TNTTGCCTGT	CAAGCTTAAN	AGGGACTTGA	CAACAGCTAG	60
GATNGAAATN ATTTCAACAC	TTAAATATGC	TTACTTTGTG	CCGGACGCTG	TTCTAAGNCT	190
TTNACAAN			, , , , , , , , , , , , , , , , , , , ,		128
	ş <sup>1</sup> .				. 1 2 (
配列番号:5788				•	
配列の長さ:339					·
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0687	1		•		
配列:					
GATCCACCTA CCTTGGCCTC	CCAAAGTGCT	GGGATTACAG	GCGTGAGCAC	AGTGCCCGGC	60
CTGTATTTGG TGATATTTTA	AAAAATTCTA	CTTTGACCTT	AAGTGCTTCA	AGAATTGTGT	120
TCAGTTAGTA GTCCTNTTGG	TAAGACTAAC	TTTCATATGC	TATCTTTGCT	CCATGAGCTA	180
TCATAGTGCT GTTTTCTTTC	ATTACCCGTA	AGAGTGGCTC	TATCACAGCA	TTTACTGTTA	240
AGGGCTACAG TTAGACCTCT	TGTTAACTCT	ACTTTNATTT	GTGATGGCTG	TGTTTCACAC	300
TACCTTGATT TATAAATGTA	NGTAATGTNG	TTAAATNGN	•		339
配列番号:5789					
配列の長さ:343					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS0687	2				
配列:					
GATCCTNTGT ATAACATCGG	GGCCTTGCTC	AGGGGCTGTT	GCGTGGTTGC	CCTGCATTCG	60
CTCCGNCGCA CCGCCTTCCG	TATCAAAACC	TAAATAGAAG	TTGTTGTTAC	CGTGTGCCAA	120
TGTGTCCCAT GTGGGTTGTG	CCAGGTAGAG	AAACAGGAAG	TCAATCATCT	GTNACAGTCT	180
CTATTCTGTC GTTTTGCTCC	TTGGTATTTN	ATTTGCACTA	TATTNAGGTG	AAGCCTGTTC	240
ACTGTTTAAA NCCGGAGTNT	TCTTCAAANG	GCATGGNGAC	CTGGTTCCAG	TAAATGTCCC	300
ANCAGTGGGG GTTTTAGAAN	GCATNNTTCA	NTGACCNTNG	NAN		343
配列番号:5790	•				
配列の長さ:330					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS0687	3	•			

配列の長さ:96 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

配列の型:核酸	_				
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS06919	9				
配列:	*				
GATCACCTCC GGGCACAGGA					60
TCTNTCTGGA GGAGTGGGAG	TTTCTNAACC	CTGCTCAGCA	GAGTTTGTAT	AGGAAAGTNA	120
TGCTAGAGAA CTACAGAAAC	${\tt CTGGTCTCTN}$	TGGGTCTTAC	TGTTTCTAAG	CCAGAACTGA	180
TTAGCCGTCT GGAGCAAAGA		GGAATGTGAA	GAGACATGAG	ACCATAGCCT	240
GGGCGACAGA GCGAGACTCC	GTNTCAAA				268
配列番号:5828					
配列の長さ:219	<i>,</i>				
配列の型:核酸	,				_
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS06920	)				
配列:					
GATCTGTGCC CAGAGACGGG					60
GGCCGAAGAA GGGTCCTTCC	CTCTCCCCAA	GACTTNGTGT	CCTTTCCCTC	CACTCCTTCC	120
TGCCACCTGC TGCTGCTGCT			CTNCTTGCTG	NCTTTAAGTC	180
GCTGAGGGAA AAATAAATGA	CANATTGCTT	GNGNCCAAA			219
配列番号:5829					
配列の長さ:153					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS06922	2				
配列:	COTO LOOTER	4 MM m + m m + 4 m			
GATCATAAGT NCTTCTATCT					60
-GGAAGGTTGC AATAAAATCA TGGNNNGGCT GTACTCTATT			ATGCAGTTTA	ACCCTGTCCA	
TOUNNINGEL GLACICIAIL	CINACIGIAI	TIN			153
配列番号:5830					
配列の長さ:172					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:IIUMGS06923	}				
配列:					
GATCTTGTTT TNATTAAATA					60
CGCTGTACAG TATTCTAAGG	GAAAAGAAA	AAGAAAGATG	TGTAAAGTAA	CAGAGAGAGG	120
TGGCTATGGT GTAGAGACCT	CTTTCTAATA	AAGAAATGAA	AATATGTCTA	AA	172
配列番号:5831					

GATCTCCTCT TCCACCTCTT CCTGGTTCCT TTTTCTTAAT CCATGTTGGA AGGAAGCAAC GGGTCTGCAG AAGGTTGGGA ATTTAGAAAA CTCTGTCAAT GGCCATCCCT CCCACAAAAA TATGCAAGCA AACGGGCANC TCTGGAGAAA CTNTCTCTTT GTCCCCACAC CNNTTCCCAN	AGTGAACTCT TAAGGCTGTT AACGTGGGTT ANTANGGNAN	ACCTGTTCTG CTTTCATATT AAGAGAACTT GGAATGCTGA	GAGTTCTCCT TTAATTTAAT GCAGACTGGA	120 180 240
配列番号:5870 配列の長さ:187				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS06973				
配列:				
GATCCCGACC CTCACCAGTC CCATTTGCCT	CCCTCCACCT	CTCCTTACCC	4 <b>***</b> ****	۰.
TCACCCCAAT GTTCCACACC ATCGACAACC	AAGGGGTGAG	CTCCCCACAC	CCCTCACCAC	60
GGAATGGGGC GTATATGTTA GTGTTGCTGC	AACAATAAAG	CCTCTTCCAT	CTCTCATCCC	120
AGTGAAA	шотпутн	CCIBITOCKI	CICICATOCC	187
				167
配列番号:5871				
配列の長さ:135				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: IIUMGS06975				
配列:				
GATCTNGGAC TTCCAGAAAA CAGAACTGTG	AAAAGNCAAG	TTTCTGTNGT	TTAAACCACC	60
CAATCTGAAG TATTTNGTTA TGGCAGTCCT	NGGCAGACTA	ATACAATATG	CAACACATTT	120
ACAATANATA TACAN				135
配列番号:5872				
配列の長さ:138				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS06977				
配列:				
GATCAAATAA TGATGTTAAA TTCTTAAATC	ATATTTGCTA	TGCAGCTGAA	CATCATATTT	c o
TGATTTGTAT TTTGGGGGTA CCTGTGTTGA	GTTGATAAAC	ATTTCCATCT	TCATTAAAAC	190
TGCTTCCAAA CTAGTAAA			Tom Talling	138
			•	100
配列番号:5873				
配列の長さ:189				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS06978				
配列:				
GATCGGCGGG GCACAGTGGC TCGTGCCTGT	AATCCCAGCA	CTTTGGGAGG	CCTAAGCAGG	60

配列の長さ:80 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS07017 配列:				
GATCATATAG AGTAGTTAAG ACAACTGTAA TAAAAGGTAA CATAATTAAA	CAGCATTTTT	TGAAATACAT	TGTAAAATAA	60 80
配列番号:5911 配列の長さ:110 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS07018 配列:				
GATCTTAAGC TCTGCTCTCA GCAGATTTCA	CCTCTACCAT	TTCTALACTC	<b>TACTCA LCCT</b>	en
GTGTCCTCAA GAAGAAAGTG TTCAAATTAA			INCIGNAGGI	60 110
配列番号:5912 配列の長さ:159 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS07020 配列: GATCGGGAGG ACTGTGGCCA GCAATTAACA TGAATTCGCT GNTTGTTCTG TAACGTTATA TANTATTCTT CAGATTAAAT GAAGCGTGAG	AATAGTNNAT			60 120 159
配列番号:5913				
配列の長さ:330 配列の型:核酸			•	
に列の型:核酸 トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS07021				
配列:				
GATCTCTCCC ATGCCTTTTA AGCAATTAGA	ACTAGATAAT	GCAGCCATTT	GTCACCCAAT	60
TAAATTTGAA AGGCCAGAAA TGCATGGATT	AGCACTTCAG	CTTTTGCTGC	AGTCAAAGCA	120
ATTGTTACTT AGATAGAAGG ACAGTTAAAN				
GTATAGATAA TATTCACTTC TNCTTTTTAA				
TTGTATCATA NTTTTCATTG CTCATTCCTA		ATACTTATTN	CTTNCACAAT	300
ATTTCTTCAN GTGGATATGT NCTTTAANTN				330
配列番号:5914				

配列の長さ:299 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS07022

				_		
GATCACACCC	TGGAACAATT	GGNGGATTGC	TTGCTGCCCT	GCATCTTAAG	GCGTATTCTA	60
	TTGTNATGCA					120
	CCTCGCCCAG					
	NCATCTAGTG					240
	AATTTTCCCT					298
				Grameran	MANAGON	230
配列番号:	5954					
配列の長さ	: 250					
配列の型:	核酸					
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUNGS0706	3				
配列:	- <del>-</del> -					
GATCTNCAGG	GGNATGTTTT	ACCÄTCTGNA	TCCAGCCTCC	TGCTAACTCC	TAGCTGACTC	60
	GTATAAANTA					
	CTCTTCTAAA					
	ATTCTAGTGA					
GTAATGNTNN					NONT TOOKAT	250
				•		230
配列番号:	5955					
配列の長さ						
配列の型:						
トポロジー						
	: HUMGS0706	9				
配列:						
GATCCGTNAA	TNCNCGGAAT	GGCAGGGGAA	GCCTTGCACT	AĠGTTGCAGA	GAAGCATCCT	60
	TGTCAGAAAC					120
TGGTCTGTNT						135
						100
配列番号:	5956					
配列の長さ	: 193					
配列の型:	核酸					
トポロジー	:直鎖状					
クローン名	: HUMGS0707	l <sup>.</sup>				
配列:						
GATCTAGAAT	TGACATTTTG	CCTTCTTGTT	TCCAGGTGTT	TCTATTTTTT	CTATTCTTTC	60
AGAGAAATCT	CATATTTCGG	TGTATTTATT	GCTGTTACTA	CTATATTTAC	TGCTGAAAAC	120
TGTAACAACC	TGAAGATTTG	TAAAATGTTA	AACATAGTTC	ATTAAAAATA	ATAAAATAAA	180
TCTAAAATGT	AAA .					193
		2				
配列番号:	5957					
配列の長さ	: 273			•		
配列の型:	核酸					
トポロジー	:直鎖状					
	: HUNGS0707	2				

配列番号:5996 配列の長さ:78 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGSO7118 配列: GATCCTATAG GGAGGNCATT TCCTGTCCTG	GAATTAGTAT	ТТСТААААТС	TGNATAAACT	60 78
配列番号:5997 配列の長さ:118 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS07119 配列:			,	•
GATCAGAAAG TGTTATTTAA CAGAAACTAG GATTCTAAGT AAATTTNCAG TAAGTNAGCA				60 118
配列番号:5998 配列の長さ:60 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS07120 配列:				
GATCAAAAAG AGGAAACTTG AAATGTGATG	GTGTTTATAA	TAAAAGATGG	ТААААСТААА	60
配列番号:5999 配列の長さ:127 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS07121 配列:				
GATCTCCTTC AGAATTTTTG TCTTGACTTT CTAACATTCT GTTTGAATTT GGAAGTATTC AAATAAA				60 120 127
配列番号:6000 配列の長さ:195 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:IUMGS07122 配列:				
GATCCTGGAG CTGGAGCATG AGTGTCTGAC GGCCAGAATG AATGTAATAG TTCAGACCAA TTCTAGCCAG TAGCTCTGCA CAAGTNAGCT	TGCCTGNCCA	CTGCTCCTTT	ATGACTGCAC	60 120 180

配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状		•			
クローン名:HUMGS07164					
配列:					
GATCACGCCA CTGCACTCCA GCC	CTGGGCAC	CAGAGTGAGA	CACTGTTTAA	A .	51
配列番号:6039					
配列の長さ:195					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS07165					
配列:	#	00000000			
GATCTGGGCA GGGAACATCA CA'					
AGGGATAGCA TTAGGGGAAA TAG					
ACATGGCACA TGTATACCTA TG	TAACAAAT	CTGCATGTTG	TGCACGTGTA	CCCTAGAACT	
TAAAGTATAA TTAAA		÷			193
配列番号:6040					
配列の長さ:75					
配列の型:核酸					
トポロジー: 直鎖状					
クローン名: HUMGS07166					
配列:					
GATCAGGCCC CACCTTGTGT CT.	TACCCCCAT	CCCNCCTCTC	AACCTCACAN	TCAATAAACT	60
CGGGGAAACG CGAAA	necoconi	0001101111	MICOTONOM	TUANTANAUT	7:
					•
配列番号:6041					
配列の長さ:315					
配列の型:核酸				•	
トポロジー:直鎖状	ı				
クローン名:HUMGS07167					
配列:					
GATCTGAATT GAGGAACTTG TA					
TTCCTATGTA TTTGACTACT TG	GAGGTAGCT	TATACAAGTA	GAATCATACA	AATGTATTGT	120
TTTGTGACTA GCTTACTTCA NT	TACAATAA	GTCCTCAAGT	TCTNCCATGT	TGCTGTGTGT	180
GTCAAAATTN CCTTCCTNGC TA					
TCCAGTCATT CATCAATGAN TA	CNTGTTTT	TNGTGTGTGG	TGTTGGAANC	CTNCTGGGGA	300
CATGGTNATA TTTTN					315
	ē ·				
配列番号:6042					
配列の長さ:79					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS07169					
积初·					

トポロジー:直鎖状 クローン名:IIUMGS07221

配列:

GATCTCTNCT AACNITAGTA AATAAACACT AAAGTGGTGG GCTTTGATAA TGCATTTNGT 60
GGATACAAAA TCATCGNCTC ATCACTTCT AGAATGAAAG GCTGGGAGGC ATTGCTCACC 120
TTTTGCGTGA AGAAAAGACC TGTCCCTTAG AGCCAGTTTT TNCTTAAGGG GAGGACAGAC 180
CGTCGTCACC CAGTGGACCN CGTTGGATGG NTGGATGCAG TNCATNCTTT AGAAGCACCG 240
CATACCTGCT TGTTACAGGT NCAGNGTAAG TGGTCTTNGC TNCTGTGGGA N 291

配列番号:6082 配列の長さ:107 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS07222

配列:

GATCTNCCCT AGCCCTCTNT TCCAGAAGAT GCCCTCCAAT CCTTTCCACC CNATTCCCTA 60 ACTNTNGGGA CCTCGTTTGG AAGTTTTCTG TGGGCTTGGC CTTGGTN 107

配列番号:6083 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS07223

配列:

GATCTAGTTT TCCAAGTAAC ATTTTGTGGT GACAGAAGCC TAAAAAAAAG CTAAAATCAG 60 GAAAGAAAAG GAAAAATACG ANTTGAAAAT TAAGGAAATG TTAGTAAANT AGATGAGTGT 120 TAANCTAGAT TGTNTTCATT NCTAGATAAN NTGTATAACG CTCTCTGTNC TAN 173

配列番号:6084 配列の長さ:328 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS07224

配列

配列番号:6085 配列の長さ:156 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

339

トポロジー:直鎖状	
クローン名:IIUMGS07282	
配列:	
GATETEATEA ACCETTIGAA ATGITETIGGG CAGEACAGET CETTIGGTETG CATGGTTGG	T 60
GTAAGTATAA TCANGTAGTG AAATTGTATG GTATATACCT ATATGCCANC AGTGTACAC	C 120
CGTATGTGCA GAATTTGCTA NTATAACCAT TTCAATAAAA ACCTATTGAA AAAGCTGAA	A 180
AAANNANAAA NGNAGGAGGN GNGGN	205
配列番号:6125	
配列の長さ:279	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS07283	
配列:	•
GATCTTTGCC AGGGGTCAAA GCGTCGGGAA GCTTGGGGTC CTTCATCCTG ACGTTATCA	C 60
CANATTINAG CTGACCATGC CCTGCTCCTC CCTAGAAATC AATATTGGAC CCTTTTTGT	
AAGATTGGTC TCTGTGGTGT GATTCTCTNC CCAGGTGTCC CTTTCTCCTC CCCTAGTGT	
CTTAAGTCCT CCTCCACAGG GAACATCTAT TTGGGCTTTG ATGTTTAATA AAGTAGAAA	G 240
CACTGGNAAA AAAAGAAANN NGNNNTGTGT NTGTTNNNN	279
配列番号:6126	
配列の長さ:226	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS07284	
配列:	
GATCCTAAGG AACATAAAGT TAATTAAAAA CTTACACCTA ATTATGTAAA TNGCCTTGT	
AAAGACATGT GATTTGTATT TNAGATGCTT GTTTCCTATT AAAATACAGA CATTTCTAC	
CTCAGTTTCT AAATGTAGAC TATTTGTTGG CTAGTACTTG ATAGATTCCT TGTAAGANA	A 180
ANTGCTGGGT AATGTNCCTG GTAACANGCC TGTNANTATN TNANGN	226
配列番号:6127	
配列の長さ:339	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:IIJMGS07285	
配列:	
GATCCCATTT AGCCCCTGAA CATAATACCA TCTGCAGTAT TATAAAAGTC ATTTAGAAC	
TCAGGGGGAT AATCTAGAGG CAGGATTTTG GACATTGTGA AGGAAATGTG CTCCTTCTC	
GCTCACTTCA ATAACTATTT NCTGAGACTG AAGTTTTTTA GACAAGANTA AGANAACTT	
GCTTTNTTCA GTTATCACAT GTGANAGCTT TTGCTTTTGG TTAGGAAANG GTGTGGNTG	
CTCTACTGCG TGGNTGGTTA CATTTTGCTT TCCGTGNAAT TGCTCNGGAA ATGNTCNGG	A 300

配列番号:6128

CATNCENTTT NECATTTGTG TGTCAGTGCG TATGGTNAN

AAAATTAAAT GTGGAAATCA TAAAATGTCTGT CTTTTCTCTT ATTTGANTATA TCTTAACCAT TAGANTTTTNC TTGCCTCTAT ATCTNAGAGTN	AAAAGATTAA F <b>TTATGTTCC</b>	GTTTTATTAA AAATTCGTTT	TTTTGTCATA TTTGTCCAAG	CATTTCTCTA ACATTCTATC	180 240
配列番号:6167 配列の長さ:307 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS07327 配列:					
GATCCGCCCA CCTCAGCCTC (CCTTAACCCC TCTTTAGATT (ACCCTTTGGT AAACTAAAGA (TTNGTGAGAT TAAACAAGGC ACTATTATGA NTGTACATTT (CCNTGAN	GGAAAAAATA CCCTTTTATA TTGTATATGC	NTTACAACTT ATGCACATAT TTGACCTTTC	TAAAAATAGC TCCCAACANG TTAANNTATG	TTAGTGTTGA GTTAATATAT TCCATGTCAT	180 240
配列番号:6168 配列の長さ:74 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS07328 配列: GATCAGAAAAA TGTGTGACCT		AAATTGTTAA	AAAATTTTAA	CTATTAANCA	• •
TTTTAAATAT TAAA 配列番号:6169 配列の長さ:71 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローシ名:IIUMGS07329 配列:					74
GATCTCAGAT GCTAGAAATA AAGATAGCAA A  配列番号: 6170 配列の長さ: 306 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状	GTAGACAAAG	ATGTTATTTC	CCAGTGCAAA	TAAAGAAATA	60 71
クローン名: HUMGS07330 配列: GATCTCAATG TGCAAACTCC GTGTGGTTTC ATCAGGAAAT	TTGGACTCCA				

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

配列:				
GATCCTGTTG GCAANGGGAA TGTAGAG	CTT CCAGGGTGCA	TTGCCCACTG	TTCTCATTGC	60
ATCCCAGTCC TCCAAGTCAG TCTAGCC	TTA CTGTACACTT	GACAAGTGCT	TACTCAGCAA	120
GTCCCAGACC CACGNCCTNT TATCTCC	NAA GACTGGNTTT	GGCCATGNCC	TTCCTCATCA	180
GGCCTATGCG CANNANTATN TAGGN				205
配列番号:6209	•			
配列の長さ:302				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS07370	•			
配列:				
GATCCATTTA ATATGTTATC CCCACTA	ATT AATTTTCGTA	TATNATTTCC	AATATTTGGA	60
AAGCTCTTTA TAGCCATTTG GTATTTC	CTA TTACCCACCT	CCTATTTTAA	<b>ATATTTATCA</b>	120
GTCTAAACTT GTGCAGTGTA GTAAACA	TGC AAGTTGTTAT	GCTTGAGCTG	ΤΑΤΤΛΟΟΛΤΑ	180
AGTNGCNTTT TANGTAAACT GGTGNNT	TTG GGCCATAGAT	GTTTTTGCTT	TTTGTTTGAT	240
TTTNTNTTNC AGGCTAACTG TTNGNGG	TAT ACATNTATT	NTCTGTTGTA	CAGATTTGAA	300
NÑ				302
配列番号:6210				
配列の長さ:301				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGS07371				
配列:				
GATCCCCCAC ACCAGCGCCC AAGAAAG	GAC CAGCGTTGCA	CAGCCCGGTA	GAAAGGGTTT	60
ATTTATGCGC AACGGTTCAC ACAAGCC	TTC CTGAAATTCC	ACTTTACAGT	AAATAAAGCT	120
GTGCGTTTCC CCTTCCCATG CACAACT	GCG TATCAATCTA	CAACTGTCAT	TTAACTGTGA	180
AAAAATAGNG CGTCTCCCCT TTTGTCA	TCG TTCTGGTAAC	ATTTGGCGTA	GCATCTGACA	240
GCACGGAGNT GCTCACTCCT GGACCGG	TTA TTTGGTTAAA	ACCCAAAATG	TTAGGTCGGA	300
N				301
配列番号:6211				
配列の長さ:111				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				•
クローン名: HUMGS07372				
配列:				
GATCCATTTA ACTATTCATC AGAGGTG	CTG TAATTTTAAA	TTGTCTCTTG	TCTCCTTCAG	60
TTAATTTCA GAATTAAAAA CATACCA	TGG GNAAAAAAAA	CNCNAANCAN	N	111
配列番号:6212				
配列の長さ:206	•			

108

·			•	
配列の長さ:216				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS07411				
配列:				
GATCACCATG CTTGAATGTC CTCTACTGCT	GATTCTAACA	TCCGTGTCAG	TTTTCCACCC	60
GTTTCAGTAG ATGGATTTTN CTCCNNGNNA	TGGGCCATAC	TTTCCTCCAT	TCTTTCCATC	190
CCTCATAATC TTTGATTGGA TGCCAGACAT	TGTAAATTTT	ACCTTGTTGG	GTATTGGATA	120
TTTTTGTATT CCTATAAATA TNCTTGNGCT			· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	216
配列番号:6251				
配列の長さ:319				
配別の刑・技験				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS07412				•
配列:				•
GATCTAATTT TGTATGTGGG AATCTTGCCT	TGCCCTGATT	TCCACACCCA	TACCCACCCT	en
TGCAGGCTGT AGCTGGGGAA GACCCCACGC	TOOCUT	CCCTCACCA	ACCCCTCCTC	190
CTCCACTATT AGGCAGAAGC ACCTGTTCTG	CCACAGGAGG	CCCTCTCTTT	TCCTCCACA	1.00
GCTCAGTTTC CCTTAAGGGG AAGTTCCTTA	CCATTTAACC	CCTCATCACT	ATCTCAAAAC	100
CCATGTTTGT TTGCCAATAA AGNAAATAAA	TAAACTGTAA	AAAANNAANN	AACNACCANN	200
NAAAAACAC NAACANCAN		***************************************	MONNOCANN	319
•				010
配列番号:6252				
配列の長さ:111				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS07413				
配列:				
GATCTACTGT TTGCATGTAA GAGACCAGGN				60
TATTGTGTAT ATAACATATG GATATTAAAA	ATGGGGANTT	GCACATTTAA	A	111
XIIIda D. Ageo				
配列番号: 6253				
配列の長さ:108	•			
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS07414				
配列:	0000000000	00001-000		
GATCCCAGGA ACTGTGGGCA CCCATTTTNT	GIGICICCCA	GCCNATTTCC	ACTCCTAGTT	60

配列番号:6254 配列の長さ:317 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

TGTCATGGNT ANTTTTTGTT CTTCCCTGTG TGAGGGGNGC CATCAACN

WO 95/14772

配列の長さ:38 配列の型:核酸

## PCT/JP94/01916

配列の長さ:176				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS07454				
配列:				
GATCCTGTGG TCAGAGGCCT CTTTGGCAG	F GTNTTCTTAC	CCTTAAGNAA	GGTCATGAAA	60
TCCAGAAGGG GCAACCTTTN CAGGAGAGC				120
CATAATCCTG NCAGNTTGCT TTTATATTT	A AGGANTGATG	TTACTTANCA	ACTGAN	176
配列番号:6293				
配列の長さ:310				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS07455				
配列:				:
GATCTGACTG CTGGCTATAG GATTTTGGAG	C TTAATGACTG	AAATTGCAAA	TTGTCCTTTT	60
TCTTGGCATT ACAGATTTTG CCAAAATAAG	CTTTTTGTATC	AAATATTGAT	GTGTGAAAGT	120
GAAGGAGCTA GTCTGCTGAA CCAGGAATA	G TTTGAGATAT	TGAACTGTCA	TTTTTGNACA	180
TTTGAATACT TTGCAGGCTG GCTTTGTATA	A AACTTATCCT	CNGGNNNCCT	ATATGTTGTA	240
AATATNTAGN CCATAATTCC ATTATAANTA	A AANCCTATAA	ACTATTCAAA	CNAANANCAA	300
ANAACANANN				310
配列番号:6294				
配列の長さ:258				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS07456				
配列:				
GATCCCAAAA AGTTTCCTTC TGCCCTTTT				
TCATTATATA TTACTTTGCA TTTCCTAGAA	A TTTCATATAA	ATGGAATCAT	ANAGTATCTA	120
CTCTTTGTTG TTGTCTGGCT TCTNTCACTO	C AGCATAATTA	TTTTGAAACT	TATCTATGCT	180
GNTGTGGGTA TCAGTAGCTC ATTANCCNA	F TGTTGCTGAG	TAGTNTTTNA	TTGTATGANN	240
GTGCTACACG TTATNCGN				258
配列番号:6295				
配列の長さ:31				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS07457				
配列:				
GATCTTAATA AATAATACCT TACTGCTTAA	A A			31
配列番号:6296				

1815

TTCCCGTGGT TGNATTGTNC TO			TAACTGNTTT	TTTTTTTTTTT	180 219
配列番号:6333					
配列の長さ:60	*				
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS07496					
配列:			•		
GATCTATTTC TCAGCTTTCA C	TTATGTGAG	CCAATAAATT	CCTTTTTTGT	TGAAGGCAAA	60
配列番号:6334					
配列の長さ:154	ŕ				
配列の型:核酸					_
トポロジー:直鎖状					•
クローン名: HUMGS07497					
配列:					
GATCTACCCC CCCATCAACG T					60
GCNATGCCTT ACTCTGACGG G			TAAAAGCCCA	CAAAATAAAA	
ATAAAAAGTA ACTGAGATGA A	TTTAATAAA	CAAA			154
配列番号:6335					
配列の長さ:91					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS07498					
配列: GATCTATGCT GTATGCACAG A	ተጥር የተለተ	<b>CCCTTTTTT</b>	OTT   10   TT	<b>ጥርጥር ነጥ ነ ነ</b> ርር	•
ATTTNCCTGA ATAANCTTAT T			CHARCAHA	IGIGATAAGC	60
ATTINGCIGN ATMANGIAN I		n.			91
配列番号:6336					
配列の長さ:181					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:BUMGS07499					
配列:				•	
GATCAGGTGT GGCCAATNAA A					
CCAATAAAAG ACACAGGCAT G					
AGGGTGTGAT GCCTGGAGCC A	CAGCAGCCA	CTTTGNNNNC	ATGACAAAA	GGCCAAGNGN	180
N					183
配別来导·6397					

配列の長さ:77 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

ANGTGNATTC ATTNNNCATT A NCNCTCTNCC CCN	TNAAAAAN	ATAAAATATT	ACCAGATAAA	GCTCANCACT	
					253
配列番号:6456					
配列の長さ:44					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUNGS07623					
配列:					
GATCTTTCCT ATCAGTGTAA T	AAAAACTCA	TATTATGGCA	GAAA -		44
配列番号:6457			•		
配列の長さ:320	*				
配列の型:核酸			-		
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS07624					
配列:					
GATCAGGCAG GGTGCCATTN A	TTGTCTTTC	TCTCCTAGCC	CCCTCAGGAA	AGAAGGACTA	60
TATTTGTACT GTACCCTAGG G	GTTCTGGAA	GGGAAAACAT	GGAATCAGGA	TTCTATAGAC	120
TGATAGGCCC TATCCACAAG G	GCCATGACT	GGGAAAAGGT	ATGGNAGCAG	AAGGAGAATT	180
GGGATTTNAG GGTGCAGCTA C	GCTCACCCT	AAACTTTTGG	TGGCCTGGGG	TATGTCTTGA	240
SSCCCAGACT GTTAAGCAGG C	TCTGCTGGC	CTGTTTACTC	GTCACCACCT	CTGCACCTGC	
TGTCTTGAGA CTCCATCCGN					320
配列番号:6458					
配列の長さ:179					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS07625				•	
配列:					
GATCCAAATN AGAACAGATT G	GTTATTGCA	GGTATCACAG	CCTAAAGAAA	TTATCTTTTT	60
GCAAAAGAAA TATTAAATGA T	TTAGCAGTC	TCCACGTGTG	TTAATGTTTC	AAACGTGTAT	120
CATAATGTGT ATAATTGTGT A	ACAAAATTG	TCTACAATAA	ATCTNTTGGT	ATTTGTAAA	179
配列番号:6459	•				
配列の長さ:337					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS07626					
配列:					
GATCCATTCG CCCCAAGGGG AG	CAACGGGGT	GTNAGNGGAG	TAAGGGGTGG	AGGTAGGGGC	60
CAGAGGGGCT TACACGATAT CO	CCATACCTT	TAATGCCTTT	GGCCTTCCAT	TCTNATTTCN	120
CTNATGAGAA TATTGCTGGC CO	CTGCTTTCC	CTGGTAGGTA	TTTGCCAGGC	CCAATGCTTT	180
AACCTTAAGC TGATACTTTG C					
ACTACGGCGC TCTATATTTA AC	GTNGAGGGA	TTTTNANCCA	TTGTGCATCG:	NAAAAACNTC	300

TNCCACTTCT	GTATCCTCAG	AGATGCTGCG	TGGATGTTTC	CTTANCCTCA	GCTGACTTCC	180
CTGTGAATNT	CTAATGCTAG	TTCANGGGCC	TNCNGGAAAT	TGANTTN		227
配列番号:6						
配列の長さ:						
配列の型:核						
トポロジー:						
クローン名:	HUMGS07667	7				
配列:						
GATCTTGCCC						
GAGGGTCCCC						
ACTGCCCCTC						180
TTTAAGCCAG	TATTCTTTGT	TCCTGCTTGT	AATAAAACTT	CAGTTTATAA	GAGTTAAA	238
配列番号:6						•
配列の長さ:						
配列の型:杉						
トポロジー:						
クローン名:	: HUMGS07668	3				
配列:						
GATCTGTCAT						
GNGAAACTCA			TTAGTTTTTC	TTAGGTCTAA	TANTTCCTNG	
TTAATAAAGA	TTTAAATGCA	AA				142
配列番号:6	500					
配列の長さ						
配列の型:						
トポロジー:						
クローン名:		9				
配列:						
GATCTGTCAT	TGTCTCCCAT	CACCCCCAAA	TGGGCCCCTC	TCGTTGCAGG	AAAACAACCT	60
CAGGGCTCCC						
ATGTAATAAT					miniminon	160
						100
配列番号:6	501					
配列の長さ						
配列の型: 柞						
トポロジー						
クローン名	: HUNGS0767	0				
配列:		*				
				ATCTCAGGCC		<b>6</b> 0
				CAGAGTCTGT		
CTGGGGNGTG	GATATGANAT	GGGATATCTC	CTTCCATTCC	CCGNTCCAGG	GGAGAGTCAC	180
TAGTTGTACC	CTACTCCATT	AGGTCCCAAA	TAGGGGCCCA	ATTTCACCTG	TATNAGGNTC	240
TGTCCATNCC	AGCTGCCNNA	AATNTN				266

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

					180
AAGNAN	TCTTATTCTA	TGGCATATGT	ATGGANGGGG	GGGGN	235
	•				
省状					
	1				
TAAAGC	AAGTCCTAAA	ATGAAA			36
					00
	;				
貞状					•
GS0771	5	*			
ACGCAG	AGTACCTGCA	CAAGGCCGTC	TTCAGGGGCC	TNCTCACGGA	60
TNATGA	ACGTCATCCA	CAGCATCTTC	AGCCTCGTGC	TCAAGTTCCG	120
CCCAGG	CCTGGGGGCC	CCNNN			155
GS0771	6				
				CCTATAACTC	60
TANCCA	CAACCAAAAT	GGGCCTCANT	CACCCAACCN		110
at: 1 Tr					
	7				
030111	ı				
CAACCA	TCCACCACCT	<u> </u>	<b>ፐር</b> ጥር ጥር ጥር ጥር	· •	••
On 1 00 1	locidinent	CCIOCAAAC	TOTOMOTORA	IIMMACCICI	180
					197
	AAGNAN	有状 GS07714  TAAAGC AAGTCCTAAA  有状 GS07715  ACGCAG AGTACCTGCA TNATGA ACGTCATCCA CCCAGG CCTGGGGGCC  有状 GS07716  CTCCTA CTTACAGGAC TANCCA CAACCAAAAT	AAGNAN TCTTATTCTA TGGCATATGT	AAGNAN TCTTATTCTA TGGCATATGT ATGGANGGGG	TAAAGC AAGTCCTAAA ATGAAA

GTNTCGTGAC ACTTTGTCTC AAGGAGATTC CACATAGGGA TTTNAATTAG GCTTTCTNCT 12	20
TGCNAAGGCC TGTGGCATCT AANCCTGGCT N 15	
配列番号:6374	
配列の長さ:288	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS07538	
配列:	
	0
TCACAGAGAA CTCTGGGTTT CTNCAGTTTA CTATGCCACA GCACCATATT TCCGGGTATG 12	
AGTTÇTGAGC CCCACAATGG CCATAAGCAC TTAACCACAG ACCTAGTGAC GTATGTATAA 18	
NATATACACT AGATTCCAAA GNCTTAGTAT ACAAAAGACC ATAAAATATC TTATTTGTAA 24	
TTGTTTAANA CTGATTACAT GTTAANNTGN TAATNTTTTN NNTATANN 28	8
配列番号:6375	•
配列の長さ:319	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS07539	
配列:	
CATCOTOTAC COCCOLATO ACCACACATO TOLOGO COCCOLOTO	0
AGNATTCTCC CAGCAGGAAA ATGGCCATTN CATGGACACC AATGANTGCN TCCAGTTCCC 12	
ATTCGTNTGC CCTCGAGACA AGCCCGTATG TNTCAACACC TATGGAAGCT ACAGGTGCCG 18	·
GACCAACAAG AAGTGCAGTC GGGGCTACGA GCCCAACGAG GNTGGCACAG CCTGCNTGGC 24	'n
TCAAGTGGCC TTTTTAGGTG GGTATTCTTC AGCCGTCTCT AGAATCTTTN AGCCTCTTTN 30	·V
TNGGGCCTCA NATCTTTGN 31	
配列番号:6376	
配列の長さ:166	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名:HUMGS07540	
配列:	
	0
TCCGCGGAGT GCACTCTTTT TTNCAGTGTG GCCCACATAT CTTGTAAATN TTTGCTGAAG 12	0
ACTTGTCTCT ATATATAGAG AAAATATATA TAANCAGAGA AATAAA 16	6
配列番号:6377	
配列の長さ:158	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS07541	

GATCCAATGC CCTAAACTTT ACATAAGAGT TCCGGCAAGG CTGTGACTTC AACTTGTGTT 60

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS07584

配列:				
GATCTACCAG CATAAATATC TNCTNATTTG	TCCCTATGCA	TATCANTTGA	GCTTCATATA	60
CCAGCAATAT ATCTNAAGAG CTATTATATA	AAACCCCCAA	ACTNTTGATT	ATTAGCCAGG	120
TAATGTGNN				129
配列番号:6415				
配列の長さ:257				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMCS07581				
配列:				
GATCTAGAGG AATTAGTCAT GACATCAAGA	AAGGAGTCTA	AAGAAGAGAA	AGAAAATCAA	60
GATGÁAAGAG AAGTAAAAGA AGANGAACAA				
ANTTCCTCAA ANTCTCCAAA GAAAGGTCAC	TGATTCCAAG	GCANCCTGTG	GNAAGANGAN	180
TTCAGATGTC AGTGGGAGCC TCCAGGTGGG	NGGNGAGCAT	GCCTAANCCC	TGGTGGCCAT	240
TGTNCTGTAC TANGGAN				257
配列番号:6416				
配列の長さ:138				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: UUMGS07582				
配列:				
GATCCACAAG GCTTCTGTAT ACAGTTCACG	GTCCTCGGCA	TTGCTTCTNG	TAATTTTNCC	60
ATCCCAAAGG AGAGCTACTG TACTGACTGT				
AGTTTATTAA AATGCAAA				138
配列番号:6417				
配列の長さ:331				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS07583	•			
配列:				
GATCTAATGG GACACGGCCA GTGCCTAGGG	GTGCCAAGTC	CAAGGCCTCC	CACTGGGNGT	60
AATCGCTGAG AAGATGCCAA TNTTTCATCC	ACCGGCTGCA	CAGGCACAAA	CTCCCCCACC	120
CAGGACGGCT GTNATGAGGT GGCCCTCCCT	NTNAACCCTG	GTCCCTGGAG	TCCCCAGCAC	180
CTGGGGCCCT GGTGGGGCTG ATGTCACAGG	TGTTTACTGT	GCTGCTGCAC	TGGTCCTATG	240
NCAGCTTCAC CCCATGTGGG GACCACGGAA	GGNACAATNC	CTTACCCCCG	NTTGCCGGGN	300
CCGTGCGGTN NNCAAGANGG GNCAAGGANG	N			331
配列番号:6418				
配列の長さ:337				
配列の型:核酸				

配列番号:6591 配列の長さ:184 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS07770 配列:			
GATCATGTTT ATTTACTGAT AAAACTCAAT ACCTAGAACT O	GCACCTAGCT	CATGATGGTA	60
CCTAATAAAT ACTTCAATGA AATGATGTGG TGATGCATGC C			
GAGGGTGGCC TGAGCCCAGG GGTTCTAGAC CAGCTTAGGC A	AACATAGCAA	GACCCCATCT	180
CAAA	•		184
配列番号: 6592			
配列の長さ:165			
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名: HUMGS07771			
配列:			
GATCTGAATG GTTTTAATAA GTGCCTGGNA TTTCCCCTAC 1			60
GCCGCCCTGT GAAGAGGTGC CTTCCACCGT GATTGTNAAG 1 CATGTGGAAC TGTGAGTCGA AAATNAAACC TCTTTTATAA 1		CCTTCCCAGC	
CATOTOGRAC TOTORGICGA ARATNARACC TCTTTTATAA	IIAAA		165
配列番号:6593			
配列の長さ:134			•
配列の型:核酸			
トポロジー:直鎖状			
クローン名: HUMGS07773			
配列:			
GATCCAAGCT TAATTTTCAA ACAGCTTCCC AAAAAGCTGT /			60
TATCATATGA TGTGTACTCA GTCATATTCT GTAGACTCAA	ATCTTTTATC.	TGATTATACC	
AGCTTTCCCG NAAA			134
配列番号:6594			
配列の長さ:148			
配列の型:核酸		•	
トポロジー:直鎖状			
クローン名:HUMGS07774			
配列:			
GATCTGCCCA CGTTGGCCTC CAAAGTGCTA GGATTATAAG 1			60
CCGTTTCATC CCTGNCTCAG CCTGCATGCC AAGCTCCCTN (	GGTGCCCGNC	CACAGGTGTC	
ACCCTTTNAG GAGAANGTGG CCTGGGGN			148
配列番号:6595			

配列の長さ:238 配列の型:核酸 配列:

クローン名: HUMGS07822

GATCCAGGTC TAGGCCCTTN ATCTC TGCCTCAGTT CTCGACTCTA AAGGA TAATAAATNT TGGTACTCTG CTTTC	CATAC TGACCTAC	CT CACAGGGGTG	GCTTGACCTC TTGTNAGGAT	60 120 165
配列番号:6637 配列の長さ:71 配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS07823				
配列:				
GATCAAATTC AGTGTTGTAT GTATO	TTTAT GGCAACAT	TT TGAAAATAAA	AATTAAATGT	60
TTTNCTTCAA A	,			71
配列番号:6638				
配列の長さ:348	:			
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状	-			
クローン名: HUMGS07824				
配列:				
GATCTCAATA CTTCCCTGAC ATCCC	TTANG ACTCANG	CT TGATACTTTG	TCTGCTCTCT	60
GGCTCTTTCT TTGTCATTAC TATNA	TNNNA ATCTTCTT	GA TGTTGACTCT	TGCTAAAATT	120
TTTNGTCTTC CTTATTGTTA ATGCT	TATAG AAAATGA?	TC CTTGTTATCT	TTNAGCCCAT	180
GTCATCCGAA TCATTTGCTG TTTCT	AGCCT AGGTGCTT	TG ACTATGCCAG	CTTGTATTTC	240
TNCAGAATTT NCATTANCTA TATGI	CTGGT ATTGTAGO	CA TTACCATATT	TNAAAATAAA	300
NTTTAGGCCA TTGCTTCAAA TCACA	ACAAA NNACAACA	ICA ACNNACNN		348
配列番号:6639				
配列の長さ:53				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUNGS07826				
配列:				
GATCTGAAGA GTGAAAATAA TGCTT	TAAAA TAAAAT	GA AATCAGAAGG	AAA	53
are well and tree				
配列番号:6640				
配列の長さ:127				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS07827				
配列:	ነለጥ ለጥ ሶኔጥሶጭ * * *	TH OTO I MOUNTAIN	MM 100120 - m :	
GATCTTTTN AATTCAGTAC AACCC AAGAGAGCCC TAGGGTGCTC TGAAT				60
ATACAAA	OTOTA CATOLINCE	IO ICATAAAAIG	CATACIGITG	
ATTOMM	•			127

WO 95/14772

PCT/JP94/01916

		4			
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS07878	R				
配列:					
GATCTCCTGG AGGCTACAGG	GAGCAGAGGC	GATGCCCGCA	GCGGCGAGCG	TGTTCTCAGG	60
AGCAGGTGGG CAGGGGCCTT					
ATTTTNATGG GATAGAGATA					
TGTGCAAA					188
配列番号:6680					
配列の長さ:35					
配列の型:核酸		•			
トポロジー:直鎖状	, j <sup>*</sup>	,			
クローン名: HUMGS07879					
配列:					• ;
GATCTTGGTG GTAGTAGCAA	ATATTCAAAC	GCAAA			38
配列番号:6681					
配列の長さ:297					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名: HUMGS0788	C .				
配列:		•			
GATCTTCCGT GGTCAGAGTG	CCACTGCGGG	AGCTCTGTAT	GGTCAGGATG	TAGGGGTTAA	60
CTTGGTCAGA GCCACTCTAT					
TTTGTNTTTT GAAAGCCCAA					
GTGTCCTATC CCTGCCAAGT					240
TCCCTCACCC CCATGGCCCC	AGGCCCACAG	CGTGGGAACT	CACTTTCCCT	TGTGNTN	297
配列番号:6682					
配列の長さ:22					
配列の型:核酸					
トポロジー:直鎖状					
クローン名:HUMGS0788					
配列:					
GATCCAAGAT ATCACTTAGA	AA				22
配列番号:6683					
配列の長さ:292					
配列の型:核酸	÷				
トポロジー:直鎖状					

1905

GATCCAGCTG TGGTTCCAGA GCAGTGAGCT GGTGAGCTGG GCAGATGGGG GCCAGCACAG 60 CAGNATCCAC CCAGNCTGAG GCTCAAGCTG CCCTTACCAC CCCATCCCC ACGCAGGACC 120

クローン名:HUMGS07882

配列の長さ:229 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS07937

配列:

GATCCCTCAT CCCTGAAATT GAGTTTATGT AGTCATTTTA CTTATTTNAT TCATTAGCTA 60 ACTITGICIA TGTATATITN TAGATATIGA TIAGIGIAAT CGATTATAAA GGATATITAT 120 CAAATCCAGG GATTGCATTT NGAAATTATA ATTATTTCCT TTGCTGAAGT ATTCATTGTA 180 AAACATACAA AATAAACATA TTTNAANACA TTTGCATTTN ACCACCAAA

配列番号:6727 配列の長さ:50 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS07938

配列:

GATCCATGAA CTCTGACCCC TCCCCAGTAA AGGCTTCTGT AGAGAGCAAA

50

配列番号:6728 配列の長さ:122 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS07939

GATCCCCGCA CCAGCCTCTC CTCTCTTTCC CTGCAACCTG TTACCTCACA CAGCTGCTCA 60 GGAACAGCAG AAATAGTAAA ACTCTTCCAT ATATGTGGCA CCTCAGCCGC CCCTCCNTTA 120 122

配列番号:6729 配列の長さ:213 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS07941

配列:

GATCAGGAAG TTCTTAGATT CTTGGATGAC AGATGCATGT TGATGCCCTA TGGAGATGTC 60 CTINIGITIT GAGGICACTG AGGIAGGAAG ACCIGICTAC ICTIGGITIC ACCACTAGAA 120 CAGTCTTGGG CTGGATGGGT TATAGAGCTG AGCGGCTGTA ATGGTTCTNT TTTTACATTA 180 ACAAAAACAA TTAAAAACAC CAAAAACAAC AAA 213

配列番号:6730 配列の長さ:85 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS07942

配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS08000				
配列:				
GATCCAAACT CATTCTTNCT GTAACCTCAT	GATGACGTAT	AACCNTTTCC	ACCTCACTNG	60
GAGGTTGGNT CTNCATTCTG AAGGCTTCTA	TGTATACATA	TTAAATAN		108
配列番号:6773				
配列の長さ:218				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS08001	•			
配列:				
GATCAACGAC GACCTTTTTC CTTTTNATAC	TAAAGTAAGA	AATAAGAATG	TNAGCCCAAA	60
CTGCACTATT TTGCAGACCC CTACCATTTT				
GGGCCTGAGC TGTGAGAAAC ATCCTGTCAG				
CTAANTINCT TCATNATCAN CAGCCTAACA				218
配列番号:6774				
配列の長さ:38				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS08002				
配列:				
配列: GATCAACAGT GCAGAGAATC TAGCAAGTAT	AAAAGAAA			38
GATCAACAGT GCAGAGAATC TAGCAAGTAT	AAAAGAAA			38
GATCAACAGT GCAGAGAATC TAGCAAGTAT 配列番号:6775	AAAAGAAA			38
GATCAACAGT GCAGAGAATC TAGCAAGTAT 配列番号: 6775 配列の長さ: 252	AAAAGAAA			38
GATCAACAGT GCAGAGAATC TAGCAAGTAT 配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型:核酸	AAAAGAAA			38
GATCAACAGT GCAGAGAATC TAGCAAGTAT 配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状	AAAAGAAA			38
GATCAACAGT GCAGAGAATC TAGCAAGTAT 配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型:核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS08003	AAAAGAAA			38
GATCAACAGT GCAGAGAATC TAGCAAGTAT 配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型:核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS08003 配列:				
GATCAACAGT GCAGAGAATC TAGCAAGTAT 配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS08003 配列: GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT	TGGTGTGATG			60
GATCAACAGT GCAGAGAATC TAGCAAGTAT 配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS08003 配列: GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT GAAAACAGGA AACGGNCTTT CTCTGAATTG	TGGTGTGATG GTAAATGGGA	AAGAAGTGAG	CAACTTAAGA	60 120
GATCAACAGT GCAGAGAATC TAGCAAGTAT 配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGSO8003 配列: GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT GAAAACAGGA AACGGNCTTT CTCTGAATTG TTGTCACANT TAATCACAAG TGTACAGGAT	TGGTGTGATG GTAAATGGGA TAGACTGGGT	AAGAAGTGAG TTATATTTAA	CAACTTAAGA CTCTTGCTTC	60 120 180
配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGS08003 配列: GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT GAAAACAGGA AACGGNCTTT CTCTGAATTG TTGTCACANT TAATCACAAG TGTACAGGAT ATAGGTGTAC CATTTAAAGN GTGTTATNTA	TGGTGTGATG GTAAATGGGA TAGACTGGGT	AAGAAGTGAG TTATATTTAA	CAACTTAAGA CTCTTGCTTC	60 120 180
GATCAACAGT GCAGAGAATC TAGCAAGTAT 配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGSO8003 配列: GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT GAAAACAGGA AACGGNCTTT CTCTGAATTG TTGTCACANT TAATCACAAG TGTACAGGAT	TGGTGTGATG GTAAATGGGA TAGACTGGGT	AAGAAGTGAG TTATATTTAA	CAACTTAAGA CTCTTGCTTC	60 120 180
配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMCSO8003 配列: GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT GAAAACAGGA AACGGNCTTT CTCTGAATTG TTGTCACANT TAATCACAAG TGTACAGGAT ATAGGTGTAC CATTTAAAGN GTGTTATNTA	TGGTGTGATG GTAAATGGGA TAGACTGGGT	AAGAAGTGAG TTATATTTAA	CAACTTAAGA CTCTTGCTTC	60 120 180 240
配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS08003 配列: GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT GAAAACAGGA AACGGNCTTT CTCTGAATTG TTGTCACANT TAATCACAAG TGTACAGGAT ATAGGTGTAC CATTTAAAGN GTGTTATNTA TATTNNNNAA TN	TGGTGTGATG GTAAATGGGA TAGACTGGGT	AAGAAGTGAG TTATATTTAA	CAACTTAAGA CTCTTGCTTC	60 120 180 240
配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS08003 配列: GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT GAAAACAGGA AACGGNCTTT CTCTGAATTG TTGTCACANT TAATCACAAG TGTACAGGAT ATAGGTGTAC CATTTAAAGN GTGTTATNTA TATTNNNNAA TN 配列番号: 6776 配列の長さ: 34	TGGTGTGATG GTAAATGGGA TAGACTGGGT	AAGAAGTGAG TTATATTTAA	CAACTTAAGA CTCTTGCTTC	60 120 180 240
配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS08003 配列: GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT GAAAACAGGA AACGGNCTTT CTCTGAATTG TTGTCACANT TAATCACAAG TGTACAGGAT ATAGGTGTAC CATTTAAAGN GTGTTATNTA TATTNNNNAA TN 配列番号: 6776 配列の長さ: 34 配列の型: 核酸	TGGTGTGATG GTAAATGGGA TAGACTGGGT	AAGAAGTGAG TTATATTTAA	CAACTTAAGA CTCTTGCTTC	60 120 180 240
配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS08003 配列: GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT GAAAACAGGA AACGGNCTTT CTCTGAATTG TTGTCACANT TAATCACAAG TGTACAGGAT ATAGGTGTAC CATTTAAAGN GTGTTATNTA TATTNNNNAA TN 配列番号: 6776 配列の長さ: 34 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状	TGGTGTGATG GTAAATGGGA TAGACTGGGT	AAGAAGTGAG TTATATTTAA	CAACTTAAGA CTCTTGCTTC	60 120 180 240
配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGSO8003 配列: GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT GAAAACAGGA AACGGNCTTT CTCTGAATTG TTGTCACANT TAATCACAAG TGTACAGGAT ATAGGTGTAC CATTTAAAGN GTGTTATNTA TATTNNNNAA TN 配列番号: 6776 配列の長さ: 34 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGSO8004	TGGTGTGATG GTAAATGGGA TAGACTGGGT	AAGAAGTGAG TTATATTTAA	CAACTTAAGA CTCTTGCTTC	60 120 180 240
配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSO8003 配列: GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT GAAAACAGGA AACGGNCTTT CTCTGAATTG TTGTCACANT TAATCACAAG TGTACAGGAT ATAGGTGTAC CATTTAAAGN GTGTTATNTA TATTNNNNAA TN  配列番号: 6776 配列の長さ: 34 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGSO8004 配列:	TGGTGTGATG GTAAATGGGA TAGACTGGGT NTGCTAAGAA	AAGAAGTGAG TTATATTTAA	CAACTTAAGA CTCTTGCTTC	60 120 180 240
配列番号: 6775 配列の長さ: 252 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGSO8003 配列: GATCTGCAAC ATGAANCCCG AGGCATGGGT GAAAACAGGA AACGGNCTTT CTCTGAATTG TTGTCACANT TAATCACAAG TGTACAGGAT ATAGGTGTAC CATTTAAAGN GTGTTATNTA TATTNNNNAA TN 配列番号: 6776 配列の長さ: 34 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUNGSO8004	TGGTGTGATG GTAAATGGGA TAGACTGGGT NTGCTAAGAA	AAGAAGTGAG TTATATTTAA	CAACTTAAGA CTCTTGCTTC	60 120 180 240

	•
配列番号:6815	
配列の長さ:431	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS08044	
配列:	
GATCTCAGCG GGGAGCCACG TCTCTTGCAC TG	TGGTCTCT GCATGGACCC CAGGGCTGTG 60
GGGACTTGGG GGACAGTAAT CAAGTAATCC CC	
TGACCTCACG CTGGGGCAGG TCCCCAAGTG TG	_ · ·
TGGAGTGTCT TCCGAGGTTC TTGGGGGAAA AA	
ATGAACCCTN TCCCCCANCT NTTNCCNGCC CA	
GGAATAATAG GCCTTNACTG CCNTGNNGNT TT	
AACTGGAACC CTTCCTGAGG GGGAATCCCG GG	
CCAAGGCGGT N	
CCARGOCGGT N	431
配列番号:6816	
配列の長さ:231	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
トホロシー・直鎖4人 クローン名:HUMGS08045	
の日一ン名:Homosvav45 配列:	
GATCTGTTTC TAAAGCGTTA CGCATCTTTN CT	01 ATTECONOTION OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TOTAL OF TO
ATTGAACCCC CTGAAAGCTT TGAATTTNAT GC	**
TCTTCTTGAA ATAACCAGGC GATACTTTGT TT	
TGTTATTTTG AAGTATATCT GAGGGAANNG GG	
TOTTATITIE ANGINIATEL GAGGGANNING GG	GAATGGAAA TTTTCTTTAA A 231
配列番号:6817	
配列の長さ:147	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS08046	
配列:	
GATCCTTCCA GCTGCTCTTC CATAACTTCA TO	TTCTCCCT CAACACCACAA TCCCACTAAC
CCATTITCCC CCTACCCGTC TGTAATTTTG TA	
AGAGCGGATA ATCTTTGGAG CATGAAA	
AGAGGGGATA ATCITTUDAG CATUANA	147
配列番号:6818	
配列の長さ:101	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS08047	
クローン名:NOMOSV8V4/ 配列:	
GATCATTTAT ATTTAAGTTT AAAAGGAGGN TO	`\^\C\C\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\\
COLONITAL VILLAVOLLE VAVAROPAREN 10	GAGACTGAG TTTTTGTAGA GTTATAATNA 60

101

CATTCAAAAT ATACTTTTTT GCATTGNNAA AATGTTAANT N

CTAGAACTAT CTCATTGCTA TCTGTNATAG ACTAGTGATA CAAACTTTAA GAAAACA	GGN 120
TAAAAAGATA CCCATTGCCT GTGTCTACTG ATAAAATTAT CCCAAAGGTA GGTTGGT	GTG 180
NTAGTTTCCG NGTAAGACCT TAAGGCCACA GCCAANCTCT TAAGTACTGT GTGNCCA	
TTGTTGTTAT CACATAGTCA TNCTTGGTTG TACTATGTGA TGGTTAACCT GTAGCT	IATN 300
ANTINTACTTA TTATTCTNTT CCTCCTTTAC CTCANCIN	338
配列番号:6859	
配列の長さ:251	
配列の型:核酸	
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS08089	
配列:	
GATCGTTTGC AAGTAACTGA ATCCATTGCG NCATTGTGAA GGCTTAAATG AGTTTAG	
GGANATAGCG TTGTTATCGG NTTGGGTTTA AATTATTTGA TGAGTTCCAC TTGTATC	
GCCTACCCGA GGAGANGNGG NGTTTGTTAA CTGGGCCTAT GTAGTAGCCT CATTTNO	
CGTTTGTATT ACTGACCACA TATGCTTGTC ACTGGGCANG AAGCCTNTTT CNGCTGC	
CACGCANTTT N	251
配列番号:6860	
配列の長さ:359	
配列の型:核酸	•
トポロジー:直鎖状	
クローン名: HUMGS08090	
配列:	
GATCTTAATA TAAATNCACT TTCATTTTTN ATAGCTGTCC CATCTGGTCA TTTGGT	rggc 60
ACTAGACTGG TGGCAGGGGC TTCTAGCTGA CTCGCACAGG GNTTCTCACA ATAGCC	GATA 120
TCAGAATTTG TGTTGAAGGA ACTTGTCTCT TCATCTAATA TGNTAGCGGA NAAAGG	AGAG 180
GAAACTACTG CCTTTAGAAA NTATAAGTAA AGTGATTAAA GTGCTCACGT TACCTTG	GNCA 240
CATAGTTTTT CAGTCTATGG GTTTAGTTAC TTTAGNNGGG NAGCNTGTNA CTTATA	TAN 300
TAGTANTTTN GTAAAGTTGG NTGGATAAGC TATCCATGTT GCCAGGTTCA TGGATTI	VGN 359
#1701##.E3 0001	
配列番号:6861	
配列の長さ:75	

配列番号:6861 配列の長さ:75 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:#UMGS08091

配列:

GATCCCCAAA CCACAAATAC ATATGTGTGC CTAAGTTTGT GCATGCATAC ATTAAACAGG 60 ACATAAAGTG TTAAA 75

配列番号:6862 配列の長さ:228 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08092

配列の長さ:211				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS08131				
配列:				
GATCAAACAC TGTCAGAATT GCTGAAATC	A ATACACAAAG	AGATAAAGTT	TAGCTTCTTT	60
TTACTATTCA ATATTGAACA TAATATTGT	T AAATATNGNG	ATGAAATGCT	GTTGGATNTG	120
CTNCATTAAA TCTTAATGTA ATATTGTAA	G NCTTTTGAGA	ATATACTTGA	TTAAAATGTG	180
AAAGNNGGGN TTGTTANCTT ATTGCTATN	IC N			211
配列番号:6901				
配列の長さ:81				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				•
クローン名:HUMGS08132				٠
配列:				
GATCATCATC TNCTTGCGGA CTTCTCTGC	C TGGTCTTGTG	TGTTCTGTTA	TTCAAACAAT	60
AAAANGCTGG TNGAACTTAA A				81
配列番号:6902				
配列の長さ:175				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUMGS08133				
配列:				
GATCAGACAC TGCCTTTTGT GTGTTTGCT				60
CATATTAAAA NAGTGTACAT ATATAAATA				120
ACTGAAGNTT TTATTTTTNG TGTGCTTTT	T ATAAGNAAAA	ANTTAATACA	CTAAN	175
配列番号:6903				
配列の長さ:92				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS08134				
配列:				
GATCATCTAA TTCTCTGTGG AATAAATAG		TTACAAGGGA	TAATTTAGAC	60
CCCATACAAG TTTATAAAGA GTCATTGTT	CA AA			92
配列番号:6904				
配列の長さ:312				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS08135				
矿石( •				

GATCTGGAAA ATACTGGAAA ATGTGATACT TAGAATACTT TGGCTGCTAA GGAAACTTCC 60

		ACTGTGTCTT GANCTTTTCA				
配列番号:6	3943					
配列の長さ						
配列の型:			•			
トポロジー						
	: HUMGS08176	3				
配列:						
GATCCACATN	ATACCGGTGC	TGAAGACCTG	CAAGTNATTT	TGGAAAAGGG	CTGGTGCGGA	60
TGGÂAGGGCC	CAGATTTTTG	GAACAAGGAT	GCATACTATA	ACTTATGTCT	TCCTCAGCGA	120
CCAAATATGA	TTTAAAATAT	CTTGGAGTCA	AAGACTGCAG	TAGAGTGGTA	TTAAAATTT	180
NTGAATAAAG	AATCAGTTTA	NTTTTTCACA	TTAAA			215
<b>≖</b> 1701 <i>11</i> 0 € (	2011					
配列番号:( 配列の長さ			,			
配列の扱さ						
此列の空・1 トポロジー						
	: BUMGS0817	7				
アン フロ 配列:	. пошоооот	•				
	CGAGCAGTCC	CTGAGGGGCG	CCCTCCCTCC	CGTCAGGCCC	CCGTNACAGC	60
		TGGGCACTGC				
		GAACTTTATA				171
配列番号:						
配列の長さ						
配列の型:						
トポロジー		•				
	: HUMGS0817	8				
配列:	CCAAAAACTC	**************************************	1000001010	##00101000	T04044444	
		TGCCCCAGAA CATGCACTCT				
		ATGGGGTTTT			CAAAICIGAG	
INNCITIALA	IMMINICIO	NIGGOOTIII	MIMILITUM	A .		161
配列番号:	6946					
配列の長さ						
配列の型:	核酸					
トポロジー	:直鎖状	4.4				
クローン名	: HUMGS0817		•			
配列:						
		GTTGCACTGT				
		CACTTCTGGT				
TAATTTGCTT	TCTGAGATAG	AATATCTGGC	AGAAGTGTGA	AACTGTATTG	CATGCTGCGG	180

CCTGTGCAAG GAACACTTCC ACATGTGAGT TTTACACAAC AACAAATGAA AATAAATTTT 240

WO 95/14772

配列番号:6989

## PCT/JP94/01916

TATGTCAGGT N		311
配列番号:6985 配列の長さ:160 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08220 配列:		
GATCTGATGG TTTTATAAAG GGGNGTTCTG CTGCATACAC TC	TGTCTTGC CTG	CTGNCAT 60
GCAAGATGTG ACTTAGCTCC TCCTTTACCT TCCACCATGN TTO	GTNAGGCC TCC	CCAGCCA 120
TGTGGAACTG TGAGTTGANT AAACCTCTTT CCTTTATAAA		160
配列番号:6986		
配列の長さ:115		•
配列の型:核酸		,
トポロジー:直鎖状		
クローン名:HUMGS08221		
配列:		
GATCAAAAGA TAACTGCTTA TNATAGTAAG ATAACCTTGG AA		
CCTGAATAAT AAAAAACACA CAAGACCCAT TAAAACCTAT TO	CTCACTTT TTA	AA 115
配列番号:6987		
配列の長さ:331		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状		
クローン名:HUMGS08222		
配列:		
GATCCAGTTG GATATAGTAA CCACTGCCGA CTTNCTGGAT GT		
CTCCGNAAAG AATCTGGCTC AGAGATACTC AGACTGGCAA AG		
AAACCACATT TACCCTGACC TGGCCACAAA GGCAACCACA AA		
NGNNCGTGGG AGAACAAAAT GATTGGAATG GAAAAGAGAA AA		
TTAACTTGAG CCACTGTATT GTTTTGGNTA GCTGAGATAT AT	TINITAAC TIT	
TCGATGTCAG CAAAATATTG AGAGTTTCTT N		331
配列番号:6988		
配列の長さ:121		
配列の型:核酸		
トポロジー:直鎖状		
クローン名:HUMGS08223	•	
配列:		
GATCTACTCC CAGTTTTTAA CTTTTNACAG AATATTGTTG CT		
TATATTTNCA GTTGTATATG CTTTTTTTT TNCCAAATAA AG	STTTGAGTT CTA	•
A		121

PCT/JP94/01916 WO 95/14772

配列番号:7029 配列の長さ:301 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08265

配列:

GATCAAATCA GGGTAATTGG GTATCCATCA CCTCAAACAT TTACCATTTC TTTGTGTTGG 60 GAACATTECA TATETTTTT TETAGETGTT CTGAAATTTG CTATACGTTC TTTTAACTAA 120 AGGTCCCTTG CTGTGTTATG GAACACTGGA ATTTGTTCCT TCTGTTTAAC TGTATTTTTG 180 TACCTATTAA CCAACTTCTC TTTATCCTCC CCCGTCCTCT ACCCTTCCCC AGCCTGTGGG 240 AATCACCCAT NCTACTCTCT GCCTTTATGA GATTTACTTN TTTNATCTCC CNATATAANA 300 301

配列番号:7030 配列の長さ:117 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状

クローン名: HUMGS08266

配列:

GATCGTAGAA ACACAGAATG GGACTGGGGA AGCCCTTTGG AAATCCAGCT GCAGAAACAG 60 ACACCCCAAT GCTATTTACA TACAGCTCTA TATATATAAA AAAAGNAAAT ATGNAAA 117

配列番号:7031 配列の長さ:297 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08267

配列:

GATCTCACCA GGGCCCAGTC ATATATGCAC AGTTAGACCA CTCCGGCGGA CATCACAGTG 60 ACAAGATTAA CAAGTCAGAG TCTGTGGTGT ATGCGGATAT CCGAAAGANT TAAGNGAATA 120 CCTAGAACAT ATCCTCAGCA AGAAACAAAA CCAAACTGGA CTCTCGTGCA GAAAATGTAG 180 CCCNTTACCA CATGTAGCCT TGGNGACCCA GGCAAGGACA AGTACACGTG TACTCACAGA 240 GGGAGNGNAA GNTGTGTACA AAGGNTATGT ATAANTNTTC TNTTTAGTCA TCCTATN

配列番号:7032 配列の長さ:58 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08268

GATCCTGGGG ACTCATATTC TTTCAGAATC ATGTAAATAA ATGGCATCAT GTTGTAAA 58

配列番号:7033 配列の長さ:103 配列の型:核酸

配列番号:7073 配列の長さ:281 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08309		·		
配列:	C & & & T.C.C.C.T	T.1.TTTCC.1.1.C	CCTCTN4.4.4	^^
GATCGACTTT AAGTTGCTTC GGGTCTAGTA (				60
GTGAAGTTCA AGAAAATTGA ATCCGTGTAT AACCAATGAAC ATTGTGTGGG AAATTNATTC				
AATAATTAAA ATATTCATTG GTAAGAGCTG				
TATGCCAAAA GTAGACAANC TCAAACACCA			GNANTIGICI	
* * **	AAAUU I CANN	IV.		281
配列番号:7074 配列の長さ:106				. ;
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS08310				
配列:				
GATCATTTTT CTTGGAGGNT GGAGATTGGC	TAGTACCTCT	GGCCTAACTG	TGTAGGTCAA	60
TACTETTTA CATTGECTTE TAATAAAAGE	AGNATGATNC	AGCAAA		106
配列番号:7075				
配列の長さ:69				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名:HUNGS08311				
配列:	00000000000			
GATCTTGTGT CTGTTGTGCC TGAATTTGGC	GIGICIAAIA	AAGGCCCATG	CACACTATAG	60
GCACTCAAA				69
配列番号:7076				-
配列の長さ:292				
配列の型:核酸				
トポロジー:直鎖状				
クローン名: HUMGS08312				
配列:				
GATCAGTGAA ATNTTAAACT CCCACGGTAA	CATCATGCCT	ATGGACATTA	AAGGAATAGC	60
AAGGACTTGC TCCCACGACT TCACATTTGC				
GATTCCAGAT AAGGGCAAAG CTGGGGCCCA	ATGTATGTAG	CCAAATTGNA	GNAATCATGG	180
NGCACAGGCA AATGGTGACA TGAATTTGTA				
TTCTGANCTC AGTACATGTT AATATTTAAN				292

配列番号:7077 配列の長さ:29

CTTCAGCCTC	CCNACCTTCT	TCAGCCACCT	CTCTTTTTCA	GTTGGCTGAC	TTCCACACCT	240
AGCATCTCAT (	GAGTGCCAAG	CAAAAGGAGA	GAAGAGAA	ATAGCCTGCG	CTGTTTTTTT	300 309
配列番号:7	114					
配列の長さ:						
配列の型:杉						
トポロジー:						
クローン名:		)				
配列:						
GATCTTCCCC	AGCTATGAAG	CCTATCTTGG	AATGGGAAAC	CATGAAATTT	GTCTTTTAAA	60
AGAAAGGGAA						120
TCCTGGGAGT	CGGGAGACAC	CGTGGAGTCC	TTACATCCAC	AGTGTCTGCT	GGTCGTGGTC	180
AGAAGGCAGT	AATGCAAGAG	TCCTTTTGTG	AAGAGTGTTT	CTATGTAGAG	ATGTTTATAT	240
TTAAGTAGTT	CTTTTATAAA	TAAAAGCATT	TCTAATGGCA	AA		<b>Ź8</b> 2
配列番号:7	115		\$			
配列の長さ:	: 27					
配列の型:核	核酸					
トポロジー:	直鎖状					
クローン名:	HUMGS0835	1				
配列:						
GATCTGTTTT	CTGTAACTTT	TGCTAAA				27
配列番号:7	116					
配列の長さ	: 251			•		
配列の型:標	亥酸					
トポロジー:	:直鎖状					
クローン名:	: BUMGS0835	2				
配列:	`					
GATCTTAGGC						
GGAAAGGCAG						
CACAGCTTCT						
		AAATAAATA	AAGTCCCCAT	GCCAATCAGT	GCAAGGAATC	240
TGTGAGATAA	٨					251
配列番号:7	117					
配列の長さ	: 123					
配列の型: 標	亥酸			-		
トポロジー		•	• •			
クローン名	: HUMGS0835	3				
配列:						
			CAGAGCGAGA			60
GTGAGGTTAA	AAGGCTGTGT	GTGTGAAAAT	ATCTTGGAAA	TTGTAAAGAA	CTACACAANT	120
AAA						123

トポロジー	:直鎖状			•		
クローン名	: HUMGS08391	ł				
配列:						
GATCTTGTAC	CAAGCCAACG	GCTNTCCTGG	CTCTCCTGCC	CACAGGATGA	ACATTTTCGG	60
					CATATTGTCT	120
					TGATGTATTT	
					ATGAACAGGG	
		TCAGTAGAAC				284
क्राकास्ट्र	7155					
配列番号:						
配列の長さ						
配列の型: 4		*				
	: 但與1人 : HUMGS08392					
	: nowe208281	2				• :
配列:	ATCCTCCCTA	ACACACTCAA	CCCCCTCTCT	4074444474		
					TAAAAAATTA GCAGAAGAAT	
					ACTCTGTCTC	
					GTAATTTGTA	
		TGTGGATGTC			GIAATITGIA	
ACT THORAGT	ddadi ideei	TOTOONTOTC	IIIIIIIIIIIII	ICIGIAGGN		289
配列番号:	7156		•			
配列の長さ						
配列の型:					•	
トポロジー						
	: HUMGS0839	3				
配列:		_				
	CAGAGATGGC	AGCTGAGTCA	TTGCCAGTNT	CCTTCGGGAC	ACTGTCCAGC	60
					TGAAAATGGG	
					CACCACTCTT	
					GGTCACAAGC	
		TCCAGATTCC				293
配列番号:	7157					
配列面ラ・配列の長さ						
配列の型:						
トポロジー						
	· 旦類仏 : HUMGS08394	4				
アローノ名 配列:	. แบนบอบออฮ	4				
	ΤΑΔΑΤΑΔΤΝΑ	AGCATTTTGG	<b>ፕ</b> ልሮር ልፕሮፕሮፕ	AMMOTAITAA	<u>ልሮ ል ለጥጥጥጥ</u>	^^
TACCATAAA	INALIANINA	AUCATITIOU	INDUNTUICE	MINUTAATAA	MUMMITTIG	60 60

配列番号:7158 配列の長さ:312 配列の型:核酸

クローン名: HUMGS08434 配列: GATCTGCCTG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCCTGAGCCA CTGCGCCCAG 60 ACCAMANGTT TTTTTAMATG GATGTTTTAC AGATAGAACT AMATTCTTCA TTTACCTCAC 120 TTAATTTCTG AAAACACTGT GTCCTCCAAC TGCTCTGTAT TCCCAAAGAT TAAAATTAGC 180 CTTGGGGAGC AGAGCTGGTT CCTCGTAAAC CCCTGTGAGT GCCCAGACCC TTTGGAGGAG 240 GTTCTCAGTG GGCTTTTGCC TGCTCCCACA GATGTAACCC ACCCTTCCTG CTGCTCCTAA 300 GACCACCATG AGGAAGGCTG GGAATTGGCT CTTGAATTAA NN 配列番号:7196 配列の長さ:364 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS08435 配列: GATCTGCATT TNNAGGTTCC GAGCCTGACC CCTGGAACTG ACCAGCGCTC GATTGTNAGC 60 CTTGGCCTGG GGTTTTAACC TTGCCAGTGA AGTTTCGGTT TTAAAGTGAT TAAATGTCAC 120 TTCCTCATCA GTTTCACTTC TGGAGGTTTT CTTATCCTAC TCCCTGGTGC CAGGGACGTA 180 CCTGGGAGTT TGAATCAGGC CCATTTGAGC GTGGCAGCCG TGTTGGGTGA AGGTCCGGGG 240 CTCGGTGAGG CACTGGGGGG GTTTTCGGGA GGAAAATGAA AATGCTTCTA GAATGAGTGA 300 ACCACATCAT AGCTCTCACT GTTTTTTCAA TAGCTACTTT TTTTAGCAGA CANCAGAGCC 360 **ACAN** 364 配列番号:7197 配列の長さ:30 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS08436 配列: GATCTCAAAA TAAATTCAGA AAGAAATAAA 30 配列番号:7198 配列の長さ:196 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS08437 配列: GATCTGCCTA GCCAACTTTC TTAACCCAAG CCCAAACTGA AAGTCTAAAA GATGTATTTC 60 TGGGGAATTA CCCCACCTCA ACATTCTCAG GTTTNCCAGT GTNCTCTGTC TGTNTCAGTA 120 TTTTAAAAAC ACTAACTCAA TAATNCTCAA AAATCAAAGT CTGCTTTNAT NATCTGGTAA 180 TAAAATAATA GGCAAA 196 配列番号:7199 配列の長さ:102

配列の型:核酸

CAGTCTTGGC AGCTAGGAAA AAACAGCTGA TTGCAATACA ACTCAAGTAT TTTGGATGAG 180 CCTTTACGGT AGCTAAAAAC CCATCCAAAA GACTGCTAGC CAGAGCAAAT GTTTCTGGGT 240 AAAGGTTGAA TTGGTACTTG AGTTTGGCCA GCCATTGANT TACTTCATCT CTCTGGGATG 300 GNGAACATTC TGATTTGAAG GCATTTTCCG CACATTCACT TTCCACATCT GTGNCTCCCT 360 AGTGATTGCC TTTTCCACCA GGAANGCCAA TCTCTGGTTT TCCAAAAGGCC CTNGGAN 417

配列番号:7237 配列の長さ:80 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08476

配列:

GATCAGACCC TCCTGTGGGC AGGGTTCTTA GTGGATGAGT TACTGGGAAG AATCAGAGAT 60
AAAAACCAAC CCAAATCAAA 80

配列番号:7238 配列の長さ:409 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08477

配列:

GATCTGCCTG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAT TTGCGCCTGG 60
CCAGAAAAAT ACCTTTAAAA AGCTGGGCCT GTTGGTGTAC CTAAAGGATA ATACAGATGT 120
TCCTCTCAAC TTAGCATGGG GGTTGTGTCT CAATAAACCC ATTTTTAAGT TGAAANCGTT 180
ATGTGGAAAA TGCATTTTAT TATACCTAAC CTACTAGACC TCGTAGTTTA GCCTCCCTTA 240
CCCTACAGGT GCTCAGAACA CTTTNGNAGG CCCTACAGTT NGGGCAGTCA TCTAACACAA 300
AACCTATTTT ATAGGTAAAA GTNGTTTGAA TATCTCAAAG NTAATTTATT TGAATGGTTN 360
CCACTTGAAT NGCGGANTCN ANGTGTTTNN NAACCNGTNT GGTNNANNN 409

配列番号:7239 配列の長さ:123 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08478

配列

GATCTCATAG ACTTAGTACA AAAAAAGGTG AAATGTCTTG ATATTTTTGT ATATTGATTA 60
TTGAAATAAC CTTTTATGTT GGGCTAAATA CAAATATGTT ATTAAAATNA ATTTAACAAC 120
AAA 123

配列番号:7240 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08479

配列:

TGTGTCCTCA CTTATATGTG GGCGCTAAAA AAGTTGATGT CATAGAAGTA TAAAGTAGAA 120 CAGAGGATAT GGGAAGGTGG GAAGGGTAGG GGGAAGGGAA GGATAGGGAG AGGTTTGTTA 180 AAGGATACAA AATTACCACT CGATAGGAGG AGTAAGTNCT AAGTNCTAGT ATTCTATACC 240 ACTGTAGGAT GACTATAGTT AACAN 265 配列番号:7276 配列の長さ:261 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: BUMGS08515 配列: GATCGCCCGC ATTCCGGAGC CTTCAAGTAA ACGGCGCGCC CCACGAGACC CCGGCTTCCT 60 TTCCCAAGCC TTCGGGCGTC TGTGTGGCCT CTGTGGATGC CAGGGCCGAC CAGAGGAGCC 120 TTTTTAAAGN ACATGTTTTT ATACAAAATA AGAACAAGGA TTTTAATTTT NTTAAGTATT 180-TATTTATGTA CTTTNATTTT ACACAGAAAC ACTGCCTTTT NATTTATATG TACTGTTTTA 240 TCTGGCCCCA GGTAGAAACT N 261 配列番号:7277 配列の長さ:260 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08516 配列: GATCCACATC TAGTGAAATG TCAGTGTCAA AATATTATAG ATTATAGCTA AAATCCAGAT 60 TAATACTCAT TTGGGGTTTT TAATAGTGGA ACTTCATAGT AATACAAAAA GCAGATTGTC 120 TTCCTGTCTC CGCTGCTCCC ACAGTAGGTA TTGAAACTGG TAAAANCAGT TTTTTGATAG 180 TGTGTGTATA TAAGANANNN TAGATACACA CATTCTTTTT CCTCAGTCAN CACATTGATT 240 GACCACTCTG GCAAAGATGN 260 配列番号:7278 配列の長さ:60 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08517 配列: GATCCCACTC CACCCCACCT CAACTTATTT AACTTCCTAA TTAAATCAGA CTGTTTGAAA 60 配列番号:7279 配列の長さ:156

配列番号:7279 配列の長さ:156 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08518

配列:

配列番号:7316 配列の長さ:356 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08555

配列:

GATCCAAATT GTGAAGCCGT TGGTCAGGTG CCTGGCTACA CACAAAATGG TGGAGGCTTA 60
GCCTAAACAG TTTCTTCATT TCACATTAAA ATCCTAATTN NTGGCTCCTC TCAAAATGAG 120
TTCTAGAAGC ACNGGNTGTA GATTCCCATG TGGACACAGC CTTCAGGAGG TGAGCAGCAG 180
CTCCCTGCAG CCAGCTGGAG CCTGCCAGTT TTCCCTAGTG CCCAGCACTC CTGAGCTTCT 240
GCCCTCCGAG GGATTCCCGA AGTTTTTTCT AATGGGNTTA GTGGNGNCNC CTTTGGGGTT 300
GCTTNGGTTT CNTTTNGTTA NGNGCCCTTG NTTTTAAATT AAANCNGGGC CATTNN 356

配列番号:7317 配列の長さ:349 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08556

配列:

GATCTGTGGG ACTGTCTGGG CCTGTTACTC ATCCTGCTAT CAATTTCTTA TTAATTAATC 60
TTGATGATTC TNATTAATTA ATCACATTTG CAGGAAATTC AGATGAGGCA AGAAAATTN 120
ATTGGCCTGG GNNNGACTGA AAGCATTCCA AATTAGGCTT AGACTGTGCA AAGGGCTTAG 180
CTAAGTTATC GAGCTTAAAA CCCGTCAATT AANCAAACAT TATTTGANCA GTTACTGCAT 240
GCCACGCACT GTGTTGGGCT TAGTAATAAA ANNNAGNAAA GGTAAGNGCT TGTNCTNGCC 300
TAAATTAAAG GGTCCCCGGG GGTTTTTTCT NGAGGGGGCN NCTGCCCCN 349

配列番号:7318 配列の長さ:351 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS08557

配列:

GATCACCTGA GGTCAGGAGT TCAAGACCAG CCTGGCCAAC ATGGTGAAAC GCTGTCTCTG 60
CTAAAANTAC AAAANTTAGC TGGGCATGGT GGTGGGCACC TGTAATCCCA GCTACTCGGG 120
AGGCTGAGGC AGGAGANTCG CTTGATTCCA GGAGGCAGAG GTTGCAGTGA GCCAAGACTG 180
CACTGTTGCA CTCCAACCTG GGCAACAAGA GCAAAACTCC GTCTCAAAAA AAAANGTGTT 240
TAATTATTCT AAAAAAAATT CAGCCAGGTT ATTCCAAATT NTAATTGAAA NCNGGGGCCC 300
CAGGTTAANC GGGGCCTTAC CCTTCCCTTN GCNCTTTGGA NTTTNNCCAT N 351

配列番号:7319 配列の長さ:333 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08558

配列番号:7357 配列の長さ:250 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08598

配列:

GATCTAAACT GTATTTCCA ATTTAAATTA AAAATGTAAT ATAGATTCAG AAAGGTTCAT 60
ATTTTTCTAA TGACTTCATT CTATATTATT TTGTTAGGTT GCATAAAGAA GCAAGGAATT 120
GTACTTGTAT TAAAAGGATGA GGAAAGCTAT TAGGNTTATT GGNCCATGCC TGAAATNGGG 180
CCTTTGCCCG TTAAAAGGAA AGGTTGGCCC NTTTTTNAAG GGGGCNTTNA TNTGNNTTTN 240
TNTTAACCAN 250

配列番号:7358 配列の長さ:112 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08599

配列:

.

GATCTGGCTT NGCCCTAAGC NNCTTAGGNA CAGAAGAGTC CATGGGGGCA TGGCACAGAG 60 CTGGTCCTGT ATTCTCCAGG GTCCGGAGCT GGCCAGGGGC GGGGAGGAGG NN 112

配列番号:7359 配列の長さ:386 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08600

配列:

GATCTTATTT NACTTCATCC TTCTTGTAAC CATATTGTNA ATCAGGAAAG CTCAATCAGA 60
TACAAAAACA GGAAATTCGT TAAAAAGTAAC GTTTGTAGAA GATACTAGTT GAGGAGGAGA 120
GACTTTTNAG AAAGCCTGTG TGTGTTTGTA ACACTCTTGT GACCGTGCCA AGAAAACGTA 180
AGCAAATATC AAGCCTCCAA ATCCTAATGC AACANGTCCT GANTCCCTTG CAGGTATGTC 240
CTGGATGATG ANTACACAAG CTCAGTAGGC TCCAAATTTC CAGTCCGGTG GTCCCCACCG 300
GANGTCCTGA TGTATAGCAA GTTCAGCAGC AAATNTGACA TTTGGGCTTT TGGGGTTTTG 360
ATGTGGGAAA TTTACTNCCT GGGGAN 386

配列番号:7360 配列の長さ:341 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08601

配列:

GATCCGGGNA TTATACAGGT ACTGTTGGAA GTATCTTGGG GATTTTCCTG ATAAGAACAG 60
TAGTGATTGN ATAAAAAGGA CAGGATGTAA ACTGAAATCA GTAAAATATC TTAGTAGACA 120
GAGGGTGCTG AAATTTTAAC AAATGTGTAA AAAGTTCTTC CTATGCATTA ATTTTCCAGA 180
TACCCTTAAA ATGTTTAAGG AATGTAATTC AAAATACTGT TTAANAGAGA CATGTGACCA 240

トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08637 配列: GATCAGTGTT TGNTTGGGAC TGAAGGGATG ACTAATAAGG AGCAGAGGAA AGCTTTTGGG 60 GATGATGGCA CTCTTCTCTG TCTCCATTAC GGCATTGGAT ACAAGTCTCT AGAACTCCCA 120 GAACTCGTCA CTGAAAGGGG TGAATAGTAC TGTATGTAAA TTAGGTCCNN ATTTTNAAAT 180 GGGANAAATA AATATAAAGA CAAATTACAC TGCTGTATTA NNTCANNTGA TAGATGTAAA 240 AGTCTAATAT ATACGTNTTT TTCNTGATAN NCCCN 275 配列番号:7397 配列の長さ:288 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08638 配列: GATCCACGCC CTTCCCGCCA GTCTGGAGAG GGCCCTGACC GAGGACTCAA CCCAAACCAG 60 TGACACAGCT ACCAATTCTA CTTTACCTTC TGCAGAGGTG GCGTTACAGG CAAAGTGAGG 120 AGGGAGCTGG GGGACACTTT CGAGCTCCCA GCTCCAGCTT CGTCTCACCT TGAGTTAGGC 180 TGAGCCACAG GCATTTCCTG CTTATTTTAG GATTACCCAC TCATCAGAAA AAAAAAAAA 240 GCCTTTGTGN CCCNTGTTTT GGGGGGATTA ACCNGTTTTG GGTTTAAA 288 配列番号:7398 配列の長さ:290 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08639 配列: GATCTAATTN CTATTTCATT TATTCAGAAA TAGCATTTAG ACATAAAANC CAATGTCTCA 60 CTTTGTAAAA TAACCTTTGG CTAATTTACA CACATCTAAT ACAGCGTGTT ATATAAGTTT 120 TAAGTAATAC AATGAGTCAC TACTATCATT CAGTTTTAAN TATTTTNNGT GTTAACAGGG 180 CTGAGAATAT CATGTGGTTC AGTCTTCTGN NGGNCGTTAT ATNATACCNG CNTAGTGCCT 240 TTGACCATGC NGACTATCCT CAAGGCCAGA CATCCTACAN CGGAACTGNN 配列番号:7399 配列の長さ:267 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08640 配列: GATCCNTAAG TACTCTTCTC TANAGAATAA AATGCATTAC CTAGGCTTTA ATAGTTAAAA 60 GCTGGNATTT ATNGACCCGC ATCTACTTGA TTTCANAATA TGCATTGATT TTAGTATGTT 120 GCTGNTCTGT TATCTGTACT CAACTATANC AGAGTAATAT ATTGTGGTNT TCTGGACCAA 180 AANTCGTGCT ACACATATGT CTGATGGCCT TNACCTTTTC ANGACAACAG TTGCAATTTT 240

GAGCACAGTC CNCCTAGTGG TANTCTN

267

トポロジー:直鎮状 クローン名: HUMGS08679 配列: GATCATGGCT AAAGATGACC TCTCTGGTGC TGACATCAAG GCAATCTGTA CAGAAGCTGG 60 TCTGATGGCC TTAAGAGAAC GTAGAATGAA AGTAACAAAT GAAGACTTCA AAAAATCTAA 120 AGAAAATNTT CTTTATAAGA AACAGGAAGG CACCCCTGAG GGGCTGTATC TCTAATGANC 180 CATGGCTGTC ATCAGGAAAA TGGTTGGGAG ATTTCTCAAT CCCTGAAAGG ATGAGGTTGG 240 GGGAGTTGCC CAGAGGAATC CCTGTTCCCA CTGATTTTTA TTAGCAAAAC ATCCTGTGTC 300 TTTTGGAGTA CGNTGTGTAA GTGCCCATTG GGTGGCCTGT TNGGTCACTG TGCAGCAGTT 360 N 361 配列番号:7438 配列の長さ:273 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08680 配列: GATCAAAGTG TAAACACCAT AGGGACCCNT TCTACACAGA GCAGGACTGC ACAGCGTCCT 60 GTCCACACCC AGCTCAGCAT TTCCACACCA AGCAGCAACA GCAAATNACG ACCACTGCTA 120 GATGTCTATT CTTGTTGGAG ACATGGGATG ATTATNNNCT GTTCTATTTG TGCTTAGTCC 180 AATTCCTTGC ACATAGTAGG NACCNNGTTC AATTACTATT GNATGAATTA AGAATTGGTT 240 GCCATAAAAA TAAATNNGGT TCATTTAANG TNN 273 配列番号:7439 配列の長さ:173 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08681 配列: GATCAGAGGA ATGTTATNTT GTTCAGCCTT CTGGTTGGTT CACAGTAGTG ATAGTATTGT 60 AAATACTCAG AGCAATCCTA CAAGAAGAAA ACTACATNAG CCCCCACATG TTCCCCCCAA 120 CATACCCCAT CACAGCAACT GAAAACAAGA GAAATGTTAG TTTTCTGTGG AAA 173 配列番号:7440 配列の長さ:194 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08682

配列:

GATCTCTTGA ACTCTGGGTT CTCCCAGCCC CTTGTCCTTC CTTCCAGCTG AGCCCTGGCC 60
ACACTGGGGC TGCCTTCTC TNACTCTGTC TTCCCCAAGT AAGGGGGCTC TCTNAGTGCA 120
GGGTCTGATG CTGAGTCCCA CTTAGCTTGG GGTCAGAACC AAGGGGTTTA ATAAATAACC 180
CTTGAAAACT GAAA 194

配列番号:7441

配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08717

配列:

GATCCTTGTT TTTAAGTTAC TTTCGATGTG TATACGAACA AAGACCAGGG AGAAACAGAA 60
CTTTTAAAAC TATAGGCTGC TGTNTTGGGG CCAGAAATAA GGTGACAAGT AAAGACTTTT 120
ATAATACCTA CCTTCAAANT TAGAATCAGC AGCACTGTAC AANTAAAGTG CCTGTGCTTC 180
ACCTCACACC AAGANTCTTG CCTAACCCTG TCAGAGTGCC TAATATCCTG TGGTGATTAT 240
GTATAATGAA ACAGTCTTAT TTTGTGCTCT TTGGTTTCTT AAAAGGAAAG CTTGTTTTCT 300
TTCCTTTATC ATTACAGAGG TATGTCTTTG GTTCTTANTN 340

配列番号:7476 配列の長さ:189 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08718

配列:

GATCTGTGAA AAAATACAGT ATTGTAAATC CAAGACTCTG ATACTGAATT TAAGTTATTT 60
CACAGTTGTA GCTACACAGT AAGTAGCTTG GTAGATAGTT ATTGANTGTA TTTATGTAGT 120
GTATTAAGAA GCTTATATTA, CTACAAAAAA CTTATTTTAA TATATNTNNN TATNTNNGTN 180
TTATTTATN 189

配列番号:7477 配列の長さ:342 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08719

配列

GATCTGTGTG ACAAAATNAT TTCTTAGCTA TAATCAGCAC ATCACTTAGT TCAAACAAAA 60
TTCCCCAGCA AATGTTAGAT AGTAGGTATA TCAGTCACCT GGGGAGTTTT CTTCATAATA 120
TGCATATTCA TCTNGTAATG CATACATAGT TATCATCCTC CTTCTCAACC CATCTCCCTA 180
ACCCCACATG CTTGCCAGTT CTTGAAGGGA TAAAGTGATT GTAATAGTGT TTNACTNCTC 240
TCTGTTCAAT TTANTGTGAT ATAATTCTAG TNTAANNNTA TTTNGGACAG TNGCTTAACC 300
ATGGTCATAA GAGGATTTGT ACTATAGATT ATCTTCNGGG GN 342

配列番号:7478 配列の長さ:54 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08720

配列:

GATCTTTGTC AACCAAAACA TGTATTTTCA ATAAATTGAG ATTCCCAGTT CAAA 54

配列番号:7479 配列の長さ:79

ACCATAAACA	GTCCACAGGC	ACCGTTCCTG	CCAGGCCCCA	ACCCACAGGG	AGTCTNTCCG	120
CAGAGCCTTC	TTGGTGTTGC	CCTAACTTGC	CAGTGGCCTT	TGCTCAGAGC	CTCCTCCTGT	180
GACATGTGAA	CAATGAAGAG	GCCTGCGCCT	CCTGCCTTGC	CGCCTGCAAA	GCAAAGAAAC	240
TGCCTTTNAT	TTTTTAACCT	TAAAAAGTAG	CCAGATTAGT	ANCANGACTG	GCTGGCTTGA	300
TGAGCAAAGC	CTTTGCTCTC	ACGGNAGGAG	GGTAGGGTTT	NGGNTGTACA	ATGGTAACTT	360
GCNNTGGGNA	CCTTAAAAAG	GGAGGTGNAN				390

配列番号:7514 配列の長さ:212 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:RUMGS08756

配列:

GATCACCTGA GGTCGAGAGT TTGAGACCAA CCTGACCAAC ATGGAGAAAC CCCGTCACTA 60
CTAAAAAATAC AAAATTAGCT GGGCGTGGTG GCACATGCCT GTAATCCCAC CTACTTGTGA 120
GGCTGAGGCA GGAGAATCAC TCGAACTCAG GAGGCGGAGG TTGNAGTGAG CCACTGCACT 180
GCCTGGGCAA CAGAGCGAGA CTCCATTTCA AA 212

配列番号:7515 配列の長さ:136 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08757

配列:

GATCCACCCG NCTTGNGCCC CCCAAAGTGC TGGGATTACA GGTGTGAGCC ACTGTGCCCG 60
GCCGAGTTAA ATATATTCT AACATAGTAA AAAAAAAAAG GTANGTTNCA TTAAATAAAT 120
CCNGGAAGTN CAAATN 136

配列番号:7516 配列の長さ:160 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08758

配列:

GATCATGAAG ATGGACAGAA CAGACACTGT GGCAATAAGA TACCAAATTG TAAACAGGAC 60
CTAAGGCCAT GCCAAGCAAG GGTTAAGTCA TGTAGAGCCC GCCTTCATGC CCCGCCTCCC 120
CTGCCCCCAA CTTATGAATA AACTATGTTC TAACTGCAAA 160

配列番号:7517 配列の長さ:355 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08759

配列:

GATCTGGAAC TTGAAGATGC CATTCATACA GCCATCTTAA CCCTAAAGGA AAGCTTTGAA 60

配列の長さ:316 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS08799

配列:

GATCACATTT TNATTTTTN TTCTCCACAT CAGGATAGTT TACTGAAGCA CAATCTCTTA 60
TACTAGTGGG ACAAAAGGGA GAAAAAGGAA GCAAGATAAA TGGGTATGTA GGATGAAGGG 120
TTATTTAAAA TGGAACTAAA GATAGAAGGA GGACTGTAGG AAGANATGGA ATNNTTTANN 180
TNTGAGGAAA GATATCTNTG GTAGACATGT CCTTCCATGA CTAATTTCTA ATTGTNACTC 240
ANCACACATT GAGGTATGGN CCCTCCTCAG TGACTTTNAC TAGCTCAGAN ACGTACTCCC 300
CCACCANCCC CACCTN 316

配列番号:7555 配列の長さ:365 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08800

配列:

GATCAGTGGA ATTCTTGGTT TGATGATAAC CTTATTAATT GAAATNTTT ACTGATGTGG 60
CTTTAAAAGA GGTTTATNTT GTATATGTTT AGAACTCTCT GATTTTNATG AATTATATGG 120
GAATGAGAAA CAGAAGAAGT GGTATTTNCT GGCGAGTTAA ATAGGCAAGG TACCCAGTGA 180
TAACACCAAC CAAACCACTC CTATCTGCAT GATTCTGAAC ATCTGGATGC CTGTGGTTTT 240
ACTGTGTATA TNTNATTTTT AATATATTAC CTTTGTGGAT NCATTTAAGG TCTACTCAAA 300
NGTANCACTG TCAAAACCAC TAATATGTAT GTNAAANTTG TNCTGTNTAC TACATTACNG 360
TNCAN 365

配列番号:7556 配列の長さ:349 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08801

配列:

GATCTTGAGT AACTGAACTT ATTTCCCTTA AGGTATAAAA ATTTAAATAA CCTGTATATA 60
TTTGNTAACA NCTTTATNAG GGAGGTAAGT NACTTACAAT ACATTGCACA TATTTAANGT 120
ATAGANTTCG ACGAGTTTTG ATGTATGTTT GCACCTGTGA AACCATCACA ACAAACAGTG 180
AGCATATCTN TCACCCCTAA NNGTTTCCTC CTGTCCCTTG GTAATCCCTC TNTTACCTGT 240
CCCACTTCTG TTCCTCAAGA NCCACTTACC TGCTTTNNTN ACTGTTAATG TACGTGAGTT 300
TACATTTTTG AGAGTTTTAT CCAAAGGGNA TCATGANGTA TGTNCTCTN 349

配列番号:7557 配列の長さ:369 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08802

配列:

配列の長さ:333 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS08839

配列:

GATCTGGGAC TTCTTTAGTA TCGAGTCTCC TTTGCACTCT TAAAAATTGT TGAGGACCCC 60
AGAGAGCTTT TGTTTTATG GGTTGTATCT ATCAATATTT ATCACATGAG AAATNATTTA 120
TTTATTTTAA AATAACTTTT TTATTGAGAA AGATAGCAGT GTTTTTTTTT AATCTTGCAA 180
ATTGTTTAAT GTTTGACT AATGTATATG AGGAAAACCT GACCTCACTG AGATTTTAAT 300
TGGAAAATGG AGGAGTATTT TNCCAGCCTT TNN 333

į

配列番号:7594 配列の長さ:220 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08840

配列:

GATCTCCTCC ATACGGAACT TTCTCATCTA CGTGGCCCTC CTGCGAGTCA CTCCATTTAT 60
CTTAAAGAAA TTGGACAGCA TATGAAGACA GGACATCACA TATGAATGCA CGATATGAAG 120
AGCCTGGTTA CAGTTTCGAC TCCTCTCGC AAGTGAATAG GCCCAGAAAG GTGTAAGAGA 180
CTCTTTGAAT GGACATAAAA TTCTGCTTGT TAAGAACAAA 220

配列番号:7595 配列の長さ:326 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08841

配列:

GATCTGTGCT GGCCACGTGC CCGGNGTCTC AGCTCTGAAC CTGCTGTCCC TGCTGAGAAG 60
CTCTGAGGGC CCCTCCCTGG AGGACCTGTG AGGGTGGCTG GCCCCTGGC TGCCCCTTCT 120
NATGGCTTCG TGCTGACTCC ATAAACATTC TCTGTTGAGG ATGTCCAGTC AGGGCTTGAC 180
AGGCCCAGGN TCAGCCCGCC GTGGCTGGGA AGGTTCCCTG CAGTGCCAGT GCTGCAGCAG 240
GGAGAGCTGG GCAGAAGCAG CGAGGGGGCC CAGCTGGCGA GACTGTAGCC CCGTCCCACT 300
CCCACACTCA CTCTTGTTAG AGCCTN 326

配列番号:7596 配列の長さ:327 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08842

配列:

GATCAGATGT TGGAACGTGC TATGCTGTAG CGTGTCTGGA AACAAAGTAC ACAAACCTGG 60 CTACGGTGAT GAGTTAGCTT CTGCTTACTA CCTGTNACAA CCCAAGTGGG TGACACTAGT 120 GAACCTTCTC CAGTCTGCAG GCTGGCATAG AAGGCTCTTA GATTATATTG GGCAGCTTGC 180

配列の型:核酸

トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08880 配列: GATCTCACTC CATGATTACT GTGTAAAATA TTTTTGCACT GTTGTGAAGT ATTTTTAACT 60 TTTTTCTGTA CATAACTGTG TTCTCAGAGC TGAATGTTTA TATCTTTTGC TGTGCAAAAG 120 AAACANNNNA AATGTTGTTC AGTTGTATAT ACAGAAATGT GTATAAAACA TTTTGTTATT 180 TTTNAAAAGT AAA 配列番号:7634 配列の長さ:148 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08881 配列: GATCAAGAAT TITGTAGAGT GGACAGTCAT TACATATGTT ATAACTTATC CTTTAAAAAC 60 TATTTTAAAC TTTATCCTTT CAGCTTTACT TAGTGCGATG TTTTAGAAGC AGTCTTCAAA 120 GAATAAAACA CTAACCATGC ATGTGAAA 配列番号:7635 配列の長さ:376 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08882 配列: GATCCATTTC TGTGTCCTNT AGCCTAGTAT GTCTGAACTT CCATTCTTGT TATATATTTA 60 AACTITCCCT CTATATTATA GGNTTNGTGG CNNCCACGGT CAGGTGTAGA GGAAGCTGCC 120 CCTTGCAGAA CTGTACTGTA ATATTTTTCT TTTATAAATA TTTTCACAGG ACTGATTGTA 180 CACAGGGCTT GTAATAAAAT TTTAACACTG TGCTGTGAAA CAACTATGGG GAATCTCCAT 240 TGAAGGCTAC TTCATGGGCA CCTGAAAGTG GAGTGTTATA GCTATGACTT TCTATTTCTT 300 GTTTCCTAAG TAAATTAAAC CTAATTTTCA CCCTTTCATT CTGTTTCAGC CTCCTGTNTA 360 AGGAAGTACC GTTTGN 376 配列番号:7636 配列の長さ:279 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS08883 配列: GATCCCATTC ATTGTCCCCT TTGGGGTATT TCCAATACTT GAATGGCAGA TTGGAGTTTT 60 TCAGAGTATG TGTTTCATCT GCTAGTCTTT CTCTCCTTCA TAGCTTTTCT TTTCCTGGAC 120 TTGCTCCTTT TGAGTTGCTT TTGCGTTTCT CATGCCTAGG CAAGTGTAAT AGAAATTATG 180 TAGCTCCTTA TGTTGGCAAA GGAGCTCTAT ATAGTTTCAC TTTGTATACA AGTTAGGNCC 240 AGCTGTTGTT ACATGTAATA TNNTGGTTCA GAACTTGAN 279

トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08923

配列:

GATCCTTTCA TTAATCAGAA CAGCAGCTTA TNAACTGCTT CATTTTCCAA AAGTGTTTCC 60
CAAAAATCAG AAACCTAAAC ACCCAACAAC AGGAATTATT GCCATCACAT TGGCGTTTTA 120
CATATGTCAC GAAGTTCACC TAGCTGGTTT TAAATACAAC TTTTCTGANC TCAAGAGTCC 180
TTTGCACTAC TATGGGAATG CCACCATGTC TTTGATGANT AAGAACGCGT ATCACAATGT 240
GACTGCAGAG CAGCTCTTTT TGAAGGACAT TATAGAAAAA ANACCTCGTA ATCAACTTGA 300
CTCANGATTG ACTCTACAGA CTCGGAN 327

配列番号:7674 配列の長さ:377 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08924

配列

GATCTCCCNT AATTGGGAAT GAANGATTTC ACAGACTAGA GTCTCCGATG CTGGTCATGA 60
TGTCAAAACT AAGTTCTGAC TCATTTAGGG AACTGGATAC TTGGGTCTCC AGAAGGGCCA 120
ATGGGAGGGC CATAATTCTG TTTATTTTCA AATTGTCTTG TTTTCACCTT GTTAGAATGA 180
NCTNTGGAAG CCCAGCCAGG GACAATGCAC CTTCACAGAG ATTCTGCACT AATCTGAGTG 240
AAGGTCTAAG GTTTGGAATC TCCCCCTCAT GGAGAGAAGC TTTGTATGGC TGTCATGCTT 300
AGACAGTGAT TCCTGCAACT TGACCTTCAG GCTGGGAGAG GTNGAGAGCC ATGCCTGTTT 360
CTCCTTNCTT TGCTATN

配列番号:7675 配列の長さ:350 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08925

配列:

GATCTGCTTC CCGCAAGACT CACAGCTGTT GGCAGGAGAC CTCAGTTTGT TGCCACATGT 60
TCCCCTCCAG AGGGCCTCTC ACAACATGGC AGTTATTTGT CCCCAGAGCA AGCAACACCG 120
GAGGGCAAGG AAGAAGCCAT GATGTTTTTT GTAACCTAGC CTCTGAAAGT GTCATACCAA 180
TTCTGTATTT TGTTGGTCAC ACAGACCANG TCAACTACAA CGTGGGAGAC TCCTACACAA 240
GGCATGAATT CTAGGAGGTG GGCATTTTTA AGTGTCATCT GGAAGGAGGC TGTCACAAAC 300
TGGAAGTTAA AAGCATTGAT ATTCTGAAAT ACAGCGTGTA TTACCATGGN 350

配列番号:7676 配列の長さ:335 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08926

配列

GATCTAGAGG AGGATTTGCA GGAAGAGCTC GTGGAAGAGG TGGTGGCCCC AGTCAAAACT 60 GGAACCAGGG ATATAGTAAC TATTGGAATC AAGGCTATGG CAACTATGGA TATAACAGCC 120

配列番号:7713 配列の長さ:110 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS08963

配列:

GATCTGTGTC CAAAAGTGAA CTTNAGTCAG GAATGAATCA ATTTCAGCAT AAACAAGCAC 60
AAAANTTTAG TCTGCTGGCT GACTGGAAGC AAAAAAGTCA AGATGGNNNN 110

配列番号:7714 配列の長さ:111 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUNGS08964

配列:

GATCTCAAAA CAATTGTTGC AGCAGGCTCC TGGCAGTCTC AAGCAGTTCA TCTTCTTGGT 60
GTACTGGTTT CCTATTGTGA TTTTATCATG GAAAATCAAT TGGCTNNNNN N 111

配列番号:7715 配列の長さ:309 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08965

配列:

GATCCTATAG GCAGAGAGTT TTCCTTTCTG ACTTTTCCC TTTGCTTTCG TGTGACCACA 60
TGTTTTCTGT ACCAGTCACT GGGGAAAGAA GTGAGTTTAT CTCGTTTGTT TTAAAAGTTT 120
TGCTTGTCTA TTTAGCATTC CTTTTTGGGT CTCAAGATTT ATGGAACAAT AAATGTCATT 180
TAATGCTGTG TGCTTATTTT GAATTCCTCA TCAGGTTTTA GAAGCGGGGT AAAAATACTT 240
AGATGCTTAT CAGACTTGAA ATTATACTGA GTGGCATTGA ACGTGAGTTT GTCCCAGTGA 300
ACCAGGCTN 309

配列番号:7716 配列の長さ:204 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS08966

配列

GATCCATGAA GCCAGAGCCT GGCTCTGGGT GACAGCAGGA AACGGCTGGG GAAAAGNACA 60
GCAGGGCGTC CAGCTGAGCC TGCCATTCCA GCCTGTTCGG GGGAAACAGC TCCCAATCCT 120
AGACTGTGCT GCTCCGGGAG GGCTGCTGGT GGATATTTGG GCTGTTTCA CCATATAGCT 180
GTCATGAAAA ATGCTTCCGT GAAA 204

配列番号:7717 配列の長さ:121

トポロジー:直鎖状 クローン名: HUNGS09004 配列: GATCTTCCCA AACCCAGAGA AAGACATCAA TTTCCAAGAA CAAGAAGGTT ATCAAACACC 60 AGGCAGATTT AACCCAGAGG ATACTACCTC AAGGCATTTA ATAATCAAAC NNCCAAAAGT 120 CAAGAATAAG GAAATAATCC TAAAAGCAGC AAGAGAAAAG AAACAANTAA TATACANTGG 180 AGTTCCACTA TATCTGGCAG CAGACTCTTC ATTGGAAACC TTATAGGCCA GGNGNGAGTG 240 GCATGACACA TTTAANGTAC TGGN 配列番号:7755 配列の長さ:286 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS09005 配列: GATCCAGAGC TGTTGCCTGT GACAGCGGTT TCTNTGGATG TCAAAGGCAG CTGCCTGGTT 60 GCCCAGCTTG CTTCTCGACT GGTGGCCCCT ATGGGTGGGT GTGCGATGGA AATNTGTTCC 120 TGCCGGAGTC TGAGGCACCA GGGTGTGCTC AAAGGCTGGC CCTGGTGGTG GACTGGCACC 180 TGTGCAGAGT GCCGTGTGCT TGTGGTGCGC CATCTGAAGC AAGAGTCCAG CGTTCTGCCG 240 TGTCTGTCCC CCACCATGCC CCCTACAGGC GGTACTGATG GCGCTN 286 配列番号:7756 配列の長さ:382 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名: HUMGS09006 配列: GATCCTTTTT CCTTCAGCAG CATTTCTTAC TGGCTGTGGC TGGAATCTGC CTTTAATCAC 60 AGCTGTCACC ATTCTCACGT GATTCTTGTG AGACTCTTTT TGGTTATAAT TACTATTTAA 120 TATTTAGACT ATTTTACTGA GCAGACTTTA TAAATGAGAT ATCTACAAGG CACTTAAAGT 180 GTTACAGATG TTTTACCTTA AGANTTATTT AAGTNGTGTT GGGTTAAGAC AGTTTTCAGT 240 GTACCGTAAA TGTTGTGTTT TCAGAAAAAG ACAAAACGAT GGTGCTGACT GGTTTTCTGT 300 ATATNGCACA ACAGTCCTCA AATACACTGG ATGTATGGAA CCTNTTCCTT NCATCCAGGC 360 AGCATTTTTN TTNCNCTCTN CN 配列番号:7757 配列の長さ:298 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMCS09007 配列: GATCATCTTT GAGTAGCACT GTTTTGGGGC CCTCGGTCTC TCTGAAGACC CTAGCAGAAC 60 TGATACCTAC CTGTATCTCT TGTTCTCTCC TATTTGAGTT TCACTTCCAG AGAACTTGTT 120

CTTCAGCAAG AATGTGTCAC TAGTAAGGAC ATCTCTAGCA TTTCTCTAGC CTTCCTTTTC 180 TGCTGCTCAA AAATAATCGT TACAAAGCTT AGGTTTAAGC TGTATATGAA ATATTTATGC 240

GATCAGTAGA AAATGGACAT CAAGTTTGAA CAGATAAATC ATGGACAGCC TTATTGTGAT TGAAATGCTT GTAGGTTCTG TGCCAATTTT CCACCACTGT GTACTTTGTT GCTATTTAAA ACTGTATCAA CTCTAACGGA AGAATAAATT ATTTGTGATT TTAAA	60 120 165
配列番号: 7795 配列の長さ: 149 配列の型: 核酸 トポロジー: 直鎖状 クローン名: HUMGS09045	
配列: GATCCGAGAG TNAAGGAAGT TCCCTGTNTT CCCCGTCCTT TTCCACCAGT NTCGCCTCTG GCCTTCTCTG GCCACTCCTG GGAGGGACTG CCTCACCACC CCTGTCCCGC TGCCAGAAAT ACACCCACAA TAAAAACCTG AAAACGAAA	60 120 149
配列番号:7796 配列の長さ:98 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS09046 配列:	:
GATCCAAACT AACTGCCCAA GCACTACACA GCTGGACCCT GNTTCACCNT AACCCGCANC TAGCAATCAA TACAGCTTCA TTATCTGAGT TGCATAAA	60 98
配列番号:7797 配列の長さ:265 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS09047 配列:	
GATCTNTAGC CTCACCCTGN TCTCCTTCCT CCTACTGGCT GCTCAGGTGC TCCTGGTGGA	60
GGGGAAAAAA AAAGTGAAGA ATGGACTTCA CAGCAAAGTG GTCTCAGNNC AAAAGGNCAC	190
TCTGGGCAAC ACCCAGATTA AGCAGAAAAG CAGGCCCGGG ANCAANGGCA AGTTTGTCAC	180
CAAAGACCAA GCCAACTGCA GATGGGCTGC TACTGAGCAG GAGGAGGGCA TCTTTCTCAN GGGNNGGGTG CACTCAATTG GNNNN	240
OUDINIOUSIS CACICAATIG GANAN	265
配列番号:7798 配列の長さ:146 配列の型:核酸 トポロジー:直鎖状 クローン名:HUMGS09048 配列:	
GATCTTACCC GTGCNTGGNC CCCTCCCCTC ANAGCCCATG GTAACGAACC CCTAGAAAGG	60
AGAGAACGGG CGTCAGGGGT GCACAGTCCA CAGCTGAAGA GCAAGGTTTN GTGGCAGCAC	120
CCNCCCCCC CTCACCCTCT NTNCCN	146

WO 95/14772

PCT/JP94/01916

配列番号:7838

配列の長さ:108

配列の型:核酸

鎖の数:一本鎖

トポロジー:直鎖状

配列:

CATCGTTCTT CATGGGGGTA AGAAAAGCTG CTCTGGACTT CCTGAATGTT GCATTAATTG

TCCTGTTTGC TTGTAGTTGA ATAAAAATAG AAACCTGAAT GAAGGAAA

108

配列番号: 7839

配列の長さ:30

配列の型:核酸

鎖の数:一本鎖

トポロジー:直鎖状

配列:

TGAAAATTTA TTACTACAGT GTTTTCACCA

30

配列番号:7840

配列の長さ:20

配列の型:核酸

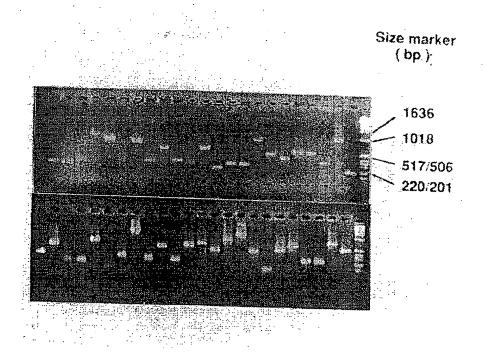
鎖の数:一本鎖

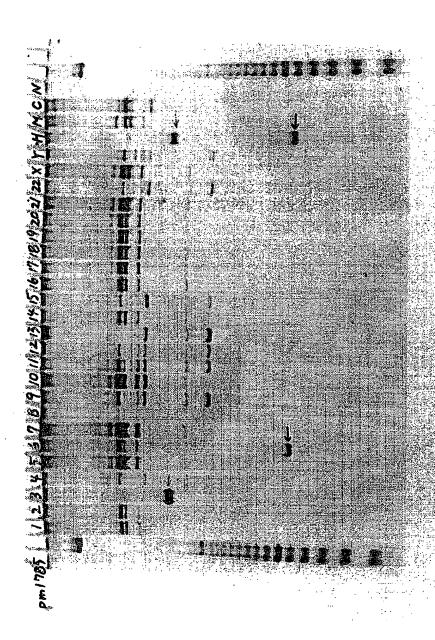
トポロジー:直鎖状

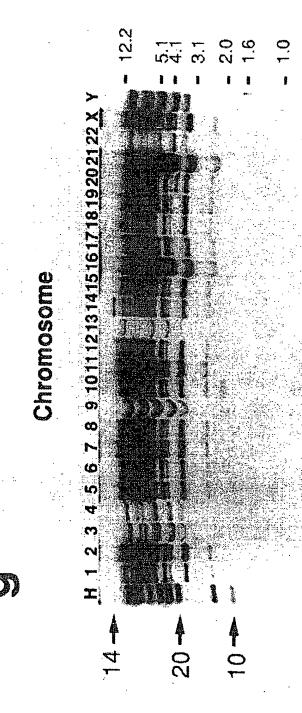
配列:

TAATACGACT CACTATAGGG

20







## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.
PCT/JP94/01916

C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages Relevant to claim No. Category\* Nucleic Acids Res., Vol. 11, 1983, Chebath, J. 1-6 Х (2101)et al. "Interferon induced 56,000 mr protein and its mRNA in human cells: molecular cloning and partial sequence of the cDNA" p. 1213-1226 Х Biochemistry, Vol. 25, 1986, Koide, T. et al. 1-6 "Amino acid sequence of human histidine-rich (2174)glycoprotein derived from the nucleotide sequence of its cDNA" p. 2220-2225 1-6 Х Biochemistry, Vol. 22, 1983, Friezner-Degen, (2214)S. J. et al. "Characterization of the complementary deoxyribonucleic acid and gene coding for human prothrombin" p. 2087-2097 Х Biochem. J., Vol. 268, 1990, Steinkasserer, 1-6 A. et al. (2238)"Heterogeneity in human serum amyloid A protein. Five different variants from one individual demonstrated by cDNA sequence analysis." p. 287-193 Х Nucleic Acids Res., Vol. 17, 1989, Fabrizi, 1-6 (2264)G. M. et al. "Sequence of a cDNA specifying subunit VIIa of human cytochrome c oxidase" p. 7107-7107 1-6 Х Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A., Vol. 86, 1989, Sims, J. E. et al. (2265)"Cloning of the interleukin 1 receptor from human T cells" p. 8946-8950 1-6 Х Eur. J. Biochem., Vol. 169, 1987, Mackinnon, (2266)C. M. et al. "Molecular cloning of cDNA for human complement component Cls. The complete amino acid sequence" p. 547-553 X 1-6 J. Virol., Vol. 65, 1990, Tsujimoto, A. et al. "Isolation of cDNA for DNA binding proteins (2475)which specifically bind to TAX-responsive enhancer element in the LTR of HTLA-1" p. 1420-1426 Х Immunogenetics, Vol. 37, 1993, Emi, N. et al. 1-6 (2556) "Isolation of a novel cDNA clone showing marked similarity to ME491/CD63 superfamily" p. 193-198 Х Nature, Vol. 353, 1991, Kelly, A. P. et al. 1-6 "A new human HLA class II-related locus, DM" (2583)p. 571-573

		4/ 01310
C (続き).	関連すると認められる文献	
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
х	J. Biol. Chem. ,第264巻,1989,Gray,P. W. et al. "Cloning of the cDNA of a human neutrophil bactericidal protein:Structural and functional correlations" p. 9505—9509	(861)
. <b>X</b>	Immunogenetics, 第32巻, 1990, Angelisova, P. et al.  "The human leucocyte surface antigen CD53 is a protein structurally similar to the CD37 and MRC OX-44 antigens" p. 281-285	1-6 (1158)
X	Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A. , 第88卷, 1991, Koken, M. H. et al.  "Structural and functional conservation of two human homologs of the yeast DNA repair gene RAD6" p. 8865—8869	1-6 (1181)
Х	Oncogene, 第5巻,1990,Firmbach—Kraft,I.et al "Tyk 2, prototype of a novel class of non— receptor tyrosine kinase genes"p.1329—1336	1-6 (1345)
х	Science, 第248卷,1990, Smith, C. A. et al. "A receptor for human tumor necrosis factor defines an unusual family of cellular and viral proteins" p. 1019—1023	1-6 (1431)
X	J. Biol. Chem. , 第263巻,1988, Luster,A. D. et al. "Molecular and biochemical characterization of a novel gamma—interferon—inducible protein" p. 12036—12043	1-6 (1455)
х	J. Clin. Invest., 第83巻, 1989, Look, A. T. et al.  "The human myeloid plasma membrane glycoprotein CD13(gp150) is identical to aminopeptidase N" p. 1299—1307	1-6 (1469)
х	J. Cell Biol., 第105卷,1987,Argraves,W.S.et al. "Amino Acid Sequence of the Human Fibronectin Receptor" p.1183—1190	1-6 (1607)
Х	Nucl ic Acids Res., 第18巻,1990, Li bhaber, S. A. tal. "Characterization f a human cDNA neoding a	1-6 (1642)

		無出租番号 PC1/JP 9	4 0 1 9 1 6
C (統き).	関連すると認められる文献		
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、そ	その関連する箇所の表示	関連する語水の範囲の番号
A	Nature Genetics, 第2巻, 1992 "Large scale cDNA sequencing quantitative and qualitative expression" p. 173-179	g for analysis of	1-6
A	Nature Genetics,第2巻,1992, "Single pass sequencing and	physical and	1-6
	genetic mapping of human brain p. 180-188	n cDNAs	
·			( vic. ) 47200
			(なお、括弧 内の数字は、 関連する本願 発明のDNA
			の配列番号を示す。)
			·
,			
·			